

## Supplementary Data

# Embryonic atrazine exposure elicits proteomic, behavioral, and brain abnormalities with developmental time specific gene expression signatures

Katharine A. Horzmann <sup>a,1</sup>, Leeah S. Reidenbach <sup>a</sup>, Devang H. Thanki <sup>a</sup>, Anna E. Winchester <sup>a</sup>, Brad A. Qualizza <sup>a</sup>, Geoffrey A. Ryan <sup>a</sup>, Kaitlyn E. Egan <sup>a</sup>, Victoria E. Hedrick <sup>b</sup>, Tiago J. P. Sobreira <sup>b</sup>, Samuel M. Peterson <sup>a,2</sup>, Gregory J. Weber <sup>a</sup>, Sara E. Wirbisky-Hershberger <sup>a</sup>, Maria S. Sepúlveda <sup>c</sup>, and Jennifer L. Freeman <sup>a,d,\*</sup>

<sup>a</sup> School of Health Sciences, Purdue University, West Lafayette, IN, 47907

<sup>b</sup> Bindley Bioscience Center, Discovery Park, Purdue University, West Lafayette, IN, 47907

<sup>c</sup> Forestry and Natural Resources, Purdue University, West Lafayette, IN, 47907

<sup>d</sup> Purdue Center for Cancer Research, Purdue University, West Lafayette, IN, 47907

<sup>1</sup> Current affiliation: Department of Pathobiology, College of Veterinary Medicine, Auburn University, Auburn, AL 36849 USA

<sup>2</sup> Current affiliation: Division of Neurosciences, Oregon National Primate Research Center, Oregon Health & Sciences University, Beaverton, OR 97006 USA

\* Corresponding author: Jennifer L. Freeman, School of Health Sciences, 550 Stadium Mall Dr., West Lafayette, IN 47907 USA, Phone: (765) 494-1408, Fax: (765) 496-1377, E-mail: [jfreema@purdue.edu](mailto:jfreema@purdue.edu)

## Table of Contents

**Figure S1.** The time course of *cyp17a1* relative expression after developmental ATZ exposure.

**Figure S2.** The time course of *glo1* relative expression after developmental ATZ exposure.

**Figure S3.** The time course of *rnfl14* relative expression after developmental ATZ exposure.

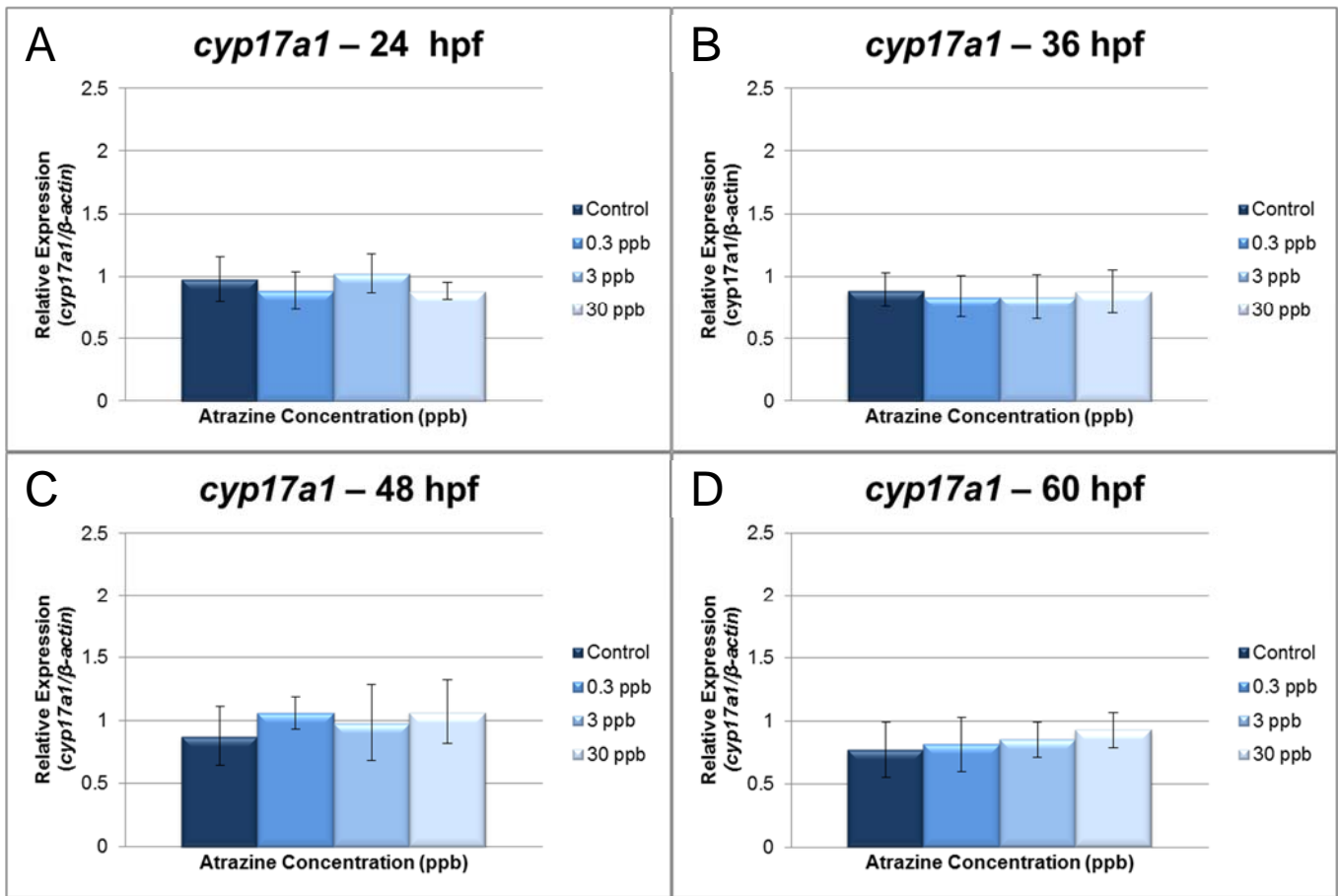
**Figure S4.** The time course of *sik2* relative expression after developmental ATZ exposure.

**Figure S5.** Additional behavioral endpoints were not altered after developmental ATZ exposure.

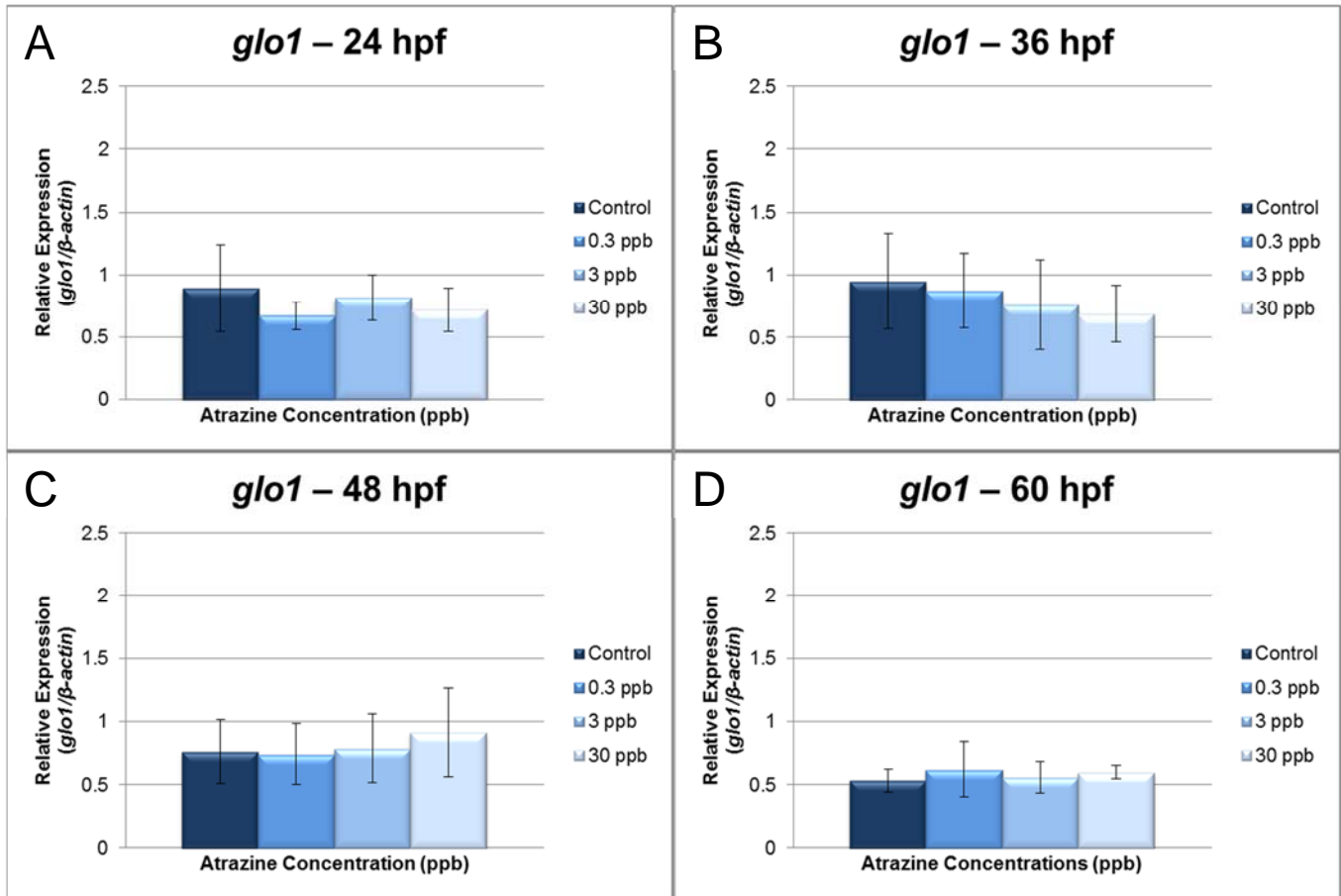
**Figure S6.** Cellular compromise, cell death and survival, and neurological disease network.

**Table S1.** Raw peptide data.

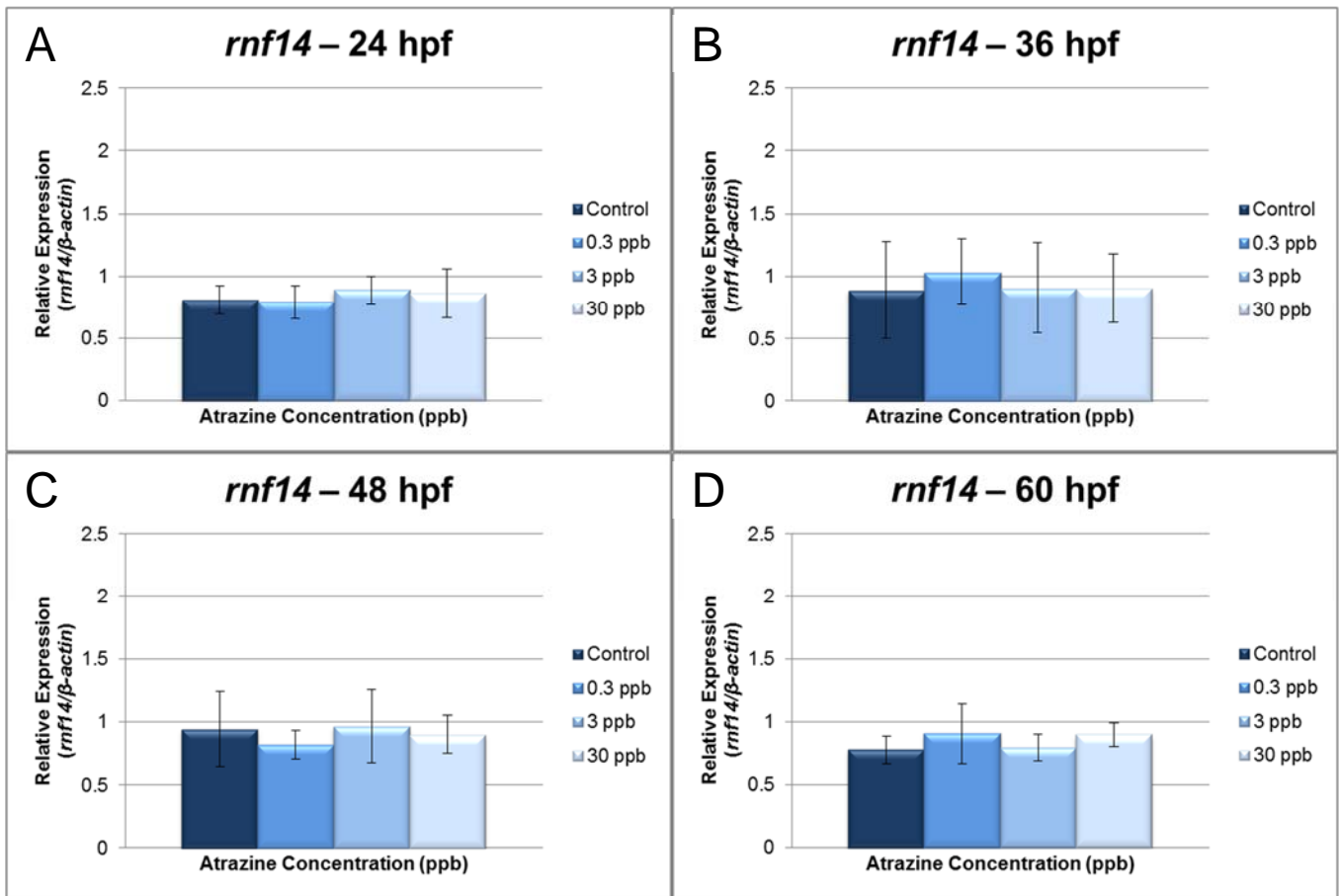
**Table S2.** Raw protein data.



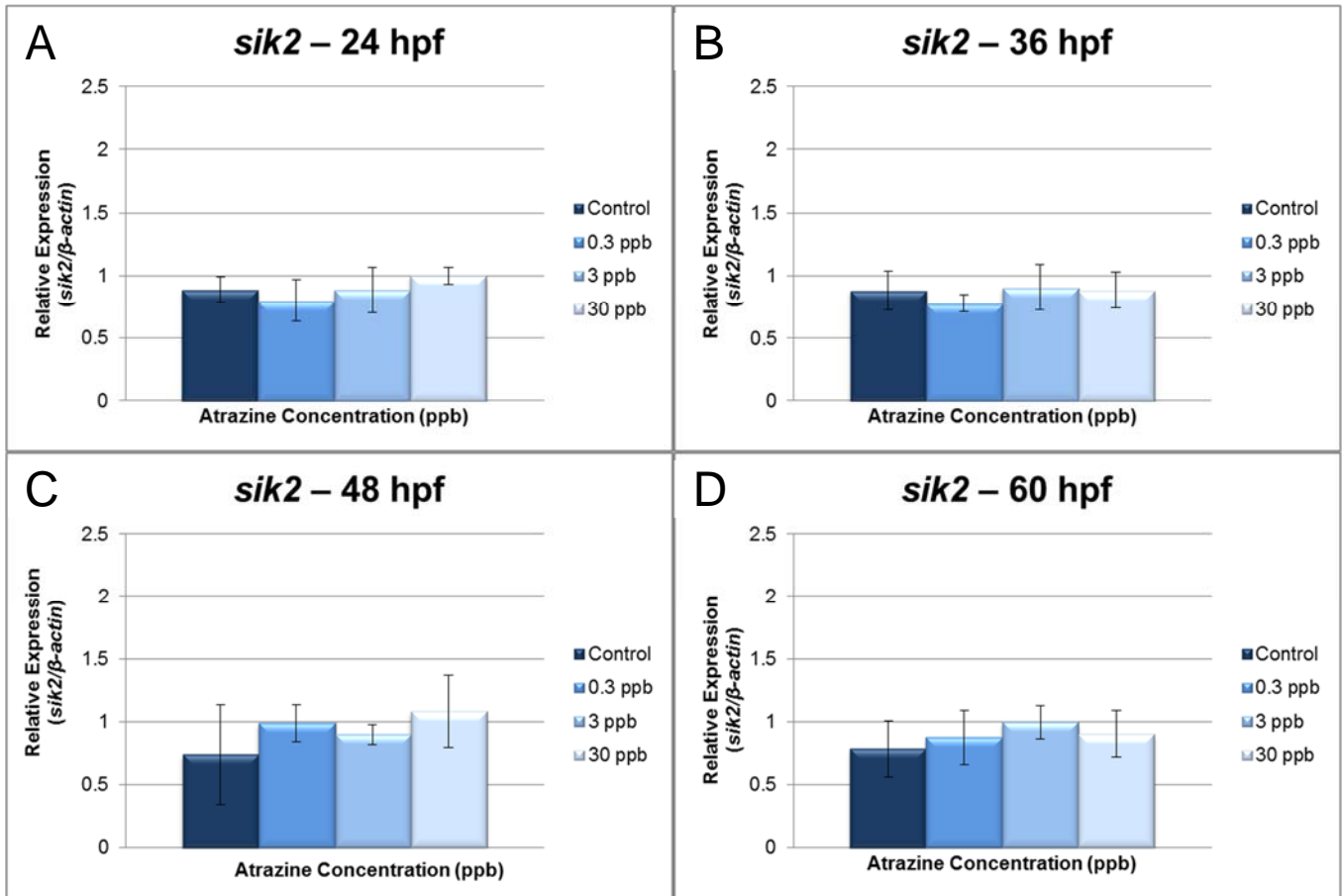
**Figure S1. The time course of *cyp17a1* relative expression after developmental ATZ exposure.** No significant differences in relative expression were observed between treatment groups at 24 hpf (A), 36 hpf (B), 48 hpf (C), or 60 hpf (D).  $n = 6$ , qPCR run in triplicate, error bars represent standard deviation,  $\alpha = p < 0.05$ . (hpf: hours post fertilization)



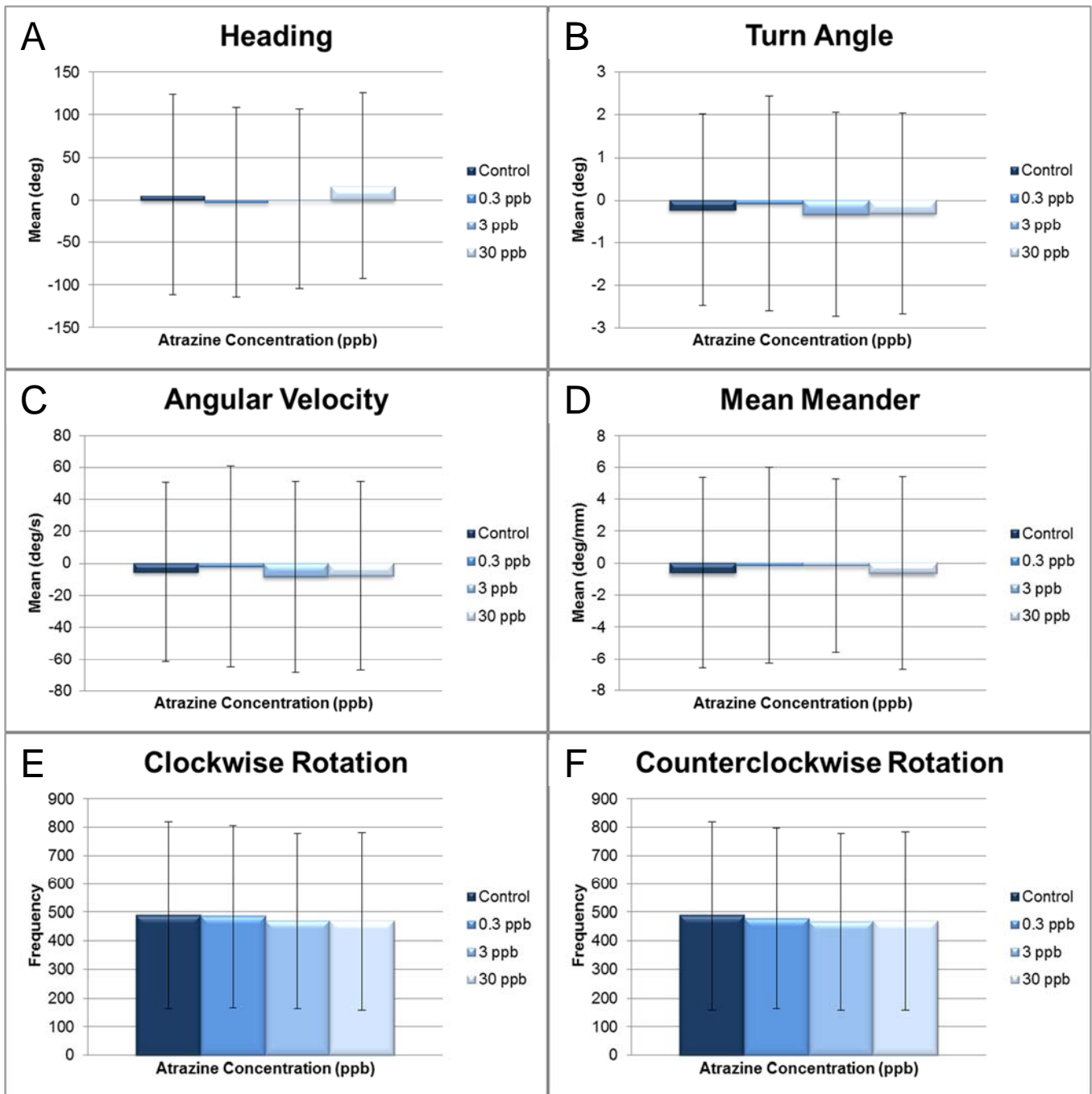
**Figure S2. The time course of *glo1* relative expression after developmental ATZ exposure.** No significant differences in relative expression were observed between treatment groups at 24 hpf (A), 36 hpf (B), 48 hpf (C), or 60 hpf (D).  $n = 6$ , qPCR run in triplicate, error bars represent standard deviation,  $\alpha = p < 0.05$ . (hpf: hours post fertilization)



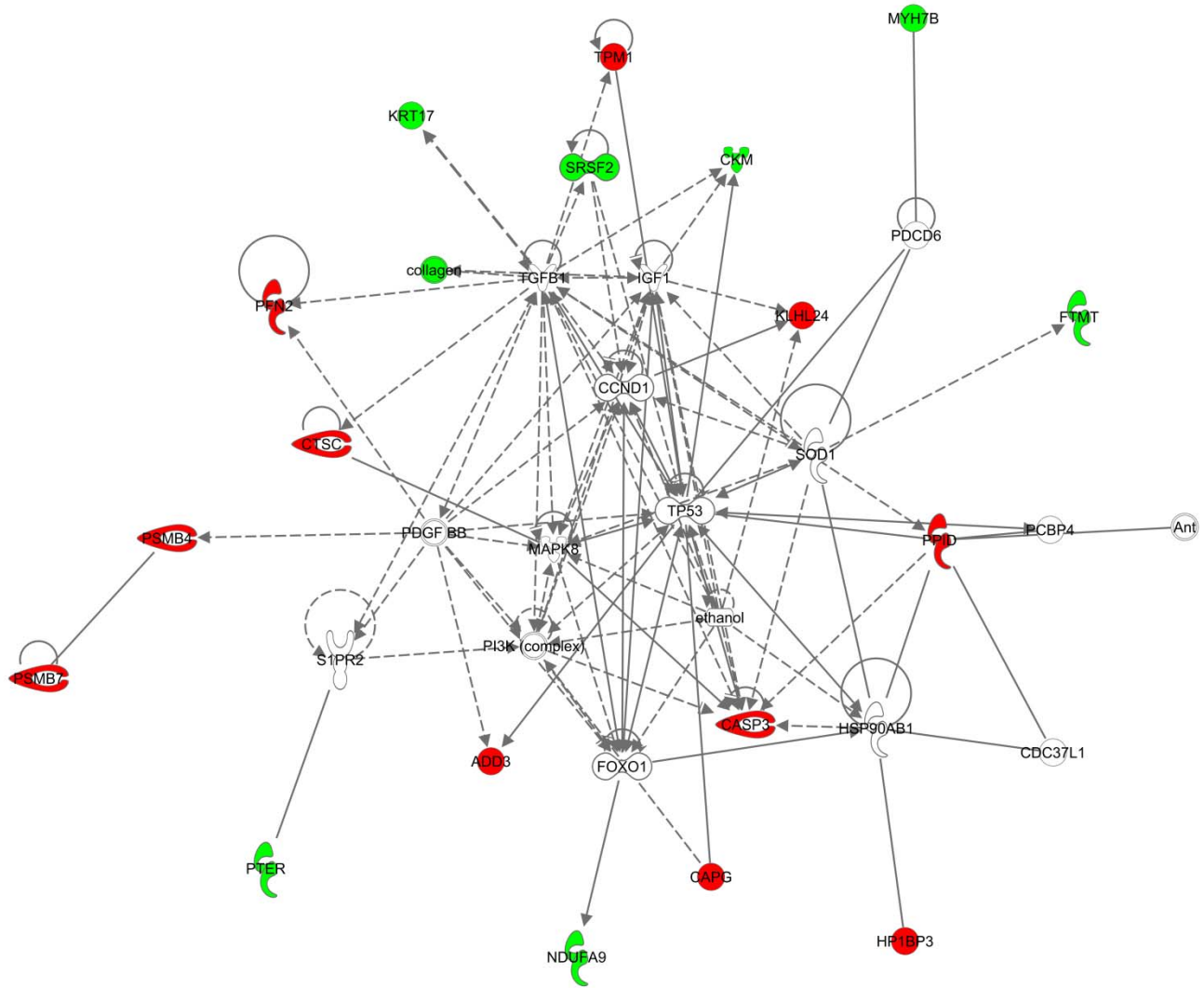
**Figure S3. The time course of *rnf14* relative expression after developmental ATZ exposure.** No significant differences in relative expression were observed between treatment groups at 24 hpf (A), 36 hpf (B), 48 hpf (C), or 60 hpf (D). n = 6, qPCR run in triplicate, error bars represent standard deviation,  $\alpha = p < 0.05$ . (hpf: hours post fertilization)



**Figure S4. The time course of *sik2* relative expression after developmental ATZ exposure.** No significant differences in relative expression were observed between treatment groups at 24 hpf (A), 36 hpf (B), 48 hpf (C), or 60 hpf (D).  $n = 6$ , qPCR run in triplicate, error bars represent standard deviation,  $\alpha = p < 0.05$ . (hpf: hours post fertilization)



**Figure S5. Additional behavioral endpoints were not altered after developmental ATZ exposure.** There was no difference in other locomotor parameters including heading (A), turn angle (B), angular velocity (C), meander (D), frequency of clockwise rotation (E), or frequency of counterclockwise rotation (F). n = 5, 24 subsamples per replicate, error bars represent standard deviation,  $\alpha = p < 0.05$ .



**Figure S6. Cellular compromise, cell death and survival, and neurological disease network.** Based on pathway analysis 19 out of 21 proteins with a significant LFQ intensity were associated with a network involving cellular compromise, cell death and survival, and neurological disease. Red indicates proteins with increased abundance; green indicates proteins with decreased abundance.

**Table S1. Raw peptide data**

Sequence	Length	Mass	Proteins	Gene names	Protein names	Charges	PEP	Score	Intensity	ID	Protein group IDs	Evidence IDs	MS/MS IDs
AAAYD AVYTD GVR	13	1370.647	B8JKW4	c3a.1		2	1.44E-06	123.79	2.35E+08	0	210	0;1;2;3;4;5;6; 7;8;9;10;11;1 2;13;14;15;16 ;17;18;19;20; 21;22	0;1;2;3;4;5;6; 7;8;9;10;11;1 2;13;14;15;16 ;17;18;19;20; 21;22;23;24;2 5;26;27
AADLTI EK	8	859.4651	E9QFU8	bcat2	Branched-chain- amino-acid aminotransferase	1	0.03407	87.696	23814000	1	283	23;24;25;26;2 7;28;29;30	28
AAEIPY DVQYA DIDYME R	18	2160.967	A0A0G2L1N0		2;3	7.82E-15	116.51	2.76E+08	2	19	2	29;30;31;32;3 3;34;35;36;37 ;38;39;40;41; 42;43;44;45;4 6;47;48;49;50 ;51;52;53;54; 55;56;57;58;5 9;60;61;62;63 ;64;65;66;67; 68;69;70;71;7 2;73;74;75;76 ;77;78;79;80; 81;82;83;84;8 5;86;87;88;89 ;90;91;92;93; 94;95;96;97;9 8;99;100;101; 102;103;104;1 05;106;107;10 8;109;110	
AAGCG YENVV K	11	1153.544	Q6AXL2;Q6DG X0;Q3B7E4	hrsp12		2	0.020572	64.04	2.07E+08	3	392	98;99;100;101 ;102;103;104; 105;106;107;1 08;109;110;11 1;112	111;112;113;1 14;115
AAIDAD VTVVG SGPGGY VAAIK	22	2030.068	Q803L1;Q6TN U6	dldh	Dihydrolipoyl dehydrogenase	2	0.018044	29.981	8515100	4	449	113;114;115;1 16	116;117
AATVSE TQVEVS ETK	15	1577.778	F1R7N8;A5X6 X6;G1K2X0;Q7 ZZ46	ttna;ttnb		2	0.004342	67.456	17241000	5	332;140	117	118
AAVLE VAENM PSGR	14	1442.719	Q2Q1W5;F1QK W3;D7PSA0	lama5		2	2.89E-32	156.58	4.24E+08	6	237	118;119;120;1 21;122;123;12 4;125;126;127 ;128;129;130; 131;132;133;1 34;135;136;13 7;138;139;140	119;120;121;1 22;123;124;12 5;126;127;128 ;129;130;131; 132;133;134;1 35;136;137;13 8;139;140;141



AAVPSG ASTGIY EALELR	18	1803.937	Q6PC12;Q6IQP 5;E9QCX7;F6N UZ4;Q6GQM9; Q6PC89	eno1a;en o2;eno1b	Enolase	2	2.97E-07	88.087	6030100	7	426;405	163;164;165;1 66;167	;141;142;143; 144;145;146;1 47;148;149;15 0;151;152;153 ;154;155;156; 157;158;159;1 60;161;162	;142;143;144; 145;146;147;1 48;149;150;15 1;152;153;154 ;155;156;157; 158;159;160;1 61;162;163;16 4;165;166;167 ;168;169;170; 171;172;173;1 74;175;176;17 7;178;179;180 ;181;182;183; 184;185 186;187;188
AAVPSG ASTGV HEALEL R	18	1763.917	Q6TH14;Q568 G3;E9QJI6;Q3B 7R7	eno3	Enolase	3	3.71E-08	87.287	70134000	8	428	168;169;170;1 71;172;173;17 4;175	189;190;191;1 92	
AAVSY DAQNQ R	11	1221.574	Q6DH25	epdr1		2	7.6E-134	231.2	1.91E+08	9	401	176;177;178;1 79;180;181;18 2;183;184;185 ;186;187;188; 189;190;191;1 92;193;194;19 5;196;197;198 ;199	193;194;195;1 96;197;198;19 9;200;201;202 ;203;204;205; 206;207;208;2 09;210;211;21 2;213;214;215 ;216;217;218	
AAVFGI YDTAK	11	1218.592	Q8JHI0;Q6NX1 0;A4QN79;A2C EZ0	slc25a5;sl c25a4;si: dkey- 251i10.1	2	0.000552	113.71	2.35E+08	10	119	11	219;220;221;2 22;223;224;22 5;226;227		
AAVQV VALPR	10	1086.619	Q6AXL2;Q6DG X0;Q3B7E4	hrsp12		2	1.45E-38	168.23	1.37E+09	11	392	219;220;221;2 22;223;224;22 5;226;227;228 ;229;230;231; 232;233;234;2 35;236;237;23 8;239;240;241 ;242;243;244; 245;246;247;2 48;249;250;25 1;252;253;254 ;255;256;257; 258;259;260;2 61;262;263;26 4;265;266;267 ;268;269;270; 271;272;273;2 74	228;229;230;2 31;232;233;23 4;235;236;237 ;238;239;240; 241;242;243;2 44;245;246;24 7;248;249;250 ;251;252;253; 254;255;256;2 57;258;259;26 0;261;262;263 ;264;265;266; 267;268;269;2 70;271;272;27 3;274;275;276 ;277;278;279; 280;281;282;2 83;284;285;28 6;287;288;289	

ACQLIP DEGLA NQCK	15	1689.807	Q8UVZ4;Q6PH 48;Q6P3G7;B8J I17;F1QMF5;E7 FCT1;Q9DG82	psap		2	0.018547	55.401	8663600	12	209	275;276;277;278	;290;291;292; 293;294;295;296;297;298 299
ADFSG MTEEV K	11	1212.533	Q5SPJ1;Q24JW 6;Q6P5I9;Q502 P5;Q5SPJ4;X1 WF94	serpinal1; serpinal	1;2	3.7E-30	169.77	2.73E+10	13	367; 418	14;15	300;301;302;303; 304;305;306; 307;308;309; 310;311;312; 313;314;315;316; 317;318;319; 320;321;322; 323;324;325; 326;327;328;329; 330;331;332; 333;334;335; 336;337;338; 339;340;341;342; 343;344;345; 346;347;348; 349;350;351; 352;353;354;355; 356;357;358; 359;360;361; 362;363;364; 365;366;367;368; 369;370;371; 372;373;374; 375;376;377; 378;379;380;381; 382;383;384; 385;386;387; 388;389;390; 391;392;393;394; 395;396;397; 398;399;400; 401;402;403; 404;405;406;407; 408;409;410; 411;412;413; 414;415;416; 417;418;419;420; 421;422;423; 424;425;426; 427;428;429; 430;431;432;433; 434;435;436; 437;438;439; 440;441;442; 443;444;445;446; 447;448;449	

9;450;451;452  
 ;453;454;455;  
 456;457;458;4  
 59;460;461;46  
 2;463;464;465  
 ;466;467;468;  
 469;470;471;4  
 72;473;474;47  
 5;476;477;478  
 ;479;480;481;  
 482;483;484;4  
 85;486;487;48  
 8;489;490;491  
 ;492;493;494;  
 495;496;497;4  
 98;499;500;50  
 1;502;503;504  
 ;505;506;507;  
 508;509;510;5  
 11;512;513;51  
 4;515;516;517  
 ;518;519;520;  
 521;522;523;5  
 24;525;526;52  
 7;528;529;530  
 ;531;532;533;  
 534;535;536;5  
 37;538;539;54  
 0;541;542;543  
 ;544;545;546;  
 547;548;549;5  
 50;551;552;55  
 3;554;555;556  
 ;557;558  
 559

ADFTG VSEEK	10	1081.493	A9JSZ7;F8W29 8;E7FF11;F8W 3S9	zgc:1742 59;si:ch2 11- 186e20.2 serpina7	2	0.033867	70.929	97817000	14	169	16
ADFTG VSEENI FVSK	15	1641.789	Q5XJ64;A8E5C 2;A8E5C1;F8W 5C3			2	1.87E-22	172.11	4.21E+08	15	154

432;433;434;4  
 35;436;437;43  
 8;439;440;441  
 ;442;443;444;  
 445;446;447;4  
 48;449;450;45  
 1;452;453;454  
 ;455;456;457;  
 458;459;460;4  
 61;462;463;46  
 4;465;466;467  
 ;468;469;470  
 560;561;562;5  
 63;564;565;56  
 6;567;568;569  
 ;570;571;572;  
 573;574;575;5  
 76;577;578;57  
 9;580;581;582  
 ;583;584;585;  
 586;587;588;5  
 89;590;591;59  
 2;593;594;595  
 ;596;597;598;  
 599;600;601;6  
 02;603;604;60  
 5;606;607;608

ADLEM QIENLK	11	1302.649	CON__Q04695		2	0.00194	99.013	47532000	16	232	18	609;610;611	
ADLEM QIESLK	11	1275.638	CON__P02533		2	8.39E-17	145.25	5.09E+08	17	218	19;20	612;613;614;6 15;616;617;61 8;619;620;621 ;622;623;624; 625;626;627;6 28;629;630;63 1;632 633;634;635;6 36	
ADLEM QIESLT EELAYL K	18	2095.04	CON__P13645		2	2.36E-66	162.32	23732000	18	227	21		
ADQLTE EQIAEF K	13	1520.736	B2GQW3	calm3a	2	2.1E-225	255.52	7.41E+08	19	188		525;526;527;5 28;529;530;53 1;532;533;534 ;535;536;537; 538;539;540;5 41;542;543;54 4;545;546;547 ;548;549;550; 551;552;553;5 54;555;556;55 7;558;559;560 ;561;562;563; 564;565;566	637;638;639;6 40;641;642;64 3;644;645;646 ;647;648;649; 650;651;652;6 53;654;655;65 6;657;658;659 ;660;661;662; 663;664;665;6 66;667;668;66 9;670;671;672 ;673;674;675; 676;677;678;6 79;680;681;68 2;683
ADTLTD EINFLR	12	1406.704	CON__P02538; CON__P04259	2	0	317.03	1.67E+09	20	219;222	23		567;568;56 9;570;571;5 72;573;574; 575;576;57 7;578;579;5 80;581;582; 583;584;58 5;586;587;5 88;589;590; 591;592;59 3;594;595;5 96;597;598; 599;600;60 1;602;603;6 04;605;606; 607;608;60 9;610;611;6 12;613;614; 615;616;61 7;618;619;6 20;621;622; 623;624;62 5;626;627;6 28;629;630; 631;632;63	

AEAESL	10	1124.535	CON_P04264	2	1.83E-50	195.88	5.97E+09	21	223	3;634;635;6 36;637;638; 639;640;64 1;642;643;6 44;645;646; 647;648;64 9;650;651;6 52;653;654; 655;656;65 7;658;659;6 60;661;662; 663;664;66 5;666;667;6 68;669;670; 671;672;67 3;674;675 24 803;804;805;8 06;807;808;80 9;810;811;812 ;813;814;815; 816;817;818;8 19;820;821;82 2;823;824;825 ;826;827;828; 829;830;831;8 32;833;834;83 5;836;837;838 ;839;840;841; 842;843;844;8 45;846;847;84 8;849;850;851 ;852;853;854; 855;856;857;8 58;859;860;86 1;862;863;864 ;865;866;867; 868;869;870;8 71;872;873;87 4;875;876;877 ;878;879;880; 881;882;883;8 84;885;886;88 7;888;889;890 ;891;892;893; 894;895;896;8 97;898;899;90 0;901;902;903 ;904;905;906; 907;908;909;9 10;911;912;91 3;914;915;916 ;917;918;919; 920;921;922;9
YQSK										

AEAES WYQTK	10	1211.546	CON__P02538; CON__Q8VED 5;CON__P0425 9;CON__O9567 8	2	1.1E-142	207.29	2.31E+08	22	219;222; 216	25	718;719;72 0;721;722;7 23;724;725; 726;727;72 8;729;730;7 31;732	23;924;925;92 6;927;928;929 ,930;931;932; 933;934;935;9 36	
AEDGS MQTVE K	11	1193.523	F1QSR3;O5758 7;B0S6K5;A0A 0B5JFC8;A0A0 R4ITL5;B0S6K 6	tnw		2	6.5E-24	161.63	1.57E+08	23	90;2;179	733;734;735;7 36;737;738;73 9;740;741;742 ;743;744;745	952;953;954;9 55;956;957;95 8;959;960;961 ;962
AEEGIP EK	9	984.5128	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46	ttnb		2	0.006413	97.635	81686000	24	140	746;747;748;7 49;750	963;964
AEEQIH SNFNK	11	1315.616	F8W412;E7EX C4	serpinb11 4	2;3	7.66E-18	127.93	1.72E+08	25	238	28	965;966;967;9 68;969;970;97 1;972;973 974	
AEEQIH SSFNK	11	1288.605	F8W475	serpinb11 4	3	0.002334	71.524	10534000	26	353	29	975	
AEFVEV TK	8	921.4808	CON__P02769		2	0.02249	95.909	77462000	27	221	30	975	
AEIDML DIK	9	1046.532	Q804G7	anxa4	Annexin	2	0.020378	90.657	1.28E+08	28	451	772;773;774;7 75;776;777;77 8;779;780;781 ;782;783;784; 785;786;787;7 88;789;790 791;792;793;7 94;795;796;79 7;798;799;800 ;801;802;803; 804;805;806;8 07;808;809;81 0;811;812;813 ;814	976;977;978
AETEAP FLK	9	1004.518	E7FBD3	apoba		2	0.002474	107.66	4.87E+08	29	264	815;816;817;8 18;819;820	979;980;981;9 82;983;984;98 5;986;987;988 ;989;990;991; 992;993;994;9 95;996
AEVETV DFSQST AVAER	17	1837.869	B3DJ19	serpini1		2	0.000883	72.089	14011000	30	199	821;822;823;8 24;825;826;82 7;828	1000;1001
AFAGV LNDADI SAALEA CK	19	1921.946	Q6IMW7;Q804 V8	pvalb4		2	3.78E-07	82.543	11833000	31	403	829;830;831;8 32;833;834;83 5;836;837;838 ;839;840;841; 842;843;844;8 45;846;847;84 8;849;850;851	1002;1003;10 04;1005;1006; 1007;1008;10 09;1010;1011; 1012;1013;10 14;1015;1016; 1017;1018;10
AFAIID QDK	9	1019.529	Q6IMW7;Q804 V8	pvalb4		2	9.41E-24	174.69	3.66E+09	32	403		

;852;853;854; 19;1020;1021;  
 855;856;857;8 1022;1023;10  
 58;859;860;86 24;1025;1026;  
 1;862;863;864 1027;1028;10  
 ;865;866;867; 29;1030;1031;  
 868;869;870;8 1032;1033;10  
 71;872;873 34;1035;1036;  
 1037;1038;10  
 39;1040;1041;  
 1042;1043;10  
 44;1045;1046;  
 1047;1048;10  
 49;1050;1051;  
 1052;1053;10  
 54;1055;1056;  
 1057;1058;10  
 59;1060;1061;  
 1062;1063;10  
 64;1065;1066;  
 1067;1068;10  
 69;1070;1071;  
 1072;1073;10  
 74;1075;1076;  
 1077;1078;10  
 79;1080;1081;  
 1082  
 874;875;876;8 1083;1084;10  
 77;878;879;88 85;1086;1087;  
 0;881;882;883 1088;1089;10  
 ;884;885;886; 90;1091;1092;  
 887;888;889;8 1093;1094;10  
 90;891;892;89 95;1096;1097;  
 3;894;895;896 1098;1099;11  
 ;897;898;899; 00;1101;1102;  
 900;901;902;9 1103;1104;11  
 03;904;905;90 05;1106;1107;  
 6;907;908;909 1108;1109;11  
 ;910;911;912; 10;1111;1112;  
 913;914;915;9 1113;1114;11  
 16;917;918;91 15;1116;1117;  
 9;920;921;922 1118;1119;11  
 ;923;924;925; 20;1121;1122;  
 926;927;928;9 1123;1124;11  
 29;930;931;93 25;1126;1127;  
 2;933;934;935 1128;1129;11  
 ;936;937;938; 30;1131;1132;  
 939;940;941;9 1133;1134;11  
 42;943;944;94 35;1136;1137;  
 5;946;947;948 1138;1139;11  
 ;949;950;951; 40;1141;1142;  
 952;953;954;9 1143;1144;11  
 55;956;957;95 45;1146;1147;  
 8;959;960;961 1148;1149;11

AFAIID 19 2167.032 Q804W0 pvalb1 2,3 0 336.68 1.74E+10 33 452  
 QDNSGF  
 IEEEEL  
 K

,962;963;964; 50;1151;1152;  
 965;966;967;9 1153;1154;11  
 68;969;970;97 55;1156;1157;  
 1;972;973;974 1158;1159;11  
 ;975;976;977; 60;1161;1162;  
 978;979;980;9 1163;1164;11  
 81;982;983;98 65;1166;1167;  
 4;985;986;987 1168;1169;11  
 ;988;989;990; 70;1171;1172;  
 991;992;993;9 1173;1174;11  
 94;995;996;99 75;1176;1177;  
 7;998;999;100 1178;1179;11  
 0;1001;1002;1 80;1181;1182;  
 003;1004;100 1183;1184;11  
 5;1006;1007;1 85;1186;1187;  
 008;1009;101 1188;1189;11  
 0;1011;1012;1 90;1191;1192;  
 013;1014;101 1193;1194;11  
 5;1016;1017;1 95;1196;1197;  
 018;1019;102 1198;1199;12  
 0;1021;1022;1 00;1201;1202;  
 023;1024;102 1203;1204;12  
 5;1026;1027;1 05;1206;1207;  
 028;1029;103 1208;1209;12  
 0;1031;1032;1 10;1211;1212;  
 033;1034;103 1213;1214;12  
 5;1036;1037;1 15;1216;1217;  
 038;1039;104 1218;1219;12  
 0;1041;1042;1 20;1221;1222;  
 043;1044;104 1223;1224;12  
 5;1046;1047;1 25;1226;1227;  
 048;1049;105 1228;1229;12  
 0;1051;1052;1 30;1231;1232;  
 053;1054;105 1233;1234;12  
 5;1056;1057;1 35;1236;1237;  
 058;1059;106 1238;1239;12  
 0;1061;1062;1 40;1241;1242;  
 063;1064;106 1243;1244;12  
 5;1066;1067;1 45;1246;1247;  
 068;1069;107 1248;1249;12  
 0;1071;1072;1 50;1251;1252;  
 073;1074;107 1253;1254;12  
 5;1076;1077;1 55;1256;1257;  
 078;1079;108 1258;1259;12  
 0;1081;1082;1 60;1261;1262;  
 083;1084;108 1263;1264;12  
 5;1086;1087;1 65;1266;1267;  
 088;1089;109 1268;1269;12  
 0;1091;1092;1 70;1271;1272;  
 093;1094;109 1273;1274;12  
 5;1096;1097;1 75;1276;1277;  
 098;1099;110 1278;1279;12  
 0;1101;1102;1 80;1281;1282;



103;1104;110	1283;1284;12
5;1106;1107;1	85;1286;1287;
108;1109;111	1288;1289;12
0;1111;1112;1	90;1291;1292;
113;1114;111	1293;1294;12
5;1116;1117;1	95;1296;1297;
118;1119;112	1298;1299;13
0;1121;1122;1	00;1301;1302;
123;1124;112	1303;1304;13
5;1126;1127;1	05;1306;1307;
128;1129;113	1308;1309;13
0;1131;1132;1	10;1311;1312;
133;1134;113	1313;1314;13
5;1136;1137;1	15;1316;1317;
138;1139;114	1318;1319;13
0;1141;1142;1	20;1321;1322;
143;1144;114	1323;1324;13
5;1146;1147;1	25;1326;1327;
148;1149;115	1328;1329;13
0;1151;1152;1	30;1331;1332;
153;1154;115	1333;1334;13
5;1156;1157;1	35;1336;1337;
158;1159;116	1338;1339;13
0;1161;1162;1	40;1341;1342;
163;1164;116	1343;1344;13
5;1166;1167;1	45;1346;1347;
168;1169;117	1348;1349;13
0;1171;1172;1	50;1351;1352;
173;1174;117	1353;1354;13
5;1176;1177;1	55;1356;1357;
178;1179;118	1358;1359;13
0;1181;1182;1	60;1361;1362;
183;1184;118	1363;1364;13
5;1186;1187;1	65;1366;1367;
188;1189;119	1368;1369;13
0;1191;1192;1	70;1371;1372;
193;1194;119	1373;1374;13
5;1196;1197;1	75;1376;1377;
198;1199;120	1378;1379;13
0;1201;1202;1	80;1381;1382;
203;1204;120	1383;1384;13
5;1206;1207;1	85;1386;1387;
208;1209;121	1388;1389;13
0;1211;1212;1	90;1391;1392;
213;1214;121	1393;1394;13
5;1216;1217;1	95;1396;1397;
218;1219;122	1398;1399;14
0;1221;1222;1	00;1401;1402;
223;1224;122	1403;1404;14
5;1226;1227;1	05;1406;1407;
228;1229;123	1408;1409;14
0;1231;1232;1	10;1411;1412;
233;1234;123	1413;1414;14

5;1236;1237;1	15;1416;1417;
238;1239;124	1418;1419;14
0;1241;1242;1	20;1421;1422;
243;1244;124	1423;1424;14
5;1246;1247;1	25;1426;1427;
248;1249;125	1428;1429;14
0;1251;1252;1	30;1431;1432;
253;1254;125	1433;1434;14
5;1256;1257;1	35;1436;1437;
258;1259;126	1438;1439;14
0;1261;1262;1	40;1441;1442;
263;1264;126	1443;1444;14
5;1266;1267;1	45;1446;1447;
268;1269;127	1448;1449;14
0;1271;1272;1	50;1451;1452;
273;1274;127	1453;1454;14
5;1276;1277;1	55;1456;1457;
278;1279;128	1458;1459;14
0;1281;1282;1	60;1461;1462;
283;1284;128	1463;1464;14
5;1286;1287;1	65;1466;1467;
288;1289;129	1468;1469;14
0;1291;1292;1	70;1471;1472;
293;1294;129	1473;1474;14
5;1296;1297;1	75;1476;1477;
298;1299;130	1478;1479;14
0;1301;1302;1	80;1481;1482;
303;1304;130	1483;1484;14
5;1306;1307;1	85;1486;1487;
308;1309;131	1488;1489;14
0;1311;1312;1	90;1491;1492;
313;1314;131	1493;1494;14
5;1316;1317;1	95;1496;1497;
318;1319;132	1498;1499;15
0;1321;1322;1	00;1501;1502;
323;1324;132	1503;1504;15
5;1326;1327;1	05;1506;1507;
328;1329;133	1508;1509;15
0;1331;1332;1	10;1511;1512;
333;1334;133	1513;1514;15
5;1336;1337;1	15;1516;1517;
338;1339;134	1518;1519;15
0;1341;1342;1	20;1521;1522;
343;1344;134	1523;1524;15
5;1346;1347;1	25;1526;1527;
348;1349;135	1528;1529;15
0;1351;1352;1	30;1531;1532;
353;1354;135	1533;1534;15
5;1356;1357;1	35;1536;1537;
358;1359;136	1538;1539;15
0;1361;1362;1	40;1541;1542;
363;1364;136	1543;1544;15
5;1366;1367;1	45;1546;1547;

368;1369;137	1548;1549;15
0;1371;1372;1	50;1551;1552;
373;1374;137	1553;1554;15
5;1376;1377;1	55;1556;1557;
378;1379;138	1558;1559;15
0;1381;1382;1	60;1561;1562;
383;1384;138	1563;1564;15
5;1386;1387;1	65;1566;1567;
388;1389;139	1568;1569;15
0;1391;1392;1	70;1571;1572;
393;1394;139	1573;1574;15
5;1396;1397;1	75;1576;1577;
398;1399;140	1578;1579;15
0;1401;1402;1	80;1581;1582;
403;1404;140	1583;1584;15
5;1406;1407;1	85;1586;1587;
408;1409;141	1588;1589;15
0;1411;1412;1	90;1591;1592;
413;1414;141	1593;1594;15
5;1416;1417;1	95;1596;1597;
418;1419;142	1598;1599;16
0;1421;1422;1	00;1601;1602;
423;1424;142	1603;1604;16
5;1426;1427;1	05;1606;1607;
428;1429;143	1608;1609;16
0;1431;1432;1	10;1611;1612;
433;1434;143	1613;1614;16
5;1436;1437;1	15;1616;1617;
438;1439;144	1618;1619;16
0;1441;1442;1	20;1621;1622;
443;1444;144	1623;1624;16
5;1446;1447;1	25;1626;1627;
448;1449;145	1628;1629;16
0;1451;1452;1	30;1631;1632;
453;1454;145	1633;1634;16
5;1456;1457;1	35;1636;1637;
458;1459;146	1638;1639;16
0;1461;1462;1	40;1641;1642;
463;1464;146	1643;1644;16
5;1466;1467;1	45;1646;1647;
468;1469;147	1648;1649;16
0;1471;1472;1	50;1651;1652;
473;1474;147	1653;1654;16
5;1476;1477;1	55;1656;1657;
478;1479;148	1658;1659;16
0;1481;1482;1	60;1661;1662;
483;1484;148	1663;1664;16
5;1486;1487;1	65;1666;1667;
488;1489;149	1668;1669;16
0;1491;1492;1	70;1671;1672;
493;1494;149	1673;1674;16
5;1496;1497;1	75;1676;1677;
498;1499;150	1678;1679;16

0;1501;1502;1	80;1681;1682;
503;1504;150	1683;1684;16
5;1506;1507;1	85;1686;1687;
508;1509;151	1688;1689;16
0;1511;1512;1	90;1691;1692;
513;1514;151	1693;1694;16
5;1516;1517;1	95;1696;1697;
518;1519;152	1698;1699;17
0;1521;1522;1	00;1701;1702;
523;1524;152	1703;1704;17
5;1526;1527;1	05;1706;1707;
528;1529;153	1708;1709;17
0;1531;1532;1	10;1711;1712;
533;1534;153	1713;1714;17
5;1536;1537;1	15;1716;1717;
538;1539;154	1718;1719;17
0;1541;1542;1	20;1721;1722;
543;1544;154	1723;1724;17
5;1546;1547;1	25;1726;1727;
548;1549;155	1728;1729;17
0;1551;1552;1	30;1731;1732;
553;1554;155	1733;1734;17
5;1556;1557;1	35;1736;1737;
558;1559;156	1738;1739;17
0;1561;1562;1	40;1741;1742;
563;1564;156	1743;1744;17
5;1566;1567;1	45;1746;1747;
568;1569;157	1748;1749;17
0;1571;1572;1	50;1751;1752;
573;1574;157	1753;1754;17
5;1576;1577;1	55;1756;1757;
578;1579;158	1758;1759;17
0;1581;1582;1	60;1761;1762;
583;1584;158	1763;1764;17
5;1586;1587;1	65;1766;1767;
588;1589;159	1768;1769;17
0;1591;1592;1	70;1771;1772;
593;1594;159	1773;1774;17
5;1596;1597;1	75;1776;1777;
598;1599;160	1778;1779;17
0;1601;1602;1	80;1781;1782;
603;1604;160	1783;1784;17
5;1606;1607;1	85;1786;1787;
608;1609;161	1788;1789;17
0;1611;1612;1	90;1791;1792;
613;1614;161	1793;1794;17
5;1616;1617;1	95;1796;1797;
618;1619;162	1798;1799;18
0;1621;1622;1	00;1801;1802;
623;1624;162	1803;1804;18
5;1626;1627;1	05;1806;1807;
628;1629;163	1808;1809;18
0;1631;1632;1	10;1811;1812;

633;1634;163	1813;1814;18
5;1636;1637;1	15;1816;1817;
638;1639;164	1818;1819;18
0;1641;1642;1	20;1821;1822;
643;1644;164	1823;1824;18
5;1646;1647;1	25;1826;1827;
648;1649;165	1828;1829;18
0;1651;1652;1	30;1831;1832;
653;1654;165	1833;1834;18
5;1656;1657;1	35;1836;1837;
658;1659;166	1838;1839;18
0;1661;1662;1	40;1841;1842;
663;1664;166	1843;1844;18
5;1666;1667;1	45;1846;1847;
668;1669;167	1848;1849;18
0;1671;1672;1	50;1851;1852;
673;1674;167	1853;1854;18
5;1676;1677;1	55;1856;1857;
678;1679;168	1858;1859;18
0;1681;1682;1	60;1861;1862;
683;1684;168	1863;1864;18
5;1686;1687;1	65;1866;1867;
688;1689;169	1868;1869;18
0;1691;1692;1	70;1871;1872;
693;1694;169	1873;1874;18
5;1696;1697;1	75;1876;1877;
698;1699;170	1878;1879;18
0;1701;1702;1	80;1881;1882;
703;1704;170	1883;1884;18
5;1706;1707;1	85;1886;1887;
708;1709;171	1888;1889;18
0;1711;1712;1	90;1891;1892;
713;1714;171	1893;1894;18
5;1716;1717;1	95;1896;1897;
718;1719;172	1898;1899;19
0;1721;1722;1	00;1901;1902;
723;1724	1903;1904;19
	05;1906;1907;
	1908;1909;19
	10;1911;1912;
	1913;1914;19
	15;1916;1917;
	1918;1919;19
	20;1921;1922;
	1923;1924;19
	25;1926;1927;
	1928;1929;19
	30;1931;1932;
	1933;1934;19
	35;1936;1937;
	1938;1939;19
	40;1941;1942;
	1943;1944;19

AFDQPR	12	1291.562	E7EXE7	LOC1003 33762	2	0.000323	101.65	75815000	34	239	37	1981;1982;1983;1984;1985;1986;1987;1988;1989;1990;1991	45;1946;1947;1948;1949;1950;1951;1952;1953;1954;1955;1956;1957;1958;1959;1960;1961;1962;1963;1964;1965;1966;1967;1968;1969;1970;1971;1972;1973;1974;1975;1976;1977;1978;1979;1980
AFDPSM PSTMR	11	1238.542	A0A140LG92; Q6NWI6;A0A0 R4IWE1	fahd2a	2	4.48E-11	137.14	5.24E+08	35	98	1742;1743;1744;1745;1746;1747;1748;1749;1750;1751;1752;1753;1754;1755;1756;1757;1758;1759;1760;1761;1762;1763;1764;1765;1766;1767;1768;1769;1770;1771;1772;1773	1992;1993;1994;1995;1996;1997;1998;1999;2000;2001;2002;2003;2004;2005;2006;2007;2008;2009;2010;2011;2012;2013;2014;2015;2016;2017;2018;2019;2020;2021	
AFGPGL EPTGVT VNK	15	1485.783	A0A0R4IUS4;E 7F1L7	flnca	2	6.46E-74	178.67	9.74E+08	36	96	1774;1775;1776;1777;1778;1779;1780;1781;1782;1783;1784;1785;1786;1787;1788;1789;1790;1791;1792;1793;1794;1795;1796;1797;1798;1799;1800;1801;1802;1803;1804;1805;1806;1807;1808;1809;1810;1811;1812;1813;1814;1815;1816	2022;2023;2024;2025;2026;2027;2028;2029;2030;2031;2032;2033;2034;2035;2036;2037;2038;2039;2040;2041;2042;2043;2044;2045;2046;2047;2048;2049;2050;2051;2052;2053;2054;2055;2056;2057;2058;2059;2060;2061;2062;2063;2064;2065;2066;2067;2068;2069;2070;2071;	

AFHLLD ADNSGF IEEEL K	19	2176.032	Q804W1	pvalb6		2	0.024427	42.317	10255000	37	453	1817;1818	2072;2073;2074;2075;2076;2077;2078;2079;2080;20812082
AFLDPL AFDPK	11	1232.644	A2BGQ8	si:ch211- 214j8.1	2		0.001711	93.111	1.16E+08	38	113	41	2083;2084;2085;2086;2087;2088;2089;2090;2091;2092;2093;2094;2095;2096;2097;2098;2099;2100;2101
AFLQA ADK	8	862.4549	Q804W1	pvalb6		2	0.0159	98.997	1.11E+08	39	453	1852;1853;1854;1855;1856;1857;1858;1859;1860;1861;1862;1863;1864;1865;1866;1867	2102;2103;2104;2105;2106;2107
AFLQA ADKDG DGK	13	1334.647	Q804W1	pvalb6		2;3	0.000257	105.46	48785000	40	453	1868;1869;1870;1871;1872;1873;1874;1875;1876	2108;2109;2110
AFLSAG DSDGD GK	13	1238.542	Q804W0;A0A0 R4INM7	pvalb1		1;2	1.95E-66	182.28	2.04E+10	41	452	1877;1878;1879;1880;1881;1882;1883;1884;1885;1886;1887;1888;1889;1890;1891;1892;1893;1894;1895;1896;1897;1898;1899;1900;1901;1902;1903;1904;1905;1906;1907;1908;1909;1910;1911;1912;1913;1914;1915;1916;1917;1918;1919;1920;1921;1922;1923;1924;1925;1926;1927;1928;1929;1930;1931;1932;1933;1934;1935;1936;1937;1938;1939;1940;1941;	2111;2112;2113;2114;2115;2116;2117;2118;2119;2120;2121;2122;2123;2124;2125;2126;2127;2128;2129;2130;2131;2132;2133;2134;2135;2136;2137;2138;2139;2140;2141;2142;2143;2144;2145;2146;2147;2148;2149;2150;2151;2152;2153;2154;2155;2156;2157;2158;2159;2160;2161;2162;2163;2164;2165;2166;2167;2168;2169;2170;2171;2172;2173;2174;2175;

1942;1943;19 2176;2177;21  
44;1945;1946; 78;2179;2180;  
1947;1948;19 2181;2182;21  
49;1950;1951; 83;2184;2185;  
1952;1953;19 2186;2187;21  
54;1955;1956; 88;2189;2190;  
1957;1958;19 2191;2192;21  
59;1960;1961; 93;2194;2195;  
1962;1963;19 2196;2197;21  
64;1965;1966; 98;2199;2200;  
1967;1968;19 2201;2202;22  
69;1970;1971; 03;2204;2205;  
1972;1973;19 2206;2207;22  
74;1975;1976; 08;2209;2210;  
1977;1978;19 2211;2212;22  
79;1980;1981; 13;2214;2215;  
1982;1983;19 2216;2217;22  
84;1985;1986; 18;2219;2220;  
1987;1988;19 2221;2222;22  
89 23;2224;2225;  
2226;2227;22  
28;2229;2230;  
2231;2232;22  
33;2234;2235;  
2236;2237;22  
38;2239;2240;  
2241;2242;22  
43;2244;2245;  
2246;2247;22  
48;2249;2250;  
2251;2252;22  
53;2254;2255;  
2256;2257;22  
58;2259;2260;  
2261;2262;22  
63;2264;2265;  
2266;2267;22  
68;2269;2270;  
2271;2272;22  
73;2274;2275;  
2276;2277;22  
78;2279;2280;  
2281;2282;22  
83;2284;2285;  
2286;2287;22  
88;2289;2290;  
2291;2292;22  
93;2294;2295;  
2296;2297;22  
98;2299;2300;  
2301;2302;23  
03;2304;2305;  
2306;2307;23



AFPLFTR	7	850.4701	Q561T4;F1Q6S1;A9JT03	npep11		2	0.044718	86.086	41769000	42	170	1990;1991;1992;1993;1994;1995;1996;1997	08;2309;2310;2311;2312;2313;2314;2315;2316;2317;2318;2319;2320;2321;2322;2323;2324;2325;2326;2327;2328;2329;2330;2331;2332;2333;2334;2335;2336;2337;2338;2339;2340;2341;2342;2343;2344;2345;2346;2347;2348;2349;2350;2351;2352;2353;2354;2355;2356;2357;2358;2359;2360;2361;2362;2363;2364;2365;2366;2367;2368;2369;2370;2371;2372;2373;2374
AFQSGSEPTIITR	13	1405.72	E7FDT4;A0A0R4ILF0	si:ch73-40a17.3	Metalloendopeptidase	2	0.000631	93.096	72248000	43	69	1998;1999;2000;2001;2002;2003;2004;2005;2006;2007;2008;2009;2010;2011;2012;2013;2014;2015;2016;2017	2376;2377;2378;2379;2380;2381
AFVNALDQAK	10	1075.566	Q6DGE4	tyrp1b		2	0.030472	62.582	49815000	44	395	2018;2019;2020;2021;2022;2023;2024;2025;2026	2382;2383
AGAPHTLSLASSR	12	1179.636	Q7T309;F1R7D6;X1WDY3	serpinb113		2	0.01798	59.067	4330700	45	434	2384	
AGCTADGVENPR	12	1232.546	Q3YA99;B3DIV2;F8W3S8;Q19U12;Q19U11;Q19U09;Q6NWK9;A0A0R4IXQ6	itgb1b.1;itgb1b.2	Integrin beta	2	0.002958	74.162	64460000	46	196	2028;2029;2030;2031;2032;2033;2034;2035;2036;2037;2038;2039;2040;2041;2042;2043;2044;20	2385;2386;2387;2388;2389;2390;2391;2392;2393;2394;2395

AGDEE GIVPEK	11	1142.546	A5X6X5;Q801 W8;Q8QFW2;F 1R7N8;F1QZQ 0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2	1.03E-23	159.11	3.71E+08	47	332; 139	50	45;2046;2047; 2048 2396;2397;23 98;2399;2400; 2401;2402;24 03;2404	
AGDVA FIK	8	819.4491	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;Q8AX64;E7FB J1	tfa	Serotransferrin	2	0.002022	125.25	1.03E+10	48	211	2079;2080;20 81;2082;2083; 2084;2085;20 86;2087;2088; 2089;2090;20 91;2092;2093; 2094;2095;20 96;2097;2098; 2099;2100;21 01;2102;2103; 2104;2105;21 06;2107;2108; 2109;2110;21 11;2112;2113; 2114;2115;21 16;2117;2118; 2119;2120;21 21;2122;2123; 2124;2125;21 26;2127;2128; 2129;2130;21 31;2132;2133; 2134;2135;21 36;2137;2138; 2139;2140;21 41;2142;2143; 2144;2145;21 46;2147;2148; 2149;2150;21 51;2152;2153; 2154	2405;2406;24 07;2408;2409; 2410;2411;24 12;2413;2414; 2415;2416;24 17;2418;2419; 2420;2421;24 22;2423;2424; 2425;2426;24 27;2428;2429; 2430;2431;24 32;2433;2434; 2435;2436;24 37;2438;2439; 2440;2441;24 42;2443;2444; 2445;2446;24 47;2448;2449; 2450;2451;24 52;2453;2454; 2455;2456;24 57;2458;2459; 2460;2461;24 62;2463;2464; 2465;2466;24 67;2468;2469; 2470;2471;24 72;2473;2474; 2475;2476;24 77;2478;2479; 2480;2481;24 82;2483;2484; 2485;2486;24 87;2488;2489; 2490;2491;24 92;2493;2494; 2495;2496;24 97;2498;2499; 2500;2501;25 02;2503;2504; 2505;2506;25 07;2508;2509; 2510;2511;25 12;2513;2514; 2515;2516;25 17;2518;2519; 2520;2521;25

AGEAG LVGAR	10	899.4825	A0A0R4IHC0; Q90YJ0;Q6IQX 2;E9QCG6	colla2		2	0.017098	80.438	64930000	49	59	2155;2156;21 57;2158;2159; 2160;2161;21 62;2163;2164; 2165;2166;21 67;2168;2169; 2170;2171;21 72;2173 2566;2567;25 68;2569;2570; 2571;2572;25 73;2574;2575; 2576;2577;25 78;2579;2580; 2581;2582;25 83;2584;2585; 2586;2587;25 88;2589;2590; 2591;2592;25 93;2594;2595; 2596;2597;25 98;2599;2600; 2601;2602;26 03;2604;2605; 2606;2607;26 08;2609;2610; 2611;2612;26 13;2614;2615; 2616;2617;26 18;2619;2620; 2621;2622;26 23;2624;2625; 2626;2627;26 28;2629;2630; 2631;2632;26 33;2634;2635; 2636;2637;26 38;2639;2640; 2641;2642;26 43;2644;2645;
AGEVL GDLFEV STIR	15	1604.841	Q08CQ0;Q6N WE8;Q32LS3;F 1QPJ6;F1QPX6	alas2;sb:c b283;LO C100535 398;zgc:1 52830	2;3	3.7E-133	205.07	4.08E+09	50	359	53	22;2523;2524; 2525;2526;25 27;2528;2529; 2530;2531;25 32;2533;2534; 2535;2536;25 37;2538;2539; 2540;2541;25 42;2543;2544; 2545;2546;25 47;2548;2549; 2550;2551;25 52;2553 2554;2555;25 56;2557;2558; 2559;2560;25 61;2562;2563; 2564;2565

2646;2647;26  
48;2649;2650;  
2651;2652;26  
53;2654;2655;  
2656;2657;26  
58;2659;2660;  
2661;2662;26  
63;2664;2665;  
2666;2667;26  
68;2669;2670;  
2671;2672;26  
73;2674;2675;  
2676;2677;26  
78;2679;2680;  
2681;2682;26  
83;2684;2685;  
2686;2687;26  
88;2689;2690;  
2691;2692;26  
93;2694;2695;  
2696;2697;26  
98;2699;2700;  
2701;2702;27  
03;2704;2705;  
2706;2707;27  
08;2709;2710;  
2711;2712;27  
13;2714;2715;  
2716;2717;27  
18;2719;2720;  
2721;2722;27  
23;2724;2725;  
2726;2727;27  
28;2729;2730;  
2731;2732;27  
33;2734;2735;  
2736;2737;27  
38;2739;2740;  
2741;2742;27  
43;2744;2745;  
2746;2747;27  
48;2749;2750;  
2751;2752;27  
53;2754;2755;  
2756;2757;27  
58;2759;2760;  
2761;2762;27  
63;2764;2765;  
2766;2767;27  
68;2769;2770;  
2771;2772;27  
73;2774;2775;  
2776;2777;27

78;2779;2780;  
2781;2782;27  
83;2784;2785;  
2786;2787;27  
88;2789;2790;  
2791;2792;27  
93;2794;2795;  
2796;2797;27  
98;2799;2800;  
2801;2802;28  
03;2804;2805;  
2806;2807;28  
08;2809;2810;  
2811;2812;28  
13;2814;2815;  
2816;2817;28  
18;2819;2820;  
2821;2822;28  
23;2824;2825;  
2826;2827;28  
28;2829;2830;  
2831;2832;28  
33;2834;2835;  
2836;2837;28  
38;2839;2840;  
2841;2842;28  
43;2844;2845;  
2846;2847;28  
48;2849;2850;  
2851;2852;28  
53;2854;2855;  
2856;2857;28  
58;2859;2860;  
2861;2862;28  
63;2864;2865;  
2866;2867;28  
68;2869;2870;  
2871;2872;28  
73;2874;2875;  
2876;2877;28  
78;2879;2880;  
2881;2882;28  
83;2884;2885;  
2886;2887;28  
88;2889;2890;  
2891;2892;28  
93;2894;2895;  
2896;2897;28  
98;2899;2900;  
2901;2902;29  
03;2904;2905;  
2906;2907;29  
08;2909;2910;

AGEYM ETHGV K	11	1220.55	Q7T2C8;A8WG N7;Q802F7	txnrd1		2;3	0.001565	101.9	3.75E+08	51	164	2911;2912;29 13;2914;2915; 2916;2917;29 18;2919;2920; 2921;2922;29 23;2924;2925; 2926;2927;29 28;2929;2930; 2931;2932;29 33;2934;2935; 2936;2937;29 38;2939;2940; 2941;2942;29 43;2944;2945; 2946;2947;29 48;2949 2560;2561;25 62;2563;2564; 2565;2566;25 67;2568;2569; 2570;2571;25 72;2573;2574; 2575;2576;25 77;2578;2579; 2580;2581;25 82;2583;2584; 2585;2586;25 87;2588;2589; 2590;2591;25 92;2593;2594; 2595 2973;2974 2950;2951;29 52;2953;2954; 2955;2956;29 57;2958;2959; 2960;2961;29 62;2963;2964; 2965;2966;29 67;2968;2969; 2970;2971;29 72
AGFAG DDAPR	10	975.441	E9QD59;B2GS 08;A8WG05;Q3 B727;Q9PTR4; Q9I8V1;Q7ZU2 3;Q6XNL8;Q6T H51;Q6IQR3;Q 6IQL9;Q6IQK4; Q6DHS1;Q567 E8;Q4KMI7;F1 RCB6;F1QUN8 ;A2BG19;A0A0 R4IBT5;A0FK D7;X1WEN2;F IQC15;E9QBP3 ;E9QH14;B2GT B1	actb1;act b2;zgc:12 3289;actc 1a;actc1b ;acta1b;a cta2;zgc: 86725;act a1a;DKE YP- 69D2.1	2	0.008978	87.308	55307000	52	41	55	
AGGGTI VENTTT GINR	16	1559.79	F1RBR6;Z4YJ5 8	pter		2;3	3.5E-232	247.79	1.75E+09	53	338	2608;2609;26 10;2611;2612; 2613;2614;26 15;2616;2617; 2618;2619;26 20;2621;2622; 2975;2976;29 77;2978;2979; 2980;2981;29 82;2983;2984; 2985;2986;29 87;2988;2989;

												2623;2624;2625;2626;2627;2628;2629;2630;2631;2632	2990;2991;2992;2993;2994
AGGSAS AMLQP LLDNQI GFK	20	2017.03	Q6DRF3	psmb1	Proteasome subunit beta type	2;3	7.71E-05	80.522	39390000	54	402	2633;2634;2635;2636;2637;2638;2639;2640;2641;2642;2643;2644;2645;2646;2647;2648;2649;2650;2651;2652;2653	2995;2996;2997;2998;2999;3000;3001;3002;3003;3004
AGIGKP SAATNP VK	14	1309.735	A5X6X5;F1R7 N8;F1QZQ0	ttna		3	9.14E-06	95.264	18376000	55	332;139	2654;2655;2656	3005
AGNDL EWQK	9	1059.499	Q08CQ0;Q6N WE8;Q32LS3;F 1QPJ6;F1QPX6	alas2;sb:c b283;LO C100535 398;zgc:1 52830	2	4.49E-22	164.53	7.49E+08	56	359	59	3006;3007;3008;3009;3010;3011;3012;3013;3014;3015;3016;3017;3018;3019;3020;3021;3022;3023;3024;3025;3026;3027;3028;3029;3030;3031;3032;3033;3034;3035;3036;3037;3038;3039;3040;3041;3042;3043;3044;3045;3046;3047;3048;3049;3050;3051;3052;3053;3054;3055;3056;3057;3058;3059;3060;3061;3062;3063;3064;3065;3066;3067;3068;3069;3070;3071;3072;3073;3074;3075	
AGPLN GEVAL R	11	1095.604	Q5TZ29	apobb.1		2	1.93E-46	181.53	2.15E+09	57	385	2688;2689;2690;2691;2692;2693;2694;2695;2696;2697;2698;2699;2700;2701;2702;2703;2704;2705;2706;2707;2708;2709;27	3076;3077;3078;3079;3080;3081;3082;3083;3084;3085;3086;3087;3088;3089;3090;3091;3092;3093;3094;3095;3096;3097;30

AGSGFN INELK	11	1148.583	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;B8Q6 85;A0A0R4IHQ 0;X1WE71;E7F 6H5;B8Q686	tfa	Serotransferrin	2	1.6E-133	227.27	4.52E+09	58	211	10;2711;2712; 2713;2714;27 15;2716;2717; 2718;2719;27 20;2721	98;3099;3100; 3101;3102;31 03;3104;3105; 3106;3107;31 08;3109;3110; 3111;3112;31 13;3114;3115; 3116;3117;31 18;3119;3120; 3121;3122;31 23;3124;3125; 3126;3127;31 28;3129;3130; 3131;3132;31 33
												2722;2723;27 24;2725;2726; 2727;2728;27 29;2730;2731; 2732;2733;27 34;2735;2736; 2737;2738;27 39;2740;2741; 2742;2743;27 44;2745;2746; 2747;2748;27 49;2750;2751; 2752;2753;27 54;2755;2756; 2757;2758;27 59;2760;2761; 2762;2763;27 64;2765;2766; 2767;2768;27 69;2770;2771; 2772;2773;27 74;2775;2776; 2777;2778;27 79;2780;2781; 2782;2783;27 84;2785;2786; 2787;2788;27 89;2790;2791; 2792;2793;27 94;2795;2796; 2797	3134;3135;31 36;3137;3138; 3139;3140;31 41;3142;3143; 3144;3145;31 46;3147;3148; 3149;3150;31 51;3152;3153; 3154;3155;31 56;3157;3158; 3159;3160;31 61;3162;3163; 3164;3165;31 66;3167;3168; 3169;3170;31 71;3172;3173; 3174;3175;31 76;3177;3178; 3179;3180;31 81;3182;3183; 3184;3185;31 86;3187;3188; 3189;3190;31 91;3192;3193; 3194;3195;31 96;3197;3198; 3199;3200;32 01;3202;3203; 3204;3205;32 06;3207;3208; 3209;3210;32 11;3212;3213; 3214;3215;32 16;3217;3218; 3219;3220;32 21;3222;3223; 3224;3225;32 26;3227;3228;



3229;3230;3231;3232;3233;3234;3235;3236;3237;3238;3239;3240;3241;3242;3243;3244;3245;3246;3247;3248;3249;3250;3251;3252;3253;3254;3255;3256;3257;3258;3259;3260;3261;3262;3263;3264;3265;3266;3267;3268;3269;3270;3271;3272;3273;3274;3275;3276;3277;3278;3279;3280;3281;3282;3283;3284;3285;3286;3287;3288;3289;3290;3291;3292;3293;3294;3295

AGSVY GGAGG SGVR	14	1193.579	E7FCX7;Q6P0E4;Q9PWD8;Q1LXJ7;A0A0R4IV49;A0A0R4II96;A0A0R4IXF3;Q1LXJ8;A1L222;Q568U3;Q1RM74;F1Q7G3;A0A0N4SUF2;I3ITC7;Q1LXJ1;I3IT59;I3ISA0	cyt11;cyt1;cki;krt92;krt17	2	0.003979	69.672	40770000	59	61	62	3296;3297;3298	
AGSWNI DVTK	10	1089.546	E7FBD3	apoba		2	0.016911	80.688	10563000	60	264	2806;2807	3299;3300
AGTDIF VQR	9	1005.524	A0A0H2UKQ1;F1QX52;F8W3L4;F8W4N8	gatm		2	0.002997	106.36	65033000	61	22	2808;2809;2810;2811;2812;2813;2814	3301;3302;3303
AHFPLA SIPEMN SQVLEL PYVGK	23	2539.315	F8W412;E7EXC4	serpinb114	3	0.000349	35.703	33344000	62	238	65	3304;3305;3306;3307;3308;3309;3310;3311;3312;3313	
AHGPQ YPYTGR	11	1245.589	F1QEC9;A9JSV0	tyrp1a		3	0.025005	32.254	2897400	63	168	2826	3314
AIEIAE NEMPG LMK	14	1544.758	Q803T5	ahcy	Adenosylhomocysteinase	2	0.02134	53.683	15945000	64	450	2827;2828;2829;2830;2831;2832;2833	3315;3316;3317;3318

AIGGGL SSVGGG SSTIK	17	1446.768	CON_P02538			2	3.38E-69	215.77	2.32E+09	65	219	68	3319;3320;3321;3322;3323;3324;3325;3326;3327;3328;3329;3330;3331;3332;3333;3334;3335;3336;3337;3338;3339;3340;3341;3342;3343;3344;3345;3346;3347;3348;3349;3350;3351;3352;3353;3354;3355;3356;3357;3358;3359;3360;3361;3362;3363;3364;3365;3366;3367;3368	
AIGSAS EGAQSS LQEVY H	18	1832.854	E9QFZ7	psma5	Proteasome subunit alpha type	2	1.94E-09	91.961	44255000	66	284	2875;2876;2877;2878;2879;2880;2881;2882;2883;2884;2885;2886;2887	3369;3370;3371;3372;3373	
AIGSAS EGAQSS LQEVY HK	19	1960.949	Q6TGV6;E9QIF2	psma5	Proteasome subunit alpha type	2;3	8.4E-127	159.8	3.69E+08	67	427	2888;2889;2890;2891;2892;2893;2894;2895;2896;2897;2898;2899;2900;2901;2902;2903;2904;2905;2906;2907;2908;2909;2910;2911;2912;2913;2914;2915;2916;2917;2918	3374;3375;3376;3377;3378;3379;3380;3381;3382;3383;3384;3385;3386;3387;3388;3389;3390;3391;3392;3393;3394;3395;3396;3397;3398;3399;3400;3401;3402;3403;3404	
AINQGG LTSVAV R	13	1284.715	F1R2U4;Q90ZS4;Q7SXXN6;Q6DGY8;A0A0R4ISC7	psma6a;psma6b	Proteasome subunit alpha type	2	7.15E-07	125.75	2.51E+08	68	87	2919;2920;2921;2922;2923;2924;2925;2926;2927;2928;2929;2930;2931;2932;2933;2934;2935;2936;2937;2938;2939;2940;2941;2942;2943	3405;3406;3407;3408;3409;3410;3411;3412;3413;3414;3415;3416;3417;3418;3419;3420;3421;3422;3423;3424;3425;3426;3427;3428;3429	
AISAAV VENGG VVAPHP LGF	20	1904.016	Q7T2C2;F1Q8J4;A9JT52	acadvl		2	7.23E-05	61.435	2557300	69	171	2944;2945	3430	

AITSLQ SLYNTR	12	1365.725	Q6NZS0;Q6PH V5;Q90WI2	cpa5		2	5.1E-237	258.52	6.93E+08	70	413	2946;2947;29 48;2949;2950; 2951;2952;29 53;2954;2955; 2956;2957;29 58;2959;2960; 2961;2962;29 63;2964;2965; 2966;2967;29 68;2969;2970; 2971;2972;29 73;2974;2975; 2976;2977;29 78;2979;2980; 2981;2982;29 83;2984;2985; 2986;2987;29 88;2989;2990; 2991;2992;29 93;2994;2995	3431;3432;34 33;3434;3435; 3436;3437;34 38;3439;3440; 3441;3442;34 43;3444;3445; 3446;3447;34 48;3449;3450; 3451;3452;34 53;3454;3455; 3456;3457;34 58;3459;3460; 3461;3462;34 63;3464;3465; 3466;3467;34 68;3469;3470; 3471;3472;34 73;3474;3475; 3476;3477;34 78;3479;3480; 3481;3482;34 83;3484;3485; 3486;3487;34 88;3489;3490; 3491;3492;34 93;3494
AIVEFV K	7	804.4745	Q6DHB4;Q4VB J2;FIQL16	cpa1		2	0.044718	86.086	2.56E+08	71	310	2996;2997;29 98;2999;3000; 3001;3002;30 03;3004;3005; 3006;3007	3495
AIWNV VNWEN VSER	14	1714.843	Q6P980	sod2	Superoxide dismutase	2;3	6.26E-79	185.77	1.59E+08	72	423	3008;3009;30 10;3011;3012; 3013;3014;30 15;3016;3017; 3018;3019;30 20;3021;3022; 3023;3024;30 25;3026;3027; 3028;3029;30 30;3031;3032; 3033;3034	3496;3497;34 98;3499;3500; 3501;3502;35 03;3504;3505; 3506;3507;35 08;3509;3510; 3511;3512;35 13;3514;3515; 3516;3517;35 18;3519;3520
AIYNN MK	7	852.4164	Q642Z0;Q5U3 A4;A0JMP4;Q7 ZW18;B2GRT2 ;A9C3Q5;A9C3 Q4;A2BIP1;F1 Q4P9;Q6ZM60; A0A0R4IQS8;F 1Q7N8	atp2a1;at p2a1l;atp 2a2a;atp2 a3;atp2a2 b;si:dkey- 28b4.8	Calcium- transporting ATPase	2	0.044708	84.025	33316000	73	386	3035;3036;30 37;3038;3039; 3040;3041;30 42;3043	3521
ALDDE DDEED DIIDK	15	1748.711	Q6PYX3;A0A0 R4IZQ5;Q498X	hnrnpub		2	5.84E-22	171.32	1.03E+08	74	102	3044;3045;30 46;3047;3048; 3049;3050;30	3522;3523;35 24;3525;3526; 3527

ALEEAN ADLEV K	12	1300.651	5;Q1ECZ7;Q5R HQ7 CON__P02533; CON__P19012; CON__P08779	2	6.76E-94	205.14	3.13E+09	75	225;218	78	3056;3057; 3058;3059; 3060;3061; 3062;3063; 3064;3065; 3066;3067; 3068;3069; 3070;3071; 3072;3073; 3074;3075; 3076;3077; 3078;3079; 3080;3081; 3082;3083; 3084;3085; 3086;3087; 3088;3089; 3090;3091; 3092;3093; 3094;3095; 3096;3097; 3098;3099; 3100;3101; 3102;3103; 3104;3105; 3106;3107; 3108;3109; 3110;3111; 3112;3113; 3114;3115; 3116;3117; 3118;3119; 3120;3121; 3122;3123	51;3052;3053; 3054;3055
ALEEAN TELEVK	12	1344.677	CON__Q04695	2	2.55E-56	187.64	5.34E+08	76	232	79	3650;3651;36 52;3653;3654; 3655;3656;36 57;3658;3659; 3660;3661;36 62	
ALEESN YELEGK	12	1380.641	CON__P13645; CON__P02535- 1	2	5.04E-46	175.73	2.28E+09	77	227	80	3141;3142; 3143;3144; 3145;3146; 3147;3148; 3149;3150; 3151;3152; 3153;3154; 3155;3156; 3157;3158; 3159;3160; 3161;3162;	

ALEEVA GTTK	10	1017.534	Q5U380;E7F9E 5	ace2		2	0.000114	116.05	1.42E+08	78	261	3163;3164; 3165;3166; 3167;3168; 3169;3170; 3171;3172; 3173;3174; 3175;3176; 3177;3178; 3179;3180; 3181;3182; 3183;3184; 3185;3186	3187;3188;31 89;3190;3191; 3192;3193;31 94;3195;3196; 3197;3198;31 99;3200;3201; 3202;3203;32 04;3205;3206; 3207;3208;32 09	3733;3734;37 35;3736
ALEQV DGGsFR	11	1177.573	Q1XIH8;Q1LY 08;Q05AK3	cpox		2	0.008249	78.334	6087600	79	358	3210	3737	
ALGGN PAPNIV STK	14	1337.73	A4FUN4;A0A0 R4IZV6	anpepb		2	0.001775	81.002	1.62E+08	80	130	3211;3212;32 13;3214;3215; 3216;3217;32 18;3219;3220; 3221;3222;32 23	3738;3739;37 40;3741;3742; 3743;3744	
ALLEVV QSGGK	11	1099.624	Q6P0I2	psma8	Proteasome subunit alpha type	2	1.11E-18	125.16	1.3E+08	81	416	3224;3225;32 26;3227;3228; 3229;3230;32 31;3232;3233; 3234	3745;3746;37 47;3748;3749; 3750;3751;37 52;3753	
ALLPQT YELDG R	12	1374.714	F1R9S0	cecr1a		2	0.001147	100.48	1.22E+08	82	336	3235;3236;32 37;3238;3239; 3240;3241;32 42;3243;3244; 3245;3246;32 47;3248	3754;3755;37 56;3757;3758; 3759	
ALLQL MAAAE AGR	13	1313.713	E7F2B6	BX92729 4.1	2	0.016194	49.418	20160000	83	247	86	3760		
ALPFW NEEIVP QIK	14	1682.903	Q7SYB4;Q6TN R9;B8A4H6	pgam1b;p gam1l	2	0.000292	100.92	8257900	84	205	87	3761;3762;37 63;3764		
ALPYA ADLTGS WK	13	1391.709	Q5TZ29	apobb.1		2	7.33E-07	125.7	3.91E+08	85	385	3251;3252;32 53;3254;3255; 3256;3257;32 58;3259;3260; 3261;3262;32 63;3264;3265;	3765;3766;37 67;3768;3769; 3770;3771;37 72;3773;3774; 3775;3776;37 77;3778;3779;	

												3266;3267;3268;3269;3270;3271;3272;3273;3274;3275;3276;3277;3278;3279;3280;3281;3282;3283;3284;3285;3286;3287;3288;3289;3290	3780;3781;3782;3783;3784;3785;3786;3787;3788;3789;3790;3791;3792;3793;3794;3795;3796;3797;3798;3799;3800;3801;3802;3803;3804;3805;3806;3807;3808;3809;3810;3811
ALQEG VAFQY AK	12	1323.682	A4VCF4;Q8JH37;Q1MTC6;F1R2T3;A3KMS4;A0A0R4IUA0;Q90YN8;Q1LWN2;A0A0R4IY49;F1QV15	vtg1;vtg7;vtg6	2	0.000827	81.525	23317000	86	94	89	3812;3813	
ALSSGQ NVLPR	11	1140.625	A0A140LG92;Q6NWI6;A0A0R4IWE1	fahd2a	2	2.3E-11	139.98	3.64E+08	87	98		3294;3295;3296;3297;3298;3299;3300;3301;3302;3303;3304;3305;3306;3307;3308;3309;3310;3311;3312;3313;3314	3814;3815;3816;3817
ALTDAE TK	8	847.4287	Q7ZT36	pvalb3	2	0.001736	129.68	6E+08	88	435		3315;3316;3317;3318;3319;3320;3321;3322;3323;3324;3325;3326;3327;3328;3329;3330;3331;3332;3333;3334;3335;3336;3337;3338;3339;3340;3341;3342;3343;3344;3345;3346	3818;3819;3820;3821;3822;3823;3824;3825;3826;3827;3828;3829;3830;3831;3832;3833;3834;3835;3836;3837;3838;3839;3840;3841;3842
ALTLET LTDWT R	12	1418.741	Q7T309;F1R7D6	serpinb13	2	2.83E-80	198.72	5.89E+08	89	434	92	3843;3844;3845;3846;3847;3848;3849;3850;3851;3852;3853;3854;3855;3856;3857;3858;3859;3860;3861;3862;3863;3864;3865;3866;3867;3868;3869;38	

ALTVSE ETER	10	1133.556	X1WF98	col12a1a		2	0.017263	80.219	17985000	90	468	70;3871;3872; 3873;3874;38 75;3876;3877; 3878;3879;38 80;3881;3882; 3883;3884;38 85;3886;3887; 3888;3889;38 90;3891;3892; 3893;3894;38 95;3896;3897; 3898;3899;39 00;3901;3902; 3903;3904;39 05;3906;3907; 3908;3909;39 10;3911;3912; 3913;3914;39 15;3916;3917; 3918;3919;39 20;3921;3922; 3923;3924;39 25;3926;3927; 3928;3929;39 30;3931;3932; 3933;3934;39 35;3936;3937; 3938;3939;39 40;3941;3942; 3943;3944;39 45;3946;3947; 3948;3949;39 50;3951;3952; 3953;3954;39 55;3956;3957; 3958;3959;39 60;3961;3962; 3963;3964;39 65;3966;3967; 3968;3969;39 70;3971;3972; 3973;3974;39 75;3976 3473;3474	3977;3978
ALVSV DNHVN QR	12	1426.695	Q6DHR7;F1QT T5;CON_Q3M HH8;Q7SYK9; A0A0R4IST0;F 1RD28;Q6P5J0; Q7SYL6	zgc:9213 7;zgc:663 13;amy2a	Alpha-amylase	2;3	3.31E-80	197.79	1.42E+09	91	319;419	3475;3476;34 77;3478;3479; 3480;3481;34 82;3483;3484; 3485;3486;34 87;3488;3489; 3490;3491;34 92;3493;3494;	3979;3980;39 81;3982;3983; 3984;3985;39 86;3987;3988; 3989;3990;39 91;3992;3993; 3994;3995;39 96;3997;3998;

												3495;3496;34 97;3498;3499; 3500;3501;35 02;3503;3504; 3505;3506;35 07;3508;3509; 3510;3511;35 12;3513;3514; 3515;3516;35 17;3518;3519; 3520;3521;35 22;3523;3524 3525	3999;4000;40 01;4002;4003; 4004;4005;40 06;4007;4008; 4009;4010;40 11;4012;4013; 4014;4015;40 16;4017;4018; 4019;4020;40 21;4022;4023
AMAML IATFHK AMDIG GTSDPY VK	11 13	1232.641 1352.628	Q6XG62;A3FK T8 D4P8S0;E7F57 8;X1WDZ6	icn;icn2 syt7b;syt 7a	Protein S100 2	3 0.000647	0.040498 97.456	28.232 2.73E+08	4134800 93	92 236	123;430 96	4025;4026;40 27;4028;4029; 4030;4031;40 32;4033;4034; 4035;4036;40 37;4038;4039; 4040;4041;40 42;4043;4044; 4045;4046;40 47;4048;4049; 4050;4051;40 52;4053;4054; 4055;4056;40 57;4058	4024
AMDSG GTSDPY VK	13	1326.576	A0A0R4IPA6		2	1.44E-20	148.56	8.99E+08	94	76	97	4059;4060;40 61;4062;4063; 4064;4065;40 66;4067;4068; 4069;4070;40 71;4072;4073; 4074;4075;40 76;4077;4078; 4079;4080;40 81;4082;4083; 4084;4085;40 86;4087;4088; 4089;4090;40 91;4092;4093; 4094;4095;40 96;4097;4098; 4099;4100;41 01;4102;4103; 4104;4105;41 06;4107;4108; 4109;4110;41 11;4112;4113; 4114;4115;41 16;4117;4118; 4119;4120	



AMGIM NSFVND IFER	15	1742.812	X1WHF1;X1W DH8;R4GE15;Q 05AK8;G1K2V 1;F1R4A4;F1Q AU0;E7EZA5;B 3DJF8;A7MCA 8;A7MCA7;A7 MC11;A7E2M8 ;A0A140LG54; A0A0N4STN6; X1WH60;X1W G17;X1WC20; R4GE02	si:dkey- 261m9.6; si:dkey- 261m9.19 ;zgc:1717 59;si:dke y- 108k21.1 3;zgc:173 585;si:dk ey- 108k21.1 1;LOC57 0661;zgc: 173587;z gc:11404 6;ano9a;s i:dkey- 108k21.9; si:dkey- 108k21.2 0;si:ch21 1- 113a14.1 1	Histone H2B	2	0.001146	65.395	0	95	24	3578;3579	4121;4122
AMGVA QHHDA VSGTEK	16	1636.763	Q58EM3;F1QT T0;A0A0R4IU1 4	man2b1	Alpha- mannosidase	3	0.006678	35.757	6788100	96	91	3580;3581	4123
AMSSIL NHDDIK	12	1342.655	Q804W1	pvalb6		2	2.4E-12	140.49	20714000	97	453	3582;3583	4124;4125;41 26;4127
ANEGT VGVSA AAVR	14	1300.674	Q7ZTV9;E7F9 U9;K4KG66;F1 Q5B5;Q8AXY4 ;E9QCQ8	alpl	Alkaline phosphatase	2	2.24E-05	107.06	1.22E+08	98	262	3584;3585;35 86;3587;3588; 3589;3590;35 91;3592;3593; 3594;3595;35 96;3597;3598	4128;4129;41 30;4131
ANLQG GEPVQL IK	13	1365.762	F1R998;F1RAG 3	nid1a		2	0.000676	96.89	1.95E+08	99	334	3599;3600;36 01;3602;3603; 3604;3605;36 06;3607;3608; 3609;3610;36 11;3612;3613; 3614;3615;36 16;3617;3618; 3619;3620;36 21;3622;3623; 3624	4132;4133;41 34;4135;4136; 4137;4138;41 39;4140;4141; 4142;4143;41 44;4145;4146; 4147;4148;41 49;4150;4151; 4152;4153;41 54;4155;4156
ANSLFA LDLYR	11	1281.672	Q6DGG30;Q5RI K7	serpinb1; serpinb11 2		2	0.000863	109.29	18564000	100	394	4157;4158	
ANVLE FK	8	932.5331	Q561T4;F1Q6S 1;A9JT03	npep11		1;2	0.005478	107.66	5.48E+08	101	170	3629;3630;36 31;3632;3633; 3634;3635;36	4159;4160;41 61;4162;4163; 4164;4165;41

												36;3637;3638; 3639;3640;36 41;3642;3643; 3644;3645;36 46;3647;3648; 3649;3650;36 51;3652;3653; 3654;3655;36 56;3657;3658; 3659;3660;36 61;3662;3663; 3664;3665;36 66;3667;3668; 3669;3670;36 71;3672;3673; 3674;3675;36 76;3677;3678; 3679;3680;36 81;3682;3683; 3684;3685;36 86;3687;3688; 3689;3690;36 91;3692;3693; 3694	66;4167;4168; 4169;4170;41 71;4172;4173; 4174;4175;41 76;4177;4178; 4179;4180;41 81;4182;4183; 4184;4185;41 86;4187;4188; 4189;4190;41 91;4192;4193; 4194;4195;41 96;4197;4198; 4199;4200;42 01
APANPP TGPLK	11	1061.587	A0A0G2KY72	2	1.91E-24	164.68	5.63E+08	102	17	106	4202;4203;42 04;4205;4206; 4207;4208;42 09;4210;4211; 4212;4213;42 14;4215;4216; 4217;4218;42 19;4220;4221; 4222;4223;42 24;4225;4226; 4227;4228;42 29;4230;4231; 4232;4233;42 34;4235;4236; 4237;4238;42 39;4240;4241; 4242;4243;42 44;4245;4246		
APLAEA ESVQK	11	1141.598	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9	a2ml	2	1.2E-153	238.51	2.91E+09	103	106	3718;3719;37 20;3721;3722; 3723;3724;37 25;3726;3727; 3728;3729;37 30;3731;3732; 3733;3734;37 35;3736;3737; 3738;3739;37 40;3741;3742;	4247;4248;42 49;4250;4251; 4252;4253;42 54;4255;4256; 4257;4258;42 59;4260;4261; 4262;4263;42 64;4265;4266; 4267;4268;42 69;4270;4271; 4272;4273;42	



AQAQE VSEQLE VQAGA LK	18	1897.975	A4VAJ8	apoeb	2	0.00015	68.83	4711200	107	132	4379;4380;4381;4382;4383 3803	4384
AQDTA ELFFED VR	13	1539.721	Q7ZYX3;Q6IQ N8;A3KQR0	acadl	2	0.0517	59.198	4144100	108	128	3804;3805;3806	4385
AQLIDD AFNLA K	12	1317.693	A4FUN4;A0A0 R4IZV6	anpepb	2	9.98E-12	137.05	3.01E+08	109	130	3807;3808;3809;3810;3811; 3812;3813;3814;3815;3816; 3817;3818;3819;3820;3821; 3822;3823;3824;3825;3826; 3827;3828;3829;3830;3831; 3832;3833;3834;3835;3836; 3837;3838;3839;3840;3841; 3842;3843;3844;3845;3846; 3847;3848;3849;3850;3851; 3852;3853;3854;3855;3856; 3857;3858;3859;3860;3861; 3862;3863;3864;3865;3866; 3867;3868;3869;3870;3871; 3872;3873;3874;3875;3876; 3877;3878;3879;3880;3881; 3882;3883;3884;3885;3886; 3887;3888	4386;4387;4388;4389;4390; 4391;4392;4393;4394;4395; 4396;4397;4398;4399;4400; 4401;4402;4403;4404;4405; 4406;4407;4408;4409;4410; 4411;4412;4413;4414;4415; 4416;4417;4418;4419;4420; 4421;4422;4423;4424;4425; 4426;4427;4428;4429;4430; 4431;4432;4433;4434;4435; 4436;4437;4438;4439;4440; 4441;4442;4443;4444;4445; 4446;4447;4448;4449;4450; 4451;4452;4453;4454;4455; 4456;4457;4458;4459;4460; 4461;4462;4463;4464;4465; 4466;4467;4468
AQTPQI QSIR	10	1140.625	A7YYE8	cryba1b	2	0.000616	107.57	4.95E+08	110	149	4469;4470;4471;4472;4473; 4474;4475	
AQYEEI ANR	9	1092.52	CON__P13647	2	1.12E-30	147.08	0	111	228	115		
AQYEEI AQR	9	1106.536	CON__P02538; CON__P19013; CON__P04259; CON__P35908	2	1.81E-98	222.19	2.65E+09	112	219;222; 231	116	3896;3897; 3898;3899; 3900;3901; 3902;3903; 3904;3905; 3906;3907; 3908;3909;	

ASASPA AQSRLF TASK	16	1534.799	A2BGQ8	si:ch211- 214j8.1	2	0.002001	70.438	30228000	113	113	117	3910;3911; 3912;3913; 3914;3915; 3916;3917; 3918;3919; 3920;3921; 3922;3923; 3924;3925; 3926;3927; 3928;3929	4535;4536	
ASATAE AVQVT HNGK	15	1482.743	B0R1C4	fap		2;3	3.51E-38	134.06	1.84E+08	114	176	3939;3940;39 41;3942;3943; 3944;3945;39 46;3947;3948; 3949;3950;39 51;3952;3953; 3954;3955;39 56;3957;3958; 3959;3960;39 61;3962;3963; 3964;3965;39 66;3967;3968; 3969;3970;39 71;3972 3973;3974;39 75;3976;3977; 3978;3979;39 80;3981;3982; 3983;3984;39 85;3986;3987; 3988;3989;39 90;3991;3992; 3993;3994;39 95	4537;4538;45 39;4540;4541; 4542;4543;45 44;4545;4546; 4547;4548;45 49;4550;4551; 4552;4553;45 54;4555;4556	
ASIAQT TTPNSP GSASSQ VTK	21	2032.007				3	0.001466	37.112	2.63E+08	115	460		4557;4558;45 59;4560;4561; 4562	
ASITVPI PAGQT AQIVFQ AMR	21	2198.188	F1QS73;A0A0 G2KQ10		3	0.027728	21.599	3593100	116	13	120	3996;3997; 3998		
ASLDNI FK	8	906.4811	A3FKT8	icn2	Protein S100	2	0.028215	94.662	25616000	117	123		3999;4000;40 01;4002;4003; 4004	4564
ASLEGN LAETEN R	13	1402.669	CON__Q04695		2	1.4E-105	208.15	1.98E+08	118	232	122		4565;4566;45 67;4568;4569; 4570;4571;45 72;4573;4574; 4575;4576;45 77;4578;4579; 4580;4581;45 82	

ASLENS LEETK	11	1219.593	CON_P02533; CON_P08779; CON_Q9Z2K1 ;CON_Q3ZA W8	2	2.69E-84	208.25	3.14E+09	119	225;218	123	4023;4024; 4025;4026; 4027;4028; 4029;4030; 4031;4032; 4033;4034; 4035;4036; 4037;4038; 4039;4040; 4041;4042; 4043;4044; 4045;4046; 4047;4048; 4049;4050; 4051;4052; 4053;4054; 4055;4056; 4057;4058; 4059;4060; 4061;4062; 4063;4064; 4065;4066; 4067;4068		
ASLENS LEETKG R	13	1432.716	CON_P02533; CON_P08779; CON_Q9Z2K1 ;CON_Q3ZA W8	2;3	1.27E-05	90.759	55017000	120	225;218	124	4069;4070; 4071;4072; 4073;4074		
ASNGV VLATEK	11	1087.587	Q1LWX4;Q6PB Y5;Q4VBR8;B3 DG31	si:rp71- 45k5.4;ps ma2	Proteasome subunit alpha type	2	0.000301	99.788	27168000	121	194	4075;4076;40 77;4078;4079; 4080;4081	4645;4646;46 47;4648
ASNTAE VYFEN VR	13	1498.705	Q7T2C2;F1Q8J 4;A9JT52	acadvl		2	0.000661	113.63	90722000	122	171	4082;4083;40 84;4085;4086; 4087;4088;40 89;4090;4091	4649;4650;46 51;4652
ASTSTTI R	8	835.44	CON_P02538; CON_P04259	2	0.003721	112.37	4.69E+08	123	219;222	127	4092;4093; 4094;4095; 4096;4097; 4098;4099; 4100;4101; 4102;4103; 4104		
ATAGA YIASQT VK	13	1279.677	Q9PUS4;Q6IQ D0;B0R028;A8 E5G8;O57331	psmb5	Proteasome subunit beta type	2	7.59E-38	162.36	3.22E+08	124	155	4105;4106;41 07;4108;4109; 4110;4111;41 12;4113;4114; 4115;4116;41 17;4118;4119; 4120;4121;41 22;4123;4124; 4125;4126;41 27	4663;4664;46 65;4666;4667; 4668;4669;46 70;4671;4672; 4673;4674;46 75;4676;4677; 4678;4679;46 80;4681;4682; 4683;4684;46 85;4686;4687; 4688;4689;46

ATAVV DGQFK	10	1034.54	Q6DGJ6	prdx2		2	1.85E-13	154.12	60778000	125	396	4128;4129;4130;4131	90;4691;4692;4693;4694 4695;4696;4697;4698;4699; 4700 4701;4702
ATDEIL AVDPK	11	1170.613	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46	ttnb		2	0.015773	66.056	29040000	126	140	4132;4133;4134;4135;4136; 4137;4138;4139	4703;4704;4705;4706;4707; 4708;4709;4710;4711;4712; 4713;4714
ATDVQ TQTSTL TWK	14	1578.789	F1QSR3;O5758 7;B0S6K5;A0A 0B5JFC8;A0A0 R4ITL5;B0S6K 6	tnw		2	9.28E-13	134.13	61143000	127	90;2;179	4140;4141;4142;4143;4144; 4145;4146;4147;4148;4149; 4150;4151;4152;4153	4715;4716;4717;4718
ATEGMI VADK	10	1033.511	Q9PUS1;Q7T00 2;Q561Y7;FIQ 5N4	psmb7	Proteasome subunit beta type	2	0.011584	82.749	1.33E+08	128	288	4154;4155;4156;4157;4158; 4159;4160;4161;4162	4719;4720;4721;4722;4723; 4724;4725;4726;4727;4728; 4729;4730;4731;4732;4733; 4734;4735;4736;4737;4738; 4739;4740;4741;4742;4743; 4744;4745;4746;4747;4748; 4749;4750;4751;4752;4753; 4754;4755;4756;4757;4758; 4759;4760;4761;4762;4763; 4764;4765;4766;4767;4768; 4769;4770;4771;4772;4773; 4774;4775;4776;4777;4778; 4779;4780;4781;4782;4783; 4784;4785;4786;4787;4788; 4789;4790;4791;4792;4793; 4794;4795;4796;4797;4798; 4799;4800;4801;4802;4803;
ATGELV PTHFPA R	13	1394.731	F1RDP7	lxn		2	4.9E-121	213.31	8.81E+08	129	345	4163;4164;4165;4166;4167; 4168;4169;4170;4171;4172; 4173;4174;4175;4176;4177; 4178;4179;4180;4181;4182; 4183;4184;4185;4186;4187; 4188;4189;4190;4191;4192; 4193;4194;4195;4196;4197; 4198;4199;4200;4201;4202; 4203;4204;4205;4206;4207; 4208;4209;4210;4211;4212; 4213;4214;4215;4216;4217; 4218;4219;4220;4221;4222; 4223;4224;4225;4226;4227; 4228;4229;4230;4231;4232; 4233;4234	

4804;4805;4806;4807;4808;4809;4810;4811;4812;4813;4814;4815;4816;4817;4818;4819;4820;4821;4822;4823;4824;4825;4826;4827;4828;4829

ATGGG LSSVGG GSSTIK	17	1434.731	CON_P04259		2	4.9E-151	211.22	1.32E+09	130	222	135	4830;4831;4832;4833;4834;4835;4836;4837;4838;4839;4840;4841;4842;4843;4844;4845;4846;4847;4848;4849;4850;4851;4852;4853;4854;4855	
ATMQN LNDR	9	1061.492	CON_Q04695; Q05AL9;F1R8 U0;Q1RLR3;F1 QHM2;A0A0R4 IJ35;E7F6W3;C ON_Q9C075; CON_Q99PS0; B0UYS0;Q803 Y5;E7FCX7;Q6 P0E4;Q9PWD8; Q1LXJ7;A0A0 R4IV49;A0A0R 4II96;A0A0R4I XF3;E9QDY3; Q1LXJ8;A1L22 2;Q568U3;Q1R M74;F1Q7G3;A 0A0N4SUF2;I3I TC7;Q1LXJ1;Q 9PUB6;Q6DHB 6	krt94;krt93; LOC556118;krt15; cyt11;cyt1;cki;krt92;krt17	2	0.001114	111.06	56178000	131	232; 61	136		
ATPFIE CNGAR	11	1221.581	Q4TZW7;F1QYN1	col4a6		2	0.010119	73.233	1.23E+08	132	324	4264;4265;4266;4267;4268;4269;4270;4271;4272;4273;4274;4275	4856;4857
ATTEAE TEIDAP K	13	1374.652	A0A0R4ITL5		2	1.93E-67	188.28	4.49E+09	133	90	138	4858;4859;4860;4861;4862;4863;4864;4865;4866;4867;4868;4869;4870;4871;4872;	



												4873;4874;4875;4876;4877;4878;4879;4880;4881;4882;4883;4884;4885;4886;4887;4888;4889;4890;4891;4892;4893;4894;4895;4896;4897;4898;4899;4900;4901;4902;4903;4904;4905;4906;4907;4908;4909;4910;4911;4912;4913;4914;4915;4916;4917;4918;4919;4920;4921;4922;4923;4924;4925;4926;4927;4928;4929;4930;4931;4932;4933;4934;4935;4936;4937;4938;4939;4940;4941;4942;4943;4944;4945;4946;4947;4948;4949;4950;4951	
ATVLM TDINEF NTVND VYK	19	2186.057	Q6AXL2;Q6DG X0;Q3B7E4	hrsp12	2;3	6.63E-34	140.82	78036000	134	392	4305;4306;4307;4308;4309;4310;4311;4312;4313;4314;4315;4316;4317;4318;4319;4320;4321;4322;4323;4324;4325;4326;4327;4328;4329;4330;4331;4332;4333;4334	4952;4953;4954;4955;4956;4957;4958;4959;4960;4961;4962;4963;4964;4965;4966;4967;4968	
ATWEH GAPDV GMYR	14	1588.709	E7FG81;I3IT32	col12a1b	2;3	9.7E-05	71.933	31980000	135	274	4335;4336;4337;4338	4969;4970;4971	
ATWMP PDEPVE R	12	1426.655	E7FG81;I3IT32	col12a1b	2	4.8E-06	108.67	1.3E+09	136	274	4339;4340;4341;4342;4343;4344;4345;4346;4347;4348;4349;4350;4351;4352;4353;	4972;4973;4974;4975;4976;4977;4978;4979;4980;4981;4982;4983;4984;4985;4986;	

4354;4355;43 4987;4988;49  
56;4357;4358; 89;4990;4991;  
4359;4360;43 4992;4993;49  
61;4362;4363; 94;4995;4996;  
4364;4365;43 4997;4998;49  
66;4367;4368; 99;5000;5001;  
4369;4370;43 5002;5003;50  
71;4372;4373; 04;5005;5006;  
4374;4375;43 5007;5008;50  
76;4377;4378; 09;5010;5011;  
4379;4380;43 5012;5013;50  
81;4382;4383; 14;5015;5016;  
4384;4385;43 5017;5018;50  
86;4387;4388; 19;5020;5021;  
4389;4390;43 5022;5023;50  
91;4392;4393; 24;5025;5026;  
4394;4395;43 5027;5028;50  
96;4397;4398; 29;5030;5031;  
4399;4400;44 5032;5033;50  
01;4402;4403; 34;5035;5036;  
4404;4405;44 5037;5038;50  
06;4407;4408; 39;5040;5041;  
4409;4410;44 5042;5043;50  
11;4412;4413; 44;5045;5046;  
4414;4415;44 5047;5048;50  
16;4417;4418; 49;5050;5051;  
4419;4420;44 5052;5053;50  
21;4422;4423; 54;5055;5056;  
4424;4425;44 5057;5058;50  
26;4427;4428; 59;5060;5061;  
4429;4430;44 5062;5063;50  
31;4432;4433; 64;5065;5066;  
4434;4435;44 5067;5068;50  
36;4437;4438; 69;5070;5071;  
4439;4440;44 5072;5073;50  
41;4442;4443; 74;5075;5076;  
4444;4445;44 5077;5078;50  
46;4447;4448; 79;5080;5081;  
4449 5082;5083;50  
84;5085;5086;  
5087;5088;50  
89;5090;5091;  
5092;5093;50  
94;5095;5096;  
5097;5098;50  
99;5100;5101;  
5102;5103;51  
04;5105;5106;  
5107;5108;51  
09;5110;5111;  
5112;5113;51  
14;5115;5116;  
5117;5118;51

19;5120;5121;  
5122;5123;51  
24;5125;5126;  
5127;5128;51  
29;5130;5131;  
5132;5133;51  
34;5135;5136;  
5137;5138;51  
39;5140;5141;  
5142;5143;51  
44;5145;5146;  
5147;5148;51  
49;5150;5151;  
5152;5153;51  
54;5155;5156;  
5157;5158;51  
59;5160;5161;  
5162

ATWVA PDGPVE K	12	1268.64	X1WF98	col12a1a		2	0.000409	107.83	5.02E+08	137	468		
AVAEEL SAER	10	1073.535	F1QU55	bhmt		2	5.29E-11	141.2	99428000	138	320		
AVAEP GIQLK	10	1024.592	A0A0G2KDJ5; CON_ENSEM BL:ENSBTAP0 0000006074;A9 ULT0;A0A0R4I CP2;A0A0R4IB X2;A0A0R4I9N 1	thbs4a		2	0.022652	72.485	96080000	139	8		
AVDPL YPPGPP K	12	1249.671	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46	ttnb		2	0.011533	63.076	43879000	140	140		
AVDPQ GPPTSP EK	13	1321.651	A5X6X5;Q801 W8;F1R7N8;F1 QZQ0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2	1.13E-37	160.62	6.15E+08	141	332; 139	147		

4450;4451;44  
52;4453;4454;  
4455;4456;44  
57;4458;4459;  
4460;4461;44  
62;4463;4464;  
4465;4466;44  
67;4468;4469;  
4470;4471;44  
72;4473;4474;  
4475;4476;44  
77;4478;4479;  
4480;4481;44  
82  
4483;4484;44  
85;4486;4487  
4488;4489;44  
90;4491;4492;  
4493;4494

5163;5164;51  
65;5166;5167;  
5168;5169;51  
70;5171;5172;  
5173;5174;51  
75;5176;5177;  
5178;5179;51  
80;5181;5182;  
5183;5184;51  
85;5186;5187;  
5188;5189;51  
90;5191;5192;  
5193;5194;51  
95  
5196;5197;51  
98  
5199;5200;52  
01;5202;5203;  
5204;5205;52  
06

4495;4496;44  
97;4498;4499;  
4500;4501;45  
02;4503  
5209;5210;52  
11;5212;5213;  
5214;5215;52  
16;5217;5218;  
5219;5220;52  
21;5222;5223;  
5224;5225;52

AVENSS TAIGIR	12	1216.641	Q4V918	psma3	Proteasome subunit alpha type	2	6.14E-32	160.36	2.61E+09	142	371	26;5227;5228; 5229;5230;52 31;5232;5233; 5234;5235;52 36;5237;5238; 5239;5240;52 41;5242;5243; 5244;5245;52 46;5247;5248; 5249;5250;52 51;5252;5253; 5254 4536;4537;45 38;4539;4540; 4541;4542;45 43;4544;4545; 4546;4547;45 48;4549;4550; 4551;4552;45 53;4554;4555; 4556;4557;45 58 5255;5256;52 57;5258;5259; 5260;5261;52 62;5263;5264; 5265;5266;52 67;5268;5269; 5270;5271;52 72;5273;5274; 5275;5276;52 77;5278;5279; 5280;5281;52 82;5283;5284; 5285;5286;52 87;5288;5289; 5290;5291;52 92;5293;5294; 5295;5296;52 97;5298;5299; 5300;5301;53 02;5303;5304; 5305;5306;53 07;5308;5309; 5310;5311;53 12 5313;5314
AVENV NQHIAP ALIGQG IPVVEQ EK	25	2652.424	Q6PC89	eno1b		3	0.004918	25.52	7685100	143	426	4559
AVESIN AAIR	10	1042.577	E7FBD5;A0A0 F7C9F3	iqgap1		2	0.018674	83.265	56488000	144	7	4560;4561;45 62;4563;4564; 4565;4566;45 67;4568 4569;4570;45 71;4572
AVGAL LAAAD VDAAL AACQA ADSFYD K	27	2654.29	Q804W0	pvalb1		2;3	2.87E-57	132.84	86002000	145	452	5315;5316 5317;5318
AVGLP DDMIEK	11	1186.59	F8W2A9	fabp1b.1		2	0.001017	107.21	1.45E+09	146	350	4573;4574;45 75;4576;4577; 5319;5320;53 21;5322;5323;

												4578;4579;45 80;4581;4582; 4583;4584;45 85;4586;4587; 4588;4589;45 90;4591;4592; 4593;4594;45 95;4596;4597; 4598;4599;46 00;4601;4602; 4603;4604;46 05;4606;4607; 4608;4609;46 10;4611;4612; 4613;4614;46 15;4616;4617; 4618;4619;46 20;4621;4622; 4623;4624;46 25;4626;4627; 4628;4629;46 30;4631	5324;5325;53 26;5327;5328; 5329;5330;53 31;5332;5333; 5334;5335;53 36;5337;5338; 5339;5340;53 41;5342;5343; 5344;5345;53 46;5347;5348; 5349;5350;53 51;5352;5353; 5354;5355;53 56;5357;5358; 5359;5360;53 61;5362;5363; 5364;5365;53 66;5367;5368; 5369;5370;53 71;5372;5373; 5374;5375;53 76;5377;5378; 5379;5380;53 81
AVNEA GEIETS GK	13	1303.626	A5X6X5;Q801 W8;F1R7N8;F1 QZQ0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2	0.029154	52.247	5029900	147	332; 139	154	5382	
AVNMI GEGETR	11	1175.561	A5X6X5;Q801 W8;F1R7N8;F1 QZQ0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2	0.037604	59.426	0	148	332; 139	155	5383	
AVPIAT LHAK	10	1019.613	Q0P4A5;B2CQ D3	npm2b		2	0.004938	91.853	1.42E+08	149	184	4635;4636;46 37;4638;4639; 4640;4641;46 42;4643;4644; 4645;4646;46 47;4648;4649 5389	5384;5385;53 86;5387;5388
AVPTD QAYNT FK	12	1353.657	E7FFZ3;F1RED 5;E7FEK4;A8W FS6;F1QF63;F1 QIP9;A8WFS5; E7F3L3	si:dkey- 46g23.2;s i:dkey- 46g23.3;z gc:17144 6;zgc:165 518;zgc:1 71445	2	0.001921	83.883	18741000	150	273	157	5389	
AVYYN QDNR	9	1141.515	A4FUL4;Q567 B6;Q502P4;G9 D324;Q1RM73; Q0IIP8;L7QIX8 ;L7QIH6;Q6616 2;A3KPH8;Q7S Z53;F6P334	zgc:1363 89;LOC5 70524;cr p;CRP5.3 ;crp2	2	0.040606	84.568	27617000	151	349; 129	158	5390	

AWGPG LESGVV GK	13	1255.656	F1R9P5;E9QI62	flna	2	1.67E-17	137.46	2.55E+09	152	335	4663;4664;46 65;4666;4667; 4668;4669;46 70;4671;4672; 4673;4674;46 75;4676;4677; 4678;4679;46 80;4681;4682; 4683;4684;46 85;4686;4687; 4688;4689;46 90;4691;4692; 4693;4694;46 95;4696;4697; 4698;4699;47 00;4701;4702; 4703;4704;47 05;4706;4707; 4708;4709;47 10;4711;4712; 4713;4714;47 15;4716;4717; 4718;4719;47 20;4721;4722; 4723;4724;47 25;4726;4727; 4728;4729;47 30;4731;4732; 4733;4734;47 35;4736;4737; 4738;4739	5391;5392;53 93;5394;5395; 5396;5397;53 98;5399;5400; 5401;5402;54 03;5404;5405; 5406;5407;54 08;5409;5410; 5411;5412;54 13;5414;5415; 5416;5417;54 18;5419;5420; 5421;5422;54 23;5424;5425; 5426;5427;54 28;5429;5430; 5431;5432;54 33;5434;5435; 5436;5437;54 38;5439;5440; 5441;5442;54 43;5444;5445; 5446;5447;54 48;5449;5450; 5451;5452;54 53;5454;5455; 5456;5457;54 58;5459;5460; 5461;5462;54 63;5464;5465; 5466;5467;54 68;5469;5470; 5471;5472;54 73;5474;5475; 5476;5477;54 78;5479;5480; 5481;5482;54 83;5484;5485; 5486;5487;54 88;5489;5490; 5491;5492;54 93;5494;5495; 5496;5497;54 98;5499;5500; 5501;5502
AWGPG LETGM VGK	13	1301.644	F1QL44;F1QP6 8	flncb	2	2.25E-12	134.59	1.04E+09	153	311	4740;4741;47 42;4743;4744; 4745;4746;47 47;4748;4749; 4750;4751;47 52;4753;4754; 4755;4756;47 57;4758;4759;	5503;5504;55 05;5506;5507; 5508;5509;55 10;5511;5512; 5513;5514;55 15;5516;5517; 5518;5519;55 20;5521;5522;

												4760;4761;4762;4763;4764;4765;4766;4767;4768;4769;4770;4771;4772;4773;4774;4775;4776;4777;4778;4779;4780;4781;4782;4783;4784;4785	5523;5524;5525;5526;5527;5528;5529;5530;5531;5532;5533;5534;5535;5536;5537;5538;5539;5540;5541;5542;5543;5544;5545;5546;5547;5548;5549;5550;5551;5552;5553;5554;5555;5556;5557;5558;5559;5560;5561;5562;5563
AWVDQ TIASN	10	1103.525	Q7SX97;F1QF X9	ctrbl	2	1.85E-05	125.16	1.47E+09	154	303	4786;4787;4788;4789;4790;4791;4792;4793;4794;4795;4796;4797;4798;4799;4800;4801;4802;4803;4804;4805;4806;4807;4808;4809;4810;4811;4812;4813;4814;4815;4816;4817;4818;4819;4820;4821;4822	5564;5565;5566;5567;5568;5569;5570;5571;5572;5573;5574;5575;5576;5577;5578;5579;5580;5581;5582;5583;5584;5585;5586;5587;5588;5589;5590;5591;5592;5593;5594;5595;5596;5597;5598;5599;5600;5601;5602;5603;5604;5605;5606;5607;5608	
AWVDQ TITAN	10	1117.54	Q6AZC2;A2VD 37;Q1JPZ1	LOC5621 39;zgc:13 6461	2	3.15E-07	130.75	8.16E+08	155	122	162	5609;5610;5611;5612;5613;5614;5615;5616;5617;5618;5619;5620;5621;5622;5623;5624;5625;5626;5627;5628;5629;5630;5631;5632;5633;5634;5635;5636;5637;5638;5639;5640	
AWVGF DNQESI TAK	14	1564.752	Q7ZVF1	chia.1	2	0.005148	67.153	62657000	156	444	4858;4859;4860;4861;4862;4863;4864;4865;4866;4867;4868;4869;48	5641;5642;5643;5644;5645;5646;5647	

AYGPGI EPTGNV VMK	15	1531.771	F1R9P5	flna		2	2.82E-06	91.313	1.77E+08	157	335	70;4871;4872; 4873;4874 4875;4876;48 77;4878;4879; 4880;4881;48 82;4883;4884; 4885;4886;48 87;4888;4889; 4890;4891;48 92;4893;4894; 4895;4896;48 97 4898;4899;49 00;4901;4902; 4903;4904;49 05;4906;4907 4908;4909;49 10	5648;5649;56 50;5651;5652; 5653;5654
AYGPG LQSSGL SVGK	15	1419.736	F1R9P5;E9QI62	flna		2	0.001127	83.182	55360000	158	335	4898;4899;49 00;4901;4902; 4903;4904;49 05;4906;4907 4908;4909;49 10	5655;5656;56 57
AYGPG LQSSGL SVGKPA EFTVDA K	24	2378.212	F1R9P5;E9QI62	flna		3	4.09E-05	41.491	23616000	159	335	4908;4909;49 10	5658;5659
AYKPE QQDPE VVQPFA AYSPAG NVK	25	2732.345	A2BGQ8;Q4V8 T7	si:ch211- 214j8.1	3	0.045027	18.544	4587000	160	113	168	5660	
AYPNQ DTVWE R	11	1377.631	F1R9S0	cecr1a		2	0.000886	108.98	1.3E+08	161	336	4912;4913;49 14;4915;4916; 4917;4918;49 19;4920;4921; 4922;4923;49 24;4925;4926; 4927;4928;49 29;4930;4931; 4932 5679;5680;56 81;5682;5683; 5684;5685 4946;4947;49 48;4949;4950; 4951;4952	5661;5662;56 63;5664;5665; 5666;5667;56 68;5669;5670; 5671;5672;56 73;5674;5675; 5676;5677;56 78
AYVAD AGEYT CVAR	14	1531.698	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ48	ttnb;dZ24 9N21.1- 003	2	0.001468	83.397	57587000	162	140	170	5679;5680;56 81;5682;5683; 5684;5685 4946;4947;49 48;4949;4950; 4951;4952	5686;5687;56 88;5689;5690; 5691
CAPGYI GNPQL GQR	14	1516.746	F1R5K7;B2RZI 0;F1RCP6;A0A 0R4IZA6;A0A0 R4IMY4;A0A0 R4IVZ2	hspg2		2	0.003814	70.028	47097000	163	71	4946;4947;49 48;4949;4950; 4951;4952	5686;5687;56 88;5689;5690; 5691
CDEGYS LNDDL K	12	1414.592	B3DKJ1;Q5NJJ 4	matn4		2	9.07E-18	146.11	1.23E+08	164	201	4953;4954;49 55;4956;4957; 4958;4959;49 60;4961;4962; 4963;4964;49 65 4966;4967	5692;5693;56 94;5695;5696; 5697;5698
CLEVY GD CDN FQDR	14	1763.713	A0A0A0MPG3	crygn2		2	0.000495	91.855	4276200	165	1	4966;4967	5699



CNEGYS LNDDL K	12	1413.608	B3DKJ1;Q6PY X2;Q5NJJ5	matn4		2	0.001327	91.549	30311000	166	201	4968;4969;49 70;4971;4972; 4973	5700;5701
CNEGY TLQEDG K	12	1399.593	B3DKJ1;Q6PY X2;Q5NJJ5;A0 A0B5JF83;Q5N JJ1;Q5NJJ2;Q5 NJJ3;Q5NJJ0	matn4		2	1.1E-46	180.07	1.77E+08	167	201	4974;4975;49 76;4977;4978; 4979;4980;49 81;4982;4983; 4984;4985;49 86;4987;4988; 4989;4990;49 91	5702;5703;57 04;5705;5706; 5707;5708;57 09
CNTGSG NIENYQ DINQVR	18	2067.928	Q6P5J0;Q7SYL 6	amy2a	Alpha-amylase	2;3	2.65E-22	160.38	1.73E+08	168	419	4992;4993;49 94;4995;4996; 4997;4998;49 99;5000;5001; 5002;5003;50 04;5005;5006; 5007;5008;50 09;5010;5011; 5012;5013;50 14;5015;5016; 5017;5018;50 19;5020 5021;5022	5710;5711;57 12;5713;5714; 5715;5716;57 17;5718;5719; 5720;5721;57 22;5723;5724; 5725;5726;57 27;5728;5729; 5730;5731
CYNDF GTQAH TNQIQS MR DAAMV HLSPR DADGNI YAR	18	2156.937	Q45FX9;Q6DG Y2	cryba2b		3	1.75E-07	78.95	11269000	169	368	5021;5022	5732
	10	1095.55	A8KBB1;A8KB B0;A3KPG5	crp3		2	0.016853	57.55	6365200	170	126	5023;5024	5733
	9	993.4516	Q7ZVV2;Q6NY R6;F1QZ04;A0 A0R4IW78;E7E XK9;F1QXZ4	acy1;CU 896698.1	Aminoacylase-1	2	2.93E-07	117.16	2.08E+08	171	97	5025;5026;50 27;5028;5029; 5030;5031;50 32;5033;5034; 5035;5036;50 37;5038;5039; 5040;5041;50 42;5043;5044; 5045;5046;50 47;5048;5049	5734;5735;57 36;5737;5738; 5739;5740;57 41;5742;5743; 5744;5745;57 46;5747;5748
DAAEW FNEK	9	1108.483	CON__P13645; CON__Q148H6 ;CON__Q7Z3Y 7;CON__Q7Z3 Z0;CON__Q7Z 3Y8	2		163.99	3.83E-12	5.95E+08	172	227	180	5050;5051; 5052;5053; 5054;5055; 5056;5057; 5058;5059; 5060;5061; 5062;5063; 5064;5065; 5066;5067; 5068;5069; 5070;5071; 5072;5073; 5074;5075; 5076;5077;	

DAEDW	9	1143.487	CON__Q04695		2	0.003911	104.06	42225000	173	232	5078;5079; 5080	181	5800	
FFSK														
DAEWW	9	1171.519	CON__P02533		2	1.65E-06	136.8	3.12E+08	174	218		182	5801;5802;5803;5804;5805;5806;5807;5808;5809;5810;5811;5812;5813;5814;5815;5816;5817;5818;5819;5820;5821;5822;5823;5824	
FFTK														
DAETW	9	1095.524	CON__P08779		1;2	1.15E-11	164.57	3.72E+08	175	225		183	5825;5826;5827;5828;5829;5830;5831;5832	
FLSK														
DAFLGS	13	1566.736	CON__P02769		2	0.001642	74.944	5718500	176	221		184	5833;5834	
FLYEYS														
R														
DAGYG	16	1549.762	F1R9P5;E9QI62	flna		2	0.014049	53.869	8794000	177		335	5184	5835
GLSLSIE														
GPSK														
DAIEQE	11	1231.593	Q7ZVF1	chia.1		1;2	1.69E-46	182.46	9.48E+08	178		444	5185;5186;5187;5188;5189;5190;5191;5192;5193;5194;5195;5196;5197;5198;5199;5200;5201;5202;5203;5204;5205;5206;5207;5208;5209;5210;5211;5212;5213;5214;5215;5216;5217;5218;5219;5220;5221;5222;5223;5224;5225;5226;5227;5228	5836;5837;5838;5839;5840;5841;5842;5843;5844;5845;5846;5847;5848;5849;5850;5851;5852;5853;5854;5855;5856;5857;5858;5859;5860;5861;5862;5863;5864;5865;5866;5867;5868;5869;5870;5871;5872;5873;5874;5875;5876;5877;5878;5879
AIDTK														
DALIGL	10	1043.561	F1R9S0	cecr1a		2	0.051823	53.756	74797000	179		336	5229;5230;5231;5232;5233;5234;5235;5236;5237;5238;5239;5240;5241;5242;5243	5880
EASR														
DAQHY	27	3013.409	Q5SPJ1;Q24JW6;Q6P519;Q502P5;Q5SPJ4;X1WF94	serpinal1;serpinal	3;4	4.86E-10	48.759	62629000	180	367;418		188	5881;5882;5883;5884;5885;5886;5887;5888;5889;5890;5891;5892;58	
YNSEAF														
GVDFSK														
PEIAAA														
EINK														

DASQD	12	1318.625	A2BGQ8;Q4V8 T7	si:ch211- 214j8.1	2	0.00118	94.692	88696000	181	113	189	93;5894;5895; 5896	
VDESIK												5897;5898;58 99;5900;5901	
DATNV	19	1959.917	Q6PC12;Q6IQP 5;E9QCX7	eno1a	Enolase	2	0.003149	72.496	28463000	182	405	5267;5268;52 69;5270;5271; 5272;5273;52 74;5275;5276	5902
GDEGG													
FAPNIL													
ENK													
DATNV	26	2742.335	Q6TH14;Q568 G3;E9QJ16;Q3B 7R7	eno3	Enolase	2;3	6E-104	197.14	4.28E+08	183	428	5277;5278;52 79;5280;5281; 5282;5283;52 84;5285;5286; 5287;5288;52 89;5290;5291; 5292;5293;52 94;5295;5296; 5297;5298;52 99;5300;5301; 5302;5303;53 04;5305;5306; 5307;5308;53 09;5310;5311; 5312;5313;53 14;5315;5316; 5317;5318;53 19;5320;5321; 5322;5323;53 24;5325;5326	5903;5904;59 05;5906;5907; 5908;5909;59 10;5911;5912; 5913;5914;59 15;5916;5917; 5918;5919;59 20;5921;5922; 5923;5924;59 25;5926;5927; 5928;5929;59 30;5931;5932; 5933;5934;59 35;5936;5937; 5938;5939;59 40;5941
GDEGG													
FAPNIL													
ENNEAL													
ELLK													
DAYSG	12	1341.631	Q9PUS4;Q6IQ D0;B0R028;A8 E5G8	psmb5	Proteasome subunit beta type	2	6.25E-46	211.45	3.58E+08	184	155	5327;5328;53 29;5330;5331; 5332;5333;53 34;5335;5336; 5337;5338;53 39;5340;5341; 5342;5343;53 44;5345;5346; 5347;5348;53 49;5350;5351; 5352;5353;53 54;5355;5356; 5357;5358;53 59;5360;5361 5362;5363	5942;5943;59 44;5945;5946; 5947;5948;59 49;5950;5951; 5952;5953;59 54;5955;5956; 5957;5958;59 59;5960;5961; 5962;5963;59 64;5965;5966; 5967;5968
GQVNL													
YR													
DDIEMI	17	1962.888	Q9DFT9;F1QQ Q3;F1QPC0;Q9 DFT8	vtg3		2;3	0.004081	60.49	4775000	185	313	5362;5363	5969;5970
VSEVGE													
EANWK													
DDPIEP	20	2303.059	A8E4Z6;A0A0 N4STQ7;A0A0 N4SU18;Q3B7 G2;Q05AP8;A1 L215	zgc:1231 03;zgc:15 8580	2;3	3.96E-46	165.34	8.39E+08	186	25	194	5971;5972;59 73;5974;5975; 5976;5977;59 78;5979;5980; 5981;5982;59 83;5984;5985; 5986;5987;59 88;5989;5990;	
QQAIPD													
AQSFEP													
EK													

DDTVV EVWK	9	1089.534	A2BHD8;F1QU U0;A3KNW3	hexb	Beta- hexosaminidase	2	2.56E-05	125.31	7.4E+08	187	115	5991;5992;59 93;5994;5995; 5996;5997;59 98;5999;6000; 6001;6002;60 03;6004;6005; 6006;6007;60 08;6009;6010; 6011;6012;60 13;6014;6015; 6016;6017;60 18;6019;6020; 6021;6022;60 23;6024;6025; 6026;6027;60 28;6029;6030; 6031;6032;60 33;6034;6035; 6036;6037;60 38;6039;6040; 6041;6042;60 43;6044;6045; 6046;6047;60 48;6049;6050; 6051;6052;60 53;6054;6055; 6056;6057 5439;5440;54 41;5442;5443; 5444;5445;54 46;5447;5448; 5449;5450;54 51;5452;5453; 5454;5455;54 56;5457;5458; 5459;5460;54 61;5462;5463; 5464;5465;54 66;5467;5468; 5469;5470;54 71;5472;5473; 5474;5475;54 76;5477;5478; 5479;5480;54 81;5482;5483; 5484;5485;54 86 5487;5488;54 89;5490;5491; 5492;5493;54 94;5495;5496; 5497;5498;54 99;5500;5501;	6058;6059;60 60;6061;6062; 6063;6064;60 65;6066;6067; 6068;6069;60 70;6071;6072; 6073;6074;60 75;6076;6077; 6078;6079;60 80;6081;6082; 6083;6084;60 85;6086;6087; 6088;6089;60 90;6091;6092; 6093;6094;60 95;6096;6097; 6098;6099;61 00;6101;6102; 6103;6104;61 05;6106;6107 6108;6109;61 10;6111;6112; 6113;6114;61 15;6116;6117; 6118;6119;61 20;6121;6122;
DDVAL PGFAK	10	1031.529	Q6DHT8;E7FG K8;Q504E2;F1 R225;F1R0Z1;E 7FGI6;A8KKBK3 ;A7YYB6;E7E	zgc:9206 6;zgc:109 934;zgc:1 73594;L OC55881 6;BX511	Ferritin	2	0.022077	73.665	2.71E+08	188	277		

			XI4;B3DH93;A 0A0N4SUC5	021.4;zgc :194125									5502;5503;55 04;5505;5506; 5507;5508;55 09;5510;5511; 5512;5513;55 14;5515;5516; 5517;5518;55 19;5520;5521; 5522;5523;55 24;5525;5526; 5527	6123;6124;61 25;6126;6127; 6128;6129;61 30;6131;6132; 6133;6134;61 35;6136
DDVAL PNFSK	10	1104.545	F1QS22;Q6IQF 1	zgc:5609 5	Ferritin	2	0.026989	65.305	21829000	189	315	5528;5529;55 30;5531;5532; 5533;5534	6137	
DDVVIE KPTEK	11	1271.661	A5X6X5;Q801 W8;F1R7N8;F1 QZQ0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2;3	0.006202	105.98	1.08E+08	190	332; 139	198	6138;6139;61 40;6141;6142		
DEAEQ HGVTT DGQDS AEK	18	1915.803	A5WW59;A5W W58;Q499C2;Q 0P4G4	stm		3	8.58E-08	87.49	85090000	191	137	5557;5558;55 59;5560;5561; 5562;5563;55 64;5565;5566; 5567;5568;55 69;5570;5571; 5572;5573;55 74;5575;5576; 5577;5578;55 79;5580;5581; 5582;5583;55 84;5585;5586; 5587	6143;6144;61 45;6146;6147; 6148;6149;61 50;6151;6152; 6153	
DEDDY GDEYGI CK	13	1564.588	Q08CJ3;A0A0R 4IF38	esm1		2	0.001593	76.679	2.34E+08	192	49	5588;5589;55 90;5591;5592; 5593;5594;55 95;5596;5597; 5598;5599;56 00;5601;5602; 5603;5604;56 05;5606;5607; 5608;5609;56 10;5611;5612; 5613;5614;56 15	6154;6155;61 56;6157;6158; 6159;6160;61 61;6162;6163	
DEEIEQI K	8	1002.487	B8A568;B8A56 1;B3DJM6;B8A 569;F1R6C7;Q5 08P7;A2BGX6; E7FAD0;F1Q5 K4;Q802Z4;Q7 T1B8;Q9I8U6; X1WF87;F1QV X3	myhz1.1; myhz1.2; myhz1.3; myha;my hc4;zgc:6 6156;my hb	2	0.009608	107.59	97165000	193	200; 322	201	6164;6165		
DEFAEII R	8	991.4975	E9QBF1;Q9I8U 8	tnnc2		2	2.5E-108	214.25	3.73E+09	194	279	5624;5625;56 26;5627;5628;	6166;6167;61 68;6169;6170;	

5629;5630;56 6171;6172;61  
 31;5632;5633; 73;6174;6175;  
 5634;5635;56 6176;6177;61  
 36;5637;5638; 78;6179;6180;  
 5639;5640;56 6181;6182;61  
 41;5642;5643; 83;6184;6185;  
 5644;5645;56 6186;6187;61  
 46;5647;5648; 88;6189;6190;  
 5649;5650;56 6191;6192;61  
 51;5652;5653; 93;6194;6195;  
 5654;5655;56 6196;6197;61  
 56;5657;5658; 98;6199;6200;  
 5659;5660;56 6201;6202;62  
 61;5662;5663; 03;6204;6205;  
 5664;5665;56 6206;6207;62  
 66;5667;5668; 08;6209;6210;  
 5669;5670;56 6211;6212;62  
 71;5672;5673; 13;6214;6215;  
 5674;5675;56 6216;6217;62  
 76;5677;5678; 18;6219;6220;  
 5679;5680;56 6221;6222;62  
 81;5682;5683; 23;6224;6225;  
 5684;5685;56 6226;6227;62  
 86;5687;5688; 28;6229;6230;  
 5689;5690;56 6231;6232;62  
 91;5692;5693; 33;6234;6235;  
 5694;5695;56 6236;6237;62  
 96;5697;5698; 38;6239;6240;  
 5699;5700;57 6241;6242;62  
 01;5702;5703; 43;6244;6245;  
 5704;5705;57 6246;6247;62  
 06;5707;5708; 48;6249;6250;  
 5709;5710;57 6251;6252;62  
 11;5712;5713; 53;6254;6255;  
 5714;5715;57 6256;6257;62  
 16;5717;5718; 58;6259;6260;  
 5719;5720;57 6261;6262;62  
 21;5722;5723; 63;6264;6265;  
 5724;5725 6266;6267;62  
 68;6269;6270;  
 6271;6272;62  
 73;6274;6275;  
 6276;6277;62  
 78;6279;6280;  
 6281;6282;62  
 83;6284;6285;  
 6286;6287;62  
 88;6289;6290;  
 6291;6292;62  
 93  
 5726;5727;57 6294;6295;62  
 28;5729;5730; 96;6297;6298;  
 5731;5732;57 6299;6300;63

DEFNIV 18 1934.922 Q0P4A5;B2CQ npm2b 2;3 0 335.2 8.05E+08 195 184

ELVTGE

D3

GNSNA  
K

33;5734;5735; 01;6302;6303;  
5736;5737;57 6304;6305;63  
38;5739;5740; 06;6307;6308;  
5741;5742;57 6309;6310;63  
43;5744;5745; 11;6312;6313;  
5746;5747;57 6314;6315;63  
48;5749;5750; 16;6317;6318;  
5751;5752;57 6319;6320;63  
53;5754;5755; 21;6322;6323;  
5756;5757;57 6324;6325;63  
58;5759;5760; 26;6327;6328;  
5761;5762;57 6329;6330;63  
63;5764;5765; 31;6332;6333;  
5766;5767;57 6334;6335;63  
68;5769;5770; 36;6337;6338;  
5771;5772;57 6339;6340;63  
73;5774;5775; 41;6342;6343;  
5776;5777;57 6344;6345;63  
78;5779;5780; 46;6347;6348;  
5781;5782;57 6349;6350;63  
83;5784;5785; 51;6352;6353;  
5786;5787;57 6354;6355;63  
88;5789;5790; 56;6357;6358;  
5791;5792;57 6359;6360;63  
93;5794;5795; 61;6362;6363;  
5796;5797;57 6364;6365;63  
98;5799;5800; 66;6367;6368;  
5801;5802;58 6369;6370;63  
03;5804;5805; 71;6372;6373;  
5806;5807;58 6374;6375;63  
08;5809;5810; 76;6377;6378;  
5811;5812;58 6379;6380;63  
13;5814;5815; 81;6382;6383;  
5816;5817;58 6384;6385;63  
18;5819;5820; 86;6387;6388;  
5821;5822;58 6389;6390;63  
23;5824;5825; 91;6392;6393;  
5826;5827;58 6394;6395;63  
28;5829;5830; 96;6397;6398;  
5831;5832;58 6399;6400;64  
33;5834;5835; 01;6402;6403;  
5836;5837;58 6404;6405;64  
38;5839;5840; 06;6407;6408;  
5841;5842;58 6409;6410;64  
43;5844;5845; 11;6412;6413;  
5846;5847;58 6414;6415;64  
48;5849;5850; 16;6417  
5851;5852;58  
53;5854;5855;  
5856;5857;58  
58;5859;5860;  
5861;5862;58  
63;5864;5865;

DEGDL	15	1807.772	Q803B7;Q6P00	chia.2		2	0.047678	47.288	11217000	196	414	5866;5867;58 68;5869;5870; 5871;5872;58 73;5874;5875; 5876;5877;58 78;5879;5880; 5881		
VYFNT			6									5882;5883;58 84;5885;5886; 5887;5888	6418;6419	
DYAMR												6420;6421;64 22;6423;6424; 6425;6426;64 27;6428;6429; 6430;6431;64 32;6433;6434; 6435;6436;64 37;6438;6439; 6440;6441;64 42;6443;6444; 6445;6446;64 47;6448;6449; 6450;6451		
DELKPF	13	1611.785	A0A0R4IKF0		2;3	4.84E-07	106.32	4.91E+08	197	68	205;206			
MDDYL														
VK														
DELNV	17	1887.87	E7FCU0;A8E57	npmla		2;3	3.1E-276	325.68	3.99E+09	198	0	5944;5945;59 46;5947;5948; 5949;5950;59 51;5952;5953; 5954;5955;59 56;5957;5958; 5959;5960;59 61;5962;5963; 5964;5965;59 66;5967;5968; 5969;5970;59 71;5972;5973; 5974;5975;59 76;5977;5978; 5979;5980;59 81;5982;5983; 5984;5985;59 86;5987;5988; 5989;5990;59 91;5992;5993; 5994;5995;59 96;5997;5998; 5999;6000;60 01;6002;6003; 6004;6005;60 06;6007;6008; 6009;6010;60 11;6012;6013; 6014;6015;60 16;6017;6018;	6452;6453;64 54;6455;6456; 6457;6458;64 59;6460;6461; 6462;6463;64 64;6465;6466; 6467;6468;64 69;6470;6471; 6472;6473;64 74;6475;6476; 6477;6478;64 79;6480;6481; 6482;6483;64 84;6485;6486; 6487;6488;64 89;6490;6491; 6492;6493;64 94;6495;6496; 6497;6498;64 99;6500;6501; 6502;6503;65 04;6505;6506; 6507;6508;65 09;6510;6511; 6512;6513;65 14;6515;6516; 6517;6518;65 19;6520;6521; 6522;6523;65 24;6525;6526;	
VEIEGQ			0;FIQGI4;A0A											
DSEGQ			0A0MPF3;Q7T											
K			362;FIQW36;A											
			0A0R4IS68;A0											
			A0R4IK47											



6019;6020;60  
 21;6022;6023;  
 6024;6025;60  
 26;6027;6028;  
 6029;6030;60  
 31;6032;6033;  
 6034;6035;60  
 36;6037;6038;  
 6039;6040;60  
 41;6042  
 6527;6528;65  
 29;6530;6531;  
 6532;6533;65  
 34;6535;6536;  
 6537;6538;65  
 39;6540;6541;  
 6542;6543;65  
 44;6545;6546;  
 6547;6548;65  
 49;6550;6551;  
 6552;6553;65  
 54;6555;6556;  
 6557;6558;65  
 59;6560;6561;  
 6562;6563;65  
 64;6565;6566;  
 6567;6568;65  
 69;6570;6571;  
 6572;6573;65  
 74;6575;6576;  
 6577;6578;65  
 79;6580;6581;  
 6582;6583;65  
 84;6585;6586;  
 6587;6588;65  
 89;6590;6591;  
 6592;6593;65  
 94;6595;6596;  
 6597;6598;65  
 99;6600;6601;  
 6602;6603;66  
 04;6605;6606;  
 6607;6608;66  
 09;6610;6611;  
 6612;6613;66  
 14;6615;6616;  
 6617;6618;66  
 19;6620;6621;  
 6622;6623;66  
 24;6625;6626;  
 6627;6628;66  
 29;6630;6631;  
 6632;6633  
 6043;6044;60  
 45;6046;6047;  
 6048;6049;60  
 50;6051;6052;  
 6053;6054;60  
 55;6056;6057;  
 6058;6059;60  
 60;6061;6062;  
 6063;6064;60  
 65;6066;6067;  
 6634;6635;66  
 36;6637;6638;  
 6639;6640;66  
 41;6642;6643;  
 6644;6645;66  
 46;6647;6648;  
 6649;6650;66  
 51;6652;6653;  
 6654;6655;66  
 56;6657;6658;

DENLIL 7 871.4763 A2BFT0 tcnl 2 0.012363 133.47 1.83E+09 199 111

												6068;6069;6070;6071;6072;6073;6074;6075;6076;6077;6078;6079;6080;6081;6082;6083;6084;6085	6659;6660;6661;6662;6663;6664;6665;6666;6667;6668;6669;6670;6671;6672;6673;6674;6675;6676;6677;6678;6679;6680;6681;6682;6683;6684;6685;6686	
DETNY GIPQR	10	1191.552	A7E2L4	gnb21l		2	1.3E-124	232.97	2.3E+09	200	143	6086;6087;6088;6089;6090;6091;6092;6093;6094;6095;6096;6097;6098;6099;6100;6101;6102;6103;6104;6105;6106;6107;6108;6109;6110;6111;6112;6113;6114;6115;6116;6117;6118;6119;6120	6687;6688;6689;6690;6691;6692;6693;6694;6695;6696;6697;6698;6699;6700;6701;6702;6703;6704;6705;6706;6707;6708;6709;6710;6711;6712;6713;6714;6715;6716;6717;6718;6719;6720;6721;6722;6723;6724;6725;6726;6727;6728;6729;6730;6731;6732;6733;6734;6735;6736;6737;6738;6739;6740;6741;6742;6743;6744;6745;6746;6747;6748;6749;6750;6751;6752;6753;6754;6755	
DEVDP QIDLDA K	13	1453.694	A5X6X5;Q801 W8;F1R7N8;F1 QZQ0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2		0.001395	82.171	53929000	201	332; 139	210	6756;6757;6758;6759	
DEVSTE DLDK	10	1149.504	Q3YAA1;F1QG 85	itgb1a	Integrin beta	2	0.000655	107.15	2.38E+08	202	305	6137;6138;6139;6140;6141;6142;6143;6144;6145;6146;6147;6148;6149;6150;6151;6152;6153;6154;6155;6156;6157;6158;6159;6160	6760;6761;6762;6763;6764;6765;6766;6767;6768;6769;6770;6771;6772	

DEVVV LR	7	828.4705	Q08CQ0;Q6N WE8;Q32LS3;F 1QPJ6;X1WC2 8	alas2;sb:c b283;LO C100535 398	2	0.030937	108.98	1.64E+08	203	359	212	6773;6774;67 75;6776;6777; 6778;6779;67 80	
DEWDN GLTAM QCALQ LEK	18	2107.955	Q6DHT8;E7FG K8	zgc:9206 6	Ferritin	2	0.001072	62.14	42156000	204	277	6169;6170;61 71;6172;6173; 6174;6175;61 76;6177;6178; 6179;6180;61 81;6182;6183; 6184;6185;61 86;6187;6188; 6189;6190;61 91;6192;6193 6194;6195;61 96;6197;6198; 6199;6200;62 01;6202;6203; 6204;6205;62 06;6207;6208; 6209;6210;62 11;6212;6213; 6214;6215;62 16;6217;6218; 6219;6220;62 21;6222;6223; 6224;6225;62 26;6227;6228; 6229;6230;62 31;6232;6233; 6234;6235 6236;6237;62 38;6239	6781;6782;67 83;6784;6785
DEWGS GVEALE CALQLE K	18	2019.946	Q9DDT0	fth1a	Ferritin	2;3	2.6E-123	192.18	2.23E+08	205	457	6786;6787;67 88;6789;6790; 6791;6792;67 93;6794;6795; 6796;6797;67 98;6799;6800; 6801;6802;68 03;6804;6805; 6806;6807;68 08;6809;6810; 6811;6812;68 13;6814;6815; 6816;6817;68 18;6819;6820	
DFGKVI DTLSKL SYTPVA QQSGIR DFGSFQ K	24	2622.402	X1WEX4;B0S6 C8;A0A0R4IS9 1	vav3b		6	0.053166	11.853	13387000	206	86	6821	
	7	827.3814	Q6P980;Q2TV6 5	sod2	Superoxide dismutase	1;2	0.032964	147.69	1.43E+09	207	423	6240;6241;62 42;6243;6244; 6245;6246;62 47;6248;6249; 6250;6251;62 52;6253;6254; 6255;6256;62 57;6258;6259; 6260;6261;62 62;6263;6264; 6265;6266;62 67;6268;6269; 6270;6271;62 72;6273;6274; 6275;6276;62 77;6278;6279; 6280;6281;62 82;6283;6284	6822;6823;68 24;6825;6826; 6827;6828;68 29;6830;6831; 6832;6833;68 34;6835;6836; 6837;6838

DFHVD EQTTVK DFLDE MHAENI K	11 12	1317.62 1460.661	CON_P34955 F1RD57		2 naalad2	0.014426 2,3	67.207 0.003903	16415000 76.522	208 40162000	229 209	217 343	6839 6287;6288;62 89;6290;6291; 6292;6293;62 94;6295;6296; 6297;6298;62 99;6300	6840;6841;68 42;6843;6844; 6845;6846;68 47
DFMMQ QTMLR	10	1299.577	Q6P696	glol	Lactoylglutathione lyase	2	3.92E-62	198.54	1.46E+09	210	421	6301;6302;63 03;6304;6305; 6306;6307;63 08;6309;6310; 6311;6312;63 13;6314;6315; 6316;6317;63 18;6319;6320; 6321;6322;63 23;6324;6325; 6326;6327;63 28;6329;6330; 6331;6332;63 33;6334;6335; 6336;6337;63 38;6339;6340; 6341;6342;63 43;6344;6345; 6346;6347;63 48;6349;6350; 6351;6352;63 53;6354;6355; 6356;6357;63 58;6359;6360; 6361;6362;63 63;6364;6365; 6366;6367;63 68;6369;6370; 6371;6372;63 73;6374;6375; 6376;6377;63 78;6379;6380; 6381;6382;63 83;6384;6385; 6386;6387	6848;6849;68 50;6851;6852; 6853;6854;68 55;6856;6857; 6858;6859;68 60;6861;6862; 6863;6864;68 65;6866;6867; 6868;6869;68 70;6871;6872; 6873;6874;68 75;6876;6877; 6878;6879;68 80;6881;6882; 6883;6884;68 85;6886;6887; 6888;6889;68 90;6891;6892; 6893;6894;68 95;6896;6897; 6898;6899;69 00;6901;6902; 6903;6904;69 05;6906;6907; 6908;6909;69 10;6911;6912; 6913;6914;69 15;6916;6917; 6918;6919;69 20;6921;6922; 6923;6924;69 25;6926;6927; 6928
DFPTVP YSNLDF NDGK	16	1827.832	Q6P5J0	amy2a	Alpha-amylase	2	6.7E-120	202	6.14E+08	211	419	6388;6389;63 90;6391;6392; 6393;6394;63 95;6396;6397; 6398;6399;64 00;6401;6402; 6403;6404;64 05;6406;6407; 6408;6409;64 10;6411;6412;	6929;6930;69 31;6932;6933; 6934;6935;69 36;6937;6938; 6939;6940;69 41;6942;6943; 6944;6945;69 46;6947;6948; 6949;6950;69 51;6952;6953;

DFSGTS DPFVK	11	1198.551	D4P8S0;E7F57 8;X1WDZ6;F6 NJ65	syt7b;syt 7a	2	0.00551	85.676	1.66E+08	212	236	223	6413;6414;64 15;6416;6417; 6418;6419;64 20;6421;6422; 6423 6964;6965;69 66;6967;6968; 6969;6970;69 71;6972;6973; 6974;6975;69 76;6977;6978; 6979;6980;69 81 6456;6457	6954;6955;69 56;6957;6958; 6959;6960;69 61;6962;6963
DFVEAP SQMLE NWVWE K	17	2106.972	Q6DHR6;E7EZ 90	thop1		2	0.011532	68.44	5147000	213	244	6458	6982
DFVND EAFIR	10	1224.578	Q503C7	pygma	Alpha-1,4 glucan phosphorylase	2	0.039104	57.598	3209200	214	373	6458	6983
DGAPG DPGESG EPGR	15	1396.586	A9JTG2;F1R1F 1	col9a3		2	7.06E-06	106.49	54511000	215	173	6459;6460;64 61;6462;6463; 6464;6465;64 66 6467;6468;64 69;6470;6471; 6472;6473;64 74;6475;6476; 6477;6478;64 79;6480;6481; 6482;6483;64 84;6485;6486; 6487;6488;64 89;6490;6491; 6492;6493;64 94;6495;6496; 6497;6498;64 99;6500;6501; 6502;6503;65 04;6505;6506; 6507;6508;65 09;6510;6511; 6512;6513;65 14;6515;6516; 6517;6518;65 19;6520;6521; 6522;6523;65 24;6525;6526; 6527;6528;65 29;6530;6531; 6532;6533;65 34;6535;6536; 6537;6538;65 39;6540;6541;	6984;6985;69 86;6987;6988; 6989;6990;69 91;6992;6993 6994;6995;69 96;6997;6998; 6999;7000;70 01;7002;7003; 7004;7005;70 06;7007;7008; 7009;7010;70 11;7012;7013; 7014;7015;70 16;7017;7018; 7019;7020;70 21;7022;7023; 7024;7025;70 26;7027;7028; 7029;7030;70 31;7032;7033; 7034;7035;70 36;7037;7038; 7039;7040;70 41;7042;7043; 7044;7045;70 46;7047;7048; 7049;7050;70 51;7052;7053; 7054;7055;70 56;7057;7058; 7059;7060;70 61;7062;7063; 7064;7065;70 66;7067;7068;
DGDKN NDGML DFDEFL K	17	1971.852	E9QBF1;Q9I8U 8	tnnc2		2;3	0	281.93	3.86E+09	216	279	6459;6460;64 61;6462;6463; 6464;6465;64 66 6467;6468;64 69;6470;6471; 6472;6473;64 74;6475;6476; 6477;6478;64 79;6480;6481; 6482;6483;64 84;6485;6486; 6487;6488;64 89;6490;6491; 6492;6493;64 94;6495;6496; 6497;6498;64 99;6500;6501; 6502;6503;65 04;6505;6506; 6507;6508;65 09;6510;6511; 6512;6513;65 14;6515;6516; 6517;6518;65 19;6520;6521; 6522;6523;65 24;6525;6526; 6527;6528;65 29;6530;6531; 6532;6533;65 34;6535;6536; 6537;6538;65 39;6540;6541;	6984;6985;69 86;6987;6988; 6989;6990;69 91;6992;6993 6994;6995;69 96;6997;6998; 6999;7000;70 01;7002;7003; 7004;7005;70 06;7007;7008; 7009;7010;70 11;7012;7013; 7014;7015;70 16;7017;7018; 7019;7020;70 21;7022;7023; 7024;7025;70 26;7027;7028; 7029;7030;70 31;7032;7033; 7034;7035;70 36;7037;7038; 7039;7040;70 41;7042;7043; 7044;7045;70 46;7047;7048; 7049;7050;70 51;7052;7053; 7054;7055;70 56;7057;7058; 7059;7060;70 61;7062;7063; 7064;7065;70 66;7067;7068;

6542;6543;65 7069;7070;70  
44;6545;6546; 71;7072;7073;  
6547;6548;65 7074;7075;70  
49;6550;6551; 76;7077;7078;  
6552;6553;65 7079;7080;70  
54;6555;6556; 81;7082;7083;  
6557;6558;65 7084;7085;70  
59;6560;6561; 86;7087;7088;  
6562;6563;65 7089;7090;70  
64;6565;6566; 91;7092;7093;  
6567;6568;65 7094;7095;70  
69;6570;6571; 96;7097;7098;  
6572;6573;65 7099;7100;71  
74;6575;6576; 01;7102;7103;  
6577;6578;65 7104;7105;71  
79;6580;6581; 06;7107;7108;  
6582;6583;65 7109;7110;71  
84;6585;6586; 11;7112;7113;  
6587;6588;65 7114;7115;71  
89;6590;6591; 16;7117;7118;  
6592;6593;65 7119;7120;71  
94;6595;6596; 21;7122;7123;  
6597;6598;65 7124;7125;71  
99;6600;6601; 26;7127;7128;  
6602;6603;66 7129;7130;71  
04;6605;6606; 31;7132;7133;  
6607;6608;66 7134;7135;71  
09;6610;6611; 36;7137;7138;  
6612;6613;66 7139;7140;71  
14;6615;6616; 41;7142;7143;  
6617;6618;66 7144;7145;71  
19;6620;6621; 46;7147;7148;  
6622;6623;66 7149;7150;71  
24;6625;6626; 51;7152;7153;  
6627;6628;66 7154;7155;71  
29;6630;6631; 56;7157;7158;  
6632;6633;66 7159;7160;71  
34;6635;6636; 61;7162;7163;  
6637;6638;66 7164;7165;71  
39;6640;6641; 66;7167;7168;  
6642;6643;66 7169;7170;71  
44;6645;6646; 71;7172;7173;  
6647;6648;66 7174;7175;71  
49;6650;6651; 76;7177;7178;  
6652;6653;66 7179;7180;71  
54;6655;6656; 81;7182;7183;  
6657;6658;66 7184;7185;71  
59;6660;6661; 86;7187;7188;  
6662;6663;66 7189;7190;71  
64;6665;6666; 91;7192;7193;  
6667;6668;66 7194;7195;71  
69;6670;6671; 96;7197;7198;  
6672;6673;66 7199;7200;72

74;6675;6676; 01;7202;7203;  
6677;6678;66 7204;7205;72  
79;6680;6681; 06;7207;7208;  
6682;6683;66 7209;7210;72  
84;6685;6686; 11;7212;7213;  
6687;6688;66 7214;7215;72  
89;6690;6691; 16;7217;7218;  
6692;6693;66 7219;7220;72  
94;6695;6696; 21;7222;7223;  
6697;6698;66 7224;7225;72  
99;6700;6701; 26;7227;7228;  
6702;6703;67 7229;7230;72  
04;6705;6706; 31;7232;7233;  
6707;6708;67 7234;7235;72  
09;6710;6711; 36;7237;7238;  
6712;6713;67 7239;7240;72  
14;6715;6716; 41;7242;7243;  
6717;6718;67 7244;7245;72  
19;6720;6721; 46;7247;7248;  
6722;6723;67 7249;7250;72  
24;6725;6726; 51;7252;7253;  
6727;6728;67 7254;7255;72  
29;6730;6731; 56;7257;7258;  
6732;6733;67 7259;7260;72  
34;6735;6736; 61;7262;7263;  
6737;6738;67 7264;7265;72  
39;6740;6741; 66;7267;7268;  
6742;6743;67 7269;7270;72  
44;6745;6746; 71;7272;7273;  
6747;6748;67 7274;7275;72  
49;6750;6751; 76;7277;7278;  
6752;6753;67 7279;7280;72  
54;6755;6756; 81;7282;7283;  
6757;6758;67 7284;7285;72  
59;6760;6761; 86;7287;7288;  
6762;6763;67 7289;7290;72  
64;6765;6766; 91;7292;7293;  
6767;6768;67 7294;7295;72  
69;6770;6771; 96;7297;7298;  
6772;6773;67 7299;7300;73  
74;6775;6776; 01;7302;7303;  
6777;6778;67 7304;7305;73  
79;6780;6781; 06;7307;7308;  
6782;6783;67 7309;7310;73  
84;6785;6786; 11;7312;7313;  
6787;6788;67 7314;7315;73  
89;6790;6791; 16;7317;7318;  
6792;6793;67 7319;7320;73  
94;6795;6796; 21;7322;7323;  
6797;6798;67 7324;7325;73  
99;6800;6801; 26;7327;7328;  
6802;6803;68 7329;7330;73  
04;6805;6806; 31;7332;7333;





DGFFNL QK	8	967.4763	Q2Q1W5;F1QK W3;D7PSAO	lama5		2	0.045095	90.986	47409000	219	237	37;6938;6939; 6940;6941;69 42;6943;6944; 6945;6946 6947;6948;69 49;6950;6951; 6952;6953;69 54;6955;6956; 6957;6958;69 59;6960 6961;6962;69 63;6964;6965; 6966;6967;69 68 6969;6970;69 71;6972;6973; 6974;6975;69 76;6977;6978; 6979;6980;69 81;6982;6983; 6984;6985;69 86;6987;6988; 6989;6990;69 91;6992;6993; 6994;6995;69 96;6997 6998;6999;70 00;7001;7002; 7003;7004	7368;7369
DGFYD DSTVGS SSDCK	16	1667.662	Q6NUU4	lamc1		2	0.035905	46.069	20768000	220	407	6961;6962;69 63;6964;6965; 6966;6967;69 68 6969;6970;69 71;6972;6973; 6974;6975;69 76;6977;6978; 6979;6980;69 81;6982;6983; 6984;6985;69 86;6987;6988; 6989;6990;69 91;6992;6993; 6994;6995;69 96;6997 6998;6999;70 00;7001;7002; 7003;7004	7370
DGIEIEE DDEDA K	13	1476.61	F8W488;E7EY D0	myom1a		2	0.000595	93.058	1.54E+08	221	242	6969;6970;69 71;6972;6973; 6974;6975;69 76;6977;6978; 6979;6980;69 81;6982;6983; 6984;6985;69 86;6987;6988; 6989;6990;69 91;6992;6993; 6994;6995;69 96;6997 6998;6999;70 00;7001;7002; 7003;7004	7371;7372;73 73;7374;7375; 7376;7377;73 78;7379;7380; 7381;7382;73 83;7384;7385; 7386;7387;73 88;7389;7390; 7391;7392;73 93
DGLAL GPGPFV TGLEYA TDTK DGLIEIE K	21	2121.063	F1QJW5	hdhd2		2	0.001239	47.774	9919500	222	309	6969;6970;69 71;6972;6973; 6974;6975;69 76;6977;6978; 6979;6980;69 81;6982;6983; 6984;6985;69 86;6987;6988; 6989;6990;69 91;6992;6993; 6994;6995;69 96;6997 6998;6999;70 00;7001;7002; 7003;7004	7394;7395;73 96;7397
DGNGYI SAAELR	7	802.4073	E7F8Y5;B8JHR 2	tpt1		2	0.044706	83.753	1.84E+08	223	260	7005;7006;70 07;7008;7009; 7010;7011;70 12;7013;7014; 7015;7016;70 17;7018;7019; 7020;7021;70 22 7023;7024;70 25;7026;7027; 7028;7029;70 30;7031;7032; 7033;7034;70 35;7036;7037; 7038;7039;70 40;7041;7042; 7043;7044;70 45;7046;7047; 7048;7049;70 50;7051 7052;7053;70 54;7055;7056; 7057;7058;70	7398;7399
DGNPSA PTSQTK	12	1264.605	B2GQW3	calm3a		2	6.94E-46	173.64	8.09E+08	224	188	7023;7024;70 25;7026;7027; 7028;7029;70 30;7031;7032; 7033;7034;70 35;7036;7037; 7038;7039;70 40;7041;7042; 7043;7044;70 45;7046;7047; 7048;7049;70 50;7051 7052;7053;70 54;7055;7056; 7057;7058;70	7400;7401;74 02;7403;7404; 7405;7406;74 07;7408;7409; 7410;7411
DGNPSA PTSQTK	12	1201.558	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3	tfa	Serotransferrin	2	0.003834	72.006	42647000	225	211	7052;7053;70 54;7055;7056; 7057;7058;70	7412;7413



DGVEV LPDR	10	1085.535	F1Q699;Q5BJ1 4;F1R617	mybpc2b		2	0.002192	96.668	4.23E+08	231	289	7173;7174;71 75;7176;7177; 7178;7179;71 80;7181;7182; 7183;7184;71 85;7186;7187; 7188;7189 7190;7191;71 92;7193;7194; 7195;7196;71 97;7198;7199; 7200;7201;72 02;7203;7204 7532;7533	7515;7516;75 17;7518;7519; 7520;7521;75 22;7523;7524; 7525;7526;75 27;7528;7529; 7530 7531
DGWEG DGIK	9	975.4298	B6CS38;A0A0 G2KQ62	fbn2b		2	0.053642	79.906	1.89E+08	232	204	7190;7191;71 92;7193;7194; 7195;7196;71 97;7198;7199; 7200;7201;72 02;7203;7204 7532;7533	7515;7516;75 17;7518;7519; 7520;7521;75 22;7523;7524; 7525;7526;75 27;7528;7529; 7530 7531
DGYISN GELFQV LK	14	1581.804	Q66HZ0;E9QG 20;A0A0R4IZF 7	ppp3r1b; ppp3r1a	2	0.00864	81.017	26516000	233	101	245	7190;7191;71 92;7193;7194; 7195;7196;71 97;7198;7199; 7200;7201;72 02;7203;7204 7532;7533	7515;7516;75 17;7518;7519; 7520;7521;75 22;7523;7524; 7525;7526;75 27;7528;7529; 7530 7531
DGYTL NEDK	9	1053.462	B3DKJ1;Q6PY X2;Q5NJJ5;Q5 NJJ4;Q5NJJ3	matn4		2	2.35E-55	200.16	5.32E+08	234	201	7215;7216;72 17;7218;7219; 7220;7221;72 22;7223;7224; 7225;7226;72 27;7228;7229; 7230;7231	7534;7535;75 36;7537;7538; 7539;7540;75 41;7542;7543; 7544;7545;75 46;7547;7548; 7549;7550;75 51;7552;7553; 7554;7555;75 56;7557;7558; 7559;7560;75 61;7562;7563; 7564;7565;75 66;7567;7568; 7569;7570;75 71;7572;7573; 7574;7575;75 76;7577;7578; 7579;7580;75 81;7582;7583; 7584;7585;75 86;7587;7588 7589;7590;75 91;7592;7593
DHAED LLEYQN TR	13	1602.727	F1QS22;Q7ZV D6;Q6IQF1	zgc:5609 5	Ferritin	2;3	5.42E-20	147.28	1.38E+08	235	315	7232;7233;72 34;7235;7236; 7237;7238;72 39;7240;7241; 7242;7243;72 44;7245 7594;7595;75 96;7597;7598; 7599;7600;76 01;7602;7603; 7604;7605;76 06;7607;7608; 7609;7610;76 11;7612;7613; 7614;7615;76	7534;7535;75 36;7537;7538; 7539;7540;75 41;7542;7543; 7544;7545;75 46;7547;7548; 7549;7550;75 51;7552;7553; 7554;7555;75 56;7557;7558; 7559;7560;75 61;7562;7563; 7564;7565;75 66;7567;7568; 7569;7570;75 71;7572;7573; 7574;7575;75 76;7577;7578; 7579;7580;75 81;7582;7583; 7584;7585;75 86;7587;7588 7589;7590;75 91;7592;7593
DIENQY ETQITQI EHEVSS SGQEV QSSAK	29	3263.507	CON__P35527		3;4	0	264.47	6.86E+08	236	230	248	7232;7233;72 34;7235;7236; 7237;7238;72 39;7240;7241; 7242;7243;72 44;7245 7594;7595;75 96;7597;7598; 7599;7600;76 01;7602;7603; 7604;7605;76 06;7607;7608; 7609;7610;76 11;7612;7613; 7614;7615;76	7534;7535;75 36;7537;7538; 7539;7540;75 41;7542;7543; 7544;7545;75 46;7547;7548; 7549;7550;75 51;7552;7553; 7554;7555;75 56;7557;7558; 7559;7560;75 61;7562;7563; 7564;7565;75 66;7567;7568; 7569;7570;75 71;7572;7573; 7574;7575;75 76;7577;7578; 7579;7580;75 81;7582;7583; 7584;7585;75 86;7587;7588 7589;7590;75 91;7592;7593

											16;7617;7618; 7619;7620;76 21;7622;7623; 7624;7625;76 26;7627;7628; 7629;7630;76 31;7632;7633; 7634;7635;76 36;7637;7638; 7639;7640;76 41;7642;7643; 7644;7645;76 46;7647;7648; 7649;7650;76 51;7652;7653; 7654;7655;76 56;7657;7658; 7659;7660;76 61;7662;7663; 7664;7665;76 66;7667;7668; 7669;7670;76 71;7672;7673; 7674;7675;76 76;7677;7678; 7679;7680;76 81;7682;7683; 7684;7685;76 86;7687;7688; 7689;7690;76 91;7692;7693; 7694;7695;76 96;7697	
DIESAV DSEMA SK	13	1380.608	Q6IQK9;Q803X 6;Q1LV81	safb	2	0.001532	69.598	5.41E+08	237	361	7353;7354;73 55;7356;7357; 7358;7359;73 60;7361;7362; 7363;7364;73 65;7366;7367; 7368;7369;73 70;7371;7372 7373	7698;7699;77 00;7701;7702; 7703;7704;77 05;7706;7707; 7708;7709;77 10;7711
DIITGD EMFSDI YK	14	1645.755	E7F8Y5;E9QIY 7	tpt1	2	0.010359	61.435	4857400	238	260		7712
DINDSF GPNK	10	1105.504	Q803B5;A0A0 R4IAH2;F1QRP 8;E9QIJ1;E9QE G2	dnpep	2	6.82E-14	156.75	8.97E+08	239	35	7374;7375;73 76;7377;7378; 7379;7380;73 81;7382;7383; 7384;7385;73 86;7387;7388; 7389;7390;73 91;7392;7393; 7394;7395;73	7713;7714;77 15;7716;7717; 7718;7719;77 20;7721;7722; 7723;7724;77 25;7726;7727; 7728;7729;77 30;7731;7732; 7733;7734;77

												96;7397;7398; 7399;7400;74 01;7402;7403; 7404;7405;74 06	35;7736;7737; 7738;7739;77 40;7741;7742; 7743;7744;77 45;7746;7747; 7748;7749;77 50;7751;7752; 7753;7754;77 55;7756;7757; 7758;7759;77 60;7761;7762
DISLIAN VYPDTR	13	1475.762	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9;X1W C44	a2ml;si:c h211- 212c13.8	2	0.00052	99.283	19045000	240	106; 467	252	7763;7764;77 65;7766	
DITDQT TTVK	10	1120.561	A5X6X5;B0S75 8;F1R7N8	ttna		2	0.006881	88.948	1.01E+08	241	332;139	7416;7417;74 18;7419;7420; 7421;7422;74 23;7424;7425; 7426;7427;74 28;7429;7430; 7431;7432;74 33	7767;7768;77 69;7770;7771; 7772;7773;77 74;7775;7776; 7777
DITFNP EDDDY DHQLS VR	18	2177.95	E7FCU0;A8E57 0;F1QGI4;A0A 0A0MPF3;Q7T 362;F1QW36;A 0A0R4IS68;A0 A0R4IK47	npmla		2,3	0	277.31	1.53E+09	242	0	7434;7435;74 36;7437;7438; 7439;7440;74 41;7442;7443; 7444;7445;74 46;7447;7448; 7449;7450;74 51;7452;7453; 7454;7455;74 56;7457;7458; 7459;7460;74 61;7462;7463; 7464;7465;74 66;7467;7468; 7469;7470;74 71;7472;7473; 7474;7475;74 76;7477;7478; 7479;7480;74 81;7482;7483; 7484;7485;74 86;7487;7488; 7489;7490;74 91;7492;7493; 7494;7495;74 96;7497;7498; 7499;7500;75 01;7502;7503; 7504	7778;7779;77 80;7781;7782; 7783;7784;77 85;7786;7787; 7788;7789;77 90;7791;7792; 7793;7794;77 95;7796;7797; 7798;7799;78 00;7801;7802; 7803;7804;78 05;7806;7807; 7808;7809;78 10;7811;7812; 7813;7814;78 15;7816;7817; 7818;7819;78 20;7821;7822; 7823;7824;78 25;7826;7827; 7828;7829;78 30;7831;7832; 7833;7834;78 35;7836;7837; 7838;7839;78 40;7841;7842; 7843;7844;78 45;7846;7847; 7848;7849;78 50;7851;7852; 7853;7854;78

55;7856;7857;  
7858;7859;78  
60;7861;7862;  
7863;7864;78  
65;7866;7867;  
7868;7869;78  
70;7871;7872;  
7873;7874;78  
75

DIVEGT AEK	9	960.4764	E7F8R8;I3IS33	syt3		2	0.040606	84.568	31004000	243	259	7505;7506;75 07;7508;7509; 7510;7511;75 12;7513	7876
---------------	---	----------	---------------	------	--	---	----------	--------	----------	-----	-----	--	------

DLDGFL VGGAS LKPEFI DIHNAK	23	2431.3	A0A0R4IGG3; A0A0R4I9C4	3	4.82E-10	69.398	1.74E+08	244	29	256	7514;7515; 7516;7517; 7518;7519; 7520;7521; 7522;7523; 7524;7525; 7526;7527; 7528;7529; 7530;7531; 7532;7533; 7534;7535; 7536;7537; 7538;7539; 7540;7541; 7542;7543; 7544;7545; 7546;7547; 7548;7549; 7550;7551; 7552;7553; 7554;7555; 7556;7557; 7558;7559; 7560;7561; 7562;7563	
-------------------------------------	----	--------	---------------------------	---	----------	--------	----------	-----	----	-----	---	--

DLDSAE KEEPEK	12	1388.631	F1R5C0			2;3	8.3E-108	215.87	1.12E+09	245	329	7564;7565;75 66;7567;7568; 7569;7570;75 71;7572;7573; 7574;7575;75 76;7577;7578; 7579;7580;75 81;7582;7583; 7584;7585;75 86;7587;7588; 7589;7590;75 91;7592;7593; 7594;7595;75 96;7597;7598; 7599;7600;76	7902;7903;79 04;7905;7906; 7907;7908;79 09;7910;7911; 7912;7913;79 14;7915;7916; 7917;7918;79 19;7920;7921; 7922;7923;79 24;7925;7926; 7927;7928;79 29;7930;7931; 7932;7933;79 34;7935;7936; 7937;7938;79
------------------	----	----------	--------	--	--	-----	----------	--------	----------	-----	-----	---	---

DLEAD VIGDTS GHFK	15	1602.753	FIR6N3;F6IA1 0;A8KBY8;FIQ Z98;F1QSK0;Q 6DG13	anxa6	Annexin	2	0.046104	47.559	7343500	246	161	7625;7626	01;7602;7603; 7604;7605;76 06;7607;7608; 7609;7610;76 11;7612;7613; 7614;7615;76 16;7617;7618; 7619;7620;76 21;7622;7623; 7624	39;7940;7941; 7942;7943;79 44;7945;7946; 7947;7948;79 49;7950;7951; 7952;7953;79 54;7955;7956; 7957;7958;79 59;7960;7961; 7962;7963;79 64;7965;7966; 7967;7968;79 69;7970;7971; 7972;7973;79 74;7975
DLEEDV TGDTG GHFER	16	1775.76	Q804G6;Q803A 1;Q6P0V8;A9J TC0;A0A0R4IK N3	anxa5b	Annexin	2;3	1.67E-22	135.6	86862000	247	172	7627;7628;76 29;7630;7631; 7632;7633;76 34;7635;7636; 7637;7638;76 39;7640;7641; 7642;7643	7977;7978;79 79;7980;7981; 7982;7983	
DLEMT VSR	8	949.4539	Q5XJ64;A8E5C 2;A8E5C1;F8W 5C3;FIRDH7;F 8W5D3;A9JSZ7 ;F8W298;Q4V9 D6	serpina7; si:ch2111- 186e20.7; zgc:1742 59;zgc:11 3828	2	0.0159	98.997	1.96E+08	248	154; 169	260	7984;7985;79 86;7987;7988; 7989;7990		
DLES DI EGDTSG DVR	15	1606.696	Q804G2;Q98SH 7;Q6PHG3;FIR EH8	anxa13	Annexin	2	0.00033	94.767	47478000	249	348	7657;7658;76 59;7660;7661; 7662;7663;76 64;7665;7666; 7667;7668;76 69;7670;7671	7991;7992;79 93	
DLEFDPV ISDR	10	1175.582	Q90X19;A2BH A3;Q9PV91	ckma		2	7.86E-12	148.52	7.44E+08	250	114	7672;7673;76 74;7675;7676; 7677;7678;76 79;7680;7681; 7682;7683;76 84;7685;7686; 7687;7688;76 89;7690;7691; 7692;7693;76 94;7695;7696; 7697;7698;76 99;7700;7701; 7702;7703;77 04;7705;7706; 7707;7708;77	7994;7995;79 96;7997;7998; 7999;8000;80 01;8002;8003; 8004;8005;80 06;8007;8008; 8009;8010;80 11;8012;8013; 8014;8015;80 16;8017;8018; 8019;8020;80 21;8022;8023; 8024;8025;80 26;8027;8028; 8029;8030;80	

DLFEDE LVPQFE K	13	1607.772	F6NN54;Q6NU Z3;F1QY96	syncrip		2	0.000676	106.29	30903000	251	323	09;7710;7711; 7712;7713;77 14;7715;7716; 7717;7718;77 19;7720;7721; 7722;7723;77 24	31;8032;8033; 8034;8035;80 36;8037;8038; 8039;8040;80 41;8042;8043; 8044;8045;80 46;8047;8048; 8049;8050;80 51;8052;8053; 8054;8055;80 56;8057;8058; 8059;8060;80 61;8062;8063; 8064;8065;80 66;8067;8068; 8069;8070 8071;8072;80 73;8074;8075; 8076;8077
DLFNN QLNDV DLHR DLGSD DSQFLS LLK	14	1711.828	F1QFU9	dpepl	Dipeptidase	2	0.011608	74.962	0	252	302	7725;7726;77 27;7728;7729; 7730;7731;77 32;7733;7734; 7735;7736;77 37	8078
DLGSPE GIAIDH LSR	15	1578.8	A0A140LFY0; A0A0G2L836	Si:ch211- 251b21.1; si:ch211- 251b21.1 2;3	0.000178	71.344	1.06E+08	254	20	266	7748;7749; 7750;7751; 7752;7753; 7754;7755; 7756;7757; 7758;7759; 7760;7761; 7762;7763; 7764;7765; 7766;7767; 7768;7769; 7770;7771; 7772;7773; 7774;7775; 7776	8079;8080	
DLHSG VYGGT VVEPM TDLIGIL DK DLIETY GQAID LLVQEA DPK	24	2528.283	X1WHB9	zgc:1141 81	3	0.046511	12.314	7198100	255	469	267	8105	
	21	2343.221	Q8UVZ4;Q6PH 48;Q6P3G7;B8J I17;F1QMF5;E7	psap		2	0.009522	51.546	2309100	256	209	7780	8106



DLIFSD SATELM LLPK	16	1791.933	FCT1;Q9DG82; A0A140LGJ7 B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5	tfa	Serotransferrin	2	1.96E-06	105.65	36641000	257	211	7781;7782;77 83;7784;7785; 7786;7787;77 88;7789;7790; 7791;7792	8107;8108;81 09;8110;8111; 8112;8113	
DLLAEG SVDSLS R	13	1360.683	Q7T309;F1R7D 6;X1WDY3	serpinb11 3		2	3.21E-78	189.58	9.26E+08	258	434	271	8114;8115;81 16;8117;8118; 8119;8120;81 21;8122;8123; 8124;8125;81 26;8127;8128; 8129;8130;81 31;8132;8133; 8134;8135;81 36;8137;8138; 8139;8140;81 41;8142;8143; 8144;8145;81 46;8147;8148; 8149;8150;81 51;8152;8153; 8154;8155;81 56	
DLLKPG MVTGM TR	13	1417.742	Q6DG30	serpinb1		3	4.55E-21	118.73	2.38E+08	259	394	7831;7832;78 33;7834;7835; 7836;7837;78 38;7839;7840; 7841;7842;78 43;7844;7845; 7846;7847;78 48;7849;7850; 7851;7852;78 53;7854;7855; 7856;7857;78 58;7859;7860	8157;8158;81 59;8160;8161; 8162;8163;81 64;8165;8166; 8167;8168;81 69;8170;8171; 8172;8173;81 74;8175;8176	
DLLPSG AIDAMT R	13	1358.686	F8W412;E7EX C4;Q6TGU1;F1 R9A9;F8W475	serpinb11 4;serpinb 111		2	6.43E-07	107.06	8.24E+08	260	238; 353	273;274	8177;8178;81 79;8180;8181; 8182;8183;81 84;8185;8186; 8187;8188;81 89;8190;8191; 8192;8193;81 94;8195;8196; 8197;8198;81 99;8200;8201; 8202;8203;82 04;8205;8206; 8207;8208;82 09;8210;8211; 8212;8213;82 14;8215;8216;	

DLNVF GDSWR	10	1207.562	F1QS73;A0A0 G2KQ10	2	0.000961	104.17	82518000	261	13	275	7944;7945; 7946;7947; 7948;7949; 7950;7951; 7952;7953; 7954;7955; 7956;7957; 7958;7959; 7960;7961; 7962;7963	8217;8218;82 19;8220;8221; 8222;8223;82 24;8225;8226; 8227;8228;82 29;8230;8231; 8232;8233;82 34;8235;8236; 8237;8238;82 39;8240;8241; 8242;8243;82 44;8245;8246; 8247;8248;82 49;8250;8251; 8252;8253;82 54;8255;8256; 8257;8258;82 59;8260;8261; 8262;8263;82 64;8265;8266; 8267;8268;82 69;8270;8271; 8272;8273;82 74;8275		
DLQSAE KEEQEK	12	1432.668	Q5TZ27	syt1a		3	1.28E-05	132.79	1.53E+08	262	384	7964;7965;79 66;7967;7968; 7969;7970;79 71;7972;7973; 7974;7975;79 76;7977;7978; 7979;7980;79 81;7982;7983; 7984;7985;79 86;7987;7988; 7989	7964;7965;79 66;7967;7968; 7969;7970;79 71;7972;7973; 7974;7975;79 76;7977;7978; 7979;7980;79 81;7982;7983; 7984;7985;79 86;7987;7988; 7989	8301;8302;83 03;8304;8305; 8306;8307;83 08;8309;8310; 8311;8312;83 13;8314
DLSADII LDMAT LTGAQ GISTGK	23	2290.173	Q561T4;F1Q6S 1;A9JT03	npepl1		2;3	1.9E-168	261.39	2.45E+08	263	170	7990;7991;79 92;7993;7994; 7995;7996;79 97;7998;7999; 8000;8001;80 02;8003;8004; 8005;8006;80 07;8008;8009;	7990;7991;79 92;7993;7994; 7995;7996;79 97;7998;7999; 8000;8001;80 02;8003;8004; 8005;8006;80 07;8008;8009;	8315;8316;83 17;8318;8319; 8320;8321;83 22;8323;8324; 8325;8326;83 27;8328;8329; 8330;8331;83 32;8333;8334;

												8010;8011;8012;8013;8014;8015;8016;8017;8018;8019;8020;8021;8022;8023;8024;8025;8026;8027;8028;8029;8030;8031;8032;8033;8034;8035;8036;8037;8038;8039;8040;8041;8042;8043;8044;8045;8046;8047;8048	8335;8336;8337;8338;8339;8340;8341;8342;8343;8344;8345;8346;8347;8348;8349;8350;8351;8352	
DLSAY NTPER	10	1164.541	Q5TZ29	apobb.1		2	2.58E-90	217.02	2E+09	264	385	8049;8050;8051;8052;8053;8054;8055;8056;8057;8058;8059;8060;8061;8062;8063;8064;8065;8066;8067;8068;8069;8070;8071;8072;8073;8074;8075;8076;8077;8078;8079;8080;8081;8082	8353;8354;8355;8356;8357;8358;8359;8360;8361;8362;8363;8364;8365;8366;8367;8368;8369;8370;8371;8372;8373;8374;8375;8376;8377;8378;8379;8380;8381;8382;8383;8384;8385;8386;8387;8388;8389;8390;8391;8392;8393;8394;8395;8396;8397;8398;8399;8400;8401;8402;8403	
DLTGD AGNKP DPYVK DLTND GGLLR	16	1685.826	Q5RI59	si:ch211-240119.6	2,3		3.35E-05	80.979	2.35E+08	265	383	279	8404;8405;8406	
	10	1072.551	Q90WB4;Q90XS6;F1Q944;A0A0R4ILU8;Q6NUY7;F1R9R1;A0A0R4IA15;Q7SZR3	mpx		2	0.001341	101.54	1.31E+08	266	31		8100;8101;8102;8103;8104;8105;8106;8107;8108;8109;8110;8111;8112;8113;8114;8115;8116;8117;8118	8407;8408;8409;8410;8411;8412;8413;8414
DLYDG YDGAF R	11	1290.552	E7F2E3;A0A0R4IC71	mf12	Serotransferrin	2	0.022535	63.216	50516000	267	42		8119;8120;8121;8122;8123;8124;8125;8126;8127;8128;8129;8130;8131	8415;8416;8417;8418;8419

DMGMT	11	1243.485	Q6P5I9;Q502P5	serpina1	2	1.07E-70	200.05	1.17E+10	268	418	31;8132;8133; 8134;8135;81 36;8137 8138;8139;81 40;8141;8142; 8143;8144;81 45;8146;8147; 8148;8149;81 50;8151;8152; 8153;8154;81 55;8156;8157; 8158;8159;81 60;8161;8162; 8163;8164;81 65;8166;8167; 8168;8169;81 70;8171;8172; 8173;8174;81 75;8176;8177; 8178;8179;81 80;8181;8182; 8183;8184;81 85;8186;8187; 8188;8189;81 90;8191;8192; 8193;8194;81 95;8196;8197; 8198;8199;82 00;8201;8202; 8203;8204;82 05;8206;8207; 8208;8209;82 10;8211;8212; 8213;8214;82 15;8216;8217; 8218;8219;82 20;8221;8222; 8223;8224;82 25;8226;8227; 8228;8229;82 30;8231;8232; 8233;8234;82 35;8236;8237; 8238;8239;82 40;8241;8242; 8243;8244;82 45;8246;8247; 8248;8249;82 50;8251;8252; 8253;8254;82 55;8256;8257; 8258;8259;82 60;8261;8262;	8420;8421;84 22;8423;8424; 8425;8426;84 27;8428;8429; 8430;8431;84 32;8433;8434; 8435;8436;84 37;8438;8439; 8440;8441;84 42;8443;8444; 8445;8446;84 47;8448;8449; 8450;8451;84 52;8453;8454; 8455;8456;84 57;8458;8459; 8460;8461;84 62;8463;8464; 8465;8466;84 67;8468;8469; 8470;8471;84 72;8473;8474; 8475;8476;84 77;8478;8479; 8480;8481;84 82;8483;8484; 8485;8486;84 87;8488;8489; 8490;8491;84 92;8493;8494; 8495;8496;84 97;8498;8499; 8500;8501;85 02;8503;8504; 8505;8506;85 07;8508;8509; 8510;8511;85 12;8513;8514; 8515;8516;85 17;8518;8519; 8520;8521;85 22;8523;8524; 8525;8526;85 27;8528;8529; 8530;8531;85 32;8533;8534; 8535;8536;85 37;8538;8539; 8540;8541;85 42;8543;8544;
-------	----	----------	---------------	----------	---	----------	--------	----------	-----	-----	---	---

											8263;8264;8265;8266;8267;8268;8269;8270;8271;8272;8273;8274;8275;8276;8277;8278;8279;8280;8281;8282;8283;8284;8285;8286;8287;8288;8289;8290;8291;8292;8293;8294;8295;8296;8297;8298;8299;8300;8301;8302;8303;8304;8305	8545;8546;8547;8548;8549;8550;8551;8552;8553;8554;8555;8556;8557;8558;8559;8560;8561;8562;8563;8564;8565;8566;8567;8568;8569;8570;8571;8572;8573;8574;8575;8576;8577;8578;8579;8580;8581;8582;8583;8584;8585;8586;8587;8588;8589;8590;8591;8592;8593;8594;8595;8596;8597;8598;8599;8600;8601;8602;8603;8604;8605;8606;8607;8608;8609;8610;8611;8612;8613;8614;8615;8616;8617;8618;8619;8620;8621;8622;8623;8624;8625;8626;8627;8628;8629;8630;8631;8632;8633;8634;8635;8636;8637;8638;8639;8640;8641;8642;8643;8644;8645;8646;8647;8648;8649;8650;8651;8652
DMQDM LR	7	907.3892	F1QEC9;A9JSV 0	tyrp1a	2	0.035817	95.793	1.31E+08	269	168	8306;8307;8308;8309;8310;8311;8312;8313;8314;8315;8316;8317;8318;8319;8320	
DMVYE EVPLPW MPTEK	16	1962.911	F1R2V0	aoc2	2	7.57E-10	142.83	2.35E+08	270	326	8321;8322;8323;8324;8325;8326;8327;8328;8329;8330;8331;8332;8333	8653;8654;8655;8656;8657;8658;8659;8660;8661;8662;8663;8664;8665

												33;8334;8335; 8336;8337;83 38;8339;8340; 8341;8342;83 43;8344;8345; 8346;8347;83 48;8349;8350; 8351;8352;83 53;8354;8355; 8356;8357;83 58;8359;8360; 8361;8362;83 63;8364;8365; 8366;8367;83 68;8369;8370; 8371;8372;83 73;8374;8375; 8376;8377;83 78;8379;8380; 8381;8382;83 83;8384;8385; 8386;8387;83 88;8389;8390; 8391;8392;83 93;8394	65;8666;8667; 8668;8669;86 70;8671;8672; 8673;8674;86 75;8676;8677; 8678;8679;86 80;8681;8682; 8683;8684;86 85;8686;8687; 8688;8689;86 90;8691;8692; 8693;8694;86 95;8696;8697; 8698;8699;87 00
DNAELE NLIR	10	1185.599	CON__Q14525; CON__Q9UE12 ;CON__Q15323 ;CON__Q6NTB 9;CON__O7600 9	2	0.001011	103.82	23281000	271	234;235	288	8395;8396; 8397;8398		
DNAPIY SFDGR	11	1253.568	Q4TZW5;Q8A WC6;Q4TZW4; Q2PBM9;Q2PB M8;B0S8G3;B0 S8G5;Q2PBM7; B0S8G4	col18a1		2	2.69E-17	148.91	5.73E+08	272	180	8399;8400;84 01;8402;8403; 8404;8405;84 06;8407;8408; 8409;8410;84 11;8412;8413; 8414;8415;84 16;8417;8418; 8419;8420;84 21;8422;8423; 8424;8425;84 26;8427 8724	8703;8704;87 05;8706;8707; 8708;8709;87 10;8711;8712; 8713;8714;87 15;8716;8717; 8718;8719;87 20;8721;8722; 8723
DNFMG QMYEM MDDCD SIQDR	20	2486.916	F1Q6V5;A7E2 M9;Q504G5;Q5 02C3;B0S6M3; Q6DGX6;Q1518 7	zgc:1734 52;zgc:17 3645;cry gm2d1;cr ygm2d8	2	0.001341	49.929	0	273	144; 398	290	8724	
DNIQGI TK	8	887.4713	Q0D294;A4VA K6;A3KPR4;X1 WGM1;Q0D27 2;A4QN89	zgc:1534 09;hist1h 4l;si:dkey - 108k21.2	Histone H4	2	0.03073	94.114	48358000	274	127	8429;8430;84 31;8432;8433; 8434;8435;84 36;8437	8725

DNIQGI TKPAIR	12	1324.746	Q0D294;A4VA K6;A3KPR4;X1 WGM1;Q0D27 2;A4QN89	3;si:dkey- 108k21.1 2;zgc:154 164;zgc:1 63040 zgc:1534 09;hist1h 4l;si:dkey - 108k21.2 3;si:dkey- 108k21.1 2;zgc:154 164;zgc:1 63040	Histone H4	2,3	1.59E-44	175.54	3.68E+08	275	127	8438;8439;84 40;8441;8442; 8443;8444;84 45;8446	8726;8727;87 28;8729
DNQLT DEYLPD QR	13	1605.727	X1WE42;E7F6 D3	mid2a		2	0.002902	71.153	55637000	276	252	8447;8448;84 49;8450;8451; 8452;8453;84 54;8455;8456; 8457;8458;84 59;8460;8461	8730;8731;87 32;8733;8734; 8735;8736
DPIAPP GPPTPK	12	1185.639	F1R7N8;F1QZ Q0	ttna		2	0.000724	102.06	3.62E+08	277	332	8462;8463;84 64;8465;8466; 8467;8468;84 69;8470;8471; 8472;8473;84 74;8475;8476; 8477;8478;84 79;8480;8481; 8482;8483;84 84;8485;8486; 8487;8488;84 89;8490;8491; 8492;8493;84 94;8495	8737;8738;87 39;8740;8741; 8742;8743;87 44;8745;8746; 8747;8748;87 49;8750;8751; 8752;8753;87 54;8755;8756
DPIEPP GPPGSL K	13	1302.682	A5X6X5;Q801 W8;F1R7N8;F1 QZQ0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2	0.048096	46.406	39792000	278	332; 139	295	8757	
DPSSDQ DVAAA ER	13	1359.59	F1Q8B5;A0A0 G2KIT0;A0A0 N4STW9;F1QB K3	lct		2	2.36E-14	142.08	71684000	279	12	8507;8508;85 09;8510;8511; 8512;8513;85 14;8515;8516; 8517;8518	8758;8759;87 60;8761;8762; 8763;8764;87 65;8766;8767; 8768;8769;87 70;8771;8772
DPTYTP APPSVP R	13	1396.699	A5X6X5;Q801 W8;F1R7N8;F1 QZQ0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2	0.002453	72.2	43379000	280	332; 139	297	8773;8774;87 75;8776	
DQAEL HELAR	10	1180.584	Q6DHB4;Q4VB J2;F1QL16	cpa1		2	0.023812	70.1	40044000	281	310	8532;8533;85 34;8535;8536; 8537;8538;85 39;8540;8541	8777
DQAVV NELK	9	1014.535	Q5TZ29	apobb.1		2	0.009687	95.608	2.38E+08	282	385	8542;8543;85 44;8545;8546;	8778;8779;87 80

DQGTFE DFVEGL R	13	1511.689	E9QCD6;Q6TN S5;E9QG86;Q1 JPY2;Q5U3D1; Q3B730;E9QF7 3;Q4QRD2;F1Q 6V0;Q5XJC3;B 0R0F7	zgc:1538 67;MLC3 SM;myl4 ;cmcl1	2	0.001582	77.062	21848000	283	175	300	8547;8548;85 49;8550;8551; 8552;8553;85 54;8555;8556; 8557;8558;85 59;8560;8561 8781;8782;87 83;8784;8785; 8786;8787
DQIVDL TVGNN K	12	1314.678	CON_P35527		2	5E-265	270.54	1.51E+09	284	230	301	8788;8789;87 90;8791;8792; 8793;8794;87 95;8796;8797; 8798;8799;88 00;8801;8802; 8803;8804;88 05;8806;8807; 8808;8809;88 10;8811;8812; 8813;8814;88 15;8816;8817; 8818;8819;88 20;8821;8822; 8823;8824;88 25;8826;8827; 8828;8829;88 30;8831;8832; 8833;8834;88 35;8836;8837; 8838;8839;88 40;8841;8842; 8843;8844;88 45;8846;8847; 8848;8849;88 50;8851;8852; 8853;8854;88 55;8856;8857; 8858;8859;88 60;8861;8862; 8863;8864;88 65;8866;8867; 8868;8869;88 70;8871;8872; 8873;8874;88 75
DQNPD ATLQM SNSR	14	1575.695	F1QRQ5;B3DK P9	mep1a.2 Metalloendopeptid ase	2	7.18E-06	110.66	1.5E+08	285	202	8622;8623;86 24;8625;8626; 8627;8628;86 29;8630;8631;	8876;8877;88 78;8879;8880; 8881;8882;88 83;8884;8885;



DQYEQ MAEK	9	1140.476	CON_P08779; CON_Q9Z2K1 ;CON_Q3ZA W8	2	8.32E-09	156.46	9.97E+08	286	225	303; 304	8647;8648; 8649;8650; 8651;8652; 8653;8654; 8655;8656; 8657;8658; 8659;8660; 8661;8662; 8663;8664; 8665;8666; 8667;8668; 8669;8670; 8671;8672; 8673;8674; 8675;8676; 8677;8678; 8679	8632;8633;86 34;8635;8636; 8637;8638;86 39;8640;8641; 8642;8643;86 44;8645;8646	8886;8887;88 88;8889;8890; 8891;8892;88 93;8894;8895; 8896;8897;88 98;8899;8900; 8901;8902;89 03;8904;8905; 8906;8907
DSDLGL TEPSSV LGK	15	1516.762	A5PMC3;E9QJ Q5	si:dkeyp- 110e4.6	2	0.001476	79.693	24033000	287	134	305	8939;8940	
DSIYYV SNEHM AR	13	1583.704	B0R1C4	fap		2	0.007094	64.374	5261700	288	176	8689;8690	8941
DSLENT LSESEA R	13	1463.674	CON_Q9UE12 ;CON_Q15323 ;CON_Q6NTB 9;CON_O7600 9;CON_Q1453 2	2	6.05E-67	186.87	67210000	289	235	307	8691;8692; 8693;8694; 8695		
DSSLPP NPK	9	953.4818	E7FBW8	hapln1b		2	0.004851	101.64	53482000	290	265	8696;8697;86 98;8699;8700; 8701;8702;87 03;8704;8705; 8706	8945;8946;89 47;8948;8949; 8950;8951;89 52;8953;8954; 8955;8956
DSVPAE LLSEAT QELAK	17	1799.915	Q0ZBR7	mif		2;3	1.7E-251	246.49	2.69E+09	291	360	8957;8958;89 09;8710;8711; 8712;8713;87 14;8715;8716; 8717;8718;87 19;8720;8721; 8722;8723;87 24;8725;8726; 8727;8728;87 29;8730;8731;	8957;8958;89 59;8960;8961; 8962;8963;89 64;8965;8966; 8967;8968;89 69;8970;8971; 8972;8973;89 74;8975;8976; 8977;8978;89 79;8980;8981;

8732;8733;87 8982;8983;89  
34;8735;8736; 84;8985;8986;  
8737;8738;87 8987;8988;89  
39;8740;8741; 89;8990;8991;  
8742;8743;87 8992;8993;89  
44;8745;8746; 94;8995;8996;  
8747;8748;87 8997;8998;89  
49;8750;8751; 99;9000;9001;  
8752;8753;87 9002;9003;90  
54;8755;8756; 04;9005;9006;  
8757;8758;87 9007;9008;90  
59;8760;8761; 09;9010;9011;  
8762;8763;87 9012;9013;90  
64;8765;8766; 14;9015;9016;  
8767;8768;87 9017;9018;90  
69;8770;8771; 19;9020;9021;  
8772;8773;87 9022;9023;90  
74;8775;8776; 24;9025;9026;  
8777;8778;87 9027;9028;90  
79;8780;8781; 29;9030;9031;  
8782;8783;87 9032;9033;90  
84;8785;8786; 34;9035;9036;  
8787;8788;87 9037;9038;90  
89;8790;8791; 39;9040;9041;  
8792;8793;87 9042;9043;90  
94;8795;8796; 44;9045;9046;  
8797;8798;87 9047;9048;90  
99;8800;8801; 49;9050;9051;  
8802;8803;88 9052;9053;90  
04;8805;8806; 54;9055;9056;  
8807;8808;88 9057;9058;90  
09;8810;8811; 59;9060;9061;  
8812;8813;88 9062;9063;90  
14;8815;8816; 64;9065;9066;  
8817;8818;88 9067;9068;90  
19;8820;8821; 69;9070;9071;  
8822;8823;88 9072;9073;90  
24;8825;8826; 74;9075;9076;  
8827;8828;88 9077;9078;90  
29;8830;8831; 79;9080;9081;  
8832;8833;88 9082;9083;90  
34;8835;8836; 84;9085;9086;  
8837;8838;88 9087;9088;90  
39;8840;8841; 89;9090;9091;  
8842;8843;88 9092;9093;90  
44;8845;8846; 94;9095;9096;  
8847;8848;88 9097;9098;90  
49;8850;8851; 99;9100;9101;  
8852;8853;88 9102;9103;91  
54;8855;8856; 04;9105;9106;  
8857;8858;88 9107;9108;91  
59;8860;8861; 09;9110;9111;  
8862;8863;88 9112;9113;91

DTDDV PMILVG NK	13	1415.697	Z4YIG5	rap1b		2	0.026483	53.327	6716500	292	471	8904;8905	64;8865;8866; 8867;8868;88 69;8870;8871; 8872;8873;88 74;8875;8876; 8877;8878;88 79;8880;8881; 8882;8883;88 84;8885;8886; 8887;8888;88 89;8890;8891; 8892;8893;88 94;8895;8896; 8897;8898;88 99;8900;8901; 8902;8903	14;9115;9116; 9117;9118;91 19;9120;9121; 9122;9123;91 24;9125;9126; 9127;9128;91 29;9130;9131; 9132;9133;91 34;9135;9136; 9137;9138;91 39;9140;9141; 9142;9143;91 44;9145;9146; 9147;9148;91 49;9150;9151; 9152;9153;91 54;9155;9156; 9157;9158;91 59;9160
DTDSEE EIREAF R	13	1595.706	B2GQW3	calm3a		3	0.037021	32.734	10325000	293	188	8906;8907	9162	
DFTGTP GPPYNL TITEVS K	19	2036.01	A5X6X5;Q801 W8;Q8QFW2;F 1R7N8;F1QZQ 0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2;3	7.07E-93	178.67	1.17E+09	294	332; 139	312	9163;9164;91 65;9166;9167; 9168;9169;91 70;9171;9172; 9173;9174;91 75;9176;9177; 9178;9179;91 80;9181;9182; 9183;9184;91 85;9186;9187; 9188;9189;91 90;9191;9192; 9193;9194;91 95;9196;9197; 9198;9199;92 00;9201;9202; 9203;9204;92 05;9206;9207; 9208;9209;92 10;9211;9212; 9213;9214;92 15;9216;9217; 9218;9219;92 20;9221;9222; 9223;9224;92 25;9226;9227; 9228;9229;92 30;9231;9232;		

DTQLQ QIVDK	10	1186.619	Q66HZ0;E9QG 20;A0A0R4IZF 7	ppp3r1b; ppp3r1a	2	5.14E-39	185.6	7.25E+08	295	101	313
DTVDV TFPQNI K	12	1375.698	Q6NYE1	fgb	2	1.02E-25	155.84	1.47E+08	296	412	

9233;9234;92  
 35;9236;9237;  
 9238;9239;92  
 40;9241;9242;  
 9243;9244;92  
 45;9246;9247;  
 9248;9249;92  
 50;9251;9252;  
 9253;9254;92  
 55;9256;9257;  
 9258;9259;92  
 60;9261;9262;  
 9263;9264;92  
 65;9266;9267;  
 9268;9269;92  
 70;9271;9272;  
 9273;9274;92  
 75;9276;9277;  
 9278;9279;92  
 80;9281;9282;  
 9283;9284;92  
 85;9286;9287;  
 9288;9289;92  
 90;9291;9292;  
 9293;9294;92  
 95;9296;9297;  
 9298;9299;93  
 00;9301;9302;  
 9303;9304;93  
 05;9306;9307;  
 9308  
 9309;9310;93  
 11;9312;9313;  
 9314;9315;93  
 16;9317;9318;  
 9319;9320;93  
 21;9322;9323;  
 9324;9325;93  
 26;9327;9328;  
 9329;9330;93  
 31;9332;9333;  
 9334;9335;93  
 36;9337;9338;  
 9339;9340;93  
 41;9342;9343;  
 9344;9345;93  
 46;9347;9348;  
 9349;9350;93  
 51  
 9037;9038;90  
 39;9040;9041;  
 9042;9043;90  
 44;9045;9046;

9352;9353;93  
 54;9355;9356;  
 9357;9358;93  
 59;9360;9361;

												9047;9048;9049;9050;9051;9052;9053;9054;9055;9056;9057;9058;9059;9060;90619062;9063;9064;9065;9066;9067;90689069;9070	9362;9363;9364;9365;9366;9367;9368;9369;9370;9371;9372;93739374;9375;9376;93779378;9379
DTVECS VEDK	10	1167.497	F1R9P5;E9QI62	flna		2	0.002384	96.331	30188000	297	335		
DTVEIIL ENK	10	1172.629	F1QL44	flncb		2	0.025339	66.962	2962100	298	311		
DVAGD TSGDFA K	12	1181.52	Q804G9;Q6P603	anxa2a	Annexin	2	0.000812	92.538	82875000	299	420	9071;9072;9073;9074;9075;9076;9077;9078;9079;9080;90819082;9083;9084;9085;9086;9087;9088;9089;9090;9091;9092;9093;9094;9095;9096;9097;9098;9099;9100;9101	9380;9381;9382;9383;9384;9385;9386;9387;9388;93899390;9391;9392;9393;9394;9395;9396;9397;9398;9399;9400;9401;9402;9403
DVDAA YMNK	9	1025.449	CON__P13647;Q6NY60;F1QK60;A9JRS6;Q9PV92;Q6P3K5;Q9PUB5;F1R5A5;F1QV31;E9QBD7;CON__P02538;CON__P04259;CON__O95678	krt4;krt5		2	1.69E-06	135.84	2.84E+08	300	219;222;228;167;321;216		
DVDEA YMNK	9	1083.454	A8WGN0;CON__Q9H552	krt8		2	0.000551	113.14	37190000	301	163	9102;9103;9104	9404;9405
DVFISA AER	9	1006.508	Q6DRF3	psmb1	Proteasome subunit beta type	2	1.86E-06	130.22	4.09E+08	302	402	9105;9106;9107;9108;9109;9110;9111;9112;9113;9114;9115;9116;9117;9118;9119;9120;9121;91229123	9406;9407;9408;9409;9410;9411;9412;9413;9414;9415;94169417
DVILN WIEEYE VPEK	15	1874.93	E7FBD3	apoba		2	0.00147	97.911	7605500	303	264		
DVILPV PAFNVI NGGSH AGNK	21	2118.122	Q6TH14;Q568G3;E9QJI6;Q3B7R7	eno3	Enolase	3	0.000654	42.309	20103000	304	428	9124;9125;9126;9127;9128;9129	9418;9419;9420;9421;9422;9423
DVLSV AFSADN R	12	1292.636	A7E2L4	gnb211		2	0.001614	87.298	10900000	305	143	9130;9131;9132;9133	9424
DVMPE VNR	8	958.4542	Q8QFU2;Q7ZU30;Q5XJ09;F1QZL6;CON__Q3ZBD7	gpia	Glucose-6-phosphate isomerase	2	0.007352	111.04	6.04E+08	306	387	9134;9135;9136;9137;9138;9139;9140;9141;9142;9143;9144;9145;9146;9147;9148;9149;9150;91	9425;9426;9427;9428;9429;9430;9431

DVVVDYI NK	8	964.4866	E7FBD3	apoba		2	0.013033	102.71	1.21E+08	307	264	51;9152;9153; 9154;9155;91 56;9157;9158; 9159;9160;91 61;9162;9163; 9164 9165;9166;91 67;9168;9169; 9170;9171;91 72;9173;9174; 9175;9176;91 77 9178;9179;91 80;9181;9182; 9183;9184;91 85;9186;9187; 9188;9189;91 90;9191;9192; 9193;9194;91 95;9196;9197; 9198;9199;92 00;9201;9202; 9203;9204;92 05;9206;9207; 9208;9209;92 10;9211 9212;9213;92 14;9215;9216; 9217;9218;92 19;9220;9221; 9222;9223;92 24;9225;9226; 9227;9228;92 29;9230;9231; 9232;9233;92 34;9235;9236; 9237;9238;92 39;9240;9241; 9242;9243 9244;9245;92 46;9247;9248 9432
DVVEEL K	7	830.4386	B3DFP9	apoa2		1,2	0.030391	101.28	3.32E+09	308	193	9433;9434;94 35;9436;9437; 9438;9439;94 40;9441;9442; 9443;9444;94 45;9446;9447; 9448;9449;94 50;9451;9452; 9453;9454;94 55;9456;9457; 9458
DVVEEL KK	8	958.5335	B3DFP9	apoa2		2	0.005543	135.84	3.88E+09	309	193	9459;9460;94 61;9462;9463; 9464;9465;94 66;9467;9468; 9469;9470;94 71;9472;9473; 9474;9475;94 76;9477
DWLHT ASQETF K	12	1461.689	F8W4E2	smpd13b		2,3	0.00047	106.4	21179000	310	354	9242;9243 9244;9245;92 46;9247;9248 9478;9479
DWVDQ ILASN	10	1159.551	Q6DHD9;Q561 U4	zgc:1121 60	1,2	6.57E-30	176.44	3.19E+09	311	378	330	9480;9481;94 82;9483;9484; 9485;9486;94 87;9488;9489; 9490;9491;94 92;9493;9494; 9495;9496;94 97;9498;9499; 9500;9501;95 02;9503;9504; 9505;9506;95

DYGIFQ INFSK	11	1330.656	Q90YS5;Q24J W2	lyz		2	4.6E-30	171.56	3.08E+08	312	366	07;9508;9509; 9510;9511;95 12;9513;9514; 9515;9516;95 17;9518;9519; 9520;9521;95 22;9523;9524; 9525;9526;95 27;9528;9529; 9530;9531;95 32;9533;9534; 9535;9536;95 37;9538;9539; 9540;9541;95 42;9543;9544; 9545;9546;95 47;9548;9549; 9550;9551;95 52;9553;9554; 9555;9556;95 57 9353;9354;93 55;9356;9357; 9358;9359;93 60;9361;9362; 9363;9364;93 65;9366;9367; 9368;9369;93 70;9371;9372; 9373;9374;93 75;9376;9377; 9378;9379;93 80;9381;9382; 9383;9384;93 85;9386;9387; 9388 9558;9559;95 60;9561;9562; 9563;9564;95 65;9566;9567; 9568;9569;95 70;9571;9572; 9573;9574;95 75;9576;9577; 9578;9579;95 80;9581;9582; 9583;9584;95 85;9586;9587; 9588;9589;95 90;9591;9592; 9593;9594;95 95;9596;9597; 9598 9389;9390;93 91;9392;9393; 9394;9395;93 96;9397;9398; 9399;9400;94 01;9402;9403; 9404;9405;94 06;9407;9408; 9409;9410;94 11 9412;9413;94 14;9415;9416; 9417;9418;94 19;9420;9421;
DYGVF LEDQG HTLR	14	1648.785	A3KP44;F1QSP 8	prdx4		2;3	6.96E-91	192.3	2.85E+08	313	125	9599;9600;96 01;9602;9603; 9604;9605;96 06;9607;9608; 9609;9610;96 11;9612;9613; 9614;9615;96 16;9617;9618; 9619;9620;96 21;9622;9623; 9624;9625 9626;9627;96 28;9629;9630; 9631
DYISIES R	8	981.4767	F1QJH7;Q4QR C8;F1Q845;F1R BT4;Q5BKW6	c6ast4;c6 ast3	Metalloendopeptid ase	2	0.005422	116.88	1.58E+09	314	294;340	9412;9413;94 14;9415;9416; 9417;9418;94 19;9420;9421;

DYQEL MNTK	9	1140.512	CON__P04264	2	6.67E-24	176.6	3.71E+09	315	223	334;335	9422;9423;9424;9425;9426;9427;9428;9429;9430;9431;9432;94339632;9633;9634;9635;9636;9637;9638;9639;9640;9641;9642;9643;9644;9645;9646;9647;9648;9649;9650;9651;9652;9653;9654;9655;9656;9657;9658;9659;9660;9661;9662;9663;9664;9665;9666;9667;9668;9669;9670;9671;9672;9673;9674;9675;9676;9677;9678;9679;9680;9681;9682;9683;9684;9685;9686;9687;9688;9689;9690;9691;9692;9693;9694;9695;9696;9697;9698;9699;9700
DYQEL MNVK	9	1138.533	CON__P35908; CON__Q5XKE 5;CON__Q0154 6	2	1.86E-06	130.22	3.57E+08	316	231	336; 337	9477;9478;9479;9480;9481;9482;9483;9484;9485;9486;9487;9488;9489;9490;9491;9492;9493;9494;9495;9496;9497;9498;9499;9500;9501;9502;9503;9504;9505;9506;9507;9508;9509;9510;9511;9512;9513;9514;9515;9516;



DYSPYF K	7	918.4123	CON_P02533; CON_P08779; CON_Q9Z2K1 ;CON_Q3ZA W8	2	0.042471	90.986	4.26E+08	317	225;218	338	9517;9518; 9519;9520; 9521;9522; 9523;9524; 9525;9526; 9527 9528;9529; 9530;9531; 9532;9533; 9534;9535; 9536;9537; 9538;9539; 9540;9541; 9542;9543; 9544;9545; 9546;9547; 9548;9549; 9550;9551; 9552		
DYTG SSVIFPI SQLGR	17	1853.916	F1RDU8	si:dkey- 65b12.6	2	0.001227	66.498	10652000	318	347	339	9730	
DYVVG YFPK	9	1086.539	E7FCP7	LOC1003 32784	2	0.024684	88.942	89759000	319	266	340	9731;9732;97 33	
DYYDN VMK	8	1046.438	A0A0G2L1N0		1	0.04982	93.429	6634400	320	19	341	9734	
EADFLA VDGGQ VYIAGK	17	1751.873	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;Q8AX64	tfa	Serotransferrin	2	1.97E-11	132.32	33369000	321	211	9569;9570;95 71;9572;9573; 9574;9575;95 76;9577;9578; 9579;9580;95 81;9582;9583; 9584;9585;95 86;9587;9588 9589;9590;95 91;9592;9593; 9594;9595;95 96;9597;9598; 9599;9600;96 01;9602;9603; 9604;9605;96 06;9607;9608; 9609;9610;96 11;9612;9613; 9614;9615;96 16;9617 9618;9619;96 20;9621;9622; 9623;9624;96 25 9626;9627;96 28	9735;9736;97 37;9738;9739; 9740;9741;97 42
EAGED VTYDF AQK	13	1471.647	Q7ZVV2;Q6NY R6;F1QZ04;A0 A0R4IW78;E7E XK9	acy1;CU 896698.1	Aminoacylase-1	2	1.47E-05	115.57	3.99E+08	322	97	9743;9744;97 45;9746;9747; 9748;9749;97 50;9751	
EAGTTE DVFVE QTK	14	1552.726	I3IS66	tpi1a		2	2.99E-23	143.24	1.09E+08	323	356	9752;9753;97 54;9755;9756; 9757;9758;97 59;9760;9761 9762	
E Aidan QGEYA LSVTGK	17	1764.853	A4FUN4	anpepb		2	2.34E-06	90.731	8576100	324	130		

EANLA ASFGK	10	1006.508	Q803L1;Q6TN U6	dldh	Dihydrolipoyl dehydrogenase	2	0.021921	73.985	30555000	325	449	9629;9630;96 31;9632;9633; 9634;9635;96 36	9763;9764;97 65
EAQIIVS SQR	10	1129.609	F1R7N8;A5X6 X6;G1K2X0;Q7 ZZ46	ttna;ttnb		2	2.9E-186	243.03	2.65E+09	326	332;140	9637;9638;96 39;9640;9641; 9642;9643;96 44;9645;9646; 9647;9648;96 49;9650;9651; 9652;9653;96 54;9655;9656; 9657;9658;96 59;9660;9661; 9662;9663;96 64;9665;9666; 9667;9668;96 69	9766;9767;97 68;9769;9770; 9771;9772;97 73;9774;9775; 9776;9777;97 78;9779;9780; 9781;9782;97 83;9784;9785; 9786;9787;97 88;9789;9790; 9791;9792;97 93;9794;9795; 9796;9797;97 98;9799;9800; 9801;9802;98 03;9804;9805; 9806;9807;98 08;9809;9810; 9811;9812;98 13;9814;9815; 9816;9817;98 18;9819;9820; 9821;9822;98 23;9824;9825; 9826;9827;98 28;9829;9830; 9831;9832;98 33;9834;9835; 9836;9837;98 38;9839;9840; 9841;9842;98 43;9844;9845; 9846;9847;98 48;9849;9850; 9851;9852 9853
EASLTS VFQGN AFDGT AR	18	1869.886	E7FBD3	apoba		2	0.018991	59.306	2383300	327	264	9670	9854;9855;98 56;9857;9858; 9859;9860;98 61;9862;9863; 9864;9865;98 66;9867;9868; 9869;9870;98 71;9872;9873; 9874;9875;98 76;9877;9878;
EAVAPL GDEEW SR	13	1457.679	X1WHB9	zgc:1141 81		2	9.05E-38	161.67	2.67E+08	328	469	349	

EDEGIA YR	8	951.4298	Q6DGJ6	prdx2		2	0.050547	73.616	0	329	396	9879;9880;9881;9882;9883;9884;9885;9886	9698	9887
EDEGN YTITVT NPAGE DK	18	1951.865	F1Q699;Q5BJ14;F1R617	mybpc2b		2	0.001546	59.898	86755000	330	289	9699;9700;9701;9702;9703;9704;9705;9706;9707;9708;9709;9710;9711;9712;9713;9714;9715;9716;9717;9718;9719;9720;9721;9722;9723	9724;9725	9888;9889;9890;9891;9892;9893;9894
EDFDTI AVIWD GK	13	1507.72	F1Q9N0;F1QX33;F1QFH8	apom		2	0.019986	54.259	2810800	331	296	9726;9727;9728;9729;9730		9895;9896
EDFVLN TDESVK	12	1394.657	A0A0G2KUL6;A7YYI0;Q6DRJ1;Q7T363;A9JT55	spint1a		2	3.81E-05	121.6	23285000	332	15			9897;9898;9899
EDIQPG DIVLID QFIDR	17	1985.011	B2GQM6	mtap	S-methyl-5-thioadenosine phosphorylase 2	2	0.017117	63.727	2223100	333	187			9731;9732
EEAEAL YHSK	10	1175.546	CON__P35908			0.031664	61.65	27202000	334	231	355			9901
EEAIDA LLVK	10	1099.613	F1R9S0	cecr1a		2	0.004357	99.136	0	335	336			9738
EEDGEI LNSLAP PETTFE QSGGLP GQEYE VK	31	3362.568	A2BDW2;F1R5T0;Q4FAI8;E9QHI1;F1QYE2;B3DJP3	tnc		3	0.00452	24.192	53198000	336	109	9739;9740;9741;9742;9743;9744;9745;9746;9747;9748;9749;9750;9751;9752;9753;9754;9755;9756;9757;9758;9759;9760		9903;9904;9905;9906;9907;9908;9909;9910;9911
EEINEL NR	8	1015.493	CON__O43790;CON__Q6NT21;CON__P78385;CON__Q14533	2	0.009608	107.59	16235000	337	215	358	9761;9762			
EEITGIP PIPTQPI GFEDA QR	21	2307.175	A2BGQ8	si:ch211-214j8.1	2;3	0.00147	42.789	47239000	338	113	359	9913;9914;9915;9916;9917;9918;9919;9920;9921		
EEITQQ VR	8	1001.514	Q7ZVY7;Q6NZS3;F1QSS4	manba		2	0.001534	143	1.12E+08	339	316	9791;9792;9793;9794;9795;9796;9797;9798;9799;9800;9801;9802;9803;9804		9922;9923;9924;9925;9926;9927;9928;9929

EEIVPL R	7	854.4862	Q6DRF3	psmb1	Proteasome subunit beta type	2	0.044718	86.086	1.15E+08	340	402	9805;9806;9807;9808;9809;9810;9811;9812;9813;9814	9930;9931
EELAYL K	7	864.4593	CON__P02533; CON__Q04695; CON__P19001	2	0.050208	79.454	28366000	341	218;232	362	9815;9816;9817;9818;9819;9820;9821		
EELAYL R	7	892.4654	CON__P08779	2	0.031726	107.74	1.66E+08	342		225	363	9933;9934;9935;9936	
EELEDV IK	8	973.4968	Q6TGV6;E9QIF2	psma5	Proteasome subunit alpha type	2	0.013859	101.64	1.83E+08	343	427	9835;9836;9837;9838;9839;9840;9841;9842;9843;9844;9845;9846;9847;9848	9937;9938
EELEDV IKDI	10	1201.608	Q6TGV6	psma5	Proteasome subunit alpha type	2	1.01E-21	169.21	1.11E+09	344	427	9849;9850;9851;9852;9853;9854;9855;9856;9857;9858;9859;9860;9861;9862;9863;9864;9865;9866;9867;9868;9869;9870;9871;9872;9873;9874;9875;9876;9877;9878;9879;9880;9881;9882;9883;9884;9885;9886;9887;9888;9889;9890;9891;9892;9893;9894;9895;9896;9897;9898;9899;9900;9901;9902;9903;9904;9905;9906;9907;9908;9909;9910;9911;9912;9913;9914;9915	9939;9940;9941;9942;9943;9944;9945;9946;9947;9948;9949;9950;9951;9952;9953;9954;9955;9956;9957;9958;9959;9960;9961;9962;9963;9964;9965;9966;9967;9968;9969;9970;9971;9972;9973;9974;9975;9976;9977;9978;9979;9980;9981;9982;9983
EELGGL PEDFLN SLEK	16	1788.878	Q6DHR6;E7EZ90;X1WHL0;X1WF90	thop1		2	4.94E-27	147.24	7.75E+08	345	244	9916;9917;9918;9919;9920;9921;9922;9923;9924;9925;9926;9927;9928;9929;9930;9931;9932;9933;9934;9935;9936;9937;9938;9939;9940;	9984;9985;9986;9987;9988;9989;9990;9991;9992;9993;9994;9995;9996;9997;9998;9999;10000;10001;10002;10003;10004;10005;10006;1

												9941;9942;99 43;9944;9945; 9946;9947;99 48;9949;9950; 9951;9952;99 53;9954;9955; 9956;9957;99 58;9959;9960; 9961;9962;99 63;9964;9965; 9966;9967;99 68;9969;9970; 9971;9972;99 73;9974;9975; 9976;9977;99 78;9979;9980; 9981;9982;99 83;9984;9985; 9986;9987;99 88;9989;9990; 9991;9992;99 93;9994;9995; 9996;9997;99 98;9999;1000 0;10001;1000 2;10003;1000 4	0007;10008;1 0009;10010;1 0011;10012;1 0013;10014;1 0015;10016;1 0017;10018;1 0019;10020;1 0021;10022;1 0023;10024;1 0025;10026;1 0027;10028;1 0029;10030;1 0031;10032;1 0033;10034;1 0035;10036;1 0037;10038;1 0039;10040;1 0041;10042;1 0043;10044;1 0045;10046;1 0047;10048;1 0049;10050;1 0051;10052;1 0053;10054;1 0055;10056;1 0057;10058;1 0059;10060;1 0061;10062;1 0063;10064;1 0065;10066;1 0067;10068;1 0069;10070
EEMISC VYVSR	11	1358.621	F1QJ77	rabgta	2	0.004339	73.248	1.55E+09	346	306	10005;10006; 10007;10008; 10009;10010; 10011;10012; 10013;10014; 10015;10016; 10017;10018; 10019;10020; 10021;10022; 10023;10024 10087;10088; 10089;10090; 10091	10071;10072; 10073;10074; 10075;10076; 10077;10078; 10079;10080; 10081;10082; 10083;10084; 10085;10086	
EEMSQL TGQNS GDVNV EINVAP GK	24	2515.186	CON__P35527	3	0.024105	18.56	25575000	347	230	368			
EENNV VEVTA MNHQG K	16	1797.832	Q5BLA5	npm3	3	0.028108	57.475	91979000	348	380	10041;10042; 10043;10044; 10045;10046; 10047;10048; 10049	10092	

EEYYEA MQAFK	11	1407.602	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5	tfa	Serotransferrin	2	6.27E-24	161.79	5.36E+08	349	211	10050;10051; 10052;10053; 10054;10055; 10056;10057; 10058;10059; 10060;10061; 10062;10063; 10064;10065; 10066;10067; 10068;10069; 10070;10071; 10072;10073; 10074;10075; 10076;10077; 10078;10079; 10080;10081; 10082;10083; 10084;10085; 10086;10087; 10088;10089; 10090;10091; 10092;10093; 10094;10095; 10096;10097	10093;10094; 10095;10096; 10097;10098; 10099;10100; 10101;10102; 10103;10104; 10105;10106; 10107;10108; 10109;10110; 10111;10112; 10113;10114; 10115;10116; 10117;10118; 10119;10120; 10121;10122; 10123;10124; 10125;10126; 10127;10128; 10129;10130; 10131;10132
EFGSHS QTPQIQ SIR	15	1713.843	Q52JI7	cryba4		2,3	0	364.34	3.13E+09	350	377	10098;10099; 10100;10101; 10102;10103; 10104;10105; 10106;10107; 10108;10109; 10110;10111; 10112;10113; 10114;10115; 10116;10117; 10118;10119; 10120;10121; 10122;10123; 10124;10125; 10126;10127; 10128;10129; 10130;10131; 10132;10133; 10134;10135; 10136;10137; 10138;10139; 10140;10141; 10142;10143; 10144;10145; 10146;10147; 10148;10149; 10150;10151; 10152;10153; 10154;10155;	10133;10134; 10135;10136; 10137;10138; 10139;10140; 10141;10142; 10143;10144; 10145;10146; 10147;10148; 10149;10150; 10151;10152; 10153;10154; 10155;10156; 10157;10158; 10159;10160; 10161;10162; 10163;10164; 10165;10166; 10167;10168; 10169;10170; 10171;10172; 10173;10174; 10175;10176; 10177;10178; 10179;10180; 10181;10182; 10183;10184; 10185;10186; 10187;10188; 10189;10190;

EFIEEA VMKPL DHK EFLIGT NPDSR	14	1684.849	A5PKS5;Q6B32 4	pts	6-pyruvoyl tetrahydrobiopteri n synthase	3	0.005343	51.546	17157000	351	133	10156;10157; 10158;10159; 10160;10161; 10162;10163; 10164;10165; 10166;10167; 10168;10169; 10170;10171; 10172;10173; 10174;10175; 10176 10177;10178	10191;10192; 10193;10194; 10195;10196; 10197;10198; 10199;10200; 10201;10202; 10203;10204; 10205;10206; 10207;10208; 10209;10210; 10211;10212 10213;10214
	11	1247.615	B2GSM4;F1QV T8	enpp6		2	0.003739	90.15	1.09E+08	352	191	10179;10180; 10181;10182; 10183;10184; 10185;10186; 10187;10188; 10189;10190; 10191;10192; 10193;10194; 10195;10196; 10197;10198; 10199;10200; 10201;10202; 10203;10204; 10205;10206 10207;10208; 10209;10210; 10211;10212; 10213;10214; 10215;10216; 10217;10218; 10219;10220; 10221;10222; 10223;10224; 10225;10226; 10227;10228; 10229;10230; 10231;10232; 10233;10234; 10235;10236; 10237;10238; 10239;10240; 10241;10242; 10243;10244; 10245;10246; 10247;10248	10215;10216; 10217;10218; 10219;10220; 10221;10222; 10223;10224
EFLNFV NK	8	1009.523	Q803B5;A0A0 R4IAH2;F1QRP 8;E9QIJ1;E9QE G2	dnpep		2	0.001568	143.02	4.15E+08	353	35	10207;10208; 10209;10210; 10211;10212; 10213;10214; 10215;10216; 10217;10218; 10219;10220; 10221;10222; 10223;10224; 10225;10226; 10227;10228; 10229;10230; 10231;10232; 10233;10234; 10235;10236; 10237;10238 10239;10240; 10241;10242; 10243;10244; 10245;10246; 10247;10248	10225;10226; 10227;10228; 10229;10230; 10231;10232; 10233;10234; 10235;10236; 10237;10238; 10239;10240; 10241;10242; 10243;10244; 10245;10246; 10247;10248
EFNMV PFWPPI R	12	1531.765	Q6DGE4	tyrp1b		2	0.000629	88.948	1.18E+08	354	395	10237;10238 10239;10240; 10241;10242; 10243;10244; 10245;10246; 10247;10248; 10249;10250; 10251;10252; 10253;10254; 10255;10256;	10249;10250; 10251;10252; 10253;10254; 10255;10256; 10257;10258

EGIPPD QQR	9	1038.509	B0R193;Q3B7P 7;Q7SXA3;Q7Z U62;Q6TLG3;F 1Q8K7;B3DLH 2;B0R189;Q7Z U63;F1QHN6;A 0JPF1;A0A0N4 SUD2;Q6IS68	ubb;uba5 2;rps27a; si:ch211- 202a12.4; ubc	2	5.47E-22	157.58	2.64E+10	355	28	378	10257;10258; 10259;10260; 10261;10262; 10263;10264; 10265;10266; 10267;10268; 10269;10270; 10271;10272; 10273;10274; 10275 10259;10260; 10261;10262; 10263;10264; 10265;10266; 10267;10268; 10269;10270; 10271;10272; 10273;10274; 10275;10276; 10277;10278; 10279;10280; 10281;10282; 10283;10284; 10285;10286; 10287;10288; 10289;10290; 10291;10292; 10293;10294; 10295;10296; 10297;10298; 10299;10300; 10301;10302; 10303;10304; 10305;10306; 10307;10308; 10309;10310; 10311;10312; 10313;10314; 10315;10316; 10317;10318; 10319;10320; 10321;10322; 10323;10324; 10325;10326; 10327;10328; 10329;10330; 10331;10332; 10333;10334; 10335;10336; 10337;10338; 10339;10340; 10341;10342; 10343;10344;
---------------	---	----------	--	--	---	----------	--------	----------	-----	----	-----	---



10345;10346;  
10347;10348;  
10349;10350;  
10351;10352;  
10353;10354;  
10355;10356;  
10357;10358;  
10359;10360;  
10361;10362;  
10363;10364;  
10365;10366;  
10367;10368;  
10369;10370;  
10371;10372;  
10373;10374;  
10375;10376;  
10377;10378;  
10379;10380;  
10381;10382;  
10383;10384;  
10385;10386;  
10387;10388;  
10389;10390;  
10391;10392;  
10393;10394;  
10395;10396;  
10397;10398;  
10399;10400;  
10401;10402;  
10403;10404;  
10405;10406;  
10407;10408;  
10409;10410;  
10411;10412;  
10413;10414;  
10415;10416;  
10417;10418;  
10419;10420;  
10421;10422;  
10423;10424;  
10425;10426;  
10427;10428;  
10429;10430;  
10431;10432;  
10433;10434;  
10435;10436;  
10437;10438;  
10439;10440;  
10441;10442;  
10443;10444;  
10445;10446;  
10447;10448;  
10449;10450;

10451;10452;  
10453;10454;  
10455;10456;  
10457;10458;  
10459;10460;  
10461;10462;  
10463;10464;  
10465;10466;  
10467;10468;  
10469;10470;  
10471;10472;  
10473;10474;  
10475;10476;  
10477;10478;  
10479;10480;  
10481;10482;  
10483;10484;  
10485;10486;  
10487;10488;  
10489;10490;  
10491;10492;  
10493;10494;  
10495;10496;  
10497;10498;  
10499;10500;  
10501;10502;  
10503;10504;  
10505;10506;  
10507;10508;  
10509;10510;  
10511;10512;  
10513;10514;  
10515;10516;  
10517;10518;  
10519;10520;  
10521;10522;  
10523;10524;  
10525;10526;  
10527;10528;  
10529;10530;  
10531;10532;  
10533;10534;  
10535;10536;  
10537;10538;  
10539;10540;  
10541;10542;  
10543;10544;  
10545;10546;  
10547;10548;  
10549;10550;  
10551;10552;  
10553;10554;  
10555;10556;

10557;10558;  
10559;10560;  
10561;10562;  
10563;10564;  
10565;10566;  
10567;10568;  
10569;10570;  
10571;10572;  
10573;10574;  
10575;10576;  
10577;10578;  
10579;10580;  
10581;10582;  
10583;10584;  
10585;10586;  
10587;10588;  
10589;10590;  
10591;10592;  
10593;10594;  
10595;10596;  
10597;10598;  
10599;10600;  
10601;10602;  
10603;10604;  
10605;10606;  
10607;10608;  
10609;10610;  
10611;10612;  
10613;10614;  
10615;10616;  
10617;10618;  
10619;10620;  
10621;10622;  
10623;10624;  
10625;10626;  
10627;10628;  
10629;10630;  
10631;10632;  
10633;10634;  
10635;10636;  
10637;10638;  
10639;10640;  
10641;10642;  
10643;10644;  
10645;10646;  
10647;10648;  
10649;10650;  
10651;10652;  
10653;10654;  
10655;10656;  
10657;10658;  
10659;10660;  
10661;10662;

10663;10664;  
10665;10666;  
10667;10668;  
10669;10670;  
10671;10672;  
10673;10674;  
10675;10676;  
10677;10678;  
10679;10680;  
10681;10682;  
10683;10684;  
10685;10686;  
10687;10688;  
10689;10690;  
10691;10692;  
10693;10694;  
10695;10696;  
10697;10698;  
10699;10700;  
10701;10702;  
10703;10704;  
10705;10706;  
10707;10708;  
10709;10710;  
10711;10712;  
10713;10714;  
10715;10716;  
10717;10718;  
10719;10720;  
10721;10722;  
10723;10724;  
10725;10726;  
10727;10728;  
10729;10730;  
10731;10732;  
10733;10734;  
10735;10736;  
10737;10738;  
10739;10740;  
10741;10742;  
10743;10744;  
10745;10746;  
10747;10748;  
10749;10750;  
10751;10752;  
10753;10754;  
10755;10756;  
10757;10758;  
10759;10760;  
10761;10762;  
10763;10764;  
10765;10766;  
10767;10768;

10769;10770;  
10771;10772;  
10773;10774;  
10775;10776;  
10777;10778;  
10779;10780;  
10781;10782;  
10783;10784;  
10785;10786;  
10787;10788;  
10789;10790;  
10791;10792;  
10793;10794;  
10795;10796;  
10797;10798;  
10799;10800;  
10801;10802;  
10803;10804;  
10805;10806;  
10807;10808;  
10809;10810;  
10811;10812;  
10813;10814;  
10815;10816;  
10817;10818;  
10819;10820;  
10821;10822;  
10823;10824;  
10825;10826;  
10827;10828;  
10829;10830;  
10831;10832;  
10833;10834;  
10835;10836;  
10837;10838;  
10839;10840;  
10841;10842;  
10843;10844;  
10845;10846;  
10847;10848;  
10849;10850;  
10851;10852;  
10853;10854;  
10855;10856;  
10857;10858;  
10859;10860;  
10861;10862;  
10863;10864;  
10865;10866;  
10867;10868;  
10869;10870;  
10871;10872;  
10873;10874;

EGLLGL IEPINSR	13	1409.788	F1QNK8;A0A0 R4IB72	hyi	Hydroxypyruvate isomerase	2	5.73E-09	128.03	2.02E+08	356	39	10875;10876; 10877;10878; 10879;10880; 10881;10882; 10883;10884; 10885;10886; 10887;10888; 10889;10890; 10891;10892; 10893;10894; 10895;10896; 10897;10898; 10899;10900; 10901;10902; 10903;10904; 10905;10906; 10907;10908; 10909;10910; 10911;10912; 10913;10914; 10915;10916; 10917;10918; 10919;10920; 10921;10922; 10923;10924; 10925;10926; 10927;10928; 10929;10930; 10931;10932; 10933;10934 10400;10401; 10402;10403; 10404;10405; 10406;10407; 10408;10409; 10410;10411; 10412;10413; 10414;10415; 10416;10417; 10418;10419; 10420;10421; 10422;10423; 10424;10425; 10426;10427; 10428;10429; 10430;10431; 10432;10433; 10434;10435; 10436;10437; 10438;10439; 10440;10441; 10442;10443; 10444;10445;	10935;10936; 10937;10938; 10939;10940; 10941;10942; 10943;10944; 10945;10946; 10947;10948; 10949;10950; 10951;10952; 10953;10954; 10955;10956; 10957;10958; 10959;10960; 10961;10962; 10963;10964; 10965;10966; 10967;10968; 10969;10970; 10971;10972; 10973;10974; 10975;10976; 10977;10978; 10979;10980;
-------------------	----	----------	-----------------------	-----	------------------------------	---	----------	--------	----------	-----	----	---	--

EGNGE 11 1219.583  
AFIDIR

2 0.00055 113.74 6.97E+09 357 461

10446;10447; 10981;10982;  
10448;10449; 10983;10984;  
10450;10451; 10985;10986;  
10452;10453; 10987;10988;  
10454;10455; 10989;10990;  
10456;10457; 10991;10992;  
10458;10459; 10993;10994;  
10460;10461; 10995;10996  
10462;10463;  
10464;10465;  
10466;10467;  
10468;10469;  
10470;10471;  
10472;10473;  
10474;10475;  
10476;10477;  
10478;10479;  
10480;10481;  
10482;10483;  
10484;10485;  
10486;10487;  
10488;10489;  
10490;10491;  
10492;10493;  
10494;10495;  
10496  
10497;10498; 10997;10998;  
10499;10500; 10999;11000;  
10501;10502; 11001;11002;  
10503;10504; 11003;11004;  
10505;10506; 11005;11006;  
10507;10508; 11007;11008;  
10509;10510; 11009;11010;  
10511;10512; 11011;11012;  
10513;10514; 11013;11014;  
10515;10516; 11015;11016;  
10517;10518; 11017;11018;  
10519;10520; 11019;11020;  
10521;10522; 11021;11022;  
10523;10524; 11023;11024;  
10525;10526; 11025;11026;  
10527;10528; 11027;11028;  
10529;10530; 11029;11030;  
10531;10532; 11031;11032;  
10533;10534; 11033;11034;  
10535;10536; 11035;11036;  
10537;10538; 11037;11038;  
10539;10540 11039;11040;  
11041;11042;  
11043;11044;  
11045;11046;  
11047;11048;  
11049;11050

EGNGT VMGAE LR	12	1232.582	E9QCD6;Q6TNS5;E9QG86;Q1JPY2;Q5U3D1;Q3B730;E9QF73;Q4QRD2;F1Q6V0;Q5XJC3;B0R0F7;Q9PTR0;E9QC87;Q9IB40;Q9I8U7;Q5XJ62;E9QB41;F1QWU4;A7MCF2;Q7ZUB0;A0AUS2;A4QN91;A0A0R4ITP1;Q6P0G6	zgc:153867;MLC3SM;myl4;cmlc1;myl6;myl3;myl13;zgc:163073;myl1	2	0.020037	51.092	12784000	358	175;415	381	11051	
EGTGTE LPMIGD K	13	1346.639	Q7ZVW2;F1RCG7;Q6IQ94;F8W2D1	fkbp4	2	0.000595	90.05	27731000	359	341	10547;10548;10549;10550;10551;10552;10553;10554	11052	
EGYVL GLDR	9	1020.524	E7FE90	fetub	2	0.004103	103.56	87444000	360	269	10555;10556;10557;10558;10559;10560;10561;10562;10563;10564;10565;10566;10567	11053;11054;11055;11056	
EHISEFT SEANK	12	1390.637	E7FE19;A0A0R4IMW7;A0A0R4IRJ5	cnp	2	0.002743	78.655	15947000	361	268	10568;10569;10570;10571	11057;11058	
EIANSP AGVYR	11	1175.594	E7FCV8;A3KNX1	col6a2	2	2.18E-11	140.14	3.25E+08	362	267	10572;10573;10574;10575;10576;10577;10578;10579;10580;10581;10582;10583;10584;10585;10586;10587;10588;10589;10590;10591;10592;10593;10594;10595;10596;10597;10598;10599;10600	11059;11060;11061;11062;11063;11064;11065;11066;11067;11068;11069;11070;11071;11072;11073;11074;11075;11076;11077;11078	
EIASDP VEK	9	986.492	B3DKJ1;Q6PYX2;Q5NJJ5;Q5NJJ4;A0A0B5JF83;Q5NJJ1;Q5NJJ2;Q5CZQ6	matn4	2	0.005829	99.136	78372000	363	201	10601;10602;10603;10604	11079	
EIENMI QDQTSE AEIVQA VEK	21	2403.148	Q8UVZ4;Q6PH48;Q6P3G7;B8JI17;F1QMF5;E7	psap	2;3	3.1E-105	226.65	9.3E+08	364	209	10605;10606;10607;10608;10609;10610;10611;10612;	11080;11081;11082;11083;11084;11085;11086;11087;	



FCT1;Q9DG82;  
A0A140LGJ7

10613;10614; 11088;11089;  
10615;10616; 11090;11091;  
10617;10618; 11092;11093;  
10619;10620; 11094;11095;  
10621;10622; 11096;11097;  
10623;10624; 11098;11099;  
10625;10626; 11100;11101;  
10627;10628; 11102;11103;  
10629;10630; 11104;11105;  
10631;10632; 11106;11107;  
10633;10634; 11108;11109;  
10635;10636; 11110;11111;  
10637;10638; 11112;11113;  
10639;10640; 11114;11115;  
10641;10642; 11116;11117;  
10643;10644; 11118;11119;  
10645;10646; 11120;11121;  
10647;10648; 11122;11123;  
10649;10650; 11124;11125;  
10651;10652; 11126;11127;  
10653;10654; 11128;11129;  
10655;10656; 11130;11131;  
10657;10658; 11132;11133;  
10659;10660; 11134;11135;  
10661;10662; 11136;11137;  
10663;10664; 11138;11139;  
10665;10666; 11140;11141;  
10667;10668; 11142;11143;  
10669;10670; 11144;11145;  
10671;10672; 11146;11147;  
10673;10674; 11148;11149;  
10675;10676; 11150;11151;  
10677;10678; 11152;11153;  
10679;10680; 11154;11155;  
10681;10682; 11156;11157;  
10683;10684; 11158;11159;  
10685;10686; 11160;11161;  
10687;10688; 11162;11163;  
10689;10690; 11164;11165;  
10691;10692; 11166;11167;  
10693;10694; 11168;11169;  
10695;10696; 11170;11171;  
10697;10698; 11172;11173;  
10699;10700; 11174;11175;  
10701;10702; 11176;11177;  
10703;10704; 11178;11179;  
10705;10706; 11180;11181;  
10707;10708; 11182;11183;  
10709;10710; 11184;11185;  
10711;10712; 11186;11187;  
10713;10714; 11188;11189;  
10715;10716; 11190;11191;  
11192;11193

EIETYH NLLEGG QEDFES SGAGK	23	2509.125	CON__P35527		2;3	1.8E-289	298.93	5.28E+08	365	230	388	10717;10718; 10719;10720 11194;11195; 11196;11197; 11198;11199; 11200;11201; 11202;11203; 11204;11205; 11206;11207; 11208;11209; 11210;11211; 11212;11213; 11214;11215; 11216;11217; 11218;11219; 11220;11221; 11222;11223; 11224;11225; 11226;11227	
EIFPAA TDSR	10	1105.54	Q7ZVV2;Q6NY R6;F1QZ04;A0 A0R4IW78	acy1	Aminoacylase-1	2	0.020349	76.1	1.72E+08	366	97	10751;10752; 10753;10754; 10755;10756; 10757;10758; 10759;10760; 10761;10762; 10763;10764; 10765;10766; 10767;10768; 10769;10770; 10771	11228;11229; 11230;11231
EIITSGT PSDAAI QR	15	1557.8	Q5TZ29	apobb.1		2	8.59E-48	196.11	2.13E+08	367	385	10772;10773; 10774;10775; 10776;10777; 10778;10779; 10780;10781; 10782;10783; 10784;10785; 10786;10787; 10788;10789; 10790;10791; 10792;10793	11232;11233; 11234;11235; 11236;11237; 11238;11239; 11240;11241; 11242;11243; 11244;11245; 11246;11247; 11248;11249; 11250;11251; 11252
EILDSFS PDTQVF K EKIPPN WEETK	14	1624.799	A0A0R4IFY7;A 0A0R4IIV2	2	0.008421	63.408	9014200	368	51	391	10794;10795		
	11	1369.688	A0A0R4IKF0		2;3	5.15E-46	130.56	1.24E+09	369	68	392	11255;11256; 11257;11258; 11259;11260; 11261;11262; 11263;11264; 11265;11266; 11267;11268; 11269;11270; 11271;11272;	

ELDEIS LWPLPQ K	13	1566.829	A2BHD8;F1QU U0;A0A0R4IQ N2;A3KNW3	hexb	Beta- hexosaminidase	2	7.5E-30	155.06	5.86E+08	370	115	11273;11274; 11275;11276; 11277;11278; 11279;11280; 11281;11282; 11283;11284; 11285;11286; 11287;11288; 11289;11290; 11291;11292; 11293;11294; 11295;11296; 11297;11298; 11299;11300; 11301;11302; 11303;11304; 11305;11306; 11307;11308; 11309;11310; 11311;11312; 11313;11314; 11315;11316; 11317;11318; 11319;11320; 11321 10954;10955; 10956;10957; 10958;10959; 10960;10961; 10962;10963; 10964;10965; 10966;10967; 10968;10969; 10970;10971; 10972;10973; 10974;10975; 10976;10977; 10978;10979; 10980;10981; 10982;10983; 10984;10985; 10986;10987; 10988;10989; 10990;10991; 10992;10993; 10994;10995; 10996;10997; 10998;10999; 11000;11001; 11002;11003; 11004;11005; 11006;11007; 11008;11009;	11322;11323; 11324;11325; 11326;11327; 11328;11329; 11330;11331; 11332;11333; 11334;11335; 11336;11337; 11338;11339; 11340;11341; 11342;11343; 11344;11345; 11346;11347; 11348;11349; 11350;11351; 11352;11353; 11354;11355; 11356;11357; 11358;11359; 11360;11361; 11362;11363; 11364;11365; 11366;11367; 11368;11369; 11370;11371; 11372;11373; 11374;11375; 11376;11377;
-----------------------	----	----------	---	------	-------------------------	---	---------	--------	----------	-----	-----	---	--

												11010;11011; 11012;11013; 11014;11015; 11016;11017; 11018;11019; 11020;11021; 11022;11023; 11024;11025; 11026;11027; 11028;11029; 11030;11031; 11032;11033; 11034;11035; 11036;11037; 11038;11039; 11040;11041; 11042;11043; 11044;11045; 11046;11047; 11048;11049; 11050;11051; 11052;11053; 11054;11055; 11056;11057; 11058;11059; 11060;11061; 11062;11063; 11064;11065; 11066;11067; 11068;11069; 11070;11071; 11072;11073; 11074;11075; 11076;11077; 11078;11079; 11080;11081; 11082;11083; 11084;11085; 11086;11087; 11088	11378;11379; 11380;11381; 11382;11383; 11384;11385; 11386;11387; 11388;11389; 11390;11391; 11392;11393; 11394;11395; 11396;11397; 11398;11399; 11400;11401; 11402;11403; 11404;11405; 11406;11407; 11408;11409; 11410;11411; 11412;11413; 11414;11415; 11416;11417; 11418;11419; 11420;11421; 11422;11423; 11424;11425; 11426;11427; 11428;11429; 11430;11431; 11432;11433; 11434;11435; 11436;11437; 11438;11439; 11440;11441; 11442;11443; 11444
ELEAGG LSGDNL EK	14	1430.689	Q0IJ39;A8DZE 4;Q8QFU1	gpib	Glucose-6- phosphate isomerase	2	0.000318	100.55	21892000	371	151	11089;11090; 11091;11092; 11093;11094; 11095;11096 11447;11448; 11449;11450; 11451;11452; 11453;11454; 11455;11456; 11457;11458	11445;11446
ELEESIC R	8	1021.475	Q5SPJ1;Q24JW 6;Q6P5I9;Q502 P5;Q5SPJ4;X1 WF94	serpina11; serpina1	2	0.006608	112.17	7.65E+08	372	367; 418	395	11112;11113; 11114;11115; 11116;11117;	11459;11460; 11461;11462; 11463;11464;
ELEIIQR	7	899.5076	F1QJH7;Q4QR C8;F1Q845;F1R BT4;Q5BKW6	c6ast4;c6 ast3	Metalloendopeptid ase	2	0.006624	148.28	2.1E+09	373	294;340		

ELESEV EAEQR	11	1317.605	B8A568;B8A56 1;B3DJM6;Q50 8P7;A2BGX6;E 7FAD0;F1Q5K 4;Q6IQX1;Q90 ZE5;Q7T1B8;Q 7T1B7;X1WF8 7;F1QVX3 X1WF98	myhz1.1; myhz1.2; myhc4;m yhz2;myh b	2	0.008067	78.939	20304000	374	200; 322	397	11511	11118;11119; 11120;11121; 11122;11123; 11124;11125; 11126;11127; 11128;11129; 11130;11131; 11132;11133; 11134;11135; 11136;11137; 11138;11139; 11140;11141; 11142;11143; 11144;11145; 11146;11147 11465;11466; 11467;11468; 11469;11470; 11471;11472; 11473;11474; 11475;11476; 11477;11478; 11479;11480; 11481;11482; 11483;11484; 11485;11486; 11487;11488; 11489;11490; 11491;11492; 11493;11494; 11495;11496; 11497;11498; 11499;11500; 11501;11502; 11503;11504; 11505;11506; 11507;11508; 11509;11510
ELEVDG DVTSR	11	1218.573	X1WF98	col12a1a	2	5.43E-31	173.37	8.93E+08	375	468	11150;11151; 11152;11153; 11154;11155; 11156;11157; 11158;11159; 11160;11161; 11162;11163; 11164;11165; 11166;11167; 11168;11169; 11170;11171 11512;11513; 11514;11515; 11516;11517; 11518;11519; 11520;11521; 11522;11523; 11524;11525; 11526;11527; 11528;11529; 11530;11531; 11532;11533; 11534;11535; 11536;11537; 11538;11539; 11540;11541; 11542;11543; 11544;11545; 11546;11547; 11548;11549; 11550;11551; 11552;11553;		

ELFDPV ISDR	10	1189.598	Q7T306;A8E5L 0;A0A0R4IA56	ckmb		2	0.00035	110.41	5.25E+08	376	32	11172;11173; 11174;11175; 11176;11177; 11178;11179; 11180;11181; 11182;11183; 11184;11185; 11186;11187; 11188;11189; 11190;11191; 11192;11193; 11194;11195; 11196;11197; 11198;11199; 11200;11201; 11202;11203; 11204;11205; 11206;11207; 11208	11554;11555; 11556 11557;11558; 11559;11560; 11561;11562; 11563;11564; 11565;11566; 11567;11568; 11569;11570; 11571;11572; 11573;11574; 11575;11576; 11577;11578; 11579
ELGDH VTNLR	10	1152.589	Q9DDT0	fth1a	Ferritin	2	1.01E-76	211.56	1.16E+09	377	457	11209;11210; 11211;11212; 11213;11214; 11215;11216; 11217;11218; 11219;11220; 11221;11222; 11223;11224; 11225;11226; 11227;11228; 11229;11230; 11231;11232; 11233;11234; 11235	11580;11581; 11582;11583; 11584;11585; 11586;11587; 11588;11589; 11590;11591; 11592;11593; 11594;11595; 11596;11597; 11598
ELGGEV SDEK	10	1061.488	B2GTW6;B2GT 34	cs	Citrate synthase	2	1.44E-11	146.69	1.59E+08	378	192	11236;11237; 11238;11239; 11240;11241; 11242;11243; 11244;11245; 11246	11599;11600; 11601;11602; 11603;11604; 11605;11606; 11607;11608; 11609;11610; 11611;11612; 11613;11614; 11615;11616 11617
ELGSSA HGLGL R	12	1195.631				2	0.001369	90.64	24830000	379	463	11247	
ELIDL LDR	9	1084.613	O42271;B8A51 6	tuba1b		2	1.91E-82	212.58	4.18E+09	380	206	11248;11249; 11250;11251; 11252;11253; 11254;11255; 11256;11257; 11258;11259;	11618;11619; 11620;11621; 11622;11623; 11624;11625; 11626;11627; 11628;11629;

ELLDPV	10	1197.624	Q8AY63;Q7ZU	ckbb	2	1.45E-28	153.24	1.05E+09	381	437
IEDR			04;R4GEP9;F6							
			NIF4							

11260;11261; 11630;11631;  
 11262;11263; 11632;11633;  
 11264;11265; 11634;11635;  
 11266;11267; 11636;11637;  
 11268;11269; 11638;11639;  
 11270;11271; 11640;11641;  
 11272;11273; 11642;11643;  
 11274;11275; 11644;11645;  
 11276;11277; 11646;11647;  
 11278;11279; 11648;11649;  
 11280;11281; 11650;11651;  
 11282;11283; 11652;11653;  
 11284;11285; 11654;11655;  
 11286;11287; 11656;11657;  
 11288;11289; 11658;11659;  
 11290;11291; 11660;11661;  
 11292;11293; 11662;11663;  
 11294;11295; 11664;11665;  
 11296;11297; 11666;11667;  
 11298;11299; 11668;11669;  
 11300;11301; 11670;11671;  
 11302;11303; 11672;11673;  
 11304;11305; 11674;11675;  
 11306;11307; 11676;11677;  
 11308;11309; 11678;11679;  
 11310;11311; 11680;11681;  
 11312;11313; 11682;11683;  
 11314;11315; 11684;11685;  
 11316;11317; 11686;11687;  
 11318;11319;  
 11320;11321;  
 11322;11323;  
 11324;11325;  
 11326;11327;  
 11328;11329;  
 11330;11331;  
 11332;11333;  
 11334;11335;  
 11336;11337;  
 11338;11339;  
 11340;11341;  
 11342;11343;  
 11344;11345;  
 11346;11347;  
 11348;11349;  
 11350;11351  
 11352;11353; 11688;11689;  
 11354;11355; 11690;11691;  
 11356;11357; 11692;11693;  
 11358;11359; 11694;11695;  
 11360;11361; 11696;11697;  
 11362;11363; 11698;11699;  
 11364;11365; 11700;11701;

												11366;11367; 11368;11369; 11370;11371; 11372;11373; 11374;11375; 11376;11377; 11378;11379; 11380;11381; 11382;11383; 11384	11702;11703; 11704;11705; 11706;11707; 11708;11709; 11710;11711; 11712;11713; 11714;11715; 11716;11717; 11718;11719; 11720;11721; 11722;11723; 11724;11725; 11726;11727; 11728;11729; 11730;11731; 11732;11733; 11734;11735; 11736;11737; 11738;11739; 11740;11741; 11742;11743; 11744
ELLEAY EAEGK	11	1250.603	Q803B7;Q6P00 6	chia.2		2	5.46E-07	129.85	7.8E+08	382	414	11385;11386; 11387;11388; 11389;11390; 11391;11392; 11393;11394; 11395;11396; 11397;11398; 11399;11400; 11401;11402; 11403;11404; 11405;11406; 11407;11408; 11409;11410; 11411;11412; 11413;11414	11745;11746; 11747;11748; 11749;11750; 11751;11752; 11753;11754; 11755;11756; 11757;11758; 11759;11760; 11761;11762; 11763;11764; 11765;11766; 11767;11768
ELLGAL DEGR	10	1071.556	E9QFU8;E9QC Q6;F1QLF8;Q6 DG83	beat2	Branched-chain- amino-acid aminotransferase	2	0.002192	96.668	3.94E+08	383	283	11415;11416; 11417;11418; 11419;11420; 11421;11422; 11423;11424; 11425;11426; 11427;11428; 11429;11430; 11431	11769;11770; 11771;11772; 11773;11774; 11775
ELLSAE LGDIFG K	13	1390.734	Q6XG62	icn	Protein S100	2	4.98E-57	179.57	1.08E+09	384	430	11432;11433; 11434;11435; 11436;11437; 11438;11439; 11440;11441; 11442;11443; 11444;11445;	11776;11777; 11778;11779; 11780;11781; 11782;11783; 11784;11785; 11786;11787; 11788;11789;



ELLTAE MSDVF GK	13	1438.701	A3FKT8	icn2	Protein S100	2	0.023655	54.471	4952600	385	123	11446;11447; 11448;11449; 11450;11451; 11452;11453; 11454;11455; 11456;11457; 11458;11459; 11460;11461; 11462;11463; 11464;11465; 11466;11467; 11468;11469; 11470;11471; 11472;11473; 11474;11475; 11476;11477; 11478;11479; 11480;11481; 11482;11483; 11484;11485; 11486;11487; 11488;11489; 11490;11491; 11492;11493; 11494;11495; 11496;11497; 11498;11499; 11500;11501; 11502;11503; 11504;11505; 11506;11507; 11508;11509; 11510;11511; 11512 11513	11790;11791; 11792;11793; 11794;11795; 11796;11797; 11798;11799; 11800;11801; 11802;11803; 11804;11805; 11806;11807; 11808;11809; 11810;11811; 11812;11813; 11814;11815; 11816;11817; 11818;11819; 11820;11821; 11822;11823; 11824;11825; 11826;11827; 11828;11829; 11830;11831; 11832;11833; 11834;11835; 11836;11837; 11838;11839; 11840;11841; 11842;11843	11844
ELMSLY NTK	9	1097.543	Q6GMH9;F1Q RY2	cpa4		2	0.001376	110.41	11499000	386	314	11514	11845	
ELPHLV ESALK	11	1234.692	Q9DFT9;F1QQ Q3;F1QPC0;Q0 P421	vtg3		3	0.018593	35.594	6160900	387	313	11515	11846;11847	
ELQASG LSGDSL EK	14	1432.705	Q8QFU2;Q7ZU 30;Q5XJ09;F1Q ZL6	gpia	Glucose-6- phosphate isomerase	2	6.07E-54	169.89	2.36E+08	388	387	11516;11517; 11518;11519; 11520;11521; 11522;11523; 11524;11525; 11526;11527; 11528;11529; 11530 11531	11848;11849; 11850;11851; 11852;11853; 11854;11855; 11856;11857; 11858;11859; 11860;11861; 11862;11863 11864	
ELQENL LR	8	1013.551	F6P849;A4FUP 1	hal	Histidine ammonia-lyase	2	0.046377	90.706	7823800	389	131	11531	11864	

ELQNN GIDLR	10	1170.599	Q503Y5;F1QS9 9;E7FGA5;A0A 140LH37;E9QJ 27	gsr		2	0.000506	108.74	2.94E+08	390	275	11532;11533; 11534;11535; 11536;11537; 11538;11539; 11540;11541; 11542;11543; 11544;11545; 11546;11547; 11548;11549; 11550;11551; 11552;11553; 11554;11555; 11556	11865;11866; 11867;11868; 11869;11870; 11871;11872; 11873;11874; 11875;11876; 11877;11878; 11879;11880; 11881;11882; 11883;11884; 11885;11886; 11887;11888; 11889;11890; 11891	
ELSDW VGSLR	10	1160.583	Q66HX7	fth1b	Ferritin	2	2.64E-13	152.34	7.31E+08	391	391	11557;11558; 11559;11560; 11561;11562; 11563;11564; 11565;11566; 11567;11568; 11569;11570; 11571;11572; 11573;11574; 11575;11576; 11577;11578; 11579;11580; 11581;11582; 11583;11584; 11585;11586; 11587;11588	11892;11893; 11894;11895; 11896;11897; 11898;11899; 11900;11901; 11902;11903; 11904;11905; 11906;11907; 11908;11909; 11910;11911; 11912;11913; 11914;11915; 11916;11917; 11918;11919; 11920;11921; 11922;11923; 11924;11925; 11926;11927; 11928;11929; 11930;11931; 11932;11933; 11934;11935	
ELTDIQ YGR	9	1093.54	E9QFU8;E9QC Q6;F1QLF8;Q6 DG83;Q6PC10; Q5RHB8	bcat2;bca t1	Branched-chain- amino-acid aminotransferase	2	0.000526	113.5	3.71E+08	392	283	11589;11590; 11591;11592; 11593;11594; 11595;11596; 11597;11598; 11599;11600; 11601;11602; 11603;11604; 11605;11606; 11607;11608; 11609	11936;11937; 11938;11939; 11940;11941; 11942;11943; 11944;11945; 11946;11947; 11948;11949; 11950;11951	
ELTELG EQVK	10	1144.598	A0A0R4IKF0			2	2.8E-13	151.97	4.56E+08	393	68	416	11952;11953; 11954;11955; 11956;11957; 11958;11959; 11960;11961; 11962;11963;	

ELTELG EQVKP HFEGIF K	18	2100.089	A0A0R4IKF0	2,3;4	9.22E-93	148.44	4.77E+08	394	68	417	11964;11965; 11966;11967; 11968;11969; 11970;11971; 11972;11973; 11974;11975; 11976;11977; 11978;11979; 11980 11981;11982; 11983;11984; 11985;11986; 11987;11988; 11989;11990; 11991;11992; 11993;11994; 11995;11996; 11997;11998; 11999;12000; 12001;12002; 12003;12004; 12005;12006; 12007;12008; 12009;12010; 12011;12012; 12013;12014; 12015;12016; 12017;12018; 12019;12020; 12021;12022; 12023;12024; 12025;12026; 12027;12028; 12029;12030; 12031;12032; 12033;12034; 12035;12036; 12037;12038; 12039;12040; 12041;12042; 12043;12044; 12045 12046;12047; 12048;12049; 12050;12051; 12052;12053; 12054;12055; 12056;12057; 12058;12059; 12060;12061; 12062;12063; 12064;12065; 12066;12067;
ELTTEI DNNIEQ ISSYK	17	1995.964	CON__P13645	2;3	0	332.41	1.61E+09	395	227	418	

12068;12069;  
12070;12071;  
12072;12073;  
12074;12075;  
12076;12077;  
12078;12079;  
12080;12081;  
12082;12083;  
12084;12085;  
12086;12087;  
12088;12089;  
12090;12091;  
12092;12093;  
12094;12095;  
12096;12097;  
12098;12099;  
12100;12101;  
12102;12103;  
12104;12105;  
12106;12107;  
12108;12109;  
12110;12111;  
12112;12113;  
12114;12115;  
12116;12117;  
12118;12119;  
12120;12121;  
12122;12123;  
12124;12125;  
12126;12127;  
12128;12129;  
12130;12131;  
12132;12133;  
12134;12135;  
12136;12137;  
12138;12139;  
12140;12141;  
12142;12143;  
12144;12145;  
12146;12147;  
12148;12149;  
12150;12151;  
12152;12153;  
12154;12155;  
12156;12157;  
12158;12159;  
12160;12161;  
12162;12163;  
12164;12165;  
12166;12167;  
12168;12169;  
12170;12171;  
12172;12173;

ELVEAY QAESA ATGRPR	17	1846.917	Q6PHU7;Q6P0 K5;F1QJL0;A0 A0R4IJ02;Q7Z V48;B7ZVM0	chia.6;zg c:65788;c hia.4	3	0.000452	59.513	20141000	396	64	419	12174;12175; 12176;12177; 12178;12179; 12180;12181; 12182;12183 12184	
ELVGV AEAVPR	11	1138.635	Q5U380;E7F9E 5	ace2		2	0.003313	92.051	1.12E+08	397	261	11870;11871; 11872;11873; 11874;11875; 11876;11877; 11878;11879; 11880;11881; 11882;11883 11884;11885; 11886;11887; 11888;11889; 11890;11891; 11892;11893; 11894;11895; 11896;11897; 11898;11899; 11900;11901; 11902;11903; 11904;11905; 11906;11907; 11908;11909; 11910;11911; 11912;11913; 11914;11915; 11916;11917; 11918;11919; 11920;11921; 11922;11923; 11924;11925; 11926;11927; 11928;11929; 11930;11931; 11932;11933; 11934;11935; 11936;11937; 11938;11939; 11940;11941; 11942;11943; 11944;11945; 11946;11947; 11948;11949; 11950;11951; 11952;11953; 11954;11955; 11956;11957;	12185;12186; 12187;12188; 12189;12190; 12191 12192;12193; 12194;12195; 12196;12197; 12198;12199; 12200;12201; 12202;12203; 12204;12205; 12206;12207; 12208;12209; 12210;12211; 12212;12213; 12214;12215; 12216;12217; 12218;12219; 12220;12221; 12222;12223; 12224;12225; 12226;12227; 12228;12229; 12230;12231; 12232;12233; 12234;12235; 12236;12237; 12238;12239; 12240;12241; 12242;12243; 12244;12245; 12246;12247; 12248;12249; 12250;12251; 12252;12253; 12254;12255; 12256;12257; 12258;12259; 12260;12261; 12262;12263; 12264;12265;
ELVTPP LDGVIL PGVTR	17	1775.019	E9QFU8;E9QC Q6;F1QLF8;Q6 DG83	bcat2	Branched-chain- amino-acid aminotransferase	2;3	1.78E-46	157.56	1.19E+09	398	283		

11958;11959; 12266;12267;  
11960;11961; 12268;12269;  
11962;11963; 12270;12271;  
11964;11965; 12272;12273;  
11966;11967; 12274;12275;  
11968;11969; 12276;12277;  
11970;11971; 12278;12279;  
11972;11973; 12280;12281;  
11974;11975; 12282;12283;  
11976;11977; 12284;12285;  
11978;11979; 12286;12287;  
11980;11981; 12288;12289;  
11982;11983; 12290;12291;  
11984;11985; 12292;12293;  
11986;11987; 12294;12295;  
11988;11989; 12296;12297;  
11990;11991; 12298;12299;  
11992;11993; 12300;12301;  
11994;11995; 12302;12303;  
11996;11997; 12304;12305;  
11998;11999; 12306;12307;  
12000;12001; 12308;12309;  
12002;12003; 12310;12311;  
12004;12005; 12312;12313;  
12006;12007; 12314;12315;  
12008;12009; 12316;12317;  
12010;12011; 12318;12319;  
12012;12013; 12320;12321;  
12014;12015; 12322;12323;  
12016;12017; 12324;12325;  
12018;12019; 12326;12327;  
12020;12021; 12328;12329;  
12022;12023; 12330;12331;  
12024;12025; 12332;12333;  
12026;12027; 12334;12335;  
12028;12029; 12336;12337;  
12030;12031; 12338;12339;  
12032;12033; 12340;12341;  
12034;12035; 12342;12343;  
12036;12037; 12344;12345;  
12038;12039; 12346;12347;  
12040;12041; 12348;12349;  
12042;12043; 12350;12351;  
12044;12045; 12352;12353;  
12046;12047; 12354;12355;  
12048;12049;  
12050;12051;  
12052;12053;  
12054;12055;  
12056;12057;  
12058;12059;  
12060;12061;  
12062;12063;

EMQAT VFDYLE K	12	1472.686	E7FBD3	apoba		2	0.000644	103.22	15119000	399	264	12064;12065; 12066;12067; 12068;12069; 12070;12071; 12072 12073;12074; 12075;12076; 12077	12356
EMSGD LESGM VAVVK	15	1550.732	Q804G3;F8W2 N0	anxa11b	Annexin	2	6.38E-06	107.06	89709000	400	351	12078;12079; 12080;12081; 12082;12083; 12084;12085; 12086;12087; 12088;12089; 12090;12091; 12092 12093;12094; 12095;12096; 12097;12098; 12099;12100; 12101;12102; 12103;12104; 12105;12106; 12107;12108; 12109	12357;12358; 12359;12360; 12361;12362
EMTEE QIK	8	1006.464	Q1LYL6	ces2	Carboxylic ester hydrolase	2	0.005921	114.78	81380000	401	364	12093;12094; 12095;12096; 12097;12098; 12099;12100; 12101;12102; 12103;12104; 12105;12106; 12107;12108; 12109	12363
ENFIAG VYK	9	1039.534	A0A0R4IGA6			2	0.008294	96.253	4.95E+08	402	52	12364;12365; 12366;12367; 12368;12369; 12370;12371; 12372;12373	
ENSFESI DLK	10	1180.561	A0JMP5	aoc1	Amine oxidase	2	0.027823	64.654	1.5E+08	403	105	12135;12136; 12137;12138; 12139;12140; 12141;12142; 12143;12144; 12145;12146; 12147;12148; 12149;12150; 12151;12152; 12153	12374;12375; 12376;12377; 12378;12379; 12380;12381; 12382;12383
EPENIP VGTNPR	12	1321.663	Q8AYE3	serpincl		2	0.000868	99.973	3.32E+08	404	454	12154;12155; 12156;12157; 12158;12159; 12160;12161; 12162;12163; 12164;12165; 12166;12167; 12168;12169; 12170;12171; 12172;12173; 12174;12175; 12176	12384;12385; 12386;12387; 12388;12389; 12390;12391; 12392;12393; 12394;12395; 12396;12397; 12398;12399; 12400;12401; 12402;12403; 12404;12405; 12406;12407;

EPIAPPS PPTPK	12	1229.666	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46	ttnb		2	0.002807	75.509	81493000	405	140	12177;12178; 12179;12180; 12181;12182; 12183;12184; 12185;12186 12187	12408;12409; 12410;12411 12412;12413
EPMLM VEGML QKR	13	1560.783	F1R6P4	mipep		2	0.007898	45.161	6928000	406	330		12414
EPNTAG LNLSQI GVK	15	1539.826	Q503Y5;F1QS9 9;E7FGA5;A0A 140LH37	gsr		2	0.003604	69.451	1.04E+08	407	275	12188;12189; 12190;12191; 12192;12193; 12194;12195; 12196;12197; 12198;12199; 12200;12201; 12202;12203; 12204;12205; 12206;12207; 12208;12209	12415;12416; 12417;12418; 12419;12420; 12421;12422; 12423;12424; 12425;12426
EPPEIQL DAK	10	1138.587	A5X6X5;F1R7 N8;F1QZQ0;A5 X6X6;G1K2X0; Q7ZZ46	ttna;ttnb		2	3.75E-05	122.52	78275000	408	332;139;14 0	12210;12211; 12212;12213; 12214;12215; 12216;12217; 12218;12219; 12220;12221	12427;12428; 12429;12430; 12431
EPVVP TLIAGL K	13	1332.802	A5X6X5;F1R7 N8	ttna		2	0.016542	57.347	28101000	409	332;139	12222;12223; 12224;12225; 12226;12227; 12228;12229; 12230;12231; 12232	12432;12433; 12434
EQFEEE QEAK	10	1265.541	Q508P8;B3DK5 0;A0MQ61;A0 A0R4INI3;A0A 0R4IVW7;Q6Y JK1;B8JLS3;B3 DJP9;E7F5L1;E 9QF07;B8A568; B8A561;B3DJ M6;B8A569;F1 R6C7;Q508P7; A2BGX6;E7FA D0;F1Q5K4;Q6 IQX1;Q802Z4; Q90ZE5	smyhc1; myh6;my h7bb;my hz1.1;my hz1.2;my hz1.3;my ha;myhc4 ;myhz2;z gc:66156	2	2.22E-11	144.5	70650000	410	200; 73	433	12435;12436; 12437;12438; 12439;12440; 12441;12442; 12443;12444	
EQGDGI IELANA LESGR	17	1770.875	Q08CQ0;Q6N WE8;Q32LS3	alas2;sb:c b283	2;3	1.75E-97	187.63	2.29E+08	411	359	434	12445;12446; 12447;12448; 12449;12450; 12451;12452; 12453;12454; 12455;12456;	



EQISEID DAVK	11	1245.609	Q504B1	sub1a	2	0.001183	117.7	2.58E+09	412	374	12457;12458; 12459;12460; 12461;12462; 12463;12464; 12465;12466; 12467;12468; 12469;12470; 12471;12472; 12473;12474; 12475;12476; 12477;12478; 12479;12480; 12481;12482; 12483;12484; 12485;12486; 12487;12488; 12489;12490 12313;12314; 12315;12316; 12317;12318; 12319;12320; 12321;12322; 12323;12324; 12325;12326; 12327;12328; 12329;12330; 12331;12332; 12333;12334; 12335;12336; 12337;12338; 12339;12340; 12341;12342; 12343;12344; 12345;12346 12491;12492; 12493;12494; 12495;12496; 12497;12498; 12499;12500; 12501;12502; 12503;12504; 12505;12506; 12507;12508; 12509;12510; 12511;12512; 12513;12514; 12515;12516; 12517;12518; 12519;12520; 12521;12522; 12523;12524; 12525;12526; 12527;12528; 12529;12530; 12531;12532; 12533;12534; 12535;12536; 12537;12538; 12539;12540; 12541;12542; 12543;12544; 12545;12546; 12547;12548 12347;12348; 12349;12350; 12351;12352; 12353;12354; 12355;12356; 12357;12358; 12359;12360;
EQISEID DAVKK	12	1401.71	Q504B1	sub1a	2;3	0.00023	97.911	3.66E+08	413	374	12347;12348; 12349;12350; 12351;12352; 12353;12354; 12355;12356; 12357;12358; 12359;12360; 12549;12550; 12551;12552; 12553;12554; 12555;12556; 12557;12558; 12559;12560;

EQMEQ QCQWR	10	1408.586	Q61QU2;F8W3 63;F8W389;F8 W3H5	cryba2a	2	4.57E-07	128.69	1.88E+08	414	406	12361;12362; 12363;12364; 12365;12366; 12367;12368; 12369;12370; 12371;12372; 12373;12374 12375;12376; 12377;12378; 12379;12380; 12381;12382; 12383;12384; 12385;12386; 12387;12388; 12389;12390; 12391;12392; 12393;12394; 12395;12396; 12397 12398;12399; 12400;12401; 12402;12403; 12404;12405 12406;12407; 12408;12409; 12410 12411;12412; 12413;12414	12561;12562; 12563 12564;12565; 12566;12567; 12568;12569; 12570;12571; 12572;12573; 12574;12575; 12576;12577; 12578;12579; 12580;12581; 12582 12583 12584;12585; 12586;12587 12588;12589
EQMSDI DDAIK	11	1263.565	Q6DGP6	sub1b	2	0.050902	64.297	56306000	415	397	12415;12416; 12417;12418; 12419;12420; 12421;12422; 12423;12424; 12425;12426; 12427;12428; 12429;12430; 12431;12432; 12433;12434; 12435;12436; 12437;12438; 12439;12440; 12441;12442 12443;12444; 12445;12446; 12447;12448; 12449;12450 12451;12452; 12453;12454; 12455;12456; 12457;12458; 12459;12460; 12461;12462;	12590;12591; 12592;12593; 12594;12595; 12596;12597; 12598;12599; 12600;12601; 12602;12603; 12604;12605; 12606;12607; 12608;12609; 12610;12611; 12612;12613; 12614;12615; 12616;12617 12618 12619;12620; 12621;12622; 12623;12624; 12625;12626; 12627;12628
EQMSDI DDAIKR	12	1419.666	Q6DGP6	sub1b	2;3	0.001177	93.058	43619000	416	397		
EQQEAI EHIDEV QNEIDR ESEPVT GIQK	18 10	2194.014 1086.556	Q6NYZ1;Q7ZU Y0;Q6TGU0;F1 R3I6 Q6JAN2;F1RB0 9;A0A0R4IDI3; Q58XP5;A2CE W3	setb;seta fn1b	3 2	0.028692 1.43E-07	30.536 133.23	14037000 2.56E+08	417 418	327 44		
ESGEAE IYPEGK	12	1307.588	E7EXE8	tnxb	2	0.001714	86.18	30326000	419	240		
ESLPAT TNAV DLDPK	17	1767.889	A2BDW2;F1R5 T0;Q4FAI8;E9 QHI1;F1QYE2; B3DJP3	tnc	2	2.25E-05	98.942	83224000	420	109		

ESSDIPL DNQK	11	1244.589	E7FBD3	apoba		2	0.000241	118.71	5.1E+08	421	264	12463;12464; 12465 12466;12467; 12468;12469; 12470;12471; 12472;12473; 12474;12475; 12476;12477; 12478;12479; 12480;12481; 12482;12483; 12484;12485; 12486;12487; 12488;12489; 12490 12629;12630; 12631;12632; 12633;12634; 12635;12636; 12637;12638; 12639;12640; 12641;12642; 12643;12644; 12645;12646; 12647;12648; 12649;12650; 12651;12652; 12653;12654; 12655;12656; 12657;12658; 12659;12660; 12661;12662; 12663;12664; 12665;12666
ESSENT EFNMA QVASV TQQETS EK	24	2673.171	F1RDP7	lxn		2;3	1.23E-10	43.791	42375000	422	345	12491;12492; 12493;12494; 12495;12496; 12497;12498; 12499;12500
ESSINA LIFTGR	12	1306.688	Q8AYE3	serpinc1		2	0.012513	62.466	29760000	423	454	12501;12502; 12503;12504; 12505;12506; 12507;12508 12674
ESTLHL VLR	9	1066.614	B0R193;Q3B7P 7;Q7SXA3;Q7Z U62;Q6TLG3;F 1Q8K7;B3DLH 2;B0R189;Q7Z U63;F1QHN6;A 0JPF1;A0A0N4 SUD2;Q6IS68	ubb;uba5 2;rps27a; si:ch211- 202a12.4; ubc	2	2.95E-43	193.86	3.56E+08	424	28	447	12675;12676; 12677;12678; 12679;12680; 12681;12682; 12683;12684; 12685;12686; 12687;12688; 12689;12690; 12691 12535;12536; 12537
ESYAIY VYK	9	1134.56	X1WHF1;X1W DH8;R4GE15;Q 05AK8;G1K2V 1;F1R4A4;F1Q AU0;E7EZA5;B 3DJF8;A7MCA 8;A7MCA7;A7 MC11;A7E2M8 ;A0A140LG54; A0A0N4STN6; X1WH60;X1W G17;X1WC20; R4GE02	si:dkey- 261m9.6; si:dkey- 261m9.19 ;zgc:1717 59;si:dke y- 108k21.1 3;zgc:173 585;si:dk ey- 108k21.1 1;LOC57 0661;zgc:	Histone H2B	2	0.045348	83.265	22732000	425	24	12535;12536; 12537

				173587;z gc:11404 6;ano9a;s i:dkey- 108k21.9; si:dkey- 108k21.2 0;si:ch21 1- 113a14.1 1										
ETALLY DEEMSS NGNK ETGLEE ADRPLL GEVK	16	1799.788	A4FUN4;A0A0 R4IZV6	anpepb		2	0.000774	78.692	8378900	426	130	12538;12539; 12540;12541	12693;12694; 12695	
					2;3		1.3E-102	190.37	3.19E+08	427	19	450		
			A0A0G2L1N0									12696;12697; 12698;12699; 12700;12701; 12702;12703; 12704;12705; 12706;12707; 12708;12709; 12710;12711; 12712;12713; 12714;12715; 12716;12717; 12718;12719; 12720		
ETISELL DILK	11	1272.718	E7F2R8	apoda.2		2	0.001351	103.55	63353000	428	248	12577;12578; 12579;12580; 12581;12582	12721;12722; 12723;12724; 12725	
ETLPAE QDLTK	12	1344.677	Q6DGX8	psma1	Proteasome subunit alpha type	2	5.48E-08	133.23	1.68E+09	429	399	12583;12584; 12585;12586; 12587;12588; 12589;12590; 12591;12592; 12593;12594; 12595;12596; 12597;12598; 12599;12600; 12601;12602; 12603;12604; 12605;12606; 12607	12726;12727; 12728;12729; 12730;12731; 12732;12733; 12734;12735; 12736;12737; 12738;12739; 12740;12741; 12742;12743; 12744;12745; 12746;12747; 12748;12749; 12750;12751; 12752;12753; 12754;12755; 12756;12757; 12758;12759; 12760;12761; 12762	
ETTDPE YSTVTG SR	14	1541.685	Q4QRJ9;E7F8 M7;F1QNK5	alpi.2		2	4.15E-33	158.05	5.23E+08	430	258	12608;12609; 12610;12611; 12612;12613; 12614;12615;	12763;12764; 12765;12766; 12767;12768; 12769;12770;	

ETTVAV QIPR	10	1112.619	Q8AYE3	serpincl	2	0.01522	82.426	3.45E+08	431	454	12616;12617; 12618;12619; 12620;12621; 12622;12623; 12624;12625; 12626;12627; 12628;12629; 12630;12631	12771;12772; 12773;12774; 12775;12776; 12777;12778; 12779;12780; 12781;12782; 12783;12784; 12785;12786; 12787;12788; 12789;12790; 12791;12792; 12793;12794; 12795;12796; 12797;12798; 12799;12800; 12801;12802; 12803;12804; 12805;12806; 12807;12808; 12809;12810; 12811;12812
EVADFT VFTK	10	1155.581	A0A0R4IUS4;E 7FIL7	flnca	2	0.010995	85.731	69568000	432	96	12632;12633; 12634;12635; 12636;12637; 12638;12639; 12640;12641; 12642;12643; 12644;12645; 12646;12647; 12648;12649; 12650;12651; 12652;12653; 12654;12655; 12656;12657; 12658;12659; 12660;12661; 12662;12663; 12664;12665; 12666	12813;12814; 12815;12816; 12817
EVASNS ELVQSS R	13	1404.685	CON__P08779		2	3.6E-178	239.36	2.35E+09	433	225	456	12818;12819; 12820;12821; 12822;12823; 12824;12825; 12826;12827; 12828;12829; 12830;12831; 12832;12833; 12834;12835; 12836;12837; 12838;12839; 12840;12841; 12842;12843; 12844;12845; 12846;12847; 12848;12849; 12850;12851; 12852;12853; 12854;12855; 12856;12857; 12858;12859;

EVATNS ELVQSG K	13	1360.683	CON_P02533; CON_Q04695	2	4.8E-157	227.94	3.02E+09	434	218;232	457	12701;12702; 12703;12704; 12705;12706; 12707; 12708;12709; 12710; 12711;12712; 12713;12714; 12715; 12716;12717; 12718;12719; 12720; 12721;12722; 12723;12724; 12725; 12726;12727; 12728;12729; 12730; 12731;12732; 12733	12860;12861; 12862;12863; 12864;12865; 12866;12867; 12868;12869; 12870;12871; 12872;12873	
EVEELI K	7	858.4699	Q7ZV77	psma4	Proteasome subunit alpha type	2	0.031411	108.24	4.22E+08	435	442	12734;12735; 12736;12737; 12738;12739; 12740;12741; 12742;12743; 12744;12745; 12746;12747; 12748;12749; 12750;12751; 12752;12753	12954;12955; 12956;12957; 12958;12959; 12960;12961; 12962;12963; 12964;12965; 12966
EVFTDA DNFGIQ FPLDM DVK	20	2300.067	Q6NY24	plscr3b		2;3	9.28E-78	162.94	3.19E+08	436	410	12754;12755; 12756;12757; 12758;12759; 12760;12761; 12762;12763; 12764;12765; 12766;12767; 12768;12769; 12770;12771; 12772;12773; 12774;12775; 12776;12777; 12778;12779; 12780;12781; 12782;12783; 12784;12785;	12967;12968; 12969;12970; 12971;12972; 12973;12974; 12975;12976; 12977;12978; 12979;12980; 12981;12982; 12983;12984; 12985;12986; 12987;12988; 12989;12990; 12991;12992; 12993;12994; 12995;12996; 12997;12998;

												12786;12787; 12788;12789; 12790;12791; 12792;12793; 12794;12795; 12796;12797; 12798;12799; 12800;12801; 12802;12803; 12804;12805; 12806;12807; 12808;12809; 12810;12811; 12812;12813; 12814;12815; 12816;12817; 12818;12819; 12820	12999;13000; 13001;13002; 13003;13004; 13005;13006; 13007;13008; 13009;13010; 13011;13012; 13013;13014; 13015;13016; 13017;13018; 13019;13020; 13021;13022; 13023;13024; 13025;13026; 13027;13028; 13029;13030; 13031;13032; 13033;13034; 13035
EVFTSS SSSSSR	12	1259.563	CON__P08779		2	1.21E-05	125.75	32126000	437	225	461	13036;13037; 13038	
EVIDGE NLDLN K	12	1357.673	A0A0K2VJT5		2	0.000758	85.666	1.79E+08	438	23	462	13039;13040; 13041;13042; 13043;13044; 13045;13046; 13047;13048; 13049;13050; 13051;13052; 13053;13054; 13055;13056	
EVIENK EEITK	11	1330.698	Q568F3;A8E7N 8	psmb4	Proteasome subunit beta type	2;3	4.96E-28	166.34	3.14E+08	439	159	12851;12852; 12853;12854; 12855;12856; 12857;12858; 12859;12860; 12861;12862; 12863;12864; 12865;12866; 12867;12868; 12869;12870; 12871;12872; 12873;12874; 12875;12876; 12877;12878; 12879;12880	13057;13058; 13059;13060; 13061;13062; 13063;13064; 13065;13066; 13067;13068; 13069;13070
EVLVV VEQLLK	11	1267.775	Q8UVZ4;Q6PH 48;Q6P3G7;B8J I17;F1QMF5;E7 FCT1;Q9DG82	psap		2	5.31E-07	156.35	5.08E+08	440	209	12881;12882; 12883;12884; 12885;12886; 12887;12888; 12889;12890; 12891;12892; 12893;12894; 12895;12896;	13071;13072; 13073;13074; 13075;13076; 13077;13078; 13079;13080; 13081;13082; 13083;13084; 13085;13086;

12897;12898; 13087;13088;  
12899;12900; 13089;13090;  
12901;12902; 13091;13092;  
12903;12904; 13093;13094;  
12905;12906; 13095;13096;  
12907;12908; 13097;13098;  
12909;12910; 13099;13100;  
12911;12912; 13101;13102;  
12913;12914; 13103;13104;  
12915;12916; 13105;13106;  
12917;12918; 13107;13108;  
12919;12920; 13109;13110;  
12921;12922; 13111;13112;  
12923;12924; 13113;13114;  
12925;12926; 13115;13116;  
12927;12928; 13117;13118;  
12929;12930; 13119;13120;  
12931;12932; 13121;13122;  
12933;12934; 13123;13124;  
12935;12936; 13125;13126;  
12937;12938; 13127;13128;  
12939;12940; 13129;13130;  
12941;12942; 13131;13132;  
12943;12944; 13133;13134;  
12945;12946; 13135;13136;  
12947;12948; 13137;13138;  
12949;12950; 13139;13140;  
12951;12952; 13141;13142;  
12953;12954; 13143;13144;  
12955;12956; 13145;13146;  
12957;12958; 13147;13148;  
12959;12960; 13149;13150;  
12961;12962; 13151  
12963;12964;  
12965;12966;  
12967;12968;  
12969;12970;  
12971;12972;  
12973;12974;  
12975;12976;  
12977;12978;  
12979;12980;  
12981;12982;  
12983;12984;  
12985;12986;  
12987;12988;  
12989;12990;  
12991;12992;  
12993;12994;  
12995;12996;  
12997;12998;  
12999;13000;  
13001;13002;



EVSIDD TSLIK	11	1218.634	A5X6X5;F1R7 N8;F1QZQ0;A5 X6X6;G1K2X0; Q7ZZ46	ttna;ttnb	2	0.009268	92.051	55157000	441	332;139;14 0	13003;13004; 13005;13006; 13007;13008; 13009;13010; 13011;13012; 13013;13014; 13015;13016; 13017;13018; 13019;13020; 13021;13022 13023;13024; 13025;13026; 13027;13028; 13029;13030; 13031;13032	13152
EVTEDS ASVTW NK	13	1464.673	F1QSR3;O5758 7;B0S6K5;A0A 0B5JFC8;A0A0 R4ITL5	tnw	2	9.51E-06	117.52	1.09E+08	442	90;2	13033;13034; 13035;13036; 13037;13038; 13039;13040; 13041;13042; 13043;13044; 13045;13046; 13047;13048; 13049;13050; 13051;13052	13153;13154; 13155;13156; 13157;13158; 13159;13160; 13161;13162; 13163;13164; 13165;13166; 13167;13168; 13169;13170
EVTENS ATVTW DGVR	15	1662.785	F1QSR3;O5758 7;B0S6K5;A0A 0B5JFC8;F1QU N5;Q503B9;A0 A0R4ITL5;B0S 6K6	tnw	2;3	0	276.95	1.4E+09	443	90;2;179	13053;13054; 13055;13056; 13057;13058; 13059;13060; 13061;13062; 13063;13064; 13065;13066; 13067;13068; 13069;13070; 13071;13072; 13073;13074; 13075;13076; 13077;13078; 13079;13080; 13081;13082; 13083;13084; 13085;13086; 13087;13088; 13089;13090; 13091;13092; 13093;13094; 13095;13096; 13097;13098; 13099;13100; 13101;13102	13171;13172; 13173;13174; 13175;13176; 13177;13178; 13179;13180; 13181;13182; 13183;13184; 13185;13186; 13187;13188; 13189;13190; 13191;13192; 13193;13194; 13195;13196; 13197;13198; 13199;13200; 13201;13202; 13203;13204; 13205;13206; 13207;13208; 13209;13210; 13211;13212; 13213;13214; 13215;13216; 13217;13218; 13219;13220; 13221;13222; 13223;13224; 13225;13226;

EVYLLE GENWS SK	13	1552.741	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9;X1W BT0;E7F8T4;X 1WC44	a2ml;si:d key- 105h12.2; si:ch211- 212c13.8	2	0.016539	57.348	3027700	444	106; 466; 467	468	13258	13227;13228; 13229;13230; 13231;13232; 13233;13234; 13235;13236; 13237;13238; 13239;13240; 13241;13242; 13243;13244; 13245;13246; 13247;13248; 13249;13250; 13251;13252; 13253;13254; 13255;13256; 13257
EWVTQ ASGVW FAK	13	1507.746	Q6NZS0;Q6PH V5	cpa5	2	0.000543	98.943	30918000	445	413	13104;13105; 13106;13107; 13108	13259;13260; 13261;13262	
EYAELQ VVK	9	1077.571	E7FE19	cnp	2	0.004941	101.41	3.77E+08	446	268	13109;13110; 13111;13112; 13113;13114; 13115;13116; 13117;13118; 13119;13120; 13121;13122; 13123;13124; 13125;13126; 13127;13128; 13129	13263;13264; 13265;13266; 13267;13268; 13269;13270; 13271;13272; 13273;13274	
EYFPME VVTK	10	1241.6	Q6DHR6;E7EZ 90	thop1	2	0.015801	81.972	2.5E+08	447	244	13130;13131; 13132;13133; 13134;13135; 13136;13137; 13138;13139; 13140;13141; 13142;13143; 13144;13145; 13146;13147; 13148;13149; 13150;13151; 13152;13153; 13154;13155; 13156;13157; 13158	13275;13276; 13277;13278; 13279;13280; 13281;13282; 13283;13284; 13285;13286; 13287;13288	
EYGCH AQTPQI QSIR	15	1773.847	Q6DGY4	cryba1b	2;3	5.48E-05	96.334	69749000	448	400	13159;13160; 13161;13162;	13289;13290; 13291;13292	

EYLPIG GLADFS K	13	1408.724	Q7SYK7	got2a	Aspartate aminotransferase	2	0.001474	80.834	1.09E+08	449	431	13163;13164; 13165 13166;13167; 13168;13169; 13170;13171; 13172;13173; 13174;13175; 13176;13177; 13178;13179; 13180;13181; 13182;13183; 13184;13185; 13186;13187; 13188;13189; 13190;13191; 13192;13193; 13194;13195 13293;13294; 13295;13296; 13297;13298; 13299;13300; 13301;13302; 13303;13304; 13305;13306; 13307;13308	
EYLPLI VGPDA YNR	14	1618.836	Q90WB4;Q90X S6;F1Q944;A0 A0R4ILU8;Q6 NUY7;F1R9R1; A0A0R4IA15	mpx		2	0.001255	84.658	20172000	450	31	13196;13197; 13198;13199; 13200;13201; 13202;13203 13309;13310; 13311;13312	
EYQEL MNTK	9	1154.528	CON_P13647			2	1.88E-06	129.65	1.95E+08	451	228	475	13313;13314; 13315;13316; 13317;13318; 13319;13320 13321;13322; 13323;13324; 13325;13326; 13327;13328; 13329;13330; 13331;13332; 13333;13334; 13335;13336; 13337;13338; 13339;13340; 13341;13342; 13343;13344 13345;13346; 13347
EYQEL MNVK	9	1152.549	Q6NY60;F1QK 60;A9JRS6;Q9P V92;F1RDG4;Q 6P3K5;Q9PUB5 ;F1R5A5;F1QV 31;CON_P025 38;CON_P042 59	krt4;si:dk ey- 222f2.1;k rt5		2	2.76E-12	164.53	7.8E+08	452	219; 222; 167; 321	476;477	
EYVLPT FEVK	10	1223.644	B8JKW4;Q7SX K0;Q3MU73;F1 R9X9;F1QX13; Q3MU74;F1QV 29;A6H8S2;F1 Q4X5	c3a.1;c3a .3;c3a.2;c 4		2	0.03634	58.433	9075200	453	210	478	
EYWMD QEGEM K	11	1444.564	Q504B1	sub1a		2	0.01239	70.056	27394000	454	374		13258;13259; 13260;13261; 13262;13263; 13264;13265; 13266;13267; 13268 13348;13349; 13350
EYWMD QEGEM KPR	14	1754.739	Q504B1	sub1a		2;3	0.000652	75.416	11128000	455	374		13269;13270; 13271 13351;13352; 13353

FAAYFQ QGDME SNGK	15	1691.725	Q0IJ39;A8DZE 4;Q8QFU1;Q8Q FU2;Q7ZU30;Q 5XJ09;F1QZL6; CON_Q3ZBD 7	gpib;gpia	Glucose-6- phosphate isomerase	2	3.01E-09	114.86	31264000	456	387;151	13272;13273; 13274;13275; 13276;13277; 13278;13279; 13280;13281; 13282;13283	13354;13355; 13356;13357; 13358
FADENF NLK	9	1096.519	Q6TNR5;Q6PC 65;Q7ZWJ9;B8 JKN7;Q499A7; B8JKN6;Q6P5J 4	ppiaa	Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase	2	0.000258	117.4	47866000	457	425	13284;13285; 13286;13287; 13288;13289; 13290	13359
FALFGD LGNENP QSLSR	17	1863.912	A0A0R4ISU4;A 0A0R4IZ62	2	3.23E-24	131.69	44522000	458	89	483	13291;1329 2;13293;13 294;13295; 13296;1329 7;13298;13 299;13300; 13301;1330 2;13303;13 304;13305; 13306;1330 7;13308;13 309		
FALSGL EMGK	10	1051.537	F1QSR3;O5758 7;B0S6K5;A0A 0B5JFC8;A0A0 R4ITL5;B0S6K 6	tnw		2	1.73E-28	140.5	1.51E+09	459	90;2;179	13310;13311; 13312;13313; 13314;13315; 13316;13317; 13318;13319; 13320;13321; 13322;13323; 13324;13325; 13326;13327; 13328;13329; 13330;13331; 13332;13333; 13334;13335; 13336;13337; 13338;13339; 13340;13341; 13342;13343; 13344;13345; 13346;13347; 13348;13349; 13350;13351; 13352;13353; 13354;13355; 13356;13357; 13358;13359; 13360;13361; 13362;13363; 13364;13365; 13366;13367; 13368;13369;	13375;13376; 13377;13378; 13379;13380; 13381;13382; 13383;13384; 13385;13386; 13387;13388; 13389;13390; 13391;13392; 13393;13394; 13395;13396; 13397;13398; 13399;13400; 13401;13402; 13403;13404; 13405;13406; 13407;13408; 13409;13410; 13411;13412; 13413;13414; 13415;13416; 13417;13418; 13419;13420; 13421;13422; 13423;13424; 13425;13426; 13427;13428; 13429;13430; 13431;13432; 13433;13434;

FANELN TYPVTA PK	14	1563.793	A2BFS9	si:ch211- 117m20.5	2	4.15E-62	160.18	3.84E+08	460	110	486	13370;13371; 13372;13373; 13374;13375; 13376;13377; 13378;13379; 13380;13381; 13382;13383; 13384;13385; 13386;13387; 13388;13389; 13390;13391; 13392;13393; 13394;13395; 13396;13397; 13398;13399; 13400;13401; 13402;13403; 13404;13405; 13406;13407; 13408;13409; 13410;13411; 13412;13413	13435;13436; 13437;13438; 13439;13440; 13441;13442; 13443;13444; 13445;13446; 13447;13448; 13449;13450; 13451;13452; 13453;13454; 13455;13456; 13457;13458; 13459;13460; 13461;13462; 13463;13464; 13465;13466; 13467;13468; 13469;13470; 13471;13472; 13473;13474; 13475;13476; 13477;13478; 13479;13480; 13481;13482; 13483;13484; 13485;13486; 13487;13488; 13489
FASFID K	7	826.4225	CON__P13647; E9QFT4;F1Q4 X3;CON__Q9D	krt5;si:dk ey- 222n6.2;z	2	0.015463	128.86	1.9E+09	461	219; 222; 231;	487	13490;13491; 13492;13493; 13494;13495; 13496;13497; 13498;13499; 13500;13501; 13502;13503; 13504;13505; 13506;13507; 13508;13509; 13510;13511; 13512;13513; 13514;13515; 13516;13517; 13518;13519; 13520;13521; 13522;13523; 13524;13525; 13526;13527; 13528;13529; 13530;13531; 13532 13533;13534; 13535;13536; 13537;13538;	

FCVGLQ R	7	865.448	CV7;CON_Q3 KNV1;CON_P 08729;A8KBU6 ;A2RV44;CON _P07744;A0A 0R4ITV7;F1QE W2;A4IG07;Q1 RLV1;Q08BF9; CON_Q9NSB 2;CON_Q6ISB 0;A7MBP7;Q6 NY60;F1QK60; A9JRS6;Q6P3K 5;Q9PUB5;F1R 5A5;F1QV31;C ON_P02538;C ON_Q8VED5; CON_P19013; CON_P04259; CON_P35908; CON_Q5XKE 5;CON_Q9R0 H5;CON_Q6N XH9;CON_Q6 IFZ6;CON_Q7 Z794;CON_Q0 1546;CON_O9 5678;A8WGN0; CON_Q9H552 Q90X19;A2BH A3;Q9PV91	gc:15884 6;si:dkey- 183i3.5;k rt4;krt8	ckma	2	0.014133	130.84	3.84E+08	462	114	228; 167; 321; 216; 163	13539;13540; 13541;13542; 13543;13544; 13545;13546; 13547;13548; 13549;13550; 13551;13552; 13553;13554; 13555;13556; 13557;13558; 13559;13560; 13561;13562; 13563;13564; 13565;13566; 13567;13568; 13569;13570; 13571;13572; 13573;13574; 13575;13576; 13577;13578; 13579;13580; 13581;13582	13497;13498; 13499;13500; 13501;13502; 13503;13504; 13505;13506; 13507;13508; 13509;13510; 13511;13512; 13513;13514; 13515;13516; 13517;13518; 13519;13520; 13521;13522 13523;13524; 13525;13526; 13527;13528; 13529;13530; 13531;13532; 13533;13534; 13535;13536; 13537;13538; 13539;13540; 13541;13542; 13543;13544;	13583;13584; 13585;13586; 13587;13588; 13589;13590; 13591;13592; 13593;13594; 13595;13596; 13597
FDFPSM R	7	898.4007	Q6P696	glo1	Lactoylglutathione lyase	2	0.006768	148.21	1.77E+09	463	421		13598;13599; 13600;13601; 13602;13603; 13604;13605; 13606;13607; 13608;13609; 13610;13611; 13612;13613; 13614;13615; 13616;13617; 13618;13619;		

											13545;13546; 13547;13548; 13549;13550; 13551;13552; 13553;13554; 13555;13556; 13557;13558; 13559;13560; 13561;13562; 13563;13564; 13565;13566; 13567;13568; 13569;13570; 13571;13572; 13573;13574; 13575;13576; 13577;13578; 13579;13580; 13581;13582; 13583;13584; 13585;13586; 13587;13588; 13589;13590; 13591;13592; 13593;13594; 13595;13596; 13597;13598; 13599;13600; 13601;13602; 13603;13604	13620;13621; 13622;13623; 13624;13625; 13626;13627; 13628;13629; 13630;13631; 13632;13633; 13634;13635; 13636;13637; 13638;13639; 13640;13641; 13642;13643; 13644;13645; 13646;13647; 13648;13649; 13650;13651; 13652;13653; 13654;13655; 13656;13657; 13658;13659; 13660;13661; 13662;13663; 13664;13665; 13666	
FDGSSQ GVVTLP SVYR	16	1710.858	F1QS73;A0A0 G2KQ10	2	0.001098	100.38	91870000	464	13	491	13605;13606; 13607;13608; 13609;13610; 13611;13612; 13613;13614; 13615;13616; 13617;13618; 13619;13620; 13621		
FDDLFA GLSSV MNTK	15	1643.787	E7FBD3	apoba		2	2.83E-17	132.59	51921000	465	264	13622;13623; 13624;13625; 13626;13627; 13628;13629; 13630;13631; 13632;13633; 13634;13635; 13636;13637; 13638;13639; 13640;13641; 13642	13671;13672; 13673;13674; 13675;13676; 13677;13678; 13679;13680; 13681;13682; 13683;13684; 13685;13686; 13687;13688; 13689;13690; 13691

FDSLLIP NEQSVL WK	15	1787.946	E7FBD3	apoba		2	0.000332	95.477	61697000	466	264	13643;13644; 13645;13646; 13647;13648; 13649;13650; 13651;13652; 13653;13654; 13655;13656; 13657;13658; 13659;13660; 13661;13662; 13663;13664; 13665;13666; 13667	13692;13693; 13694;13695; 13696;13697; 13698;13699
FDSSLI QGQNV K	13	1447.767	E7FBD3	apoba		2	4.04E-21	140.17	4.32E+08	467	264	13668;13669; 13670;13671; 13672;13673; 13674;13675; 13676;13677; 13678;13679; 13680;13681; 13682;13683; 13684;13685; 13686;13687; 13688;13689; 13690;13691; 13692;13693; 13694;13695; 13696;13697; 13698;13699; 13700;13701; 13702;13703; 13704	13700;13701; 13702;13703; 13704;13705; 13706;13707; 13708;13709; 13710;13711; 13712;13713; 13714;13715; 13716;13717; 13718;13719; 13720;13721; 13722;13723; 13724;13725; 13726;13727; 13728;13729; 13730;13731; 13732;13733; 13734;13735; 13736;13737; 13738;13739; 13740;13741; 13742;13743; 13744;13745
FDVPDA PQNVIV GNVVK	17	1824.937	A5X6X5;F1R7 N8;F1QZQ0	ttna		2	1.26E-45	153.11	74447000	468	332;139	13705;13706; 13707;13708; 13709;13710; 13711;13712; 13713;13714; 13715;13716; 13717	13746;13747; 13748;13749; 13750;13751; 13752;13753
FDVTD GINPLID R	13	1473.746	A0A0R4IH07;B 6IDE7;F1QE56; B6IDE6;A0A0R 4IWG1;D7PS91 ;A0A0R4IVT0; B6IDE8	frem2b;fr em3;frem 2a	2	0.00063	93.058	31601000	469	56	496	13754;13755; 13756;13757; 13758;13759	
FECEIEE APGVTF K	14	1641.76	A5X6X5;B0S75 8	ttna		2	0.018636	51.092	18479000	470	139	13734;13735; 13736;13737; 13738;13739; 13740;13741;	13760;13761; 13762;13763



FEDEIT ALQPQ VDK	14	1631.804	Q7SXU4;Q5PN P4	nt5e		2	0.000975	86.313	98008000	471	381	13742;13743; 13744 13745;13746; 13747;13748; 13749;13750; 13751;13752; 13753;13754; 13755;13756; 13757;13758; 13759;13760; 13761;13762; 13763;13764; 13765;13766; 13767;13768; 13769;13770 13774;13765; 13766;13767; 13768;13769; 13770;13771; 13772;13773; 13774;13775; 13776;13777; 13778;13779; 13780;13781; 13782;13783; 13784;13785; 13786
FEEILTR	7	906.4811	Q90X19;A2BH A3;Q9PV91;Q7 T306;A8E5L0; A0A0R4IA56	ckma;ck mb	2	0.031998	117.93	3.75E+08	472	114; 32	499	13787;13788; 13789;13790; 13791;13792; 13793;13794; 13795;13796; 13797;13798; 13799;13800; 13801;13802; 13803;13804; 13805;13806; 13807;13808; 13809;13810 13811;13812; 13813;13814; 13815;13816; 13817;13818; 13819;13820
FEMEGF NSLLGS HNDK	16	1823.815	A8E4Z6;A0A0 N4STQ7;A0A0 N4SU18;Q3B7 G2;A1L215;Q6 DGW1	zgc:1231 03;zgc:15 8580;26- 29kD- proteinas e	2;3	0.000313	80.522	48027000	473	25	500	13821;13822; 13823;13824; 13825;13826; 13827;13828; 13829;13830; 13831;13832; 13833;13834; 13835;13836; 13837;13838; 13839;13840; 13841;13842; 13843;13844; 13845;13846; 13847;13848; 13849;13850; 13851;13852; 13853;13854; 13855;13856; 13857;13858; 13859;13860;
FEMEQ NLR	8	1065.491	CON__P35527		2	2.45E-19	173.93	3.09E+09	474	230	501;502	13821;13822; 13823;13824; 13825;13826; 13827;13828; 13829;13830; 13831;13832; 13833;13834; 13835;13836; 13837;13838; 13839;13840; 13841;13842; 13843;13844; 13845;13846; 13847;13848; 13849;13850; 13851;13852; 13853;13854; 13855;13856; 13857;13858; 13859;13860;

13861;13862;  
13863;13864;  
13865;13866;  
13867;13868;  
13869;13870;  
13871;13872;  
13873;13874;  
13875;13876;  
13877;13878;  
13879;13880;  
13881;13882;  
13883;13884;  
13885;13886;  
13887;13888;  
13889;13890;  
13891;13892;  
13893;13894;  
13895;13896;  
13897;13898;  
13899;13900;  
13901;13902;  
13903;13904;  
13905;13906;  
13907;13908;  
13909;13910;  
13911;13912;  
13913;13914;  
13915;13916;  
13917;13918;  
13919;13920;  
13921;13922;  
13923;13924;  
13925;13926;  
13927;13928;  
13929;13930;  
13931;13932;  
13933;13934;  
13935;13936;  
13937;13938;  
13939;13940;  
13941;13942;  
13943;13944;  
13945;13946;  
13947;13948;  
13949;13950;  
13951;13952;  
13953;13954;  
13955;13956;  
13957;13958;  
13959;13960;  
13961;13962;  
13963;13964;  
13965;13966;

FETEQA LR	8	992.4927	CON_Q04695		2	1.65E-06	158.12	2.89E+08	475	232	503	13967;13968; 13969;13970; 13971;13972; 13973;13974; 13975;13976 13977;13978; 13979	
FEVEDG TTMDG RPVR FFEEVN DPMK	15	1707.789	Q2Q1W5;F1QK W3;D7PSA0	lama5		3	0.027936	49.482	29135000	476	237	13900;13901; 13902;13903; 13904	13980
	10	1254.559	Q7T2C2;F1Q8J 4;A9JT52;E9Q CR7	acadvl		2	1.7E-14	157.91	3.94E+08	477	171	13905;13906; 13907;13908; 13909;13910; 13911;13912; 13913;13914; 13915;13916; 13917;13918; 13919;13920; 13921;13922; 13923;13924; 13925;13926; 13927;13928; 13929;13930; 13931;13932; 13933;13934; 13935;13936; 13937;13938; 13939;13940; 13941;13942; 13943;13944; 13945;13946; 13947	13981;13982; 13983;13984; 13985;13986; 13987;13988; 13989;13990; 13991;13992; 13993;13994; 13995;13996; 13997;13998; 13999;14000; 14001;14002; 14003;14004; 14005;14006; 14007;14008; 14009;14010; 14011;14012; 14013;14014; 14015;14016; 14017;14018; 14019;14020; 14021;14022; 14023;14024; 14025;14026; 14027;14028; 14029;14030; 14031;14032; 14033;14034; 14035;14036; 14037;14038; 14039;14040; 14041;14042; 14043 14044
FFSEGC APGADP TSNMC K	18	1948.801	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;Q8AX64	tfa	Serotransferrin	2	0.010887	50.46	9550900	478	211	13948;13949; 13950	
FFTDSH ETIK	10	1223.582	F1QS22;Q7ZV D6;Q6IQF1	zgc:5609 5	Ferritin	2;3	0.000191	112.11	3.37E+08	479	315	13951;13952; 13953;13954; 13955;13956; 13957;13958; 13959;13960; 13961;13962;	14045;14046; 14047;14048; 14049;14050; 14051;14052; 14053;14054; 14055

FGATEF VNPk	10	1108.555	Q90XD4;Q6NX A6;A0A0R4IU R6	adh5	S- (hydroxymethyl)gl utathione dehydrogenase	2	1.63E-49	190.26	9.38E+08	480	95	13963;13964; 13965;13966; 13967;13968; 13969;13970 13971;13972; 13973;13974; 13975;13976; 13977;13978; 13979;13980; 13981;13982; 13983;13984; 13985;13986; 13987;13988; 13989;13990; 13991;13992; 13993;13994; 13995;13996; 13997;13998; 13999;14000; 14001;14002	14056;14057; 14058;14059; 14060;14061; 14062;14063; 14064;14065; 14066;14067; 14068;14069; 14070;14071; 14072;14073; 14074;14075; 14076;14077; 14078;14079; 14080;14081; 14082;14083; 14084;14085; 14086;14087; 14088;14089; 14090;14091; 14092;14093; 14094;14095; 14096;14097; 14098;14099; 14100;14101 14102;14103; 14104;14105	
FGGEA VLR	8	847.4552	Q6NXA0;B8JI1 5;A0A0R4IMX 5;A0A0R4IAX3	rpia		2	0.013033	102.71	1.37E+08	481	37	14003;14004; 14005;14006; 14007;14008; 14009;14010; 14011;14012 14106		
FGGFGG PGGVG GLGGP GGFGPG GYPGGI HEVSV NQSLQ PLNVK FGIQAQ LVTDF QK	44	4091.065	CON__P35908			6	0.051319	2.11E-11	18772	482	231	511		
FGQSGP SEPSGP VVTk FGTAIA AVPDL NLdk	16 15	1572.778 1543.825	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46 E7F2X5;A0A0 R4IJF2;E9QDD 7	ttnb itgal		2 2	0.001666 0.001678	72.496 77.062	22644000 2994100	484 485	140 66		14014;14015; 14016;14017; 14018;14019; 14020;14021; 14022;14023 14024;14025; 14026;14027 14028;14029 14111 14112;14113; 14114	

FGVITA SEFESL K	13	1426.734	Q5TZ29	apobb.1		2	0.037447	49.5	8563800	486	385	14030;14031	14115
FGVSDP SAPTPD VTTK	16	1617.789	A5X6X5;Q801 W8;F1R7N8;F1 QZQ0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2	0.000688	106.26	45845000	487	332; 139	516	14116;14117; 14118	
FGVTV DGQFLP K	12	1306.692	A8WGC0;A0A 0R4IU19	si:ch211- 93f2.1	Carboxylic ester hydrolase	2	0.00223	80.688	51494000	488	92	14040;14041; 14042;14043; 14044;14045; 14046;14047; 14048;14049; 14050 14126	14119;14120; 14121;14122; 14123;14124; 14125
FGVYDI DNK	9	1069.508	Q1RM49;Q7Z W12;Q6TEN9;F 1QNY5;A7MB S0;A0A0R4IRD 7	LOC1000 00238;cp ne1	2	0.053642	79.906	1.67E+08	489	83	518		
FHTVE MEGLT YDGK	14	1625.74	Q0V948;F1RD7 7	npm1b		2	0.000318	100.55	12257000	490	344	14068;14069	14127
FIADNV K	7	805.4334	A0A0R4IGG3; A0A0R4I9C4;E 9QBF0	tpi1b	Triosephosphate isomerase	2	0.012694	137.44	2.53E+09	491	29	14070;14071; 14072;14073; 14074;14075; 14076;14077; 14078;14079; 14080;14081; 14082;14083; 14084;14085; 14086;14087; 14088;14089; 14090;14091; 14092;14093; 14094;14095; 14096;14097	14128;14129; 14130;14131; 14132;14133; 14134;14135; 14136;14137; 14138;14139; 14140;14141; 14142;14143; 14144;14145; 14146;14147; 14148;14149; 14150;14151; 14152;14153; 14154;14155; 14156;14157; 14158;14159; 14160;14161; 14162;14163; 14164;14165; 14166;14167; 14168;14169; 14170
FILNLPS FTVR	11	1305.745	A0A0R4IWP3; Q6DHI9	psmb2	Proteasome subunit beta type	2	0.000427	115.71	1.1E+08	492	99	14098;14099; 14100;14101; 14102;14103; 14104;14105; 14106;14107; 14108;14109; 14110;14111; 14112;14113; 14114;14115; 14116;14117; 14118;14119;	14171;14172; 14173;14174; 14175;14176; 14177;14178; 14179;14180; 14181

FIQAGN ENYK	10	1182.567	E7F2E3;A0A0R 4IC71	mfi2	Serotransferrin	2	0.004604	92.439	68151000	493	42	14120;14121; 14122;14123; 14124;14125; 14126 14127;14128; 14129;14130; 14131;14132; 14133;14134; 14135;14136; 14137;14138; 14139;14140	14182;14183	
FISFEH GGQDT K	12	1364.636	B0BLX4;A3KP 76	zgc:1750 88	2;3		6.77E-94	205.13	3E+08	494	174	523	14184;14185; 14186;14187; 14188;14189; 14190;14191; 14192;14193	
FLDSSI GIGR	10	1063.566	F1R2V0	aoc2		2	9.9E-22	155.1	7.93E+08	495	326	14164;14165; 14166;14167; 14168;14169; 14170;14171; 14172;14173; 14174;14175; 14176;14177; 14178;14179; 14180;14181; 14182;14183; 14184;14185; 14186;14187; 14188;14189; 14190;14191; 14192;14193; 14194;14195; 14196;14197; 14198;14199; 14200;14201; 14202;14203; 14204;14205; 14206;14207; 14208;14209; 14210;14211; 14212;14213; 14214;14215; 14216;14217; 14218;14219	14194;14195; 14196;14197; 14198;14199; 14200;14201; 14202;14203; 14204;14205; 14206;14207; 14208;14209; 14210;14211; 14212;14213; 14214;14215; 14216;14217; 14218;14219; 14220;14221; 14222;14223; 14224;14225; 14226;14227; 14228;14229; 14230;14231; 14232;14233; 14234;14235; 14236;14237; 14238;14239; 14240;14241; 14242;14243; 14244;14245; 14246;14247; 14248;14249; 14250;14251; 14252;14253; 14254;14255	
FLEQQN QVLQT K	12	1474.778	CON_P04264; CON_P35908; CON_Q9R0H5 ;CON_Q6NX H9;CON_Q6IF	2	0		283.24	1.44E+10	496	223;231	525	14220;1422 1;14222;14 223;14224; 14225;1422 6;14227;14 228;14229;		

Z6:CON\_\_Q7Z  
794

14230;1423  
1;14232;14  
233;14234;  
14235;1423  
6;14237;14  
238;14239;  
14240;1424  
1;14242;14  
243;14244;  
14245;1424  
6;14247;14  
248;14249;  
14250;1425  
1;14252;14  
253;14254;  
14255;1425  
6;14257;14  
258;14259;  
14260;1426  
1;14262;14  
263;14264;  
14265;1426  
6;14267;14  
268;14269;  
14270;1427  
1;14272;14  
273;14274;  
14275;1427  
6;14277;14  
278;14279;  
14280;1428  
1;14282;14  
283

FLGEPE VWDQA EK	13	1546.73	Q5CZT2;Q5XI Z3;F1RD17;A0 A0R4IFB3;A8K C60;A2BIM7;A 0A0R4I9Z1	tars	2	0.001573	77.379	10358000	497	30	14284	14403;14404
FLIQEG YEDR	10	1268.604	F1RBR6;Z4YJ5 8	pter	2	4.28E-07	129.1	7.75E+08	498	338	14285;14286; 14287;14288; 14289;14290; 14291;14292; 14293;14294; 14295;14296; 14297;14298; 14299;14300; 14301;14302; 14303;14304; 14305;14306; 14307	14405;14406; 14407;14408; 14409;14410; 14411;14412; 14413;14414; 14415;14416; 14417;14418; 14419;14420; 14421;14422; 14423;14424; 14425;14426; 14427;14428; 14429;14430; 14431

FLPGYS NGAEK	11	1181.572	Q9DFT9;F1QQ Q3;F1QPC0	vtg3		2	0.001622	101.46	55726000	499	313	14308	14432;14433; 14434
FLQASE DLLK	10	1162.623	Q9PTF5;Q9IAD 3;Q7SXG5;F1R BS6	nme2b.1; nme2b.2	Nucleoside diphosphate kinase	2	4.02E-05	122.13	2.44E+08	500	339	14309;14310; 14311;14312; 14313;14314; 14315;14316; 14317;14318; 14319;14320; 14321;14322; 14323;14324; 14325;14326; 14327	14435;14436; 14437;14438; 14439;14440; 14441
FMEFQ NK	7	942.4269	Q6DHT8;E7FG K8;Q504E2;F1 R225;F1R0Z1;E 7FGI6;A8KBK3 ;A7YYB6;E7E XI4;F1R872;B7 ZVS7;A8WVK 2;A7MCB0;B3 DH93;A0A0N4 SUC5	zgc:9206 6;zgc:109 934;zgc:1 73594;L OC55881 6;BX511 021.4;zgc :173593; wu:fj24c 01;zgc:19 4125	Ferritin	1;2	2.11E-06	164.89	2.9E+09	501	277	14328;14329; 14330;14331; 14332;14333; 14334;14335; 14336;14337; 14338;14339; 14340;14341; 14342;14343; 14344;14345; 14346;14347; 14348;14349; 14350;14351; 14352;14353; 14354;14355; 14356;14357; 14358;14359; 14360;14361; 14362;14363; 14364;14365; 14366;14367; 14368;14369; 14370;14371; 14372;14373; 14374;14375; 14376;14377; 14378;14379; 14380;14381; 14382;14383; 14384;14385; 14386;14387; 14388;14389; 14390;14391; 14392;14393; 14394;14395; 14396;14397; 14398	14442;14443; 14444;14445; 14446;14447; 14448;14449; 14450;14451; 14452;14453; 14454;14455; 14456;14457; 14458;14459; 14460;14461; 14462;14463; 14464;14465; 14466;14467; 14468;14469; 14470;14471; 14472;14473; 14474;14475; 14476;14477; 14478;14479; 14480;14481; 14482;14483; 14484;14485; 14486;14487; 14488;14489; 14490;14491; 14492;14493; 14494;14495; 14496;14497; 14498;14499; 14500;14501; 14502;14503; 14504;14505; 14506;14507; 14508;14509; 14510;14511; 14512;14513; 14514;14515; 14516;14517; 14518;14519; 14520;14521; 14522;14523;



FMLELD GTENK	11	1295.607	Q6TH14;Q568 G3;E9QJI6	eno3	Enolase	2	0.01239	70.056	21962000	502	428	14399;14400; 14401;14402; 14403	14524;14525; 14526;14527; 14528;14529; 14530;14531; 14532;14533; 14534;14535; 14536;14537; 14538;14539; 14540;14541; 14542 14543
FMNQQ GFGTD YSK	13	1521.656	A2BHD8;F1QU U0;A0A0R4IQ N2;A3KNW3;F 1QTE2;A2BHD 9	hexb	Beta- hexosaminidase	2	1.5E-134	212.28	6.52E+08	503	115	14404;14405; 14406;14407; 14408;14409; 14410;14411; 14412;14413; 14414;14415; 14416;14417; 14418;14419; 14420;14421; 14422;14423; 14424;14425; 14426;14427; 14428;14429; 14430;14431; 14432;14433; 14434;14435; 14436;14437; 14438;14439; 14440;14441	14544;14545; 14546;14547; 14548;14549; 14550;14551; 14552;14553; 14554;14555; 14556;14557; 14558;14559; 14560;14561; 14562;14563; 14564;14565; 14566;14567; 14568;14569; 14570;14571; 14572;14573; 14574;14575; 14576;14577; 14578;14579; 14580;14581; 14582;14583; 14584;14585; 14586;14587; 14588;14589; 14590
FMSELN KPGAPY VLSLAN R	19	2106.093	F8W412;E7EX C4	serpinb11 4	3	0.017349	28.611	10101000	504	238	534	14591	
FNGAL DTSGLS LSVETK	17	1737.879	Q5TZ29	apobb.1		2	1.05E-06	127.02	72203000	505	385	14444;14445; 14446;14447; 14448;14449; 14450;14451; 14452;14453; 14454;14455; 14456;14457; 14458	14592;14593; 14594;14595; 14596
FNIEET VK	8	978.5022	Q5TZ29	apobb.1		1;2	0.001339	140.98	9.16E+08	506	385	14459;14460; 14461;14462; 14463;14464; 14465;14466;	14597;14598; 14599;14600; 14601;14602; 14603;14604;

FNSDLH AAAVPF R	13	1443.726	Q5TZ29	apobb.1	2;3	6.45E-93	204	5.09E+08	507	385	14467;14468; 14469;14470; 14471;14472; 14473;14474; 14475;14476; 14477;14478; 14479;14480; 14481;14482; 14483;14484; 14485;14486; 14487;14488; 14489;14490; 14491;14492; 14493 14494;14495; 14496;14497; 14498;14499; 14500;14501; 14502;14503; 14504;14505; 14506;14507; 14508;14509; 14510;14511; 14512;14513; 14514;14515; 14516;14517; 14518;14519; 14520;14521 14522;14523; 14524;14525; 14526;14527; 14528;14529; 14530 14531;14532; 14533;14534; 14535;14536; 14537;14538; 14539;14540; 14541;14542; 14543;14544; 14545;14546; 14547;14548; 14549;14550; 14551;14552; 14553;14554; 14555;14556; 14557;14558; 14559;14560; 14561;14562; 14563;14564; 14565;14566	14605;14606; 14607;14608; 14609;14610; 14611 14612;14613; 14614;14615; 14616;14617; 14618;14619; 14620;14621; 14622;14623; 14624;14625; 14626;14627; 14628;14629; 14630;14631; 14632;14633; 14634 14635;14636; 14637;14638; 14639;14640; 14641 14642;14643; 14644;14645; 14646;14647; 14648;14649; 14650;14651; 14652;14653; 14654
FNTGSG TASVIS K	13	1267.641	F1R074;A0A0R 4IJ40;B3GQ71; B3GQ72;A0A0 R4IPG9	agrn	2	3.64E-05	111.52	88866000	508	65		
FNVGDI EGALLK	12	1274.687	F1R074;A0A0R 4IJ40;B3GQ71; B3GQ72;A0A0 R4IPG9	agrn	2	0.00165	86.898	95618000	509	65		

FPEIPFE PCLPAF GK	15	1734.869	E7FBD3	apoba		2	0.000319	90.05	32904000	510	264	14567;14568; 14569;14570; 14571;14572; 14573;14574; 14575;14576; 14577;14578; 14579 14580	14655;14656; 14657;14658; 14659 14660
FPFQAS LGSDIG K	13	1365.693	E7FGD0	aifm4		2	0.00159	86.014	4054600	511	276		
FQAGIPI TVVIK	12	1284.781	A0A0B5JS86;A 2CEY7	Si:dkey- 251i10.2; si:dkey- 251i10.2	2	0.002791	75.652	1.02E+09	512	6	542	14661;14662; 14663;14664; 14665;14666; 14667;14668; 14669;14670; 14671;14672; 14673;14674; 14675;14676; 14677;14678; 14679;14680; 14681;14682; 14683;14684; 14685;14686; 14687;14688; 14689;14690; 14691;14692; 14693;14694; 14695;14696; 14697;14698; 14699;14700; 14701;14702; 14703;14704; 14705;14706; 14707;14708; 14709;14710; 14711;14712; 14713;14714; 14715;14716; 14717;14718; 14719;14720; 14721;14722; 14723;14724; 14725	
FQETFL SDTR	10	1242.588	Q7T309;F1R7D 6;X1WDY3	serpinb1 3	2	2.56E-17	162.88	9.34E+08	513	434	543	14726;14727; 14728;14729; 14730;14731; 14732;14733; 14734;14735; 14736;14737; 14738;14739; 14740;14741; 14742;14743; 14744;14745;	

FQETFL SDTRR	11	1398.689	Q7T309;F1R7D 6;X1WDY3	serpinb1 3	3	0.003159	70.808	23889000	514	434	544	14746;14747; 14748;14749; 14750;14751; 14752;14753; 14754;14755; 14756;14757; 14758;14759; 14760;14761; 14762;14763; 14764;14765; 14766;14767; 14768;14769; 14770;14771; 14772;14773; 14774 14775	
FQNPPQ SLVLK	11	1269.708	Q2Q1W5;F1QK W3;D7PSA0	lama5		2	0.02206	73.573	28346000	515	237	14749;14750; 14751;14752; 14753;14754 14755;14756; 14757;14758	14776
FQPIVD ELR	9	1115.598	B2GQG8	krt18		2	0.014511	93.374	31005000	516	186	14759;14760; 14761;14762	14777
FSDIVIG SPLEND HR	15	1697.837	E7F2X5;A0A0 R4IJF2;E9QDD 7	itga1		3	0.002739	58.885	10332000	517	66	14778;14779	
FSEVGQ TSFR	10	1156.551	E7FG81;I3IT32	col12a1b		2	2.2E-123	215.88	1.19E+09	518	274	14763;14764; 14765;14766; 14767;14768; 14769;14770; 14771;14772; 14773;14774; 14775;14776; 14777;14778; 14779;14780; 14781;14782; 14783;14784; 14785;14786; 14787;14788; 14789;14790; 14791;14792; 14793;14794; 14795;14796; 14797;14798; 14799;14800; 14801;14802; 14803;14804; 14805;14806; 14807;14808	14780;14781; 14782;14783; 14784;14785; 14786;14787; 14788;14789; 14790;14791; 14792;14793; 14794;14795; 14796;14797; 14798;14799; 14800;14801; 14802;14803; 14804;14805; 14806;14807; 14808;14809; 14810;14811; 14812;14813; 14814;14815; 14816;14817; 14818;14819; 14820;14821; 14822;14823; 14824;14825; 14826
FSIMGP NK	8	892.4477	Q6NY24	plscr3b		2	0.000401	131.3	4.78E+08	519	410	14809;14810; 14811;14812; 14813;14814; 14815;14816;	14827;14828; 14829;14830; 14831;14832; 14833;14834;

FSISATS K	8	839.4389	Q5SPJ1;Q24JW 6;Q6P519;Q502 P5;Q5SPJ4;X1 WF94	serpinal1; serpinal	2	0.003344	123.69	9.17E+09	520	367; 418	550	14817;14818; 14819;14820; 14821;14822; 14823;14824; 14825;14826; 14827 14839;14840; 14841;14842; 14843;14844; 14845;14846; 14847;14848; 14849;14850; 14851;14852; 14853;14854; 14855;14856; 14857;14858; 14859;14860; 14861;14862; 14863;14864; 14865;14866; 14867;14868; 14869;14870; 14871;14872; 14873;14874; 14875;14876; 14877;14878; 14879;14880; 14881;14882; 14883;14884 14885;14888; 14889;14890; 14891;14892; 14893;14894; 14895;14896; 14897;14898; 14899;14900; 14901	14835;14836; 14837;14838
FSISEPR	7	834.4236	A2BDW2;F1R5 T0;Q4FAI8;E9 QHI1;F1QYE2; B3DJP3;A2BD W3;Q90484	tnc	2	0.044714	85.359	1.71E+08	521	109	14885;14886		
FSMVT QTSFR	10	1202.575	X1WF98	col12a1a	2	0.025119	67.414	33328000	522	468	14887;14888; 14889		
FSPSGE WLASSS ADK	15	1567.716	Q7ZTX2;E9QE X1	wdr5	2	0.01846	55.452	62479000	523	436	14887;14888; 14889;14890; 14891;14892; 14893;14894; 14895;14896; 14897;14898; 14899;14900; 14901	14890	

FSSCGG GGGSFG AGGGF GSR	20	1751.732	CON__P04264		2	0.000899	50.843	6089000	524	223	554	14891
FSSSSG YGGGSS R	13	1234.521	CON__P35527		2	1.09E-20	149.96	90949000	525	230	555	14892;14893; 14894;14895; 14896;14897; 14898;14899; 14900;14901; 14902
FSVVEQ EK	8	964.4866	Q6TH14;Q568 G3;E9QJI6	eno3	Enolase	2	0.000753	147.16	8.4E+08	526	428	14925;14926; 14927;14928; 14929;14930; 14931;14932; 14933;14934; 14935;14936; 14937;14938; 14939;14940; 14941;14942; 14943;14944; 14945;14946; 14947;14948; 14949;14950; 14951;14952; 14953;14954; 14955;14956; 14957;14958; 14959;14960; 14961;14962; 14963;14964; 14965
FSYDAI GQNVR	11	1268.615	A0A0R4IFU5;F 1R8R9;A7E2I1	epd12		2	1.8E-153	236.21	1.23E+09	527	50	14903;14904; 14905;14906; 14907;14908; 14909;14910; 14911;14912; 14913;14914; 14915;14916; 14917;14918; 14919;14920; 14921;14922; 14923;14924; 14925;14926; 14927;14928; 14929;14930; 14931;14932; 14933;14934; 14935;14936; 14937;14938; 14939;14940; 14941;14942; 14943
FSYSTY R	7	922.4185	A0A0R4IGA6; E7F0I1	CABZ01 117575.1	5-hydroxyisourate hydrolase	2	0.001161	154.11	1.83E+08	528	52	14966;14967; 14968;14969; 14970;14971; 14972;14973; 14974;14975; 14976;14977; 14978;14979; 14980;14981; 14982;14983; 14984;14985; 14986;14987; 14988;14989; 14990;14991; 14992;14993; 14994;14995; 14996;14997; 14998;14999 15000;15001; 15002;15003; 15004;15005; 15006;15007; 15008;15009;

FTDDPE PTVEVN GK	14	1546.715	Q503Y5;F1QS9 9;E7FGA5;E9Q J27	gsr		2	0	289.96	8.61E+08	529	275	15010;15011; 15012;15013 15014;15015; 15016;15017; 15018;15019; 15020;15021; 15022;15023; 15024;15025; 15026;15027; 15028;15029; 15030;15031; 15032;15033; 15034;15035; 15036;15037; 15038;15039; 15040;15041; 15042;15043; 15044;15045; 15046;15047; 15048	14985;14986; 14987;14988; 14989;14990; 14991;14992; 14993;14994; 14995;14996; 14997;14998; 14999;15000; 15001;15002; 15003;15004; 15005;15006; 15007;15008; 15009;15010; 15011;15012; 15013;15014; 15015;15016; 15017;15018; 15019;15020; 15021;15022; 15023;15024; 15025;15026; 15027;15028; 15029;15030; 15031
FTDILN SFNEK	11	1326.646	Q5TZ29	apobb.1		2	0.011612	74.162	34777000	530	385	15049;15050; 15051;15052; 15053;15054; 15055	15032;15033
FTFEEA EAQCSK	12	1432.618	M9MMB0;F1Q W90;A0A0R4IP 31;E7F537	acana		2	0.049919	50.353	7475600	531	74	15056;15057; 15058;15059	15034
FTGHNS PLYQGS K	13	1434.689	Q803B7;Q6P00 6;B5DDE1;Q6N ZZ8	chia.2;chi a.3	2;3	1.99E-06	122.33	1.21E+08	532	414	562	15035;15036; 15037;15038; 15039;15040; 15041;15042; 15043	
FTSDGS INGR	10	1052.489	X1WG04;A0A0 R4IIW6	cubn		2	0.018841	78.113	38704000	533	63	15076;15077; 15078;15079; 15080;15081; 15082;15083; 15084;15085; 15086;15087; 15088;15089	15044
FTSNNE ANVGSF NTK	15	1628.743	Q5TZ29	apobb.1		2	0	296.28	1.65E+09	534	385	15090;15091; 15092;15093; 15094;15095; 15096;15097; 15098;15099; 15100;15101; 15102;15103; 15104;15105;	15045;15046; 15047;15048; 15049;15050; 15051;15052; 15053;15054; 15055;15056; 15057;15058; 15059;15060;

												15106;15107; 15108;15109; 15110;15111; 15112;15113; 15114;15115; 15116;15117; 15118;15119; 15120;15121; 15122;15123; 15124;15125	15061;15062; 15063;15064; 15065;15066; 15067;15068; 15069;15070; 15071;15072; 15073;15074; 15075;15076; 15077;15078; 15079;15080; 15081;15082; 15083;15084; 15085;15086; 15087;15088; 15089;15090; 15091 15092;15093
FTVEQE LDLETP LK	14	1660.856	Q7ZVL5	serpine2		2	0.000513	93.258	13063000	535	445	15126;15127; 15128;15129; 15130;15131	
FVAGSA ETSAK	11	1066.53	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ48	ttnb;dZ24 9N21.1- 003	2	0.027904	61.65	0	536	140	566	15094	
FVFD RP LPVSR	11	1331.735	Q6D GX8	psma1	Proteasome subunit alpha type	3	0.039788	48.004	16419000	537	399	15133;15134; 15135;15136	15095;15096; 15097
FVPTEM GVHTV SVK	14	1529.791	F1R9P5;E9Q162	f1na		2,3	0.002743	58.676	41021000	538	335	15137;15138; 15139;15140; 15141;15142; 15143;15144; 15145	15098;15099
FVQASE DLAK	10	1106.561	A0A0R4IQ82;Q 9PTF4;Q7SXL4	nme2b.2	Nucleoside diphosphate kinase	2	0.000307	110.87	7.61E+08	539	80	15146;15147; 15148;15149; 15150;15151; 15152;15153; 15154;15155; 15156;15157; 15158;15159; 15160;15161; 15162;15163; 15164;15165; 15166;15167; 15168;15169; 15170;15171; 15172;15173	15100;15101; 15102;15103; 15104;15105; 15106;15107; 15108;15109; 15110;15111; 15112;15113; 15114;15115; 15116;15117; 15118;15119; 15120;15121; 15122;15123; 15124;15125; 15126;15127; 15128;15129; 15130;15131
FVQFPG LLK	9	1047.612	A0A0N4SU14; F1QID9;A0A0 N4SU62;F1QV 16;Q8JJ63;A7M D93;A2RRW1; Q1RMB1;A8E5 B4;Q0V976	si:ch211- 251f6.7;z gc:15849 4;zgc:136 254;zgc:1 74237;L OC56152 8	2	0.003383	105.39	2.27E+09	540	26;1 53	570	15132;15133; 15134;15135; 15136;15137; 15138;15139; 15140;15141; 15142;15143; 15144;15145; 15146;15147;	



												15148;15149; 15150;15151; 15152;15153; 15154;15155; 15156;15157; 15158;15159; 15160;15161; 15162;15163; 15164;15165; 15166;15167; 15168;15169; 15170;15171; 15172;15173; 15174;15175; 15176;15177; 15178;15179; 15180;15181; 15182;15183; 15184;15185; 15186;15187; 15188;15189; 15190;15191; 15192;15193; 15194	
GAAGV GEDGE AGADG DDGLP GEMGK	25	2230.928	F1QTQ2;B3DJ C9	col9a1a		2	4.82E-14	69.729	2.79E+08	541	198	15263;15264; 15265;15266; 15267;15268; 15269;15270; 15271;15272; 15273;15274; 15275;15276; 15277;15278; 15279;15280; 15281;15282; 15283;15284; 15285;15286; 15287;15288; 15289;15290; 15291;15292; 15293;15294; 15295;15296; 15297	15195;15196; 15197;15198; 15199;15200; 15201;15202; 15203;15204; 15205
GAFTGE ISPAMI K	13	1320.675	A0A0R4IGG3; A0A0R4I9C4;E 9QBF0;I3IS66	tpi1b;tpi1 a	Triosephosphate isomerase	2	1.9E-66	182.46	3.32E+08	542	29;356	15298;15299; 15300;15301; 15302;15303; 15304;15305; 15306;15307; 15308;15309; 15310;15311; 15312;15313; 15314;15315; 15316;15317; 15318;15319;	15206;15207; 15208;15209; 15210;15211; 15212;15213; 15214;15215; 15216;15217; 15218;15219; 15220;15221; 15222;15223; 15224;15225; 15226;15227;

GAGTD EDTLIR	11	1146.552	Q804G2;Q98SH 7;Q6PHG3;F1R EH8	anxa13	Annexin	2	0.010119	73.233	3.71E+09	543	348	15320;15321; 15322;15323; 15324;15325; 15326;15327; 15328;15329; 15330;15331; 15332;15333; 15334 15335;15336; 15337;15338; 15339;15340; 15341;15342; 15343;15344; 15345;15346; 15347;15348; 15349;15350 15351;15352; 15353;15354; 15355;15356; 15357;15358; 15359;15360; 15361;15362; 15363;15364; 15365;15366 15367;15368; 15369;15370; 15371;15372; 15373;15374; 15375;15376; 15377;15378; 15379;15380; 15381;15382	15228;15229; 15230 15231;15232; 15233;15234
GAITIT AQELSD NR	14	1487.758	Q1LX40	cpne2		2	0.000589	88.596	48803000	544	363	15351;15352; 15353;15354; 15355;15356; 15357;15358; 15359;15360; 15361;15362; 15363;15364; 15365;15366 15367;15368; 15369;15370; 15371;15372; 15373;15374; 15375;15376; 15377;15378; 15379;15380; 15381;15382	15235;15236; 15237;15238; 15239;15240; 15241;15242; 15243;15244
GALDDI SK	8	817.4182	Q7SYK7	got2a	Aspartate aminotransferase	2	0.051686	89.55	2.14E+08	545	431	15367;15368; 15369;15370; 15371;15372; 15373;15374; 15375;15376; 15377;15378; 15379;15380; 15381;15382	15245;15246
GASGVS YLR	9	908.4716	F1QS73;A0A0 G2KQI0	2	2.28E-05	125.58	1.06E+08	546	13	577	15383;1538 4;15385;15 386;15387; 15388;1538 9;15390;15 391;15392; 15393	15394;15395; 15396;15397; 15398;15399; 15400;15401; 15402;15403; 15404;15405; 15406;15407; 15408	15251;15252; 15253;15254; 15255;15256; 15257;15258; 15259;15260; 15261;15262; 15263;15264; 15265;15266; 15267;15268; 15269;15270 15271
GASQNI IPASTG AAK	15	1384.731	A0A0R4IG11;E 9QIH5;E9QGA 9	gapdh	Glyceraldehyde-3- phosphate dehydrogenase	2	2.34E-14	126.71	8.65E+08	547	54	15394;15395; 15396;15397; 15398;15399; 15400;15401; 15402;15403; 15404;15405; 15406;15407; 15408	15251;15252; 15253;15254; 15255;15256; 15257;15258; 15259;15260; 15261;15262; 15263;15264; 15265;15266; 15267;15268; 15269;15270 15271
GDDGE PGDTGL DNDR	15	1531.602	F1Q6P3;A0A0R 4IDY3	col6a1		2	0.000168	100.93	1.22E+08	548	291	15409;15410; 15411;15412; 15413;15414; 15415	15271

GDEEIP TDPTNK	12	1314.594	A5X6X5;F1R7 N8;F1QZQ0	ttna		2	0.001103	96.342	2.21E+08	549	332;139	15416;15417; 15418;15419; 15420;15421; 15422;15423; 15424;15425; 15426;15427; 15428;15429; 15430;15431; 15432;15433; 15434;15435	15272;15273; 15274;15275; 15276;15277; 15278;15279; 15280;15281; 15282;15283; 15284;15285; 15286;15287; 15288;15289; 15290;15291; 15292;15293; 15294;15295; 15296
GDEGP AGPEG DKGPR GDLGIE IPA EK	15	1437.648	F1Q6P3;A0A0R 4IDY3	col6a1		3	0.001783	58.885	10298000	550	291	15436;15437; 15438	15297
GDLGIE IPAEK	11	1140.603	E7EZY3;E7F9R 3;A0A0G2L4F1 ;A0A0G2KWF0 ;Q7SXX3;A8K C20	CABZ01 066502.1; pklr	Pyruvate kinase	2	0.000771	110.53	64652000	551	16	15439;15440; 15441;15442; 15443;15444; 15445;15446; 15447;15448	15298;15299
GDLGIE IPTEK	11	1170.613	Q7ZVT2;Q6NX D1;A0A0R4IGP 6;Q6DG54;A0A 0R4HV1 Q0ZBR7	pkma;pk mb	Pyruvate kinase	2	0.01268	69.65	18505000	552	55	15449	15300
GDPCAL CSLTSI GK GDQEIP EGGR	14	1451.7	X1WC44	mif		2	0.011124	58.172	8097000	553	360	15450;15451	15301;15302; 15303
GDVGE AGDKG PIGK	10	1056.484	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46	ttnb		2	7.86E-12	148.52	74204000	554	140	15452;15453; 15454;15455; 15456;15457; 15458;15459; 15460;15461; 15462;15463; 15464	15304;15305; 15306;15307; 15308;15309; 15310;15311; 15312;15313; 15314;15315; 15316;15317
GDVTT QVSLQP ALK	14	1472.736	X1WC44	si:ch211- 212c13.8	2	0.030538	49.934	16923000	555	467	586	15318	
GDVTT QVSLQP ALK	14	1298.647	A9JTG2;F1R1F 1	col9a3		3	0.007678	55.213	67071000	556	173	15471;15472; 15473;15474; 15475;15476; 15477;15478; 15479;15480; 15481;15482; 15483;15484	15319;15320; 15321;15322
GDVTT QVSLQP ALK	14	1455.793	Q6P980;Q2TV6 5	sod2	Superoxide dismutase	2	8.2E-267	265.12	5.83E+09	557	423	15485;15486; 15487;15488; 15489;15490; 15491;15492; 15493;15494; 15495;15496; 15497;15498; 15499;15500;	15323;15324; 15325;15326; 15327;15328; 15329;15330; 15331;15332; 15333;15334; 15335;15336; 15337;15338;

GDWW GSTVK	9	1034.482	Q6AZC0	zgc:9204 1	2	0.022447	89.698	5.3E+08	558	393
---------------	---	----------	--------	---------------	---	----------	--------	---------	-----	-----

15501;15502; 15339;15340;  
 15503;15504; 15341;15342;  
 15505;15506; 15343;15344;  
 15507;15508; 15345;15346;  
 15509;15510; 15347;15348;  
 15511;15512; 15349;15350;  
 15513;15514; 15351;15352;  
 15515;15516; 15353;15354;  
 15517;15518; 15355;15356;  
 15519;15520; 15357;15358;  
 15521;15522; 15359;15360;  
 15523;15524; 15361;15362;  
 15525;15526; 15363;15364;  
 15527;15528; 15365;15366;  
 15529;15530; 15367;15368;  
 15531;15532; 15369;15370;  
 15533;15534; 15371;15372;  
 15535;15536 15373;15374;  
 15375;15376;  
 15377;15378;  
 15379;15380;  
 15381;15382;  
 15383;15384;  
 15385;15386;  
 15387;15388;  
 15389;15390;  
 15391;15392;  
 15393;15394;  
 15395;15396;  
 15397;15398;  
 15399;15400;  
 15401;15402;  
 15403;15404;  
 15405;15406;  
 15407;15408;  
 15409;15410;  
 15411;15412  
 15537;15538; 15413;15414;  
 15539;15540; 15415;15416;  
 15541;15542; 15417;15418;  
 15543;15544; 15419;15420;  
 15545;15546; 15421;15422  
 15547;15548;  
 15549;15550;  
 15551;15552;  
 15553;15554;  
 15555;15556;  
 15557;15558;  
 15559;15560;  
 15561;15562;  
 15563;15564;  
 15565;15566;  
 15567;15568;

GEAAY SPATPH R	12	1255.595	A8E4Z6;A0A0 N4STQ7;A0A0 N4SU18;Q3B7 G2;Q05AP8;A1 L215;Q6DGW1	zgc:1231 03;zgc:15 8580;26- 29kD- proteinas e	2;3	2.47E-05	110.38	1.94E+08	559	25	590	15569;15570; 15571;15572 15423;15424; 15425;15426; 15427;15428; 15429;15430; 15431;15432; 15433;15434; 15435;15436; 15437;15438; 15439;15440; 15441;15442; 15443;15444; 15445;15446; 15447;15448; 15449;15450; 15451;15452; 15453;15454; 15455;15456; 15457	
GEAGP AGPAGP SGPAGA R	18	1475.712	Q6PEI9;F1QDL 1;Q90YI9	col1a1b		2	4.53E-30	134.04	1.27E+08	560	299	15605;15606; 15607;15608; 15609;15610; 15611;15612; 15613;15614; 15615;15616; 15617;15618; 15619;15620	15458;15459; 15460;15461; 15462;15463; 15464;15465; 15466
GEAGS NGESG APGPM GPR	18	1626.706	B3DLK0;A0A0 R4IMA3;A0A0 R4IHB0;Q2LD A1;B3DKQ3	col2a1a		2	5.6E-185	219.42	3.42E+08	561	58	15621;15622; 15623;15624; 15625;15626; 15627;15628; 15629;15630; 15631;15632; 15633;15634; 15635;15636; 15637;15638; 15639;15640; 15641;15642; 15643;15644; 15645	15467;15468; 15469;15470; 15471;15472; 15473;15474; 15475;15476; 15477;15478; 15479;15480; 15481;15482; 15483;15484; 15485;15486; 15487;15488; 15489;15490; 15491;15492; 15493;15494; 15495;15496; 15497;15498; 15499;15500; 15501;15502
GEIFEL K	7	834.4487	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9;X1W H59;F1QZN3;X 1WBT0;E7F8T 4;X1WC44	a2ml;si:c h211- 212c13.1 0;si:dkey- 105h12.2; si:ch211- 212c13.8	2	0.044706	83.614	70344000	562	106; 466; 467; 325	593	15503	

GELGPA GPTGPS GAQQQ R	18	1635.797	A0A0R4IHC0; Q90YJ0;Q6IQX 2;E9QCG6	col1a2		2	5.26E-38	137.84	2.24E+08	563	59	15648;15649; 15650;15651; 15652;15653; 15654;15655; 15656;15657; 15658;15659; 15660;15661; 15662;15663; 15664;15665; 15666;15667; 15668;15669	15504;15505; 15506;15507; 15508;15509; 15510;15511; 15512;15513; 15514;15515
GEMFIL EK	8	965.4892	Q90WT1;Q6DG Z8;F1QT01	crybb1		2	0.016265	98.523	89916000	564	318	15670;15671; 15672;15673; 15674;15675; 15676;15677; 15678	15516
GEMGV GVQGP AGER	14	1342.63	F1QXD5;A2RQ R3	col10a1a		2	1.49E-78	181.4	1E+09	565	120	15679;15680; 15681;15682; 15683;15684; 15685;15686; 15687;15688; 15689;15690; 15691;15692; 15693;15694; 15695;15696; 15697;15698; 15699;15700; 15701;15702; 15703;15704; 15705;15706; 15707;15708; 15709;15710; 15711;15712; 15713	15517;15518; 15519;15520; 15521;15522; 15523;15524; 15525;15526; 15527;15528; 15529;15530; 15531;15532; 15533;15534; 15535;15536; 15537;15538; 15539;15540; 15541;15542; 15543;15544; 15545;15546; 15547;15548; 15549;15550; 15551;15552; 15553;15554; 15555;15556; 15557;15558; 15559;15560
GENGEE GDNGL DGVDG EQGK	20	1974.804	F1Q924;X1WE Z4	col6a6		2	1.3E-15	99.566	1.34E+08	566	295	15714;15715; 15716;15717; 15718;15719; 15720;15721; 15722;15723; 15724;15725; 15726;15727; 15728;15729; 15730;15731; 15732;15733; 15734;15735; 15736;15737	15561;15562; 15563;15564; 15565;15566; 15567;15568; 15569;15570; 15571;15572; 15573;15574; 15575;15576; 15577;15578
GENLVS MTVEG PPPK	15	1553.776	Q9I9E5	snrpb	Small nuclear ribonucleoprotein- associated protein	2	0.048253	47.189	6234900	567	458	15738;15739	15579

GEQGE VGPVGP R	12	1180.584	F1QTQ2;B3DJ C9	col9a1a	2	5.6E-109	212.03	8.19E+08	568	198	15740;15741; 15742;15743; 15744;15745; 15746;15747; 15748;15749; 15750;15751; 15752;15753; 15754;15755; 15756;15757; 15758;15759; 15760;15761; 15762;15763; 15764;15765; 15766;15767; 15768;15769; 15770;15771	15580;15581; 15582;15583; 15584;15585; 15586;15587; 15588;15589; 15590;15591; 15592;15593; 15594;15595; 15596;15597; 15598;15599; 15600;15601; 15602;15603; 15604;15605; 15606;15607; 15608;15609; 15610;15611; 15612;15613; 15614;15615; 15616;15617; 15618;15619; 15620;15621; 15622;15623; 15624;15625; 15626;15627; 15628;15629; 15630;15631; 15632;15633; 15634;15635; 15636;15637; 15638;15639; 15640;15641; 15642;15643; 15644;15645; 15646;15647; 15648;15649; 15650;15651; 15652;15653; 15654;15655; 15656;15657; 15658;15659; 15660;15661; 15662;15663; 15664
GEQGP VGPMG K	11	1055.507	Q6NUV1;E9QH V3;B8A4T6;A0 A0R4H70	col9a1b	2	0.004803	87.308	53639000	569	60	15772;15773; 15774;15775; 15776;15777; 15778;15779; 15780;15781; 15782;15783	15665;15666
GESGPS GPTGA VGPAG AR	18	1523.733	A0A0R4IHC0; Q90YJ0;Q6IQX 2;E9QCG6	col1a2	2	0	249.98	4.8E+08	570	59	15784;15785; 15786;15787; 15788;15789; 15790;15791;	15667;15668; 15669;15670; 15671;15672; 15673;15674;

GESIDS MIPAQK	12	1274.618	Q90X19;A2BH A3	ckma		2	0.002958	74.162	43208000	571	114	15792;15793; 15794;15795; 15796;15797; 15798;15799; 15800;15801; 15802;15803; 15804;15805; 15806 15807;15808; 15809;15810; 15811;15812; 15813;15814; 15815;15816; 15817;15818; 15819 15820	15675;15676; 15677;15678; 15679;15680; 15681;15682; 15683;15684; 15685;15686; 15687;15688; 15689 15690;15691; 15692;15693; 15694;15695; 15696;15697; 15698;15699 15700
GETISG GNFHG EYPAK GEVGV1 GPR	16	1662.764	F6P849;A4FUP 1	hal	Histidine ammonia-lyase	2	0.019456	50.354	4713100	572	131	15821;15822; 15823;15824; 15825;15826; 15827;15828; 15829;15830; 15831;15832; 15833;15834; 15835;15836; 15837;15838; 15839;15840; 15841;15842	15701;15702
GEYPEF QR	8	1024.461	A0A0A0MPG3	crygn2		2	8.11E-20	178.84	8.84E+09	574	1	15843;15844; 15845;15846; 15847;15848; 15849;15850; 15851;15852; 15853;15854; 15855;15856; 15857;15858; 15859;15860; 15861;15862; 15863;15864; 15865;15866; 15867;15868; 15869;15870; 15871;15872; 15873;15874; 15875;15876; 15877	15703;15704; 15705;15706; 15707;15708; 15709;15710; 15711;15712; 15713;15714; 15715;15716; 15717;15718; 15719;15720; 15721;15722; 15723;15724; 15725;15726; 15727;15728; 15729;15730; 15731;15732; 15733;15734; 15735;15736; 15737;15738; 15739;15740; 15741;15742; 15743;15744; 15745;15746; 15747;15748; 15749;15750;



15751;15752;  
15753;15754;  
15755;15756;  
15757;15758;  
15759;15760;  
15761;15762;  
15763;15764;  
15765;15766;  
15767;15768;  
15769;15770;  
15771;15772;  
15773;15774;  
15775;15776;  
15777;15778;  
15779;15780;  
15781;15782;  
15783;15784;  
15785;15786;  
15787;15788;  
15789;15790;  
15791;15792;  
15793;15794;  
15795;15796;  
15797;15798;  
15799;15800;  
15801;15802;  
15803;15804;  
15805;15806;  
15807;15808;  
15809;15810;  
15811;15812;  
15813;15814;  
15815;15816;  
15817;15818;  
15819;15820;  
15821;15822;  
15823;15824;  
15825;15826;  
15827;15828;  
15829;15830;  
15831  
15832;15833;  
15834;15835;  
15836;15837;  
15838;15839;  
15840;15841;  
15842;15843;  
15844;15845;  
15846;15847;  
15848;15849;  
15850;15851;  
15852;15853;  
15854;15855;

GFDQD 9 1053.419 Q7T2C8:A8WG txnrd1 2 1.34E-11 159.04 1E+09 575 164  
MADR

15878;15879;  
15880;15881;  
15882;15883;  
15884;15885;  
15886;15887;  
15888;15889;  
15890;15891;  
15892;15893;  
15894;15895;  
15896;15897;  
15898;15899;  
15832;15833;  
15834;15835;  
15836;15837;  
15838;15839;  
15840;15841;  
15842;15843;  
15844;15845;  
15846;15847;  
15848;15849;  
15850;15851;  
15852;15853;  
15854;15855;

											15900;15901; 15902;15903	15856;15857; 15858;15859; 15860;15861; 15862;15863; 15864;15865; 15866;15867; 15868;15869; 15870;15871; 15872;15873; 15874;15875; 15876;15877; 15878;15879; 15880;15881; 15882;15883; 15884;15885; 15886;15887; 15888;15889; 15890;15891; 15892;15893; 15894;15895; 15896
GFFENF PFVR	10	1258.614	Q803B5;A0A0 R4IAH2;F1QRP 8	dnpep	2	4.03E-05	122.13	86210000	576	35	15904;15905; 15906;15907; 15908;15909; 15910;15911; 15912;15913; 15914;15915; 15916;15917; 15918;15919; 15920;15921; 15922;15923; 15924;15925; 15926;15927; 15928;15929; 15930;15931; 15932;15933; 15934;15935; 15936;15937; 15938;15939; 15940;15941; 15942;15943; 15944;15945; 15946;15947; 15948;15949; 15950;15951; 15952;15953	15897;15898; 15899;15900; 15901;15902; 15903;15904; 15905;15906; 15907;15908; 15909;15910; 15911;15912; 15913;15914; 15915;15916; 15917
GFGGIY GVGK	10	953.4971	Q561T4;F1Q6S 1;A9JT03	npep11	2	0.013524	83.753	6.2E+08	577	170	15954;15955; 15956;15957; 15958;15959; 15960;15961; 15962;15963; 15964;15965; 15966;15967;	15918;15919; 15920;15921; 15922;15923; 15924;15925; 15926;15927; 15928;15929; 15930;15931;

GFGGL AGPSGE PGK	14	1229.604	Q6PEI9;F1QDL 1;Q6NZ15	coll1a1b	2	0.005182	67.08	64220000	578	299	15968;15969; 15970;15971; 15972;15973; 15974;15975; 15976;15977; 15978;15979; 15980;15981; 15982;15983; 15984 15985;15986; 15987;15988; 15989;15990; 15991;15992; 15993;15994; 15995;15996; 15997 15998;15999; 16000;16001; 16002;16003; 16004;16005; 16006;16007; 16008;16009; 16010;16011; 16012;16013; 16014;16015; 16016 16017;16018; 16019;16020; 16021;16022; 16023;16024; 16025;16026; 16027;16028; 16029;16030; 16031;16032; 16033;16034; 16035;16036; 16037;16038; 16039;16040; 16041;16042; 16043;16044; 16045;16046; 16047;16048; 16049 15932;15933; 15934;15935; 15936;15937; 15938;15939; 15940;15941; 15942;15943; 15944;15945; 15946;15947; 15948 15949 15950;15951; 15952 15953;15954; 15955;15956; 15957;15958; 15959;15960; 15961;15962; 15963;15964; 15965;15966; 15967;15968; 15969;15970; 15971;15972; 15973;15974; 15975;15976; 15977;15978; 15979;15980; 15981;15982; 15983;15984; 15985;15986; 15987;15988; 15989;15990; 15991;15992; 15993;15994; 15995;15996; 15997;15998; 15999;16000; 16001;16002; 16003
GFIPNIR	7	815.4654	B6CS38;E7FG7 1	fhn2b	2	0.033757	103.41	2.74E+08	579	204	
GFNTNC VNSVR	11	1253.582	A0A0A0MPG3; Q5R2V3	crygn2	2	7.14E-48	188.66	1.44E+09	580	1	

GFSSGS AVVSG GSR	14	1253.6	CON_P35908		2	1.56E-23	146.79	5.85E+08	581	231	613	16004;16005; 16006;16007; 16008;16009; 16010;16011; 16012;16013; 16014;16015; 16016;16017; 16018;16019; 16020;16021; 16022;16023; 16024;16025; 16026;16027; 16028;16029; 16030;16031; 16032;16033; 16034;16035; 16036;16037; 16038;16039; 16040;16041; 16042;16043; 16044;16045; 16046;16047; 16048;16049; 16050;16051; 16052;16053; 16054	
GGDDL DPNYV LSSR	14	1506.695	Q8AY63;Q7ZU 04;A0A0R4IU6 5;Q08BV6;A0A 0R4IGD0;B8JJ2 3;B8JJ24;Q90X 19;A2BHA3;Q7 T306;A8E5L0; A0A0R4IA56	ckbb;ckb a;ckma;c kmb	2	4.31E-67	177.04	4.56E+08	582	114; 437; 32	614	16055;16056; 16057;16058; 16059;16060; 16061;16062; 16063;16064; 16065;16066; 16067;16068; 16069;16070; 16071;16072; 16073;16074; 16075;16076; 16077;16078; 16079;16080; 16081;16082; 16083	
GGDLN QTVSVE FR	13	1420.695	B2CZC2;B3DJ B0;Q32SG7	slc8a1b		2	0.028279	49.5	0	583	185	16105	16084
GGGED FEDAY GELEFK	16	1761.737	B8JHS8;B2CZC 5;A0A0R4IGE2	slc8a3		2	0.001357	74.46	10018000	584	53	16106;16107; 16108;16109; 16110	16085;16086
GGGGG GYGSG GSSYGS GGGSY GSGGG GGGGR	31	2382.945	CON_P04264		2;3	3.01E-71	177.4	3.77E+08	585	223	617	16087;16088; 16089;16090; 16091;16092; 16093;16094; 16095;16096; 16097;16098;	

GGGGSF	32	2704.154	CON__P35527		2	1.55E-15	75.55	7258500	586	230	618	16099;16100; 16101;16102; 16103;16104; 16105;16106; 16107;16108; 16109;16110; 16111;16112; 16113;16114; 16115;16116; 16117 16118;16119	
GYSYG GGS GG GFSASS LGGGF GGGSR													
GGIDAL	14	1484.762	F1QS22;Q7ZV D6;Q6IQF1	zgc:5609 5	Ferritin	2;3	0.000104	79.639	31221000	587	315	16144;16145; 16146;16147; 16148	16120;16121; 16122
AFSLEH QK GGIVAI DNVLW GGR													
	14	1425.773	F1Q6A4	comtd1		2	0.011342	60.434	18995000	588	290	16149;16150; 16151;16152; 16153;16154; 16155;16156; 16157	16123;16124
GGLSIA VPGEIR	12	1167.661	E7F5X6;F8W5P 0	ggt1b		2	0.045378	51.445	35532000	589	251	16158;16159; 16160;16161; 16162;16163; 16164;16165; 16166;16167; 16168;16169	16125
GGNEES LK	8	832.3927	B2GRH9	sod1	Superoxide dismutase [Cu-Zn]	2	0.051686	89.55	10860000	590	189	16170;16171; 16172;16173; 16174;16175; 16176;16177 16127;16128	16126
GGSGG GGSISG GGYGS GGSG GR	23	1740.741	CON__P35908			2	0.012134	29.733	10226000	591	231	623	
GGSGGS HGGGS GFGGES GGSYG GGEEAS GSGGG YGGGS GK	40	3222.274	CON__P35527			3	3.74E-13	43.951	1.06E+08	592	230	624	16129;16130; 16131;16132; 16133;16134
GGSGGS YGGGG SGGGY GGSGS R	23	1790.72	CON__P35527			2	2.98E-66	146.86	1.16E+08	593	230	625	16135;16136; 16137;16138; 16139;16140; 16141;16142; 16143;16144; 16145;16146;

GGSGTP VDELD R	12	1201.558	Q24JV5;A9C45 8	pla2g1b	Phospholipase A(2)	2	0.000724	102.06	4.22E+08	594	165	16147;16148; 16149;16150; 16151;16152; 16153;16154; 16155;16156; 16157;16158; 16159 16223;16224; 16225;16226; 16227;16228; 16229;16230; 16231;16232; 16233;16234; 16235;16236; 16237;16238; 16239;16240; 16241;16242; 16243;16244; 16245;16246	16160;16161; 16162;16163; 16164;16165; 16166;16167; 16168;16169; 16170;16171; 16172;16173; 16174;16175; 16176;16177; 16178;16179; 16180;16181; 16182;16183; 16184;16185; 16186;16187; 16188 16189
GIEIQGI SLNLEK	13	1412.788	Q803L1;Q6TN U6	dldh	Dihydrolipoyl dehydrogenase	2	0.008264	63.283	7804100	595	449	16247	16190;16191; 16192;16193; 16194;16195; 16196;16197; 16198;16199; 16200;16201; 16202;16203; 16204;16205; 16206;16207; 16208;16209; 16210;16211; 16212;16213; 16214;16215; 16216;16217; 16218;16219; 16220;16221; 16222;16223; 16224;16225; 16226;16227; 16228;16229; 16230;16231; 16232;16233; 16234;16235; 16236;16237; 16238;16239; 16240;16241; 16242;16243; 16244;16245; 16246;16247;
GIETTL PLPPSG ELR	15	1578.862	X1WF98	col12a1a		2	1.96E-37	152.07	9.93E+08	596	468	16248;16249; 16250;16251; 16252;16253; 16254;16255; 16256;16257; 16258;16259; 16260;16261; 16262;16263; 16264;16265; 16266;16267; 16268;16269; 16270;16271; 16272;16273; 16274;16275; 16276;16277; 16278;16279; 16280;16281; 16282;16283; 16284;16285; 16286;16287; 16288;16289; 16290;16291; 16292;16293; 16294;16295; 16296;16297; 16298;16299; 16300;16301; 16302;16303; 16304;16305;	

											16306;16307; 16308;16309; 16310;16311; 16312;16313; 16314;16315; 16316;16317; 16318;16319; 16320;16321; 16322;16323; 16324;16325; 16326;16327; 16328;16329; 16330;16331; 16332;16333; 16334;16335; 16336;16337; 16338;16339; 16340;16341; 16342;16343; 16344;16345; 16346;16347; 16348;16349; 16350;16351; 16352;16353; 16354;16355; 16356;16357; 16358;16359	16248;16249; 16250;16251; 16252;16253; 16254;16255; 16256;16257; 16258;16259; 16260;16261; 16262;16263; 16264;16265; 16266;16267; 16268;16269; 16270;16271; 16272;16273; 16274;16275; 16276;16277; 16278;16279; 16280;16281; 16282;16283; 16284;16285; 16286;16287; 16288;16289; 16290;16291; 16292;16293; 16294;16295; 16296;16297; 16298;16299; 16300;16301; 16302;16303; 16304;16305; 16306;16307; 16308;16309; 16310;16311
GINSES DQITAT TEVSGI EGIK	22	2248.107	F1QSR3;O5758 7;B0S6K5;A0A 0B5JFC8;F1QU N5;Q503B9;Q6I QW7;A0A0R4I TL5;B0S6K6	tnw	2	3.16E-54	183.23	25101000	597	90;2;179	16360;16361; 16362	16306;16307; 16310;16311
GISLNP EQWNQ LK	13	1525.789	Q504B1	sub1a	2	6.2E-174	204.64	1E+09	598	374	16363;16364; 16365;16366; 16367;16368; 16369;16370; 16371;16372; 16373;16374; 16375;16376; 16377;16378; 16379;16380; 16381;16382; 16383;16384; 16385;16386; 16387;16388; 16389;16390; 16391;16392; 16393;16394; 16395;16396;	16312;16313; 16314;16315; 16316;16317; 16318;16319; 16320;16321; 16322;16323; 16324;16325; 16326;16327; 16328;16329; 16330;16331; 16332;16333; 16334;16335; 16336;16337; 16338;16339; 16340;16341; 16342;16343; 16344;16345;

											16397;16398; 16399;16400; 16401;16402; 16403;16404; 16405;16406; 16407;16408; 16409;16410; 16411;16412; 16413;16414; 16415;16416; 16417;16418; 16419;16420; 16421;16422; 16423;16424; 16425;16426; 16427;16428; 16429;16430; 16431;16432; 16433;16434; 16435;16436; 16437;16438; 16439;16440; 16441;16442; 16443;16444; 16445;16446; 16447;16448; 16449;16450; 16451;16452; 16453;16454; 16455;16456; 16457;16458; 16459;16460; 16461;16462; 16463;16464; 16465;16466; 16467	16346;16347; 16348;16349; 16350;16351; 16352;16353; 16354;16355; 16356;16357; 16358;16359; 16360;16361; 16362;16363; 16364;16365; 16366;16367; 16368;16369; 16370;16371; 16372;16373; 16374;16375; 16376;16377; 16378;16379; 16380;16381; 16382;16383; 16384;16385; 16386;16387; 16388;16389; 16390;16391; 16392;16393; 16394;16395; 16396;16397; 16398;16399; 16400;16401; 16402;16403; 16404;16405; 16406;16407; 16408;16409; 16410;16411; 16412;16413; 16414;16415; 16416;16417; 16418;16419; 16420;16421; 16422;16423; 16424;16425; 16426;16427; 16428;16429; 16430;16431; 16432;16433; 16434
GISLNP EQWSQ LK	13	1498.778	Q6DGP6	sub1b	2	1.91E-13	135.8	44325000	599	397	16468;16469; 16470;16471; 16472;16473; 16474;16475; 16476;16477	16435;16436; 16437;16438; 16439;16440; 16441
GITFDS GGISLK	21	2126.014	A2BIC6	lap3	3	6.02E-08	72.086	16509000	600	116	16478;16479; 16480	16442



PSSGMD  
AMR  
GITYDT  
GGADIK

12 1209.588 Q08CQ0;Q6N WE8;Q32LS3;F 1QPJ6;F1QPX6 2 6.12E-26 156.83 2.12E+09 601 359 633

alas2;sb:c  
b283;LO  
C100535  
398;zgc:1  
52830

16443;16444;  
16445;16446;  
16447;16448;  
16449;16450;  
16451;16452;  
16453;16454;  
16455;16456;  
16457;16458;  
16459;16460;  
16461;16462;  
16463;16464;  
16465;16466;  
16467;16468;  
16469;16470;  
16471;16472;  
16473;16474;  
16475;16476;  
16477;16478;  
16479;16480;  
16481;16482;  
16483;16484;  
16485;16486;  
16487;16488;  
16489;16490;  
16491;16492;  
16493;16494;  
16495;16496;  
16497;16498;  
16499

GIVYDT  
GGLSIK

12 1221.661 Q561T4;F1Q6S 1;A9JT03 npep1 2 1.07E-11 136.63 9.8E+08 602 170

16531;16532;  
16533;16534;  
16535;16536;  
16537;16538;  
16539;16540;  
16541;16542;  
16543;16544;  
16545;16546;  
16547;16548;  
16549;16550;  
16551;16552;  
16553;16554;  
16555;16556;  
16557;16558;  
16559;16560;  
16561;16562;  
16563;16564;  
16565;16566;  
16567;16568;  
16569;16570;  
16571;16572;  
16573;16574;  
16500;16501;  
16502;16503;  
16504;16505;  
16506;16507;  
16508;16509;  
16510;16511;  
16512;16513;  
16514;16515;  
16516;16517;  
16518;16519;  
16520;16521;  
16522;16523;  
16524;16525;  
16526;16527;  
16528;16529;  
16530;16531;  
16532;16533;  
16534;16535;  
16536;16537;  
16538;16539;  
16540;16541;  
16542;16543;

GLDNLI SQTEYD VAVTP VYDSG TGNPM LNQAIT DVVPAP QNLK GLDSEQ SYPYLA R	43	4585.265	X1WF98	coll2a1a		3;4	3.61E-09	34.258	31075000	603	468	16575;16576; 16577;16578; 16579;16580; 16581;16582; 16583	16544;16545; 16546;16547; 16548;16549; 16550;16551; 16552;16553; 16554;16555; 16556;16557; 16558;16559; 16560;16561; 16562;16563; 16564;16565; 16566;16567 16568;16569; 16570;16571
GLDSEQ SYPYLA R	13	1497.71	A7MCR8;A7M CR6;A7MCM3; E9QE79;A8E58 7;A7MCR7;E9 QBE2;A8E588; Q32PQ1;P7972 2;F1R8Y0;E7F8 Y7;A8KBT8;A0 A0R4IRS7;A0A 0R4IIG4;A0A0 R4IZI8;F1R7B3	si:dkey- 26g8.5;i m:69105 35;MGC 174155;si :dkey- 269i1.4;ct slb;si:dke y- 239j18.2; zgc:1741 53;si:dke y- 239j18.3	2	0	269.59	2.19E+08	604	148	636	16572;16573; 16574;16575; 16576;16577; 16578;16579; 16580;16581; 16582;16583; 16584	
GLDSFA SVSCIR	12	1297.634	F1QJH7;Q4QR C8;F1Q845	c6ast4	Metalloendopeptid ase	2	0.007402	73.067	21364000	605	294	16602;16603; 16604;16605; 16606	16585;16586; 16587;16588
GLEESE PGSER	11	1188.526	A2BDW2;F1R5 T0;Q4FAI8;E9 QHI1;F1QYE2; B3DJP3;A2BD W3;Q90484	tnc		2	4.56E-20	155.84	3.25E+08	606	109	16607;16608; 16609;16610; 16611;16612; 16613;16614; 16615;16616; 16617;16618; 16619;16620; 16621;16622; 16623;16624; 16625;16626; 16627;16628; 16629	16589;16590; 16591;16592; 16593;16594; 16595;16596; 16597;16598; 16599;16600; 16601;16602; 16603;16604; 16605;16606; 16607;16608; 16609;16610; 16611;16612; 16613;16614; 16615;16616; 16617;16618; 16619;16620;

GLETF5 QLVYE DDYGV R GLFIIDG K	17	1989.932	A2BHD8;F1QU U0;A0A0R4IQ N2;A3KNW3	hexb	Beta- hexosaminidase	2	0.010136	64.55	9294700	607	115	16630;16631; 16632	16621;16622; 16623;16624; 16625 16626;16627
	8	861.496	A3KP44	prdx4		2	0.009789	107.32	6.47E+08	608	125	16633;16634; 16635;16636; 16637;16638; 16639;16640; 16641;16642; 16643;16644; 16645;16646; 16647;16648; 16649;16650; 16651;16652; 16653;16654; 16655;16656; 16657;16658; 16659;16660; 16661;16662; 16663;16664; 16665;16666; 16667;16668; 16669;16670; 16671;16672	16628;16629; 16630;16631; 16632;16633; 16634;16635; 16636;16637; 16638;16639; 16640;16641
GLGGD PGPVG K	12	1051.566	A0A0R4IHC0; Q90YJ0;Q6IQX 2;E9QCG6	col1a2		2	0.008694	66.962	2.29E+08	609	59	16673;16674; 16675;16676; 16677;16678; 16679;16680; 16681;16682; 16683;16684; 16685;16686; 16687;16688; 16689;16690; 16691;16692; 16693;16694; 16695	16642;16643; 16644;16645; 16646;16647
GLGTA DNTLIR	11	1129.609	F1R6N3;F61A1 0;A8KBY8;F1Q Z98;F1QSK0;Q 6DG13;F8W331	anxa6	Annexin	2	0.009509	74.165	55856000	610	161	16696;16697; 16698;16699; 16700;16701; 16702;16703; 16704	16648
GLGTTD SVLIR	11	1130.63	Q804G7	anxa4	Annexin	2	5.52E-11	135.79	4.08E+08	611	451	16705;16706; 16707;16708; 16709;16710; 16711;16712; 16713;16714; 16715;16716; 16717;16718; 16719;16720; 16721;16722;	16649;16650; 16651;16652; 16653;16654; 16655;16656; 16657;16658; 16659;16660; 16661;16662; 16663;16664; 16665;16666;

												16723;16724; 16725;16726; 16727;16728; 16729;16730; 16731;16732; 16733	16667;16668; 16669;16670; 16671;16672; 16673;16674; 16675;16676; 16677;16678; 16679;16680; 16681;16682; 16683;16684; 16685
GLGVG FGSGGG SSSSVK	17	1438.705	CON__P13647		2	3.25E-18	126.34	2.04E+08	612	228	644	16686;16687; 16688;16689; 16690;16691; 16692;16693; 16694;16695; 16696;16697; 16698;16699	
GLMGEI QDCVQ NK	13	1477.691	X1WEX4;B0S6 C8;A0A0R4IS9 1	vav3b		2	0.000888	86.67	57594000	613	86	16758;16759; 16760;16761; 16762	16700;16701
GLMTE DDYPY QAK	13	1529.671	Q6NWF2;F1R4 G6	ctsh		2	1.18E-37	160.36	3.67E+08	614	409	16763;16764; 16765;16766; 16767;16768; 16769;16770; 16771;16772; 16773;16774; 16775;16776; 16777;16778; 16779;16780; 16781;16782; 16783;16784; 16785;16786; 16787;16788; 16789;16790; 16791;16792	16702;16703; 16704;16705; 16706;16707; 16708;16709; 16710;16711; 16712;16713; 16714;16715; 16716;16717; 16718;16719; 16720;16721; 16722;16723; 16724;16725
GLNND PNFIK	10	1130.572	Q8QFU2;Q7ZU 30;Q5XJ09;F1Q ZL6	gpia	Glucose-6- phosphate isomerase	2	1.68E-07	131.06	4.95E+08	615	387	16793;16794; 16795;16796; 16797;16798; 16799;16800; 16801;16802; 16803;16804; 16805;16806; 16807;16808; 16809;16810; 16811;16812; 16813;16814; 16815;16816; 16817;16818; 16819;16820; 16821;16822; 16823;16824; 16825;16826;	16726;16727; 16728;16729; 16730;16731; 16732;16733; 16734;16735; 16736;16737; 16738;16739; 16740;16741; 16742;16743; 16744;16745; 16746;16747; 16748;16749; 16750;16751; 16752;16753; 16754;16755; 16756;16757; 16758

GLQGP VGAVG DR	12	1124.594	A9JTG2;F1R1F 1	col9a3		2	0.001321	91.658	3.01E+08	616	173	16827;16828; 16829;16830 16831;16832; 16833;16834; 16835;16836; 16837;16838; 16839;16840; 16841;16842; 16843;16844; 16845;16846; 16847;16848; 16849;16850; 16851;16852; 16853 16854;16855; 16856;16857; 16858;16859; 16860;16861; 16862;16863; 16864;16865; 16866;16867; 16868;16869; 16870;16871; 16872;16873; 16874;16875; 16876;16877; 16878;16879; 16880;16881; 16882;16883; 16884;16885; 16886;16887; 16888;16889; 16890;16891; 16892 16893;16894; 16895;16896; 16897;16898; 16899;16900; 16901;16902; 16903;16904; 16905;16906; 16907;16908; 16909;16910 16911;16912; 16913;16914; 16915;16916; 16917;16918; 16919;16920; 16921;16922; 16923;16924; 16925;16926; 16927;16928; 16929;16930;	16759;16760; 16761;16762; 16763;16764; 16765 16766;16767; 16768;16769; 16770;16771; 16772;16773; 16774;16775; 16776;16777; 16778;16779; 16780;16781; 16782;16783; 16784;16785; 16786;16787; 16788;16789; 16790;16791; 16792;16793; 16794;16795; 16796;16797; 16798;16799; 16800;16801; 16802 16803;16804; 16805;16806; 16807;16808; 16809;16810 16811;16812; 16813;16814; 16815;16816; 16817;16818; 16819;16820; 16821;16822; 16823;16824; 16825;16826; 16827;16828; 16829;16830;
GLSENP DYSNV VFLK	15	1680.836	Q7ZUI4	zgc:5649 3	Thioredoxin	2	1.87E-22	172.11	6.48E+08	617	440	16766;16767; 16768;16769; 16770;16771; 16772;16773; 16774;16775; 16776;16777; 16778;16779; 16780;16781; 16782;16783; 16784;16785; 16786;16787; 16788;16789; 16790;16791; 16792;16793; 16794;16795; 16796;16797; 16798;16799; 16800;16801; 16802	
GLVVQ GSNGE YPYLTA EER	19	2081.007	X1WHD6	hoga1		2	1.12E-29	127.76	48955000	618	470	16893;16894; 16895;16896; 16897;16898; 16899;16900; 16901;16902; 16903;16904; 16905;16906; 16907;16908; 16909;16910 16911;16912; 16913;16914; 16915;16916; 16917;16918; 16919;16920; 16921;16922; 16923;16924; 16925;16926; 16927;16928; 16929;16930;	16803;16804; 16805;16806; 16807;16808; 16809;16810 16811;16812; 16813;16814; 16815;16816; 16817;16818; 16819;16820; 16821;16822; 16823;16824; 16825;16826; 16827;16828; 16829;16830;
GMGMT DMFSD K	11	1218.472	Q5XJ64;A8E5C 2;A8E5C1;F8W 5C3	serpina7		2	0.001151	105.4	2.78E+08	619	154	16811;16812; 16813;16814; 16815;16816; 16817;16818; 16819;16820; 16821;16822; 16823;16824; 16825;16826; 16827;16828; 16829;16830;	

												16931;16932; 16933;16934; 16935;16936; 16937	16831;16832; 16833;16834; 16835;16836; 16837;16838; 16839;16840
GMQDL VEDFK	10	1180.543	CON_P02538		2	0.000252	111.46	6.01E+08	620	219	652;653	16841;16842; 16843;16844; 16845;16846; 16847;16848; 16849;16850; 16851;16852; 16853;16854; 16855;16856; 16857;16858; 16859;16860; 16861;16862; 16863;16864; 16865;16866; 16867;16868; 16869;16870; 16871;16872; 16873;16874; 16875;16876; 16877	
GMVGP QGPR	9	897.4491	B3DLK0;A0A0 R4IMA3;A0A0 R4IHB0;Q2LD A1;B3DKQ3;Q 90412	col2a1a	2	0.012279	94.407	35380000	621	58		17007;17008; 17009;17010; 17011;17012	16878
GNAETI LK	8	844.4654	Q5TZ29	apobb.1	2	0.028215	94.662	1.34E+08	622	385		17013;17014; 17015;17016; 17017;17018; 17019;17020; 17021;17022; 17023	16879
GNDEIP NEPTDK	12	1327.589	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46;Q7 ZZ47	ttnb	2	7.87E-08	132.32	3.14E+08	623	140		17024;17025; 17026;17027; 17028;17029; 17030;17031; 17032;17033; 17034;17035; 17036;17037; 17038;17039; 17040;17041; 17042;17043; 17044;17045; 17046;17047; 17048;17049; 17050	16880;16881; 16882;16883; 16884;16885; 16886;16887; 16888;16889; 16890;16891; 16892;16893; 16894;16895; 16896;16897; 16898;16899; 16900;16901; 16902;16903; 16904;16905; 16906;16907; 16908
GNGEPL VGEETT	19	1831.844	E7FG81;I3IT32; I3ISL8	col12a1b	2	1.81E-16	113.76	28521000	624	274		17051;17052; 17053;17054;	16909

DASASA K GNIDAG YEIAEI AK	14	1462.73	Q6PHU7;Q6P0 K5;F1QJL0;A0 A0R4IJ02;Q7Z V48	chia.6;zg c:65788	2	0.000514	93.345	48032000	625	64	658	17055;17056; 17057;17058 16910;16911; 16912;16913; 16914;16915; 16916;16917
GNVFD WDTIEY DVTGN VPVAT DN	23	2540.134	A4FUL4;Q567 B6	zgc:1363 89;LOC5 70524	2;3	6.93E-19	91.076	3.15E+08	626	129	659	16918;16919; 16920;16921; 16922;16923; 16924;16925; 16926;16927; 16928;16929; 16930;16931; 16932;16933; 16934;16935; 16936;16937; 16938;16939; 16940;16941; 16942
GNVFD WNTIK	10	1192.588	L7QIX7;A8KB B1;A8KBB0;A3 KPG5;Q7SZ53; F6P334	CRP5.2;c rp3;crp2	2	5.45E-05	120.15	2.66E+08	627	126; 349; 357	660	16943;16944; 16945;16946; 16947;16948; 16949;16950; 16951;16952; 16953;16954; 16955;16956; 16957;16958; 16959;16960
GNVLN LNGAG DPLTPG YPAK	20	1967.011	FIRD57;Q7ZU D9	naalad2		2	4.57E-07	71.548	46620000	628	343	17139;17140; 17141;17142; 17143;17144; 17145;17146; 17147;17148; 17149;17150; 17151;17152; 17153;17154; 17155;17156
GPAGPG GPIGQT GR	14	1220.626	D6MUD3;A0A 0R4ISK1	col11a1b		2	0.010448	61.344	5563300	629	88	17157;17158; 17159 16961;16962; 16963;16964; 16965;16966; 16967;16968; 16969;16970; 16971;16972; 16973;16974; 16975;16976
GPETSS TVVTR	11	1132.572	E7EZJ2	CABZ01 048373.1	2	5.43E-31	173.37	3.33E+08	630	245	663	17155;17156 17157;17158; 17159 16977;16978 16979;16980; 16981;16982; 16983;16984; 16985;16986; 16987;16988; 16989;16990; 16991;16992; 16993;16994; 16995;16996; 16997;16998; 16999;17000; 17001;17002; 17003;17004;





FDTALT R GQLQG SDEVTI K	12	1273.651	Q802X1	tfg		2	7.19E-32	159.4	1.06E+09	637	448	17259;17260; 17261;17262 17263;17264; 17265;17266; 17267;17268; 17269;17270; 17271;17272; 17273;17274; 17275;17276; 17277;17278; 17279;17280; 17281;17282; 17283;17284; 17285;17286; 17287;17288; 17289;17290; 17291;17292; 17293;17294; 17295;17296; 17297;17298; 17299	17072;17073; 17074;17075; 17076;17077; 17078;17079; 17080;17081; 17082;17083; 17084;17085; 17086;17087; 17088;17089; 17090;17091; 17092;17093; 17094;17095; 17096;17097; 17098;17099; 17100;17101; 17102;17103; 17104;17105; 17106;17107; 17108;17109; 17110;17111; 17112;17113; 17114;17115; 17116;17117; 17118;17119; 17120;17121; 17122;17123; 17124;17125; 17126;17127; 17128;17129; 17130;17131; 17132;17133; 17134;17135; 17136;17137
GQPEAS YVR	9	1005.488	F1QS73;A0A0 G2KQ10	2	0.040606	84.568	57289000	638	13	671	17300;1730 1;17302;17 303;17304; 17305;1730 6;17307;17 308;17309; 17310		
GQTGG DVNVE MDAAP GVDLSR	21	2086.959	CON_P08779; CON_Q9Z2K1 ;CON_Q3ZA W8	2;3	0	303.96	1.25E+09	639	225	672; 673	17311;1731 2;17313;17 314;17315; 17316;1731 7;17318;17 319;17320; 17321;1732 2;17323;17 324;17325; 17326;1732 7;17328;17		

GQVGG	21	2084.98	CON__P02533	2	2.23E-18	138.19	1.85E+08	640	218	329;17330; 17331;1733 2;17333;17 334;17335; 17336;1733 7;17338;17 339;17340; 17341;1734 2;17343;17 344;17345; 17346;1734 7;17348;17 349;17350; 17351;1735 2;17353;17 354;17355; 17356;1735 7;17358;17 359;17360; 17361;1736 2;17363;17 364;17365; 17366;1736 7;17368;17 369;17370; 17371;1737 2;17373;17 374;17375; 17376;1737 7;17378;17 379;17380; 17381;1738 2;17383;17 384;17385; 17386;1738 7;17388;17 389;17390; 17391;1739 2;17393;17 394;17395; 17396;1739 7;17398;17 399;17400; 17401;1740 2;17403;17 404;17405; 17406;1740 7;17408;17 409;17410 674;675	17251;17252; 17253;17254; 17255;17256; 17257;17258;
DVNVE											
MDAAP											
GVDLSR											

GSGGGS SGGSIG GR	14	1091.496	CON_P04264		2	0.000496	91.937	7005200	641	223	676	17259;17260; 17261;17262; 17263;17264; 17265;17266; 17267;17268; 17269;17270; 17271;17272; 17273;17274; 17275;17276; 17277;17278; 17279;17280; 17281;17282; 17283;17284; 17285;17286 17287
GSGLT WNNLE GK	12	1274.626	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;Q8AX64	tfa	Serotransferrin	2	3.6E-109	214.71	1.32E+09	642	211	17456;17457; 17458;17459; 17460;17461; 17462;17463; 17464;17465; 17466;17467; 17468;17469; 17470;17471; 17472;17473; 17474;17475; 17476;17477; 17478;17479; 17480;17481; 17482;17483; 17484;17485; 17486;17487; 17488;17489; 17490;17491; 17492;17493; 17494;17495; 17496;17497; 17498;17499; 17500;17501; 17502;17503; 17504;17505; 17506;17507; 17508 17288;17289; 17290;17291; 17292;17293; 17294;17295; 17296;17297; 17298;17299; 17300;17301; 17302;17303; 17304;17305; 17306;17307; 17308;17309; 17310;17311; 17312;17313; 17314;17315; 17316;17317; 17318;17319; 17320;17321; 17322;17323; 17324;17325; 17326;17327; 17328;17329; 17330;17331; 17332;17333; 17334;17335; 17336;17337; 17338;17339; 17340;17341; 17342;17343; 17344;17345; 17346;17347; 17348;17349; 17350;17351; 17352;17353; 17354;17355; 17356;17357;

GSGTAE VELK	10	989.5029	Q7ZVT2;Q6NX D1;A0A0R4IGP 6	pkma	Pyruvate kinase	2	0.001592	99.802	8018200	643	55	17509;17510	17358;17359; 17360 17361;17362
GSLGG GFSSGG FSGGSF SR	19	1706.765	CON__P13645			2	6.3E-224	229.17	4.92E+08	644	227	679	17363;17364; 17365;17366; 17367;17368; 17369;17370; 17371;17372; 17373;17374; 17375;17376; 17377;17378; 17379;17380; 17381;17382; 17383;17384; 17385;17386; 17387;17388; 17389;17390; 17391;17392; 17393;17394; 17395;17396; 17397;17398; 17399;17400; 17401;17402; 17403;17404; 17405;17406; 17407;17408; 17409;17410; 17411;17412; 17413;17414; 17415;17416; 17417;17418; 17419;17420; 17421;17422 17423
GSQYLL EK	8	936.4917	A7E2K5;E7F4V 5;E7F8M1;Q50 2C7	crybb1I2; crybb1I1		2	0.020391	96.367	1.86E+08	645	141; 257; 250	680	17424;17425
GSSDFA TVNAE K	12	1224.562	E7EYE1;A0A0 R4IER4;A0A0R 4INP3;A0A0R4 IPK3	CR84797 3.1		2	0.001851	84.658	16767000	646	48	681	17424;17425
GSSDSA QPPLVL VGK	15	1453.778	A2BIC6	lap3		2	6.89E-29	145.46	3.88E+08	647	116	17568;17569; 17570;17571; 17572;17573; 17574;17575; 17576;17577; 17578;17579; 17580;17581; 17582;17583; 17584;17585; 17586;17587; 17588;17589;	17426;17427; 17428;17429; 17430;17431; 17432;17433; 17434;17435; 17436;17437; 17438;17439; 17440;17441; 17442;17443; 17444;17445; 17446;17447;

GSSQDN TIELSA K	13	1348.647	E7FBD3	apoba		2	1.51E-37	158.79	2.2E+08	648	264	17590;17591; 17592;17593; 17594;17595; 17596;17597; 17598;17599; 17600;17601; 17602;17603 17604;17605; 17606;17607; 17608;17609; 17610;17611; 17612;17613; 17614;17615; 17616;17617; 17618;17619; 17620;17621; 17622;17623; 17624;17625; 17626;17627; 17628;17629; 17630;17631	17448;17449; 17450;17451; 17452;17453; 17454;17455; 17456;17457; 17458;17459; 17460 17461;17462; 17463;17464; 17465;17466; 17467;17468; 17469;17470; 17471;17472; 17473;17474; 17475;17476; 17477;17478; 17479;17480; 17481;17482; 17483;17484; 17485;17486; 17487;17488; 17489;17490; 17491;17492; 17493;17494; 17495;17496; 17497
GSSSGG GYSSGS SSYGSG GR	20	1739.698	CON__P35908		2	0.008916	40.552	5143400	649	231	684	17498;17499	
GSTGEQ GPTGPL GLR	15	1425.721	A0A0R4IHC0; Q90YJ0;Q6IQX 2;E9QCG6	coll1a2		2	0.008463	57.019	7706800	650	59	17637;17638; 17639;17640	17500;17501
GSVDDF LTK	9	980.4815	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;Q8AX64;E7FB J1	tfa	Serotransferrin	1;2	1.44E-11	158.56	1.03E+10	651	211	17641;17642; 17643;17644; 17645;17646; 17647;17648; 17649;17650; 17651;17652; 17653;17654; 17655;17656; 17657;17658; 17659;17660; 17661;17662; 17663;17664; 17665;17666; 17667;17668; 17669;17670; 17671;17672; 17673;17674; 17675;17676; 17677;17678; 17679;17680;	17502;17503; 17504;17505; 17506;17507; 17508;17509; 17510;17511; 17512;17513; 17514;17515; 17516;17517; 17518;17519; 17520;17521; 17522;17523; 17524;17525; 17526;17527; 17528;17529; 17530;17531; 17532;17533; 17534;17535; 17536;17537; 17538;17539; 17540;17541;

												17681;17682;	17542;17543;
												17683;17684;	17544;17545;
												17685;17686;	17546;17547;
												17687;17688;	17548;17549;
												17689;17690;	17550;17551;
												17691;17692;	17552;17553;
												17693;17694;	17554;17555;
												17695;17696;	17556;17557;
												17697;17698;	17558;17559;
												17699;17700;	17560;17561;
												17701;17702;	17562;17563;
												17703;17704;	17564;17565;
												17705;17706;	17566;17567;
												17707;17708;	17568;17569;
												17709;17710;	17570;17571;
												17711;17712	17572;17573;
													17574;17575;
													17576;17577;
													17578;17579;
													17580;17581;
													17582;17583;
													17584;17585;
													17586;17587;
													17588;17589;
													17590;17591;
													17592;17593;
													17594;17595;
													17596;17597;
													17598;17599;
													17600;17601;
													17602;17603;
													17604;17605;
													17606;17607;
													17608;17609;
													17610;17611;
													17612;17613;
													17614;17615;
													17616;17617;
													17618;17619;
													17620;17621;
													17622;17623
GTGEVT	17	1814.832	B2GRH9	sod1	Superoxide	2;3	0	361.34	1.29E+09	652	189	17713;17714;	17624;17625;
GTVYF					dismutase [Cu-Zn]							17715;17716;	17626;17627;
NQEGE												17717;17718;	17628;17629;
K												17719;17720;	17630;17631;
												17721;17722;	17632;17633;
												17723;17724;	17634;17635;
												17725;17726;	17636;17637;
												17727;17728;	17638;17639;
												17729;17730;	17640;17641;
												17731;17732;	17642;17643;
												17733;17734;	17644;17645;
												17735;17736;	17646;17647;

17737;17738; 17648;17649;  
17739;17740; 17650;17651;  
17741;17742; 17652;17653;  
17743;17744; 17654;17655;  
17745;17746; 17656;17657;  
17747;17748; 17658;17659;  
17749;17750; 17660;17661;  
17751;17752; 17662;17663;  
17753;17754; 17664;17665;  
17755;17756; 17666;17667;  
17757;17758; 17668;17669;  
17759;17760; 17670;17671;  
17761;17762; 17672;17673;  
17763;17764; 17674;17675;  
17765;17766; 17676;17677;  
17767;17768; 17678;17679;  
17769;17770; 17680;17681;  
17771;17772; 17682;17683;  
17773;17774; 17684;17685;  
17775;17776; 17686;17687;  
17777;17778; 17688;17689;  
17779;17780; 17690;17691;  
17781;17782; 17692;17693;  
17783;17784; 17694;17695;  
17785;17786; 17696;17697;  
17787;17788; 17698;17699;  
17789;17790; 17700;17701;  
17791;17792 17702;17703;  
17704;17705;  
17706;17707;  
17708;17709;  
17710;17711;  
17712;17713;  
17714;17715;  
17716;17717;  
17718;17719;  
17720;17721;  
17722;17723;  
17724;17725;  
17726;17727;  
17728;17729;  
17730;17731;  
17732;17733;  
17734;17735;  
17736;17737;  
17738;17739;  
17740;17741;  
17742;17743;  
17744;17745;  
17746;17747;  
17748;17749;  
17750;17751;  
17752;17753;

GTGSSG GLSIDDI NLSETR GTIDDG YEIAEI AK	19	1877.897	E7FDT4;A0A0 R4ILF0	si:ch73- 40a17.3	Metalloendopeptid ase	2	0.005906	50.155	25645000	653	69	17793;17794; 17795;17796	17754;17755; 17756;17757; 17758;17759 17760;17761
	14	1493.725	Q803B7;Q6P00 6;B5DDE1;Q6N ZZ8;X1WEU8	chia.2;chi a.3		2	1.11E-31	170.52	8.34E+08	654	414	689	17762;17763; 17764;17765; 17766;17767; 17768;17769; 17770;17771; 17772;17773; 17774;17775; 17776;17777; 17778;17779; 17780;17781; 17782;17783; 17784;17785; 17786;17787; 17788;17789; 17790;17791; 17792;17793; 17794;17795; 17796;17797; 17798;17799; 17800;17801; 17802;17803; 17804;17805; 17806;17807; 17808;17809; 17810;17811 17812;17813; 17814;17815
GTLDPV EK	8	857.4495	A0A0R4IVB0; A0A0R4IMF8; Q7ZVJ1;Q6TE Q5;Q6NYR4;F1 R9V3;P79984;O 42359;B0R046; A5PMG2;Q8U UJ8;Q6PH56;B 7ZV46;B0UXS 6;B0UXR9;B0S 610;A8WFS0;Q 9IAC1;O42360	hspa8;si: dkey- 4p15.3;hs p70;CH2 11- 19901.2- 001;si:ch 211- 19901.2;h sp70.3;hs p701;mc m5;hsp70 .2		2	0.0159	98.997	2.6E+08	655	70	690	
GTLNY DESLYV NGNSLR	17	1913.912	Q5TZ29	apobb.1		2	1.68E-10	101.39	95607000	656	385	17858;17859; 17860;17861; 17862;17863; 17864;17865; 17866;17867; 17868;17869; 17870;17871; 17872;17873; 17874;17875;	17816;17817; 17818;17819; 17820;17821; 17822;17823; 17824;17825; 17826;17827; 17828;17829; 17830;17831



GTNQEL AEIK	10	1101.567	A0A0G2KDJ5		2	2E-05	124.95	4.97E+08	657	8	692	17876;17877; 17878;17879; 17880;17881 17832;17833; 17834;17835; 17836;17837; 17838;17839; 17840;17841; 17842;17843; 17844;17845; 17846;17847; 17848;17849; 17850;17851; 17852;17853; 17854;17855; 17856;17857; 17858;17859; 17860;17861; 17862;17863; 17864;17865; 17866;17867; 17868;17869	
GTPAG NIALDL FR	13	1343.72	B8JLL7;B8JLL 8;A0A0R4IP91; Q642J8	ttr	Transthyretin	2	1.1E-09	133.91	1.04E+09	658	75;389	17903;17904; 17905;17906; 17907;17908; 17909;17910; 17911;17912; 17913;17914; 17915;17916; 17917;17918; 17919;17920; 17921;17922; 17923;17924; 17925;17926; 17927;17928; 17929;17930; 17931;17932; 17933;17934; 17935;17936; 17937;17938; 17939;17940; 17941;17942; 17943;17944; 17945;17946; 17947;17948; 17949;17950; 17951;17952; 17953;17954; 17955;17956; 17957;17958; 17959;17960; 17961;17962; 17963;17964;	17870;17871; 17872;17873; 17874;17875; 17876;17877; 17878;17879; 17880;17881; 17882;17883; 17884;17885; 17886;17887; 17888;17889; 17890;17891; 17892;17893; 17894;17895; 17896;17897; 17898;17899; 17900;17901; 17902;17903; 17904;17905; 17906;17907; 17908;17909; 17910;17911; 17912;17913; 17914;17915; 17916;17917; 17918;17919; 17920;17921; 17922;17923; 17924;17925; 17926;17927; 17928;17929; 17930;17931;

17965;17966; 17932;17933;  
17967;17968; 17934;17935;  
17969;17970; 17936;17937;  
17971;17972; 17938;17939;  
17973;17974; 17940;17941;  
17975;17976; 17942;17943;  
17977;17978; 17944;17945;  
17979;17980; 17946;17947;  
17981;17982; 17948;17949;  
17983;17984; 17950;17951;  
17985;17986; 17952;17953;  
17987;17988; 17954;17955;  
17989;17990; 17956;17957;  
17991;17992; 17958;17959;  
17993;17994; 17960;17961;  
17995;17996; 17962;17963;  
17997;17998; 17964;17965;  
17999;18000; 17966;17967;  
18001;18002; 17968;17969;  
18003;18004; 17970;17971;  
18005;18006; 17972;17973;  
18007;18008; 17974;17975;  
18009;18010; 17976;17977;  
18011;18012; 17978;17979;  
18013;18014; 17980;17981;  
18015;18016; 17982;17983;  
18017;18018; 17984;17985;  
18019;18020; 17986;17987;  
18021;18022; 17988;17989;  
18023;18024; 17990;17991;  
18025;18026; 17992;17993;  
18027;18028; 17994;17995;  
18029;18030; 17996;17997;  
18031;18032; 17998;17999;  
18033;18034; 18000;18001;  
18035;18036; 18002;18003;  
18037;18038; 18004;18005;  
18039;18040; 18006;18007;  
18041;18042; 18008;18009;  
18043;18044; 18010;18011;  
18045;18046; 18012;18013;  
18047;18048; 18014;18015;  
18049;18050; 18016;18017;  
18051;18052; 18018;18019;  
18053;18054; 18020;18021;  
18055;18056; 18022;18023;  
18057;18058; 18024;18025;  
18059;18060; 18026;18027;  
18061;18062; 18028;18029;  
18063;18064; 18030;18031;  
18065;18066; 18032;18033;  
18067;18068; 18034;18035;  
18069;18070;

GTSDFV EIGPIK	12	1261.655	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46	ttnb		2	0.046682	51.092	13207000	659	140	18071;18072; 18073;18074; 18075;18076; 18077;18078; 18079;18080; 18081;18082; 18083 18084;18085; 18086;18087; 18088 18089	18036
GVDGD PGPOGV AGAAG DR	18	1594.734	Q6NUV1;E9QH V3;B8A4T6;A0 A0R4II70	col9a1b		2	0.000141	69.602	9153100	660	60	18089	18037
GVGEPL SEPGF AHGLV AR	19	1920.969	Q58EM3;F1QT T0;A0A0R4IU1 4	man2b1	Alpha- mannosidase	3	0.008359	38.017	7613100	661	91	18090;18091; 18092;18093	18038
GVHSSQ ATLDM ALLK	15	1569.819	Q5TZ29	apobb.1		3	0.045793	21.534	8240400	662	385	18094;18095	18039
GVLYG DGQNL AR	12	1261.642	A2BIC6	lap3		2	1.58E-05	125.16	3.19E+08	663	116	18096;18097; 18098;18099; 18100;18101; 18102;18103; 18104;18105; 18106;18107; 18108;18109; 18110;18111; 18112;18113 18114;18115; 18116;18117; 18118;18119; 18120	18040;18041; 18042;18043; 18044;18045; 18046;18047; 18048;18049; 18050;18051; 18052;18053; 18054;18055; 18056 18057;18058; 18059;18060; 18061;18062; 18063;18064; 18065;18066; 18067;18068
GVNTFS PEGR	10	1062.509	Q6TGV6;E9QI F2;E9QFZ7	psma5	Proteasome subunit alpha type	2	1.28E-10	134.77	1.74E+08	664	427;284	18114;18115; 18116;18117; 18118;18119; 18120	18069
GVRGR GGDTG PEGDSG LDGED GASGFF GAIGLP GLPGDP GETGQL GVK	48	4482.132	A8DZD1;Q58E P8;E7F4H7	zgc:1132 32;OTTD ARG000 00011628	7	0.047384	3.53E-11	908790	665	150	700	18069	
GVTLPL PPAGK	11	1048.628	E7FG81;I3IT32	col12a1b		2	0.007905	79.474	4.79E+08	666	274	18122;18123; 18124;18125; 18126;18127; 18128;18129; 18130;18131; 18132;18133; 18134;18135; 18136;18137;	18070;18071; 18072;18073; 18074;18075; 18076;18077; 18078;18079; 18080;18081; 18082;18083; 18084;18085;

												18138;18139; 18140;18141; 18142;18143; 18144;18145; 18146;18147; 18148;18149; 18150;18151; 18152;18153; 18154;18155; 18156;18157; 18158;18159; 18160;18161; 18162;18163; 18164;18165; 18166;18167; 18168;18169; 18170;18171; 18172;18173; 18174	18086;18087; 18088;18089; 18090;18091; 18092;18093; 18094;18095; 18096;18097; 18098;18099; 18100;18101; 18102;18103; 18104;18105; 18106;18107; 18108;18109; 18110;18111; 18112;18113; 18114;18115; 18116;18117; 18118
GVVGP QGETG AR	12	1126.573	A9JTG2;F1R1F 1	col9a3		2	0.040725	52.705	24384000	667	173	18175;18176; 18177;18178; 18179;18180; 18181;18182; 18183;18184; 18185;18186	18119;18120
GVVVG PILSDA R	12	1181.677	A1XF92;A6H8 Q2	crtac1a		2	0.02197	57.785	34151000	668	108	18187;18188; 18189;18190; 18191;18192; 18193;18194; 18195;18196	18121;18122
GYMVW QEVFD NGVK	14	1670.776	A2BHD8;F1QU U0;A0A0R4IQ N2;A3KNW3;F 1QTE2;A2BHD 9	hexb	Beta- hexosaminidase	2	0.001869	77.379	14916000	669	115	18197;18198; 18199;18200; 18201;18202; 18203	18123;18124; 18125
GYQYIF ER	8	1074.513	Q45FX9;Q6DG Y2;Q61QU2	cryba2b;c ryba2a	2	0.00094	146.21	5.21E+08	670	406; 368	706	18126;18127; 18128;18129; 18130;18131; 18132;18133; 18134;18135; 18136;18137; 18138;18139; 18140;18141; 18142;18143; 18144;18145; 18146;18147; 18148;18149; 18150 18151	
HDIIGE VK	8	909.492	E7FF92	LOC5596 37	2	0.011219	105.14	93593000	671	270	707		
HDVIGE VK	8	895.4763	F1R5C0;F1R0Q 0	syt2a		2	0.041111	91.853	21146000	672	329	18257;18258; 18259	18152;18153

HETTEL ISANR	11	1269.631	Q8AYE3	serpincl		2;3	0.006028	99.815	11225000	673	454	18260;18261	18154;18155
HGVQE LEIELQ SQLSK	16	1836.958	CON__P35527		3		0.024666	35.176	5449900	674	230	710	18156;18157; 18158
HGVQP QPNPAP YTIQAS STK	20	2120.065	A0A0B5JS86;A 2CEY7	Si:dkey- 251i10.2; si:dkey- 251i10.2	2;3		3.01E-17	124.09	2.39E+08	675	6	711	18159;18160; 18161;18162; 18163;18164; 18165;18166; 18167;18168; 18169;18170; 18171;18172; 18173;18174; 18175
HITGEQ LGDLY K	12	1372.699	Q6TH14;Q3B7 R7	eno3		2	0.000114	117.02	43366000	676	428	18280;18281; 18282;18283	18176;18177; 18178
HLITST EYK	9	1090.566	F1R7N8;A5X6 X6;G1K2X0;Q7 ZZ46	ttna;ttnb		2	1.65E-43	195.06	2.13E+08	677	332;140	18284;18285; 18286;18287; 18288;18289; 18290;18291; 18292;18293; 18294;18295; 18296;18297	18179;18180; 18181;18182; 18183;18184
HLVDEP QNLIK	11	1304.709	CON__P02769		2;3		3.35E-38	180.67	44855000	678	221	714	18185;18186
HNPTGS LLFYGR	12	1360.689	Q7T309	serpinb1 3	3		0.010962	35.774	6873000	679	434	715	18187
HNPTNS ILFFGR	12	1401.715	Q6DG30	serpinb1		3	0.045172	23.092	2747500	680	394	18301	18188
HPDGLR PEDQAI VTQK	16	1802.928	Q9PT95	rbp4		3	0.004809	48.216	17476000	681	459	18302;18303	18189
HPSYNS NTLDN DVMLIK	17	1959.936	A0A0R4IE72;Q 8AV83;Q561Z7 ;Q9DDE1	try		2;3	5.7E-113	232.53	3.79E+08	682	46	18304;18305; 18306;18307; 18308;18309; 18310;18311; 18312;18313; 18314;18315; 18316;18317; 18318;18319; 18320;18321; 18322;18323; 18324;18325; 18326;18327; 18328;18329; 18330;18331; 18332;18333; 18334;18335; 18336;18337; 18338;18339; 18340;18341; 18342;18343;	18190;18191; 18192;18193; 18194;18195; 18196;18197; 18198;18199; 18200;18201; 18202;18203; 18204;18205; 18206;18207; 18208;18209; 18210;18211; 18212;18213; 18214;18215; 18216;18217; 18218;18219; 18220;18221; 18222;18223; 18224;18225; 18226;18227;

HQMEQ QQTLLER	12	1539.746	A0A0R4IDN8		2	0.015814	53.756	1.03E+09	683	45	720	18344;18345; 18346;18347; 18348;18349; 18350;18351; 18352;18353; 18354 18232;18233; 18234;18235	18228;18229; 18230;18231
HLSLSE ENGSV AIGAGK	17	1682.822	Q7SZ51;Q561U 9;Q4QRF8;B3D J33;Q5RIZ2;F1 Q657	ela2l		2,3	1.3E-131	203.32	2.32E+08	684	197	18381;18382; 18383;18384; 18385;18386; 18387;18388; 18389;18390; 18391;18392; 18393;18394; 18395;18396; 18397;18398; 18399;18400 18254;18255; 18256	18236;18237; 18238;18239; 18240;18241; 18242;18243; 18244;18245; 18246;18247; 18248;18249; 18250;18251; 18252;18253
HTLNQI DSVK	10	1153.609	CON__P12763		2	2.1E-106	223.31	64750000	685	226	722	18254;18255; 18256	
HTLSST QIS	9	972.4876	F1QS22;Q7ZV D6;Q6IQF1	zgc:5609 5	Ferritin	2	0.004434	102.71	4.53E+08	686	315	18404;18405; 18406;18407; 18408;18409; 18410;18411; 18412;18413; 18414;18415; 18416;18417; 18418;18419; 18420;18421; 18422;18423; 18424;18425; 18426;18427; 18428;18429; 18430;18431; 18432;18433; 18434	18257;18258; 18259;18260; 18261;18262; 18263;18264; 18265;18266; 18267;18268; 18269;18270; 18271;18272; 18273;18274; 18275;18276; 18277;18278; 18279;18280; 18281
HTVVG DYTDG K	11	1190.557	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;Q8AX64;E7FB J1	tfa	Serotransferrin	2	0	268.34	2.22E+09	687	211	18435;18436; 18437;18438; 18439;18440; 18441;18442; 18443;18444; 18445;18446; 18447;18448; 18449;18450; 18451;18452; 18453;18454; 18455;18456; 18457;18458; 18459;18460; 18461;18462; 18463;18464; 18465;18466;	18282;18283; 18284;18285; 18286;18287; 18288;18289; 18290;18291; 18292;18293; 18294;18295; 18296;18297; 18298;18299; 18300;18301; 18302;18303; 18304;18305; 18306;18307; 18308;18309; 18310;18311; 18312;18313;

												18467;18468; 18469;18470; 18471;18472; 18473;18474; 18475;18476; 18477;18478; 18479;18480; 18481;18482; 18483;18484	18314;18315; 18316;18317; 18318;18319; 18320;18321; 18322;18323; 18324;18325; 18326;18327; 18328;18329; 18330;18331; 18332;18333; 18334;18335; 18336;18337; 18338;18339; 18340;18341; 18342;18343; 18344;18345; 18346;18347; 18348
HVFGES DELIGQ K	13	1457.715	A0A0R4IGG3; A0A0R4I9C4; E9QBF0;I3IS66	tpi1b;tpi1 a	Triosephosphate isomerase	2;3	4.87E-93	192.44	3.79E+08	688	29;356	18485;18486; 18487;18488; 18489;18490; 18491;18492; 18493;18494; 18495;18496; 18497;18498; 18499;18500; 18501;18502; 18503;18504; 18505;18506; 18507;18508; 18509;18510; 18511;18512; 18513;18514; 18515;18516; 18517;18518; 18519;18520; 18521;18522	18349;18350; 18351;18352; 18353;18354; 18355;18356; 18357;18358; 18359;18360; 18361;18362; 18363;18364; 18365;18366; 18367;18368; 18369;18370; 18371;18372; 18373;18374; 18375;18376; 18377;18378; 18379;18380
HVGDL GNVTA DASGV AK	17	1609.806	B2GRH9	sod1	Superoxide dismutase [Cu-Zn]	2;3	0	296.85	5.04E+09	689	189	18523;18524; 18525;18526; 18527;18528; 18529;18530; 18531;18532; 18533;18534; 18535;18536; 18537;18538; 18539;18540; 18541;18542; 18543;18544; 18545;18546; 18547;18548; 18549;18550; 18551;18552; 18553;18554;	18381;18382; 18383;18384; 18385;18386; 18387;18388; 18389;18390; 18391;18392; 18393;18394; 18395;18396; 18397;18398; 18399;18400; 18401;18402; 18403;18404; 18405;18406; 18407;18408; 18409;18410; 18411;18412;

18555;18556; 18413;18414;  
18557;18558; 18415;18416;  
18559;18560; 18417;18418;  
18561;18562; 18419;18420;  
18563;18564; 18421;18422;  
18565;18566; 18423;18424;  
18567;18568; 18425;18426;  
18569;18570; 18427;18428;  
18571;18572; 18429;18430;  
18573;18574; 18431;18432;  
18575;18576; 18433;18434;  
18577;18578; 18435;18436;  
18579;18580; 18437;18438;  
18581;18582; 18439;18440;  
18583;18584; 18441;18442;  
18585;18586; 18443;18444;  
18587;18588; 18445;18446;  
18589;18590; 18447;18448;  
18591;18592; 18449;18450;  
18593;18594; 18451;18452;  
18595;18596; 18453;18454;  
18597;18598; 18455;18456;  
18599;18600; 18457;18458;  
18601;18602; 18459;18460;  
18603;18604; 18461;18462;  
18605;18606; 18463;18464;  
18607;18608; 18465;18466;  
18609;18610; 18467;18468;  
18611;18612; 18469;18470;  
18613;18614; 18471;18472;  
18615;18616; 18473;18474;  
18617;18618; 18475;18476;  
18619;18620; 18477;18478;  
18621;18622; 18479;18480;  
18623;18624; 18481;18482;  
18625;18626; 18483;18484;  
18627;18628; 18485;18486;  
18629;18630; 18487;18488;  
18631;18632; 18489;18490;  
18633;18634; 18491;18492;  
18635;18636; 18493;18494;  
18637;18638; 18495;18496;  
18639;18640; 18497;18498;  
18641;18642; 18499;18500;  
18643;18644; 18501;18502;  
18645;18646; 18503;18504;  
18647;18648; 18505;18506;  
18649;18650 18507;18508;  
18509;18510;  
18511;18512;  
18513;18514;  
18515;18516;  
18517;18518;



IAESSCP	11	1134.534	F1Q924	col6a6	2	0.050387	53.327	5819100	690	295	18651;18652; 18653;18654	18519;18520; 18521;18522; 18523;18524; 18525;18526; 18527;18528; 18529;18530; 18531;18532; 18533;18534; 18535;18536; 18537;18538; 18539;18540; 18541;18542; 18543;18544; 18545;18546; 18547;18548; 18549;18550; 18551;18552; 18553;18554 18555
TGAR												
IAGGLA	15	1496.809	B3DFP9	apoa2	1;2;3	0	272.1	1.99E+10	691	193	18655;18656; 18657;18658; 18659;18660; 18661;18662; 18663;18664; 18665;18666; 18667;18668; 18669;18670; 18671;18672; 18673;18674; 18675;18676; 18677;18678; 18679;18680; 18681;18682; 18683;18684; 18685;18686; 18687;18688; 18689;18690; 18691;18692; 18693;18694; 18695;18696; 18697;18698; 18699;18700; 18701;18702; 18703;18704; 18705;18706; 18707;18708; 18709;18710; 18711;18712; 18713;18714; 18715;18716; 18717;18718; 18719;18720;	18556;18557; 18558;18559; 18560;18561; 18562;18563; 18564;18565; 18566;18567; 18568;18569; 18570;18571; 18572;18573; 18574;18575; 18576;18577; 18578;18579; 18580;18581; 18582;18583; 18584;18585; 18586;18587; 18588;18589; 18590;18591; 18592;18593; 18594;18595; 18596;18597; 18598;18599; 18600;18601; 18602;18603; 18604;18605; 18606;18607; 18608;18609; 18610;18611; 18612;18613; 18614;18615; 18616;18617; 18618;18619; 18620;18621;
SELEPV												
VDK												

18721;18722; 18622;18623;  
18723;18724; 18624;18625;  
18725;18726; 18626;18627;  
18727;18728; 18628;18629;  
18729;18730; 18630;18631;  
18731;18732; 18632;18633;  
18733;18734; 18634;18635;  
18735;18736; 18636;18637;  
18737;18738; 18638;18639;  
18739;18740; 18640;18641;  
18741;18742; 18642;18643;  
18743;18744; 18644;18645;  
18745;18746; 18646;18647;  
18747;18748; 18648;18649;  
18749;18750; 18650;18651;  
18751;18752; 18652;18653;  
18753;18754; 18654;18655;  
18755;18756; 18656;18657;  
18757;18758; 18658;18659;  
18759;18760; 18660;18661;  
18761;18762; 18662;18663;  
18763;18764; 18664;18665;  
18765;18766; 18666;18667;  
18767;18768; 18668;18669;  
18769;18770; 18670;18671;  
18771;18772; 18672;18673;  
18773;18774; 18674;18675;  
18775;18776; 18676;18677;  
18777;18778; 18678;18679;  
18779;18780; 18680;18681;  
18781;18782; 18682;18683;  
18783;18784; 18684;18685;  
18785;18786; 18686;18687;  
18787;18788; 18688;18689;  
18789;18790; 18690;18691;  
18791;18792; 18692;18693;  
18793;18794; 18694;18695;  
18795;18796; 18696;18697;  
18797;18798; 18698;18699;  
18799;18800; 18700;18701;  
18801;18802; 18702;18703;  
18803;18804; 18704;18705;  
18805;18806; 18706;18707;  
18807;18808; 18708;18709;  
18809;18810; 18710;18711;  
18811;18812; 18712;18713;  
18813;18814; 18714;18715;  
18815;18816; 18716;18717;  
18817;18818; 18718;18719;  
18819;18820; 18720;18721;  
18821;18822; 18722;18723;  
18823;18824; 18724;18725;  
18825;18826; 18726;18727;

IAGGLA	17	1723.947	B3DFP9	apoa2	3	3.82E-07	82.007	15724000	692	193	18827;18828; 18829;18830; 18831;18832; 18833;18834; 18835;18836; 18837;18838; 18839;18840; 18841;18842; 18843;18844; 18845;18846; 18847;18848; 18849;18850; 18851;18852; 18853;18854; 18855;18856; 18857	18728;18729; 18730;18731; 18732;18733; 18734;18735; 18736;18737; 18738;18739; 18740;18741; 18742;18743; 18744;18745; 18746;18747; 18748;18749; 18750;18751; 18752;18753; 18754;18755; 18756;18757; 18758;18759; 18760;18761; 18762;18763; 18764;18765; 18766;18767; 18768;18769; 18770;18771; 18772;18773; 18774;18775; 18776;18777; 18778;18779; 18780;18781; 18782;18783; 18784;18785; 18786;18787; 18788;18789; 18790;18791; 18792;18793; 18794;18795; 18796;18797; 18798;18799; 18800;18801; 18802;18803; 18804;18805; 18806;18807; 18808;18809; 18810;18811; 18812;18813 18814;18815
SELEPV												
VDKAR												
IATHLP	12	1303.714	A2BDW2;F1R5 T0;Q4FAI8;E9 QH11;F1QYE2; B3DJP3	tnc	2;3	0.000114	68.548	1.36E+08	693	109	18858;18859; 18860	18816;18817; 18818;18819; 18820;18821; 18822;18823; 18824;18825; 18826;18827 18873;18874;
EPEGLK												

IAVQW QK	7	871.4916	B5DDZ4	acta1	2	0.044714	85.306	51729000	694	203	18875;18876; 18877;18878; 18879;18880; 18881;18882; 18883;18884; 18885;18886; 18887	18828
ICNMES NIGNPV K	13	1461.696	A5X6X6	ttnb	2	3.44E-09	130.94	1.18E+08	695	140	18888;18889; 18890;18891; 18892;18893; 18894;18895; 18896;18897; 18898;18899; 18900;18901; 18902;18903; 18904;18905; 18906;18907	18829;18830; 18831;18832; 18833;18834; 18835;18836; 18837;18838; 18839
IDDDAP LDR	9	1028.478	Q7T2J4	adh8b	2	0.030021	87.476	76953000	696	433	18908;18909; 18910;18911; 18912;18913; 18914	18840
IDDETD TKPED WDKPE NIPDPD AK	24	2782.246	Q802X3;Q6D11 3;A0A0R4IL29; A0A0B5JS27	calr3b	3;4	1.07E-25	95.926	1.02E+08	697	5	18915;18916; 18917;18918; 18919;18920; 18921;18922; 18923;18924	18841;18842; 18843;18844; 18845;18846; 18847;18848; 18849
IDDPED TKPED WDKPE NIPDPD AK	24	2778.251	Q9PUC1;A0A0 R4ILP1;Q6PE2 6;Q6NV30;A0A 0B5JPZ1	calr3a	3;4	4.66E-25	92.29	1.15E+08	698	4	18925;18926; 18927;18928; 18929;18930; 18931;18932; 18933;18934	18850;18851; 18852;18853; 18854;18855; 18856;18857; 18858;18859; 18860;18861; 18862;18863; 18864;18865; 18866;18867
IDMTGP VTIK	10	1073.579	F1QF69;A8KB A7	soul5	2	2.37E-11	144.09	9.37E+08	699	160	18935;18936; 18937;18938; 18939;18940; 18941;18942; 18943;18944; 18945;18946; 18947;18948; 18949;18950; 18951;18952; 18953;18954; 18955;18956; 18957;18958; 18959;18960; 18961;18962; 18963;18964; 18965;18966; 18967;18968	18868;18869; 18870;18871; 18872;18873; 18874;18875; 18876;18877; 18878;18879; 18880;18881; 18882;18883; 18884;18885; 18886;18887; 18888;18889; 18890;18891; 18892;18893; 18894;18895; 18896;18897; 18898;18899; 18900;18901; 18902;18903;

IDMVDL DGSNR	11	1233.566	A0A0R4IVL1; A0A0R4IVD8; E0AE56;A0A0 R4IAG0;A0A0 R4IYF9	lrp2a		2	0.007342	81.338	68631000	700	33	18969;18970; 18971;18972; 18973;18974; 18975;18976; 18977;18978; 18979;18980; 18981;18982; 18983;18984; 18985;18986; 18987;18988; 18989;18990 18991;18992; 18993;18994; 18995;18996; 18997;18998; 18999;19000; 19001 18923;18924; 18925;18926; 18927;18928; 18929;18930; 18931;18932; 18933;18934; 18935;18936; 18937;18938; 18939;18940; 18941;18942; 18943;18944; 18945;18946	18904;18905; 18906;18907; 18908;18909; 18910;18911; 18912;18913; 18914;18915 18916;18917; 18918;18919; 18920
IDSLE GHPTPK	12	1307.636	Q7T2Q9;Q6PHI 8;B2GRK9	tktb		2;3	0.000461	106.62	68987000	701	190	18991;18992; 18993;18994; 18995;18996; 18997;18998; 18999;19000; 19001 18923;18924; 18925;18926; 18927;18928; 18929;18930; 18931;18932; 18933;18934; 18935;18936; 18937;18938; 18939;18940; 18941;18942; 18943;18944; 18945;18946	18921;18922
IDSPAQI EVADV TDR	15	1627.805	E7EZJ2	CABZ01 048373.1	2	1.7E-15	127.56	1.32E+08	702	245	739	18923;18924; 18925;18926; 18927;18928; 18929;18930; 18931;18932; 18933;18934; 18935;18936; 18937;18938; 18939;18940; 18941;18942; 18943;18944; 18945;18946	
IDTNVD TLFGNR	12	1363.673	Q5TZ29	apobb.1		2;3	0	321.34	6.65E+09	703	385	19023;19024; 19025;19026; 19027;19028; 19029;19030; 19031;19032; 19033;19034; 19035;19036; 19037;19038; 19039;19040; 19041;19042; 19043;19044; 19045;19046; 19047;19048; 19049;19050; 19051;19052; 19053;19054; 19055;19056; 19057;19058;	18947;18948; 18949;18950; 18951;18952; 18953;18954; 18955;18956; 18957;18958; 18959;18960; 18961;18962; 18963;18964; 18965;18966; 18967;18968; 18969;18970; 18971;18972; 18973;18974; 18975;18976; 18977;18978; 18979;18980; 18981;18982;

19059;19060; 18983;18984;  
19061;19062; 18985;18986;  
19063;19064; 18987;18988;  
19065;19066; 18989;18990;  
19067;19068; 18991;18992;  
19069;19070; 18993;18994;  
19071;19072; 18995;18996;  
19073;19074; 18997;18998;  
19075;19076; 18999;19000;  
19077;19078; 19001;19002;  
19079;19080; 19003;19004;  
19081;19082; 19005;19006;  
19083;19084; 19007;19008;  
19085;19086; 19009;19010;  
19087;19088; 19011;19012;  
19089;19090; 19013;19014;  
19091;19092; 19015;19016;  
19093;19094; 19017;19018;  
19095;19096; 19019;19020;  
19097;19098; 19021;19022;  
19099;19100; 19023;19024;  
19101;19102; 19025;19026;  
19103;19104; 19027;19028;  
19105;19106; 19029;19030;  
19107;19108; 19031;19032;  
19109;19110; 19033;19034;  
19111;19112; 19035;19036;  
19113;19114; 19037;19038;  
19115;19116; 19039;19040;  
19117;19118; 19041;19042;  
19119;19120; 19043;19044;  
19121;19122; 19045;19046;  
19123;19124; 19047;19048;  
19125;19126; 19049;19050;  
19127;19128; 19051;19052;  
19129;19130; 19053;19054;  
19131;19132; 19055;19056;  
19133;19134; 19057;19058;  
19135;19136; 19059;19060;  
19137;19138; 19061;19062;  
19139;19140; 19063;19064;  
19141;19142; 19065;19066;  
19143;19144; 19067;19068;  
19145;19146; 19069;19070;  
19147;19148; 19071;19072;  
19149;19150 19073;19074;  
19075;19076;  
19077;19078;  
19079;19080;  
19081;19082;  
19083;19084;  
19085;19086;  
19087;19088;

19089;19090;  
19091;19092;  
19093;19094;  
19095;19096;  
19097;19098;  
19099;19100;  
19101;19102;  
19103;19104;  
19105;19106;  
19107;19108;  
19109;19110;  
19111;19112;  
19113;19114;  
19115;19116;  
19117;19118;  
19119;19120;  
19121;19122;  
19123;19124;  
19125;19126;  
19127;19128;  
19129;19130;  
19131;19132;  
19133;19134;  
19135;19136;  
19137;19138;  
19139;19140;  
19141;19142;  
19143;19144;  
19145;19146;  
19147;19148;  
19149;19150;  
19151;19152;  
19153;19154;  
19155;19156;  
19157;19158;  
19159;19160;  
19161;19162;  
19163;19164;  
19165;19166;  
19167;19168;  
19169;19170;  
19171;19172;  
19173;19174;  
19175;19176;  
19177;19178;  
19179;19180;  
19181;19182;  
19183;19184;  
19185;19186;  
19187;19188;  
19189;19190;  
19191;19192;  
19193;19194;

IDTVLT 11 1229.65 Q5TZ29 apobb.1 2 1.6E-133 227.27 8.73E+09 704 385  
PSEQK

19151;19152;  
19153;19154;  
19155;19156;  
19157;19158;  
19159;19160;  
19161;19162;  
19163;19164;  
19165;19166;  
19167;19168;  
19169;19170;  
19171;19172;  
19173;19174;  
19175;19176;  
19177;19178;  
19179;19180;  
19181;19182;  
19183;19184;  
19185;19186;  
19187;19188;  
19189;19190;  
19191;19192;  
19193;19194;

IDVAVE AAAGG K	12	1099.587	Q803L1;Q6TN U6	dldh	Dihydropolipoyl dehydrogenase	2	5.72E-06	111.06	1.51E+09	705	449	19195;19196; 19197;19198; 19199;19200; 19201;19202; 19203;19204; 19205;19206; 19207;19208; 19209;19210; 19211;19212; 19213;19214; 19215;19216; 19217;19218; 19219;19220; 19221;19222; 19223;19224; 19225;19226; 19227;19228; 19229;19230; 19231 19195;19196; 19197;19198; 19199;19200; 19201;19202; 19203;19204; 19205;19206; 19207;19208; 19209;19210; 19211;19212; 19213;19214; 19215;19216; 19217;19218; 19219;19220 19221;19222; 19223;19224; 19225;19226; 19227;19228; 19229;19230; 19231;19232; 19233;19234; 19235;19236; 19237;19238; 19239;19240; 19241;19242; 19243;19244; 19245;19246; 19247;19248; 19249;19250; 19251;19252; 19253;19254; 19255;19256; 19257;19258; 19259;19260; 19261;19262;	19232;19233; 19234;19235; 19236;19237; 19238;19239; 19240;19241; 19242;19243; 19244;19245; 19246;19247; 19248;19249; 19250;19251; 19252;19253; 19254;19255
IDYDEF LDFMK	11	1434.638	Q6IQ64	tnnc1b		2	4.69E-72	204.07	3.13E+09	706	404	19221;19222; 19223;19224; 19225;19226; 19227;19228; 19229;19230; 19231;19232; 19233;19234; 19235;19236; 19237;19238; 19239;19240; 19241;19242; 19243;19244; 19245;19246; 19247;19248; 19249;19250; 19251;19252; 19253;19254; 19255;19256; 19257;19258; 19259;19260; 19261;19262; 19256;19257; 19258;19259; 19260;19261; 19262;19263; 19264;19265; 19266;19267; 19268;19269; 19270;19271; 19272;19273; 19274;19275; 19276;19277; 19278;19279; 19280;19281; 19282;19283; 19284;19285; 19286;19287; 19288;19289; 19290;19291; 19292;19293; 19294;19295; 19296;19297;	



19263;19264; 19298;19299;  
19265;19266; 19300;19301;  
19267;19268; 19302;19303;  
19269;19270; 19304;19305;  
19271;19272; 19306;19307;  
19273;19274; 19308;19309;  
19275;19276; 19310;19311;  
19277;19278; 19312;19313;  
19279;19280; 19314;19315;  
19281;19282; 19316;19317;  
19283;19284; 19318;19319;  
19285;19286; 19320;19321;  
19287;19288; 19322;19323;  
19289;19290; 19324;19325;  
19291;19292; 19326;19327;  
19293;19294; 19328;19329;  
19295;19296; 19330;19331;  
19297;19298; 19332;19333;  
19299;19300; 19334;19335;  
19301;19302; 19336;19337;  
19303;19304; 19338;19339;  
19305;19306; 19340;19341;  
19307;19308; 19342;19343;  
19309;19310; 19344;19345;  
19311;19312; 19346;19347;  
19313;19314; 19348;19349;  
19315;19316; 19350;19351;  
19317;19318; 19352;19353;  
19319;19320; 19354;19355;  
19321;19322; 19356;19357;  
19323;19324; 19358;19359;  
19325;19326; 19360;19361;  
19327;19328; 19362;19363;  
19329;19330; 19364;19365;  
19331;19332; 19366;19367;  
19333;19334; 19368;19369;  
19335;19336; 19370;19371;  
19337;19338; 19372;19373;  
19339;19340; 19374;19375;  
19341;19342; 19376;19377;  
19343;19344; 19378;19379;  
19345;19346; 19380;19381;  
19347;19348; 19382;19383;  
19349;19350; 19384;19385;  
19351;19352; 19386;19387;  
19353;19354; 19388;19389;  
19355;19356; 19390;19391;  
19357;19358; 19392;19393;  
19359;19360; 19394;19395;  
19361;19362; 19396;19397;  
19363;19364; 19398;19399;  
19365;19366; 19400;19401;  
19367;19368; 19402;19403;

19369;19370; 19404;19405;  
19371;19372; 19406;19407;  
19373;19374; 19408;19409;  
19375;19376; 19410;19411;  
19377;19378; 19412;19413;  
19379;19380; 19414;19415;  
19381;19382; 19416;19417;  
19383;19384; 19418;19419;  
19385;19386; 19420;19421;  
19387;19388; 19422;19423;  
19389;19390; 19424;19425;  
19391;19392; 19426;19427;  
19393;19394; 19428;19429;  
19395;19396; 19430;19431;  
19397;19398; 19432;19433;  
19399;19400; 19434;19435;  
19401;19402; 19436;19437;  
19403;19404; 19438;19439;  
19405;19406; 19440;19441;  
19407;19408; 19442;19443;  
19409;19410; 19444;19445;  
19411;19412; 19446;19447;  
19413;19414; 19448;19449;  
19415;19416; 19450;19451;  
19417;19418; 19452;19453;  
19419;19420; 19454;19455;  
19421;19422; 19456;19457;  
19423;19424; 19458;19459;  
19425;19426; 19460;19461;  
19427;19428; 19462;19463;  
19429;19430; 19464;19465;  
19431;19432; 19466;19467;  
19433;19434; 19468;19469;  
19435;19436; 19470;19471;  
19437;19438; 19472;19473;  
19439;19440; 19474;19475;  
19441;19442; 19476;19477;  
19443;19444; 19478;19479;  
19445;19446; 19480;19481;  
19447;19448; 19482;19483;  
19449 19484;19485;  
19486;19487;  
19488;19489;  
19490;19491;  
19492;19493;  
19494;19495;  
19496;19497;  
19498;19499;  
19500;19501;  
19502;19503;  
19504;19505;  
19506;19507;  
19508;19509;

IEDEQA LGAQL QK	13	1441.741	Q508P8;B3DK5 0;A0MQ61;A0 A0R4INI3;A0A 0R4IVW7	smyhc1		2	0.01142	60.342	18568000	707	73	19450;19451; 19452;19453; 19454	19510;19511; 19512;19513; 19514;19515; 19516;19517; 19518;19519; 19520;19521; 19522;19523; 19524;19525; 19526;19527; 19528;19529; 19530;19531 19532;19533
IEDEQS LGAQL QK	13	1457.736	B8A568;B8A56 1;B3DJM6;B8A 569;F1R6C7;Q5 08P7;A2BGX6; E7FAD0;F1Q5 K4;Q6IQX1;Q8 02Z4	myhz1.1; myhz1.2; myhz1.3; myha;my hc4;myhz 2;zgc:661 56	2		5.1E-121	215.83	1.57E+08	708	200	746	19534;19535; 19536;19537; 19538;19539; 19540;19541; 19542;19543; 19544;19545; 19546;19547; 19548;19549; 19550;19551; 19552
IEEELG DK	8	931.4498	Q6PC12;Q6IQP 5;Q6TH14;Q56 8G3;Q3B7R7	eno1a;en o3	2		6.67E-08	159.04	1.02E+09	709	428; 405	747	19553;19554; 19555;19556; 19557;19558; 19559;19560; 19561;19562; 19563;19564; 19565;19566; 19567;19568; 19569;19570; 19571;19572; 19573;19574; 19575;19576; 19577;19578; 19579;19580; 19581;19582; 19583;19584; 19585;19586; 19587;19588; 19589;19590; 19591;19592; 19593;19594; 19595;19596; 19597;19598; 19599
IEEELG EK	8	945.4655	Q6PC89	eno1b		2	0.001305	134.81	2.13E+08	710	426	19508;19509; 19510;19511; 19512;19513; 19514;19515;	19600;19601; 19602;19603; 19604;19605;

IEEGMD QINK	10	1175.549	U3JAS0	snap25a	Synaptosomal- associated protein	2	0.000956	104.2	3.32E+08	711	465	19516;19517; 19518;19519; 19520;19521; 19522;19523; 19524;19525; 19526 19527;19528; 19529;19530; 19531;19532; 19533;19534; 19535;19536; 19537;19538; 19539;19540; 19541;19542; 19543;19544; 19545;19546; 19547;19548; 19549;19550 19551;19552; 19553;19554; 19555;19556 19606;19607; 19608;19609 19610;19611; 19612;19613; 19614;19615; 19616;19617
IEEIFKK	7	905.5222	Q90X19;A2BH A3;Q9PV91	ckma		2	0.003792	122.79	51570000	712	114	19618;19619
IEELEE LEAER	12	1487.699	Q508P8;B3DK5 0;A0MQ61;A0 A0R4IN13;A0A 0R4IVW7;A0A 0G2L354;A8W BZ8;B6IDE0;A 0A0N4SU68;B6 IDE1;A0A0N4S UF4;A0A0G2L 6C1;A0A0G2L3 65;E7F5L1;E9Q F07	smyhc1;s myhc3;s myhc2;m yh7bb	2;3	0	271.62	1.78E+10	713	73	751	19620;19621; 19622;19623; 19624;19625; 19626;19627; 19628;19629; 19630;19631; 19632;19633; 19634;19635; 19636;19637; 19638;19639; 19640;19641; 19642;19643; 19644;19645; 19646;19647; 19648;19649; 19650;19651; 19652;19653; 19654;19655; 19656;19657; 19658;19659; 19660;19661; 19662;19663; 19664;19665; 19666;19667; 19668;19669; 19670;19671; 19672;19673; 19674;19675; 19676;19677; 19678;19679; 19680;19681; 19682;19683;

19684;19685;  
19686;19687;  
19688;19689;  
19690;19691;  
19692;19693;  
19694;19695;  
19696;19697;  
19698;19699;  
19700;19701;  
19702;19703;  
19704;19705;  
19706;19707;  
19708;19709;  
19710;19711;  
19712;19713;  
19714;19715;  
19716;19717;  
19718;19719;  
19720;19721;  
19722;19723;  
19724;19725;  
19726;19727;  
19728;19729;  
19730;19731;  
19732;19733;  
19734;19735;  
19736;19737;  
19738;19739;  
19740;19741;  
19742;19743;  
19744;19745;  
19746;19747;  
19748;19749;  
19750;19751;  
19752;19753;  
19754;19755;  
19756;19757;  
19758;19759;  
19760;19761;  
19762;19763;  
19764;19765;  
19766;19767;  
19768;19769;  
19770;19771;  
19772;19773;  
19774;19775;  
19776;19777;  
19778;19779;  
19780;19781;  
19782;19783;  
19784;19785;  
19786;19787;  
19788;19789;

19790;19791;  
19792;19793;  
19794;19795;  
19796;19797;  
19798;19799;  
19800;19801;  
19802;19803;  
19804;19805;  
19806;19807;  
19808;19809;  
19810;19811;  
19812;19813;  
19814;19815;  
19816;19817;  
19818;19819;  
19820;19821;  
19822;19823;  
19824;19825;  
19826;19827;  
19828;19829;  
19830;19831;  
19832;19833;  
19834;19835;  
19836;19837;  
19838;19839;  
19840;19841;  
19842;19843;  
19844;19845;  
19846;19847;  
19848;19849;  
19850;19851;  
19852;19853;  
19854;19855;  
19856;19857;  
19858;19859;  
19860;19861;  
19862;19863;  
19864;19865;  
19866;19867;  
19868;19869;  
19870;19871;  
19872;19873;  
19874;19875;  
19876;19877;  
19878;19879;  
19880;19881;  
19882;19883;  
19884;19885;  
19886;19887;  
19888;19889;  
19890;19891;  
19892;19893;  
19894;19895;

19896;19897;  
19898;19899;  
19900;19901;  
19902;19903;  
19904;19905;  
19906;19907;  
19908;19909;  
19910;19911;  
19912;19913;  
19914;19915;  
19916;19917;  
19918;19919;  
19920;19921;  
19922;19923;  
19924;19925;  
19926;19927;  
19928;19929;  
19930;19931;  
19932;19933;  
19934;19935;  
19936;19937;  
19938;19939;  
19940;19941;  
19942;19943;  
19944;19945;  
19946;19947;  
19948;19949;  
19950;19951;  
19952;19953;  
19954;19955;  
19956;19957;  
19958;19959;  
19960;19961;  
19962;19963;  
19964;19965;  
19966;19967;  
19968;19969;  
19970;19971;  
19972;19973;  
19974;19975;  
19976;19977;  
19978;19979;  
19980;19981;  
19982;19983;  
19984;19985;  
19986;19987;  
19988;19989;  
19990;19991;  
19992;19993;  
19994;19995;  
19996;19997;  
19998;19999;  
20000;20001;

20002;20003;  
20004;20005;  
20006;20007;  
20008;20009;  
20010;20011;  
20012;20013;  
20014;20015;  
20016;20017;  
20018;20019;  
20020;20021;  
20022;20023;  
20024;20025;  
20026;20027;  
20028;20029;  
20030;20031;  
20032;20033;  
20034;20035;  
20036;20037;  
20038;20039;  
20040;20041;  
20042;20043;  
20044;20045;  
20046;20047;  
20048;20049;  
20050;20051;  
20052;20053;  
20054;20055;  
20056;20057;  
20058;20059;  
20060;20061;  
20062;20063;  
20064;20065;  
20066;20067;  
20068;20069;  
20070;20071;  
20072;20073;  
20074;20075;  
20076;20077;  
20078;20079;  
20080;20081;  
20082;20083;  
20084;20085;  
20086;20087;  
20088;20089;  
20090;20091;  
20092;20093;  
20094;20095;  
20096;20097;  
20098;20099;  
20100;20101;  
20102;20103;  
20104



IEGSTFL VGR	10	1077.582	Q5TZ29	apobb.1		2	0.021233	74.92	58179000	714	385	19976;19977; 19978;19979; 19980;19981; 19982;19983; 19984	20105;20106; 20107;20108
IEIEDA MLTSLG QHSIIG R	19	2082.078	B2GRH9	sod1	Superoxide dismutase [Cu-Zn]	2;3	1.3E-142	200.48	2.33E+09	715	189	19985;19986; 19987;19988; 19989;19990; 19991;19992; 19993;19994; 19995;19996; 19997;19998; 19999;20000; 20001;20002; 20003;20004; 20005;20006; 20007;20008; 20009;20010; 20011;20012; 20013;20014; 20015;20016; 20017;20018; 20019;20020; 20021;20022; 20023;20024; 20025;20026; 20027;20028; 20029;20030; 20031;20032; 20033;20034; 20035;20036; 20037;20038; 20039;20040; 20041;20042; 20043;20044; 20045;20046; 20047;20048; 20049;20050; 20051;20052; 20053;20054; 20055;20056; 20057;20058; 20059;20060; 20061;20062; 20063;20064; 20065;20066; 20067;20068; 20069;20070; 20071;20072; 20073;20074; 20075;20076; 20077;20078; 20079;20080;	20109;20110; 20111;20112; 20113;20114; 20115;20116; 20117;20118; 20119;20120; 20121;20122; 20123;20124; 20125;20126; 20127;20128; 20129;20130; 20131;20132; 20133;20134; 20135;20136; 20137;20138; 20139;20140; 20141;20142; 20143;20144; 20145;20146; 20147;20148; 20149;20150; 20151;20152; 20153;20154; 20155;20156; 20157;20158; 20159;20160; 20161;20162; 20163;20164; 20165;20166; 20167;20168; 20169;20170; 20171;20172; 20173;20174; 20175;20176; 20177;20178; 20179;20180; 20181;20182; 20183;20184; 20185;20186; 20187;20188; 20189;20190; 20191;20192; 20193;20194; 20195;20196; 20197;20198; 20199;20200; 20201;20202; 20203;20204;

20081;20082; 20205;20206;  
20083;20084; 20207;20208;  
20085;20086; 20209;20210;  
20087;20088; 20211;20212;  
20089;20090; 20213;20214;  
20091;20092; 20215;20216;  
20093;20094; 20217;20218;  
20095;20096; 20219;20220;  
20097;20098; 20221;20222;  
20099;20100; 20223;20224;  
20101;20102; 20225;20226;  
20103;20104; 20227;20228;  
20105;20106; 20229;20230;  
20107;20108; 20231;20232;  
20109;20110; 20233;20234;  
20111;20112; 20235;20236;  
20113;20114; 20237;20238;  
20115;20116; 20239;20240;  
20117;20118; 20241;20242;  
20119;20120; 20243;20244;  
20121;20122; 20245;20246;  
20123;20124; 20247;20248;  
20125;20126; 20249;20250;  
20127;20128; 20251;20252;  
20129;20130; 20253;20254;  
20131;20132; 20255;20256;  
20133;20134; 20257;20258;  
20135;20136; 20259;20260;  
20137;20138; 20261;20262;  
20139;20140; 20263;20264;  
20141;20142; 20265;20266;  
20143;20144; 20267;20268;  
20145;20146; 20269;20270;  
20147;20148; 20271;20272;  
20149;20150; 20273;20274;  
20151;20152; 20275;20276;  
20153;20154; 20277;20278;  
20155;20156; 20279;20280;  
20157;20158; 20281;20282;  
20159;20160; 20283;20284;  
20161;20162; 20285;20286;  
20163;20164; 20287;20288;  
20165;20166; 20289;20290;  
20167;20168; 20291;20292;  
20169;20170; 20293;20294;  
20171;20172; 20295;20296;  
20173;20174; 20297;20298;  
20175;20176; 20299;20300;  
20177;20178; 20301;20302;  
20179;20180; 20303;20304;  
20181;20182; 20305;20306;  
20183;20184; 20307;20308;  
20185;20186; 20309;20310;

IEIGQSY	16	1872.011	Q6DHB4;Q4VB	cpa1		3	0.043171	37.092	23181000	716	310	20187;20188; 20189;20190; 20191;20192; 20193;20194; 20195;20196; 20197;20198; 20199;20200; 20201;20202; 20203;20204; 20205;20206; 20207;20208; 20209;20210; 20211;20212; 20213;20214; 20215;20216; 20217;20218; 20219;20220; 20221;20222; 20223;20224; 20225;20226; 20227;20228; 20229;20230; 20231;20232; 20233;20234; 20235;20236; 20237;20238; 20239;20240; 20241;20242; 20243;20244; 20245;20246; 20247;20248; 20249;20250; 20251;20252; 20253;20254; 20255;20256; 20257;20258; 20259;20260; 20261;20262; 20263;20264; 20265;20266; 20267;20268; 20269;20270; 20271;20272; 20273;20274; 20275;20276; 20277;20278; 20279;20280; 20281;20282	20311;20312; 20313;20314; 20315;20316; 20317;20318; 20319;20320; 20321;20322; 20323;20324; 20325;20326; 20327;20328; 20329;20330; 20331;20332; 20333;20334; 20335;20336; 20337;20338; 20339;20340; 20341;20342; 20343;20344; 20345;20346; 20347;20348; 20349;20350; 20351;20352; 20353;20354; 20355;20356; 20357;20358; 20359;20360; 20361;20362; 20363;20364; 20365;20366; 20367;20368; 20369;20370; 20371;20372; 20373;20374; 20375	20376;20377
ENRPLN			J2;F1QL16											
VLK														
IEISELN	8	972.524	CON__P04264;	2	5.15E-52	204.19	7.43E+09	717	223;231	756	20287;2028	20283;20284; 20285;20286		
R			CON__P35908								8;20289;20			

											290;20291; 20292;2029 3;20294;20 295;20296; 20297;2029 8;20299;20 300;20301; 20302;2030 3;20304;20 305;20306; 20307;2030 8;20309;20 310;20311; 20312;2031 3;20314;20 315;20316; 20317;2031 8;20319;20 320;20321; 20322;2032 3;20324;20 325;20326; 20327;2032 8;20329;20 330;20331; 20332;2033 3;20334;20 335;20336; 20337;2033 8;20339;20 340;20341; 20342;2034 3;20344;20 345;20346; 20347;2034 8;20349;20 350;20351; 20352;2035 3;20354;20 355;20356; 20357;2035 8;20359;20 360 332;139	20361;20362; 20363;20364; 20365;20366; 20367;20368; 20369 20477;20478; 20479;20480; 20481;20482; 20483;20484; 20485	20476
IELPADI TGKPEP K	14	1506.829	A5X6X5;F1R7 N8;F1QZQ0	ttna		3	0.008898	53.403	67318000	718			
IENSAN VMGVI R	12	1301.676	A2BGQ8	si:ch211- 214j8.1	2	0.000611	103.7	93212000	719	113	758		

IENVPT GPNNKP K	13	1406.752	Q6TLD7	ppih	Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase	3	0.001621	80.69	76281000	720	429	20386;20387; 20388;20389; 20390;20391; 20392;20393; 20394;20395; 20396;20397	20486;20487; 20488;20489
IEQLEA GTPGR	11	1169.604	Q7T2C8;A8WG N7;Q802F7	txnrd1		2	2.87E-85	211.52	4.39E+09	721	164	20398;20399; 20400;20401; 20402;20403; 20404;20405; 20406;20407; 20408;20409; 20410;20411; 20412;20413; 20414;20415; 20416;20417; 20418;20419; 20420;20421; 20422	20490;20491; 20492;20493; 20494;20495; 20496;20497; 20498;20499; 20500;20501; 20502;20503; 20504;20505; 20506;20507; 20508;20509; 20510;20511; 20512;20513; 20514;20515; 20516;20517; 20518;20519; 20520;20521; 20522;20523; 20524;20525; 20526;20527; 20528;20529; 20530;20531; 20532;20533; 20534;20535; 20536;20537; 20538;20539; 20540;20541; 20542;20543; 20544;20545; 20546;20547; 20548;20549; 20550;20551; 20552;20553
IESSSM DGTER	11	1210.514	A0A140LFY0; A0A0G2L836	2	3.73E-11	138.11	49310000	722	20	761	20423;2042 4;20425;20 426;20427; 20428;2042 9;20430;20 431;20432; 20433;2043 4;20435		
IETANL DGSDR	11	1189.558	X1WE42;E7F6 D3	nid2a		2	0.024652	62.823	0	723	252	20436	20569
IEYVPA AGGK	10	1003.534	E7FG81;I3IT32	col12a1b		2	0.004604	92.439	1.61E+09	724	274	20437;20438; 20439;20440; 20441;20442; 20443;20444; 20445;20446;	20570;20571; 20572;20573; 20574;20575; 20576;20577; 20578;20579;

												20447;20448; 20449;20450; 20451;20452; 20453;20454; 20455;20456; 20457;20458; 20459;20460; 20461;20462; 20463;20464; 20465	20580;20581; 20582;20583; 20584;20585; 20586;20587; 20588;20589; 20590;20591; 20592;20593; 20594;20595; 20596;20597; 20598;20599; 20600;20601; 20602;20603; 20604;20605; 20606;20607; 20608;20609; 20610;20611; 20612;20613
IFDATT NNAR	10	1121.547	B2GQG8	krt18		2	5.27E-23	171.73	1.2E+08	725	186	20466;20467	20614;20615; 20616
IFEGTN DILR	10	1176.614	Q7T2C2;F1Q8J 4;A9JT52	acadvl		2	2.82E-07	131.22	5.01E+08	726	171	20468;20469; 20470;20471; 20472;20473; 20474;20475; 20476;20477; 20478;20479; 20480;20481; 20482;20483; 20484;20485; 20486;20487; 20488;20489; 20490;20491; 20492;20493; 20494;20495; 20496;20497; 20498;20499	20617;20618; 20619;20620; 20621;20622; 20623;20624; 20625;20626; 20627;20628; 20629;20630; 20631;20632; 20633;20634; 20635;20636; 20637;20638; 20639;20640; 20641;20642; 20643;20644; 20645;20646; 20647;20648; 20649;20650
IFIGTFK	7	824.4796	Q9I9E5	snrpb	Small nuclear ribonucleoprotein- associated protein	2	0.044705	83.377	10551000	727	458	20500;20501	20651
IFLFDQ ENFQGR	12	1512.736	Q90WT1;Q6DG Z8;F1QT01	crybb1		2,3	0	294.07	2.55E+10	728	318	20502;20503; 20504;20505; 20506;20507; 20508;20509; 20510;20511; 20512;20513; 20514;20515; 20516;20517; 20518;20519; 20520;20521; 20522;20523; 20524;20525; 20526;20527; 20528;20529;	20652;20653; 20654;20655; 20656;20657; 20658;20659; 20660;20661; 20662;20663; 20664;20665; 20666;20667; 20668;20669; 20670;20671; 20672;20673; 20674;20675; 20676;20677; 20678;20679;

20530;20531; 20680;20681;  
20532;20533; 20682;20683;  
20534;20535; 20684;20685;  
20536;20537; 20686;20687;  
20538;20539; 20688;20689;  
20540;20541; 20690;20691;  
20542;20543; 20692;20693;  
20544;20545; 20694;20695;  
20546;20547; 20696;20697;  
20548;20549; 20698;20699;  
20550;20551; 20700;20701;  
20552;20553; 20702;20703;  
20554;20555; 20704;20705;  
20556;20557; 20706;20707;  
20558;20559; 20708;20709;  
20560;20561; 20710;20711;  
20562;20563; 20712;20713;  
20564;20565; 20714;20715;  
20566;20567; 20716;20717;  
20568;20569; 20718;20719;  
20570;20571; 20720;20721;  
20572;20573; 20722;20723;  
20574;20575; 20724;20725;  
20576;20577; 20726;20727;  
20578;20579; 20728;20729;  
20580;20581; 20730;20731;  
20582;20583; 20732;20733;  
20584;20585; 20734;20735;  
20586;20587; 20736;20737;  
20588;20589; 20738;20739;  
20590;20591; 20740;20741;  
20592;20593; 20742;20743;  
20594;20595; 20744;20745;  
20596;20597; 20746;20747;  
20598;20599; 20748;20749;  
20600;20601; 20750;20751;  
20602;20603; 20752;20753;  
20604;20605; 20754;20755;  
20606;20607; 20756;20757;  
20608;20609; 20758;20759;  
20610;20611; 20760;20761;  
20612;20613; 20762;20763;  
20614;20615; 20764;20765;  
20616;20617; 20766;20767;  
20618;20619; 20768;20769;  
20620;20621; 20770;20771;  
20622;20623; 20772;20773;  
20624;20625; 20774;20775;  
20626;20627; 20776;20777;  
20628;20629; 20778;20779;  
20630;20631; 20780;20781;  
20632;20633; 20782;20783;  
20634;20635; 20784;20785;

20636;20637; 20786;20787;  
20638;20639; 20788;20789;  
20640;20641; 20790;20791;  
20642;20643; 20792;20793;  
20644;20645; 20794;20795;  
20646;20647; 20796;20797;  
20648;20649; 20798;20799;  
20650;20651; 20800;20801;  
20652;20653; 20802;20803;  
20654;20655; 20804;20805;  
20656;20657; 20806;20807;  
20658;20659; 20808;20809;  
20660;20661; 20810;20811;  
20662;20663; 20812;20813;  
20664;20665; 20814;20815;  
20666;20667; 20816;20817;  
20668;20669; 20818;20819;  
20670;20671; 20820;20821;  
20672;20673; 20822;20823;  
20674;20675; 20824;20825;  
20676;20677; 20826;20827;  
20678;20679; 20828;20829;  
20680;20681; 20830;20831;  
20682;20683; 20832;20833;  
20684;20685; 20834;20835;  
20686;20687; 20836;20837;  
20688;20689; 20838;20839;  
20690;20691; 20840;20841;  
20692;20693; 20842;20843;  
20694;20695; 20844;20845;  
20696;20697; 20846;20847;  
20698;20699; 20848;20849;  
20700;20701; 20850;20851;  
20702;20703; 20852;20853;  
20704;20705; 20854;20855;  
20706;20707; 20856;20857;  
20708;20709; 20858;20859;  
20710;20711; 20860;20861;  
20712;20713; 20862;20863;  
20714;20715; 20864;20865;  
20716;20717; 20866;20867;  
20718;20719; 20868;20869;  
20720;20721; 20870;20871;  
20722;20723; 20872;20873;  
20724;20725; 20874;20875;  
20726;20727; 20876;20877;  
20728;20729; 20878;20879;  
20730;20731; 20880;20881;  
20732;20733; 20882;20883;  
20734;20735; 20884;20885;  
20736;20737; 20886;20887;  
20738;20739; 20888;20889;  
20740;20741; 20890;20891;



20742;20743; 20892;20893;  
20744;20745; 20894;20895;  
20746;20747; 20896;20897;  
20748;20749; 20898;20899;  
20750;20751; 20900;20901;  
20752;20753; 20902;20903;  
20754;20755; 20904;20905;  
20756;20757; 20906;20907;  
20758;20759; 20908;20909;  
20760;20761; 20910;20911;  
20762;20763; 20912;20913;  
20764;20765; 20914;20915;  
20766;20767; 20916;20917;  
20768;20769; 20918;20919;  
20770;20771; 20920;20921;  
20772;20773; 20922;20923;  
20774;20775; 20924;20925;  
20776;20777; 20926;20927;  
20778;20779; 20928;20929;  
20780;20781; 20930;20931;  
20782;20783; 20932;20933;  
20784;20785; 20934;20935;  
20786;20787; 20936;20937;  
20788;20789; 20938;20939;  
20790;20791; 20940;20941;  
20792;20793; 20942;20943;  
20794;20795; 20944;20945;  
20796;20797; 20946;20947;  
20798;20799; 20948;20949;  
20800;20801; 20950;20951;  
20802;20803; 20952;20953;  
20804;20805; 20954;20955;  
20806;20807; 20956;20957;  
20808;20809; 20958;20959;  
20810;20811; 20960;20961;  
20812;20813; 20962;20963;  
20814;20815; 20964;20965;  
20816;20817; 20966;20967;  
20818;20819; 20968;20969;  
20820;20821; 20970;20971;  
20822;20823; 20972;20973;  
20824;20825; 20974;20975;  
20826;20827; 20976;20977;  
20828;20829; 20978;20979;  
20830;20831; 20980;20981;  
20832;20833; 20982;20983;  
20834;20835; 20984;20985;  
20836;20837; 20986;20987;  
20838;20839; 20988;20989;  
20840;20841; 20990;20991;  
20842;20843; 20992;20993;  
20844;20845; 20994;20995;  
20846;20847; 20996;20997;

20848;20849; 20998;20999;  
20850;20851; 21000;21001;  
20852;20853; 21002;21003;  
20854;20855; 21004;21005;  
20856;20857; 21006;21007;  
20858;20859; 21008;21009;  
20860;20861; 21010;21011;  
20862;20863; 21012;21013;  
20864;20865; 21014;21015;  
20866;20867; 21016;21017;  
20868;20869; 21018;21019;  
20870;20871; 21020;21021;  
20872;20873; 21022;21023;  
20874;20875; 21024;21025;  
20876;20877; 21026;21027;  
20878;20879; 21028;21029;  
20880;20881; 21030;21031;  
20882;20883; 21032;21033;  
20884;20885; 21034;21035;  
20886;20887; 21036;21037;  
20888;20889; 21038;21039;  
20890;20891; 21040;21041;  
20892;20893; 21042;21043;  
20894;20895; 21044;21045;  
20896;20897; 21046;21047;  
20898;20899; 21048;21049;  
20900;20901; 21050;21051;  
20902;20903; 21052;21053;  
20904;20905; 21054;21055;  
20906;20907; 21056;21057;  
20908;20909; 21058;21059;  
20910;20911; 21060;21061;  
20912;20913; 21062;21063;  
20914;20915; 21064;21065;  
20916;20917; 21066;21067;  
20918;20919; 21068;21069;  
20920;20921; 21070;21071;  
20922;20923; 21072;21073;  
20924;20925; 21074;21075;  
20926;20927; 21076;21077;  
20928;20929; 21078;21079;  
20930;20931; 21080;21081;  
20932;20933; 21082;21083;  
20934;20935; 21084;21085;  
20936;20937; 21086;21087;  
20938;20939; 21088;21089;  
20940;20941; 21090;21091;  
20942;20943; 21092;21093;  
20944;20945; 21094;21095;  
20946;20947; 21096;21097;  
20948;20949; 21098;21099;  
20950;20951; 21100;21101;  
20952;20953; 21102;21103;

20954;20955; 21104;21105;  
20956;20957; 21106;21107;  
20958;20959; 21108;21109;  
20960;20961; 21110;21111;  
20962;20963; 21112;21113;  
20964;20965; 21114;21115;  
20966;20967; 21116;21117;  
20968;20969; 21118;21119;  
20970;20971; 21120;21121;  
20972;20973; 21122;21123;  
20974;20975; 21124;21125;  
20976;20977; 21126;21127;  
20978;20979; 21128;21129;  
20980;20981; 21130;21131;  
20982;20983; 21132;21133;  
20984;20985; 21134;21135;  
20986;20987; 21136;21137;  
20988;20989; 21138;21139;  
20990;20991; 21140;21141;  
20992;20993; 21142;21143;  
20994;20995; 21144;21145;  
20996;20997; 21146;21147;  
20998;20999; 21148;21149;  
21000;21001; 21150;21151;  
21002;21003; 21152;21153;  
21004;21005; 21154;21155;  
21006;21007; 21156;21157;  
21008;21009; 21158;21159;  
21010;21011; 21160;21161;  
21012;21013; 21162;21163;  
21014;21015; 21164;21165;  
21016;21017; 21166;21167;  
21018;21019; 21168;21169;  
21020;21021; 21170;21171;  
21022;21023; 21172;21173;  
21024;21025; 21174;21175;  
21026;21027; 21176;21177;  
21028;21029; 21178;21179;  
21030;21031; 21180;21181;  
21032;21033; 21182;21183;  
21034;21035; 21184;21185;  
21036;21037; 21186;21187;  
21038;21039; 21188;21189;  
21040;21041; 21190;21191;  
21042;21043; 21192;21193;  
21044;21045; 21194;21195;  
21046;21047; 21196;21197;  
21048;21049; 21198;21199;  
21050;21051; 21200;21201;  
21052;21053; 21202;21203;  
21054;21055; 21204;21205;  
21056;21057; 21206;21207;  
21058;21059; 21208;21209;

21060;21061; 21210;21211;  
21062;21063; 21212;21213;  
21064;21065; 21214;21215;  
21066;21067; 21216;21217;  
21068;21069; 21218;21219;  
21070;21071; 21220;21221;  
21072;21073; 21222;21223;  
21074;21075; 21224;21225;  
21076;21077; 21226;21227;  
21078;21079; 21228;21229;  
21080;21081; 21230;21231;  
21082;21083; 21232;21233;  
21084;21085; 21234;21235;  
21086;21087; 21236;21237;  
21088;21089; 21238;21239;  
21090;21091; 21240;21241;  
21092;21093; 21242;21243;  
21094;21095; 21244;21245;  
21096;21097; 21246;21247;  
21098;21099; 21248;21249;  
21100;21101; 21250;21251;  
21102;21103; 21252;21253;  
21104;21105; 21254;21255;  
21106;21107; 21256;21257;  
21108;21109; 21258;21259;  
21110;21111; 21260;21261;  
21112;21113; 21262;21263;  
21114;21115; 21264;21265;  
21116;21117; 21266;21267;  
21118;21119; 21268;21269;  
21120;21121; 21270;21271;  
21122;21123; 21272;21273;  
21124;21125; 21274;21275;  
21126;21127; 21276;21277;  
21128;21129; 21278;21279;  
21130;21131; 21280;21281;  
21132;21133; 21282;21283;  
21134;21135; 21284;21285;  
21136;21137; 21286;21287;  
21138;21139; 21288;21289;  
21140;21141; 21290;21291;  
21142;21143; 21292;21293;  
21144;21145; 21294;21295;  
21146;21147; 21296;21297;  
21148;21149; 21298;21299;  
21150;21151; 21300;21301;  
21152;21153; 21302;21303;  
21154;21155; 21304;21305;  
21156;21157; 21306;21307;  
21158;21159; 21308;21309;  
21160;21161; 21310;21311;  
21162;21163; 21312;21313;  
21164;21165; 21314;21315;

21166;21167; 21316;21317;  
21168;21169; 21318;21319;  
21170;21171; 21320;21321;  
21172;21173; 21322;21323;  
21174;21175; 21324;21325;  
21176;21177; 21326;21327;  
21178;21179; 21328;21329;  
21180;21181; 21330;21331;  
21182;21183; 21332;21333;  
21184;21185; 21334;21335;  
21186;21187; 21336;21337;  
21188;21189; 21338;21339;  
21190;21191; 21340;21341;  
21192;21193; 21342;21343;  
21194;21195; 21344;21345;  
21196;21197; 21346;21347;  
21198;21199; 21348;21349;  
21200;21201; 21350;21351;  
21202;21203; 21352;21353;  
21204;21205; 21354;21355;  
21206;21207; 21356;21357;  
21208;21209 21358;21359;  
21360;21361;  
21362;21363;  
21364;21365;  
21366;21367;  
21368;21369;  
21370;21371;  
21372;21373;  
21374;21375;  
21376;21377;  
21378;21379;  
21380;21381;  
21382;21383;  
21384;21385;  
21386;21387;  
21388;21389;  
21390;21391;  
21392;21393;  
21394;21395;  
21396;21397;  
21398;21399;  
21400;21401;  
21402;21403;  
21404;21405;  
21406;21407;  
21408;21409;  
21410;21411;  
21412;21413;  
21414;21415;  
21416;21417;  
21418;21419;  
21420;21421;

													21422;21423; 21424;21425; 21426;21427; 21428;21429; 21430;21431; 21432;21433; 21434;21435; 21436;21437; 21438;21439; 21440;21441; 21442;21443; 21444;21445; 21446;21447; 21448;21449; 21450;21451; 21452;21453; 21454;21455; 21456;21457; 21458;21459
IFLQDIK	7	875.5117	Q66HX7	fth1b	Ferritin	2	0.015534	128.75	1.04E+09	729	391	21210;21211; 21212;21213; 21214;21215; 21216;21217; 21218;21219; 21220;21221; 21222;21223; 21224;21225; 21226;21227; 21228;21229; 21230;21231; 21232;21233; 21234;21235; 21236;21237; 21238;21239; 21240;21241; 21242;21243; 21244;21245; 21246;21247; 21248;21249; 21250;21251; 21252;21253; 21254;21255; 21256;21257	21460;21461; 21462;21463; 21464;21465; 21466;21467; 21468;21469; 21470;21471; 21472;21473; 21474;21475; 21476;21477; 21478;21479; 21480;21481; 21482;21483; 21484;21485; 21486;21487; 21488;21489; 21490;21491; 21492;21493; 21494;21495
IFLQDV K	7	861.496	Q9DDT0	fth1a	Ferritin	2	0.011531	144.29	1.14E+10	730	457	21258;21259; 21260;21261; 21262;21263; 21264;21265; 21266;21267; 21268;21269; 21270;21271; 21272;21273; 21274;21275; 21276;21277;	21496;21497; 21498;21499; 21500;21501; 21502;21503; 21504;21505; 21506;21507; 21508;21509; 21510;21511; 21512;21513; 21514;21515;

IFYVPA 26 2712.307 E7FG81 col12a1b 2;3 5.07E-19 75.539 2.41E+08 731 274  
 SGGAE  
 DMEQV  
 SGGTTN  
 TILR

21278;21279; 21516;21517;  
 21280;21281; 21518;21519;  
 21282;21283; 21520;21521;  
 21284;21285; 21522;21523;  
 21286;21287; 21524;21525;  
 21288;21289; 21526;21527;  
 21290;21291; 21528;21529;  
 21292;21293; 21530;21531;  
 21294;21295; 21532;21533;  
 21296;21297; 21534;21535;  
 21298;21299; 21536;21537;  
 21300;21301; 21538;21539;  
 21302;21303; 21540;21541;  
 21304;21305; 21542;21543;  
 21306;21307; 21544;21545;  
 21308;21309; 21546;21547;  
 21310;21311; 21548;21549;  
 21312;21313; 21550;21551;  
 21314;21315; 21552;21553;  
 21316;21317; 21554;21555;  
 21318;21319; 21556;21557;  
 21320;21321; 21558;21559;  
 21322;21323; 21560;21561;  
 21324;21325; 21562;21563;  
 21326;21327; 21564;21565;  
 21328;21329; 21566;21567;  
 21330 21568;21569;  
 21570;21571;  
 21572;21573;  
 21574;21575;  
 21576;21577;  
 21578;21579;  
 21580;21581;  
 21582;21583;  
 21584;21585  
 21331;21332; 21586;21587;  
 21333;21334; 21588;21589;  
 21335;21336; 21590;21591;  
 21337;21338; 21592;21593;  
 21339;21340; 21594;21595;  
 21341;21342; 21596;21597;  
 21343;21344; 21598;21599;  
 21345;21346; 21600;21601;  
 21347;21348; 21602;21603;  
 21349;21350; 21604;21605;  
 21351;21352; 21606;21607;  
 21353;21354; 21608;21609;  
 21355;21356; 21610;21611;  
 21357;21358; 21612;21613;  
 21359;21360; 21614;21615;  
 21361;21362; 21616;21617;  
 21363;21364; 21618;21619;  
 21365;21366; 21620;21621;

											21367;21368; 21369;21370; 21371;21372; 21373;21374; 21375;21376; 21377;21378; 21379;21380; 21381	21622;21623; 21624;21625; 21626;21627; 21628;21629; 21630;21631
IGAEFF AALVK	11	1146.629	Q804W0;A0A0 R4INM7	pvalb1	2	3.83E-37	174.41	5.73E+09	732	452	21382;21383; 21384;21385; 21386;21387; 21388;21389; 21390;21391; 21392;21393; 21394;21395; 21396;21397; 21398;21399; 21400;21401; 21402;21403; 21404;21405; 21406;21407; 21408;21409; 21410;21411; 21412;21413; 21414;21415; 21416;21417; 21418;21419; 21420;21421; 21422;21423; 21424;21425; 21426;21427; 21428;21429; 21430;21431; 21432;21433; 21434;21435; 21436;21437; 21438;21439; 21440;21441; 21442;21443; 21444;21445; 21446;21447; 21448;21449; 21450;21451; 21452;21453; 21454;21455; 21456;21457; 21458;21459	21632;21633; 21634;21635; 21636;21637; 21638;21639; 21640;21641; 21642;21643; 21644;21645; 21646;21647; 21648;21649; 21650;21651; 21652;21653; 21654;21655; 21656;21657; 21658;21659; 21660;21661; 21662;21663; 21664;21665; 21666;21667; 21668;21669; 21670;21671; 21672;21673; 21674;21675; 21676;21677; 21678;21679; 21680;21681; 21682;21683; 21684;21685; 21686;21687; 21688;21689; 21690;21691; 21692;21693; 21694;21695; 21696;21697; 21698;21699; 21700;21701; 21702;21703; 21704;21705; 21706;21707; 21708;21709; 21710;21711; 21712;21713; 21714;21715; 21716;21717; 21718;21719; 21720;21721;



												21722;21723; 21724;21725; 21726;21727; 21728;21729; 21730;21731; 21732;21733; 21734;21735; 21736;21737; 21738;21739; 21740;21741; 21742;21743; 21744;21745; 21746;21747; 21748;21749; 21750;21751; 21752;21753; 21754;21755; 21756;21757; 21758;21759	
IGAEEF AALVK A	12	1217.666	Q804W0;A0A0 R4INM7	pvalb1		2	6.62E-17	142.98	68694000	733	452	21460;21461; 21462;21463; 21464;21465; 21466;21467; 21468;21469; 21470;21471	21760;21761; 21762;21763; 21764;21765; 21766;21767; 21768;21769; 21770;21771; 21772
IGAEEF AALVR	11	1174.635	Q804W1	pvalb6		2	2.47E-07	132.84	84052000	734	453	21472;21473; 21474;21475; 21476;21477; 21478;21479; 21480;21481; 21482;21483; 21484;21485; 21486;21487; 21488;21489; 21490;21491; 21492	21773;21774; 21775;21776; 21777;21778; 21779;21780; 21781;21782; 21783;21784; 21785;21786; 21787;21788; 21789
IGAEEF AALVR E	12	1303.677	Q804W1	pvalb6		2	7.22E-08	134.68	13514000	735	453	21493;21494; 21495	21790;21791; 21792;21793; 21794;21795
IGAEVY HNLK	10	1142.608	Q6PC12;Q6IQP 5;E9QCX7;Q6T H14;Q568G3;E 9QJI6;Q3B7R7; Q6PC89	eno1a;en o3;eno1b	Enolase	2	0.018841	78.113	25235000	736	428;426;40 5	21496;21497; 21498;21499; 21500;21501; 21502	21796;21797
IGAIGQI NEALDE GDLQK	18	1882.964	E7FBD5;A0A0 F7C9F3	iqgap1		2	1.73E-09	92.925	36979000	737	7	21503;21504; 21505;21506; 21507;21508; 21509;21510; 21511;21512; 21513;21514; 21515;21516	21798;21799; 21800;21801; 21802

IGGGQV VSLQR	11	1112.63	E9QE40;Q7SY H7;Q503K7;Q0 5AP0;Q8AYF4; F1REP3;A2VD 22	npsnl;nps n	Metalloendopeptid ase	2	3.66E-08	121.5	4.42E+08	738	281	21517;21518; 21519;21520; 21521;21522; 21523;21524; 21525;21526; 21527;21528; 21529;21530; 21531;21532; 21533;21534; 21535;21536; 21537;21538; 21539;21540; 21541;21542	21803;21804; 21805;21806; 21807;21808; 21809;21810; 21811;21812; 21813;21814; 21815
IGIDEFA ALVK	11	1174.66	Q6IMW7	pvalb4		2	7.23E-47	186.16	2.46E+09	739	403	21543;21544; 21545;21546; 21547;21548; 21549;21550; 21551;21552; 21553;21554; 21555;21556; 21557;21558; 21559;21560; 21561;21562; 21563;21564; 21565;21566; 21567;21568; 21569;21570; 21571;21572; 21573;21574; 21575;21576; 21577;21578; 21579;21580; 21581;21582; 21583;21584; 21585;21586; 21587;21588; 21589;21590; 21591;21592; 21593;21594; 21595;21596; 21597;21598; 21599;21600; 21601;21602; 21603;21604; 21605;21606; 21607;21608; 21609;21610; 21611;21612; 21613;21614; 21615;21616; 21617;21618; 21619;21620; 21621;21622;	21816;21817; 21818;21819; 21820;21821; 21822;21823; 21824;21825; 21826;21827; 21828;21829; 21830;21831; 21832;21833; 21834;21835; 21836;21837; 21838;21839; 21840;21841; 21842;21843; 21844;21845; 21846;21847; 21848;21849; 21850;21851; 21852;21853; 21854;21855; 21856;21857; 21858;21859; 21860;21861; 21862;21863; 21864;21865; 21866;21867; 21868;21869; 21870;21871; 21872;21873; 21874;21875; 21876;21877; 21878;21879; 21880;21881; 21882;21883; 21884;21885; 21886;21887; 21888;21889; 21890;21891; 21892;21893; 21894;21895;

21623;21624; 21896;21897;  
21625;21626; 21898;21899;  
21627;21628; 21900;21901;  
21629;21630; 21902;21903;  
21631;21632; 21904;21905;  
21633;21634; 21906;21907;  
21635;21636; 21908;21909;  
21637;21638; 21910;21911;  
21639;21640; 21912;21913;  
21641;21642; 21914;21915;  
21643;21644; 21916;21917;  
21645;21646; 21918;21919;  
21647;21648; 21920;21921;  
21649;21650; 21922;21923;  
21651;21652; 21924;21925;  
21653;21654; 21926;21927;  
21655;21656; 21928;21929;  
21657;21658; 21930;21931;  
21659;21660; 21932;21933;  
21661;21662; 21934;21935;  
21663;21664; 21936;21937;  
21665;21666; 21938;21939;  
21667;21668; 21940;21941;  
21669;21670; 21942;21943;  
21671;21672; 21944;21945;  
21673;21674; 21946;21947;  
21675;21676; 21948;21949;  
21677;21678; 21950;21951;  
21679;21680; 21952;21953;  
21681;21682; 21954;21955;  
21683;21684; 21956;21957;  
21685;21686; 21958;21959;  
21687;21688; 21960;21961;  
21689;21690; 21962;21963;  
21691;21692; 21964;21965;  
21693;21694; 21966;21967;  
21695;21696; 21968;21969;  
21697;21698; 21970;21971;  
21699;21700; 21972;21973;  
21701;21702; 21974;21975;  
21703;21704; 21976;21977;  
21705;21706; 21978;21979;  
21707;21708; 21980  
21709;21710;  
21711;21712;  
21713;21714;  
21715;21716;  
21717;21718;  
21719;21720;  
21721;21722;  
21723;21724;  
21725;21726;  
21727;21728

IGIFSDD EDVTG R	13	1422.663	Q642Z0;Q5U3 A4	atp2a1	Calcium- transporting ATPase	2	0.004224	68.069	14259000	740	386	21729;21730; 21731;21732; 21733	21981;21982; 21983
IGIIGGS GLDDP DILEGR	18	1795.932	B2GQM6	mtap	S-methyl-5- thioadenosine phosphorylase	2	7.67E-22	121.28	65765000	741	187	21734;21735; 21736;21737; 21738;21739; 21740;21741; 21742;21743; 21744;21745; 21746;21747; 21748;21749; 21750;21751; 21752;21753; 21754;21755; 21756;21757; 21758	21984;21985; 21986;21987; 21988;21989; 21990;21991; 21992;21993; 21994;21995; 21996;21997; 21998
IGPGFT DGFR	10	1065.524	F1RD57;Q7ZU D9	naalad2		2	0.005653	90.601	2.79E+08	742	343	21759;21760; 21761;21762; 21763;21764; 21765;21766; 21767;21768; 21769;21770; 21771;21772; 21773;21774; 21775;21776; 21777;21778; 21779;21780; 21781;21782; 21783;21784; 21785;21786; 21787;21788; 21789;21790	21999;22000; 22001;22002; 22003;22004; 22005;22006; 22007;22008; 22009;22010; 22011;22012; 22013;22014
IGSEAG PQQVR	11	1140.589	F1R9P5;E9QI62	flna		2	1.4E-198	251.3	1.15E+09	743	335	21791;21792; 21793;21794; 21795;21796; 21797;21798; 21799;21800; 21801;21802; 21803;21804; 21805;21806; 21807;21808; 21809;21810; 21811;21812; 21813;21814; 21815;21816; 21817;21818; 21819;21820; 21821;21822; 21823;21824; 21825;21826	22015;22016; 22017;22018; 22019;22020; 22021;22022; 22023;22024; 22025;22026; 22027;22028; 22029;22030; 22031;22032; 22033;22034; 22035;22036; 22037;22038; 22039;22040; 22041;22042; 22043;22044; 22045;22046; 22047;22048; 22049;22050; 22051;22052; 22053;22054; 22055;22056;

IGVDEF ASLVK	11	1176.639	Q7ZT36	pvalb3	2	5.36E-17	147.2	3.45E+08	744	435	21827;21828; 21829;21830; 21831;21832; 21833;21834; 21835;21836; 21837;21838; 21839;21840; 21841;21842; 21843;21844; 21845;21846; 21847;21848; 21849;21850; 21851;21852; 21853;21854; 21855;21856; 21857;21858; 21859;21860; 21861;21862; 21863;21864; 21865;21866; 21867;21868; 21869;21870; 21871;21872; 21873	22057;22058; 22059;22060; 22061;22062; 22063;22064; 22065;22066; 22067;22068; 22069;22070; 22071;22072; 22073;22074; 22075;22076; 22077;22078; 22079;22080; 22081;22082; 22083;22084; 22085 22086;22087; 22088;22089; 22090;22091; 22092;22093; 22094;22095; 22096;22097; 22098;22099; 22100;22101; 22102;22103; 22104;22105; 22106;22107; 22108;22109; 22110
IGYAPT TGDPIE EFTTVP GNR	21	2234.086	X1WF98;B5DC 62	col12a1a	2;3	9.61E-17	103.76	1.01E+08	745	468	21874;21875; 21876;21877; 21878;21879; 21880;21881; 21882;21883; 21884;21885; 21886;21887; 21888;21889; 21890;21891; 21892;21893; 21894;21895; 21896;21897; 21898;21899; 21900;21901;	22111;22112; 22113;22114; 22115;22116; 22117;22118; 22119;22120; 22121;22122; 22123;22124; 22125;22126; 22127;22128; 22129;22130; 22131;22132; 22133;22134; 22135;22136; 22137

IIAATIE  
NAQPIL  
QIDNAR

19

2063.138

CON\_\_P08779

2;3

0

319.39

1.95E+09

746

225

785

21902;21903;  
21904;21905;  
21906;21907;  
21908;21909;  
21910;21911;  
21912;21913;  
21914;21915;  
21916  
22138;22139;  
22140;22141;  
22142;22143;  
22144;22145;  
22146;22147;  
22148;22149;  
22150;22151;  
22152;22153;  
22154;22155;  
22156;22157;  
22158;22159;  
22160;22161;  
22162;22163;  
22164;22165;  
22166;22167;  
22168;22169;  
22170;22171;  
22172;22173;  
22174;22175;  
22176;22177;  
22178;22179;  
22180;22181;  
22182;22183;  
22184;22185;  
22186;22187;  
22188;22189;  
22190;22191;  
22192;22193;  
22194;22195;  
22196;22197;  
22198;22199;  
22200;22201;  
22202;22203;  
22204;22205;  
22206;22207;  
22208;22209;  
22210;22211;  
22212;22213;  
22214;22215;  
22216;22217;  
22218;22219;  
22220;22221;  
22222;22223;  
22224;22225;  
22226;22227;

IIDDEE YEK	9	1152.519	B8JHS8;B2CZC 5;A0A0R4IGE2 ;F1QA32;B2CZ C7;A0A0R4IZI 2;B3DJ26;A4U QV6;Q1LVA9; B2CZC4;B2CZ C2;B3DJB0	slc8a3;slc 8a4b;slc8 a4a;slc8a 2b;slc8a1 b	2	1.65E-06	136.8	1.19E+09	747	185; 53	786	22228;22229; 22230;22231; 22232;22233; 22234;22235; 22236;22237; 22238;22239; 22240;22241; 22242;22243; 22244;22245; 22246;22247; 22248;22249; 22250;22251; 22252;22253; 22254;22255; 22256;22257; 22258;22259; 22260;22261; 22262;22263; 22264;22265; 22266;22267; 22268;22269; 22270 22271;22272; 22273;22274; 22275;22276; 22277;22278; 22279;22280; 22281;22282; 22283;22284; 22285;22286; 22287;22288; 22289;22290; 22291;22292; 22293;22294; 22295;22296; 22297;22298; 22299;22300; 22301;22302; 22303;22304; 22305;22306; 22307;22308; 22309;22310 22311;22312; 22313;22314; 22315
IIDDEE YEKNK	11	1394.657	B8JHS8;B2CZC 5;A0A0R4IGE2 ;F1QA32;B2CZ C7;A0A0R4IZI 2;B3DJ26;A4U QV6;B2CZC2; B3DJB0	slc8a3;slc 8a4b;slc8 a4a;slc8a 1b	2;3	0.00155	101.65	1.15E+08	748	185; 53	787	22115;22116; 22117;22118; 22119;22120; 22121;22122;
IIDEDNS GFIEEA ELK	16	1820.868	Q800A1	pvalb9		2	5.7E-134	207.47	1.22E+08	749	446	22316;22317; 22318;22319; 22320;22321; 22322;22323;

IIDEQFV LK	9	1103.623	Q7T2C2;F1Q8J 4;A9JT52	acadvl		2	4.2E-05	123.69	4.3E+08	750	171	22123;22124; 22125;22126; 22127;22128; 22129 22130;22131; 22132;22133; 22134;22135; 22136;22137; 22138;22139; 22140;22141; 22142;22143; 22144;22145; 22146;22147; 22148;22149; 22150;22151; 22152;22153; 22154;22155; 22156;22157; 22158;22159; 22160;22161; 22162;22163; 22164;22165; 22166;22167; 22168;22169 22170;22171; 22172;22173; 22174;22175; 22176;22177; 22178;22179; 22180;22181; 22182;22183; 22184;22185; 22186;22187; 22188;22189; 22190;22191; 22192;22193; 22194;22195; 22196;22197; 22198;22199; 22200;22201; 22202;22203; 22204;22205; 22206;22207; 22208;22209; 22210;22211; 22212;22213; 22214;22215; 22216;22217; 22218;22219; 22220;22221; 22222;22223; 22224;22225; 22226;22227;	22324;22325; 22326;22327 22328;22329; 22330;22331; 22332;22333; 22334;22335; 22336;22337; 22338;22339; 22340;22341; 22342 22343;22344; 22345;22346; 22347;22348; 22349;22350; 22351;22352; 22353;22354; 22355;22356; 22357;22358; 22359;22360; 22361;22362; 22363;22364; 22365;22366; 22367;22368; 22369;22370; 22371;22372; 22373;22374; 22375;22376; 22377;22378; 22379;22380; 22381;22382; 22383;22384; 22385;22386; 22387;22388; 22389;22390; 22391;22392; 22393;22394; 22395;22396; 22397;22398; 22399;22400;
IIGIDVN PDK	10	1082.597	Q90XD4;Q6NX A6;A0A0R4IU R6	adh5	S- (hydroxymethyl)gl utathione dehydrogenase	2	1.7E-14	157.91	4.01E+09	751	95	22343;22344; 22345;22346; 22347;22348; 22349;22350; 22351;22352; 22353;22354; 22355;22356; 22357;22358; 22359;22360; 22361;22362; 22363;22364; 22365;22366; 22367;22368; 22369;22370; 22371;22372; 22373;22374; 22375;22376; 22377;22378; 22379;22380; 22381;22382; 22383;22384; 22385;22386; 22387;22388; 22389;22390; 22391;22392; 22393;22394; 22395;22396; 22397;22398; 22399;22400;	



												22228;22229; 22230;22231; 22232;22233; 22234;22235; 22236;22237; 22238;22239; 22240;22241; 22242	22401;22402; 22403;22404; 22405;22406; 22407;22408; 22409;22410; 22411;22412; 22413;22414
IIHTAA APAAIG PYSQAV LVDR	22	2233.222	Q6AXL2	hrsp12		2;3	3.97E-37	125.79	97172000	752	392	22243;22244; 22245;22246; 22247;22248; 22249;22250	22415;22416; 22417;22418; 22419;22420; 22421;22422; 22423;22424; 22425;22426
IINDGA NILR	10	1097.619	A3KGZ6;F1QF 86;A0A0R4ICR 2;A0A0R4IF09; A1L277	ppp3cca; ppp3ccb	Serine/threonine- protein phosphatase	2	1.22E-07	133.55	2.88E+08	753	43	22251;22252; 22253;22254; 22255;22256; 22257;22258; 22259;22260; 22261;22262; 22263;22264; 22265;22266; 22267;22268; 22269;22270; 22271;22272	22427;22428; 22429;22430; 22431;22432; 22433;22434; 22435;22436; 22437;22438; 22439;22440; 22441;22442; 22443;22444; 22445;22446; 22447;22448; 22449
IINEGAS ILR	10	1084.624	E9QD09;F1QD 93;A0A0R4IQG 9	ppp3ca	Serine/threonine- protein phosphatase	2	1.43E-07	133.23	5.11E+08	754	81	22273;22274; 22275;22276; 22277;22278; 22279;22280; 22281;22282; 22283;22284; 22285;22286; 22287;22288; 22289;22290; 22291;22292; 22293;22294; 22295;22296; 22297;22298; 22299;22300; 22301;22302; 22303;22304; 22305;22306; 22307;22308; 22309;22310; 22311;22312	22450;22451; 22452;22453; 22454;22455; 22456;22457; 22458;22459; 22460;22461; 22462;22463; 22464;22465; 22466;22467; 22468;22469; 22470;22471; 22472;22473; 22474;22475; 22476;22477; 22478;22479; 22480;22481; 22482;22483; 22484
IINPSGA NTDAYI TDK	16	1691.837	A0A0R4IUS4;E 7F1L7	flnca		2	6.74E-18	132.59	3.97E+08	755	96	22313;22314; 22315;22316; 22317;22318; 22319;22320; 22321;22322; 22323;22324; 22325;22326;	22485;22486; 22487;22488; 22489;22490; 22491;22492; 22493;22494; 22495;22496; 22497;22498;

IINTEIN SATDNP MVFAE R	19	2134.037	F6P849;A4FUP 1	hal	Histidine ammonia-lyase	2	0.001585	75.669	1749800	756	131	22327;22328; 22329;22330; 22331;22332; 22333;22334; 22335;22336; 22337;22338 22339	22499;22500; 22501;22502; 22503;22504; 22505;22506 22507
IITHPNF NGNTL DNDIML IK	20	2282.173	CON__P00761		2;3;4	4.8E-221	243.99	9.71E+09	757	217	796;797	22508;22509; 22510;22511; 22512;22513; 22514;22515; 22516;22517; 22518;22519; 22520;22521; 22522;22523; 22524;22525; 22526;22527; 22528;22529; 22530;22531; 22532;22533; 22534;22535; 22536;22537; 22538;22539; 22540;22541; 22542;22543; 22544;22545; 22546;22547; 22548;22549; 22550;22551; 22552;22553; 22554;22555; 22556;22557; 22558;22559; 22560;22561; 22562;22563; 22564;22565; 22566;22567; 22568;22569; 22570;22571; 22572;22573; 22574;22575; 22576;22577; 22578;22579; 22580;22581; 22582;22583; 22584;22585; 22586;22587; 22588;22589; 22590;22591; 22592;22593;	

22594;22595;  
22596;22597;  
22598;22599;  
22600;22601;  
22602;22603;  
22604;22605;  
22606;22607;  
22608;22609;  
22610;22611;  
22612;22613;  
22614;22615;  
22616;22617;  
22618;22619;  
22620;22621;  
22622;22623;  
22624;22625;  
22626;22627;  
22628;22629;  
22630;22631;  
22632;22633;  
22634;22635;  
22636;22637;  
22638;22639;  
22640;22641;  
22642;22643;  
22644;22645;  
22646;22647;  
22648;22649;  
22650;22651;  
22652;22653;  
22654;22655;  
22656;22657;  
22658;22659;  
22660;22661;  
22662;22663;  
22664;22665;  
22666;22667;  
22668;22669;  
22670;22671;  
22672;22673;  
22674;22675;  
22676;22677;  
22678;22679;  
22680;22681;  
22682;22683;  
22684;22685;  
22686;22687;  
22688;22689;  
22690;22691;  
22692;22693;  
22694;22695;  
22696;22697;  
22698;22699;

22700;22701;  
22702;22703;  
22704;22705;  
22706;22707;  
22708;22709;  
22710;22711;  
22712;22713;  
22714;22715;  
22716;22717;  
22718;22719;  
22720;22721;  
22722;22723;  
22724;22725;  
22726;22727;  
22728;22729;  
22730;22731;  
22732;22733;  
22734;22735;  
22736;22737;  
22738;22739;  
22740;22741;  
22742;22743;  
22744;22745;  
22746;22747;  
22748;22749;  
22750;22751;  
22752;22753;  
22754;22755;  
22756;22757;  
22758;22759;  
22760;22761;  
22762;22763;  
22764;22765;  
22766;22767;  
22768;22769;  
22770;22771;  
22772;22773;  
22774;22775;  
22776;22777;  
22778;22779;  
22780;22781;  
22782;22783;  
22784;22785;  
22786;22787;  
22788;22789;  
22790;22791;  
22792;22793;  
22794;22795;  
22796;22797;  
22798;22799;  
22800;22801;  
22802;22803;  
22804;22805;

22806;22807;  
22808;22809;  
22810;22811;  
22812;22813;  
22814;22815;  
22816;22817;  
22818;22819;  
22820;22821;  
22822;22823;  
22824;22825;  
22826;22827;  
22828;22829;  
22830;22831;  
22832;22833;  
22834;22835;  
22836;22837;  
22838;22839;  
22840;22841;  
22842;22843;  
22844;22845;  
22846;22847;  
22848;22849;  
22850;22851;  
22852;22853;  
22854;22855;  
22856;22857;  
22858;22859;  
22860;22861;  
22862;22863;  
22864;22865;  
22866;22867;  
22868;22869;  
22870;22871;  
22872;22873;  
22874;22875;  
22876;22877;  
22878;22879;  
22880;22881;  
22882;22883;  
22884;22885;  
22886;22887;  
22888;22889;  
22890;22891;  
22892;22893;  
22894;22895;  
22896;22897;  
22898;22899;  
22900;22901;  
22902;22903;  
22904;22905;  
22906;22907;  
22908;22909;  
22910;22911;

22912;22913;  
22914;22915;  
22916;22917;  
22918;22919;  
22920;22921;  
22922;22923;  
22924;22925;  
22926;22927;  
22928;22929;  
22930;22931;  
22932;22933;  
22934;22935;  
22936;22937;  
22938;22939;  
22940;22941;  
22942;22943;  
22944;22945;  
22946;22947;  
22948;22949;  
22950;22951;  
22952;22953;  
22954;22955;  
22956;22957;  
22958;22959;  
22960;22961;  
22962;22963;  
22964;22965;  
22966;22967;  
22968;22969;  
22970;22971;  
22972;22973;  
22974;22975;  
22976;22977;  
22978;22979;  
22980;22981;  
22982;22983;  
22984;22985;  
22986;22987;  
22988;22989;  
22990;22991;  
22992;22993;  
22994;22995;  
22996;22997;  
22998;22999;  
23000;23001;  
23002;23003;  
23004;23005;  
23006;23007;  
23008;23009;  
23010;23011;  
23012;23013;  
23014;23015;  
23016;23017;

23018;23019;  
23020;23021;  
23022;23023;  
23024;23025;  
23026;23027;  
23028;23029;  
23030;23031;  
23032;23033;  
23034;23035;  
23036;23037;  
23038;23039;  
23040;23041;  
23042;23043;  
23044;23045;  
23046;23047;  
23048;23049;  
23050;23051;  
23052;23053;  
23054;23055;  
23056;23057;  
23058;23059;  
23060;23061;  
23062;23063;  
23064;23065;  
23066;23067;  
23068;23069;  
23070;23071;  
23072;23073;  
23074;23075;  
23076;23077;  
23078;23079;  
23080;23081;  
23082;23083;  
23084;23085;  
23086;23087;  
23088;23089;  
23090;23091;  
23092;23093;  
23094;23095;  
23096;23097;  
23098;23099;  
23100;23101;  
23102;23103;  
23104;23105;  
23106;23107;  
23108;23109;  
23110;23111;  
23112;23113;  
23114;23115;  
23116;23117;  
23118;23119;  
23120;23121;  
23122;23123;

IIVDEL	7	856.5018	A7E2L4;A0A0 R4IJ56	gnb211	2	5.52E-07	164.78	1.69E+09	758	143	23124;23125; 23126;23127; 23128;23129; 23130;23131; 23132;23133; 23134;23135; 23136;23137; 23138;23139; 23140;23141; 23142;23143; 23144;23145; 23146;23147; 23148;23149; 23150;23151; 23152;23153; 23154;23155; 23156;23157; 23158;23159; 23160;23161; 23162;23163; 23164;23165; 23166;23167; 23168;23169; 23170;23171; 23172;23173; 23174;23175; 23176 22901;22902; 22903;22904; 22905;22906; 22907;22908; 22909;22910; 22911;22912; 22913;22914; 22915;22916; 22917;22918; 22919;22920; 22921;22922; 22923;22924; 22925;22926; 22927;22928; 22929;22930; 22931;22932 22933	23177;23178; 23179;23180; 23181;23182; 23183;23184; 23185;23186; 23187;23188; 23189;23190; 23191;23192; 23193;23194; 23195;23196; 23197;23198; 23199;23200; 23201;23202; 23203;23204; 23205;23206; 23207 23208
IIVHEA WNSFTI R	13	1584.841	Q7SZ51;Q561U 9;Q4QRF8;B3D J33;Q5RIZ2;F1 Q657	ela21	3	0.004261	55.291	2777200	759	197		
IIVYDE ECFQGR	12	1514.708	Q52JI7	cryba4	2	8.1E-110	218.48	8.24E+08	760	377	22934;22935; 22936;22937; 22938;22939; 22940;22941; 22942;22943; 22944;22945;	23209;23210; 23211;23212; 23213;23214; 23215;23216; 23217;23218; 23219;23220;



22946;22947; 23221;23222;  
22948;22949; 23223;23224;  
22950;22951; 23225;23226;  
22952;22953; 23227;23228;  
22954;22955; 23229;23230;  
22956;22957; 23231;23232;  
22958;22959; 23233;23234;  
22960;22961; 23235;23236;  
22962;22963; 23237;23238;  
22964;22965; 23239;23240;  
22966;22967; 23241;23242;  
22968;22969; 23243;23244;  
22970;22971; 23245;23246;  
22972;22973; 23247;23248;  
22974;22975; 23249;23250;  
22976;22977; 23251;23252;  
22978;22979; 23253;23254;  
22980;22981; 23255;23256;  
22982;22983; 23257;23258;  
22984;22985; 23259;23260;  
22986;22987; 23261;23262;  
22988;22989; 23263;23264;  
22990;22991; 23265;23266;  
22992;22993; 23267;23268;  
22994 23269;23270;  
23271;23272;  
23273;23274;  
23275;23276;  
23277;23278;  
23279;23280;  
23281;23282;  
23283;23284;  
23285;23286;  
23287;23288;  
23289;23290;  
23291;23292;  
23293;23294;  
23295;23296;  
23297;23298;  
23299;23300;  
23301;23302;  
23303;23304;  
23305;23306;  
23307;23308;  
23309;23310;  
23311;23312;  
23313;23314;  
23315;23316;  
23317;23318;  
23319;23320;  
23321;23322;  
23323;23324;  
23325;23326;

IYGGSVTGGTCK	13	1298.654	A0A0R4IGG3; A0A0R4I9C4	2	0.001115	84.658	2.48E+08	761	29	801	22995;22996;22997;22998;22999;23000;23001;23002;23003;23004;23005;23006;23007;23008;23009;23010;23011;23012;23013;23014;23015;23016;23017;23018;23019	23327;23328;23329;23330;23331;23332;23333;23334;23335	
IKDLLP SGAIDA MTR	15	1599.865	F8W412;E7EX C4;Q6TGU1;F1 R9A9;F8W475	serpinb11 4;serpinb111	3	0.023417	45.618	7138900	762	238; 353	802	23358;23359	
IKTAVE PALEGS PTAGSL K	19	1868.026	B3DFP9	apoa2		3	4.72E-05	44.054	14437000	763	193	23022;23023; 23024	23360
ILADIDIR	8	927.5389	Q5TZ29	apobb.1		2	0.002929	124.83	3.34E+08	764	385	23025;23026; 23027;23028; 23029;23030; 23031;23032; 23033;23034; 23035;23036; 23037;23038; 23039	23361;23362
ILDDLMSK	9	1096.547	A0A0G2L1N0		2	0.010714	97.635	2.04E+08	765	19	805	23363;23364; 23365;23366; 23367;23368	
ILGMTLLQK	9	1015.61	Q6P696	glol	Lactoylglutathion lyase	2	3.49E-41	157.58	5.31E+08	766	421	23064;23065; 23066;23067; 23068;23069; 23070;23071; 23072;23073; 23074;23075; 23076;23077; 23078;23079; 23080;23081; 23082;23083; 23084;23085; 23086;23087; 23088;23089; 23090;23091; 23092;23093;	23369;23370; 23371;23372; 23373;23374; 23375;23376; 23377;23378; 23379;23380; 23381;23382; 23383;23384; 23385;23386; 23387;23388; 23389;23390; 23391;23392; 23393;23394; 23395;23396; 23397;23398;

												23094;23095; 23096;23097; 23098;23099; 23100;23101; 23102;23103; 23104;23105; 23106;23107; 23108;23109; 23110;23111; 23112;23113; 23114;23115; 23116;23117; 23118;23119; 23120;23121; 23122	23399;23400; 23401
ILGNPT ADDMV NK ILIENPK	13 7	1386.681 825.496	Q6P0G6 F1RBR6;Z4YJ5 8	myl1 pter		2 2	4.67E-20 0.031726	147.74 107.74	1.47E+08 7.37E+08	767 768	415 338	23123;23124; 23125;23126; 23127 23128;23129; 23130;23131; 23132;23133; 23134;23135; 23136;23137; 23138;23139; 23140;23141; 23142;23143; 23144 23145;23146; 23147;23148; 23149;23150; 23151;23152; 23153;23154; 23155;23156; 23157;23158; 23159;23160; 23161 23162;23163; 23164;23165; 23166;23167; 23168;23169; 23170;23171; 23172;23173; 23174;23175; 23176;23177; 23178;23179; 23180;23181 23182;23183; 23184;23185; 23186;23187; 23188;23189; 23190;23191; 23192;23193; 23194;23195;	23402;23403; 23404 23405;23406; 23407;23408; 23409;23410; 23411;23412; 23413;23414; 23415;23416; 23417 23418;23419; 23420;23421; 23422 23423;23424; 23425;23426; 23427 23428;23429; 23430;23431; 23432;23433; 23434;23435; 23436;23437; 23438
ILLQTV AK	8	884.5695	F1QS22;Q7ZV D6;Q6IQF1	zgc:5609 5	Ferritin	2	0.009556	107.67	2.2E+08	769	315		
ILLQTV AKPSR	11	1224.755	F1QS22;Q7ZV D6;Q6IQF1	zgc:5609 5	Ferritin	3	2.69E-06	90.653	2.77E+08	770	315		
ILNQNY VNGK	10	1161.614	Q7ZUD5;F1QY H2	galcb		2	1.25E-10	136.11	1.44E+08	771	438		

ILQEAG GDISK	11	1129.598	F1RBR6;Z4YJ5 8	pter	2	1.05E-16	143.89	2.47E+09	772	338	23196;23197; 23198;23199; 23200;23201; 23202;23203 23204;23205; 23206;23207; 23208;23209; 23210;23211; 23212;23213; 23214;23215; 23216;23217; 23218;23219; 23220;23221; 23222;23223; 23224;23225; 23226;23227; 23228;23229; 23230;23231; 23232;23233; 23234;23235; 23236;23237 23439;23440; 23441;23442; 23443;23444; 23445;23446; 23447;23448; 23449;23450; 23451;23452; 23453;23454; 23455;23456; 23457;23458; 23459;23460; 23461;23462; 23463;23464; 23465;23466; 23467;23468; 23469;23470; 23471;23472; 23473;23474; 23475;23476; 23477;23478; 23479;23480; 23481;23482; 23483;23484; 23485;23486; 23487;23488; 23489;23490; 23491;23492; 23493;23494; 23495;23496; 23497;23498; 23499;23500; 23501;23502; 23503;23504; 23505;23506; 23507;23508; 23509
ILQFSPE GK	9	1017.55	A0A0R4IFY7;A 0A0R4IIV2	2	0.045348	83.265	59511000	773	51	814	23238;2323 9;23240;23 241;23242; 23243;2324 4;23245;23 246;23247; 23248;2324 9;23250;23 251;23252; 23253;2325 4
ILTATV DNANIL	19	2067.132	CON__Q04695	3	0.013898	32.565	3489400	774	232	815	23511

LQIDNAR ILTATV DNANV LLQIDN AR	19	2053.117	CON__P02533		2;3	1.67E-12	137.8	46410000	775	218	816	23512;23513; 23514;23515; 23516;23517; 23518;23519; 23520;23521; 23522;23523; 23524;23525; 23526;23527; 23528;23529; 23530;23531 23268;23269; 23270;23271	
ILYQNIH PAQQY NFNK	16	1966.031	E9QE40;Q7SY H7;Q503K7;Q0 5AP0;Q8AYF4; FIREP3 Q7T2J4	npsnl;nps n	Metalloendopeptid ase	2	0.015932	51.927	6678300	776	281	23268;23269; 23270;23271	23532
IMLDEF ITQR	10	1264.649	Q7T2J4	adh8b		2	0.025596	66.435	23591000	777	433	23272;23273; 23274;23275; 23276;23277; 23278;23279; 23280;23281; 23282	23533;23534; 23535
INGANL GSTYK	11	1136.583	Q6DBS1;F1QG 32;Q32LW3	ca4b		2	0.008452	77.662	43324000	778	304	23283;23284; 23285;23286; 23287;23288; 23289;23290; 23291;23292; 23293;23294; 23295	23536
INIGNS YENRP MYALK INQMLD TK	16	1881.941	Q6GMH9;F1Q RY2	cpa4		2;3	8.35E-24	125.28	40406000	779	314	23296;23297; 23298;23299; 23300	23537;23538
	8	961.4903	B8A568;B8A56 1;B3DJM6;B8A 569;F1R6C7;Q5 08P7;A2BGX6; F1Q5K4;Q6IQ X1;Q803U1;A0 JMC2;Q1JPZ0; A8E507;A7Y22 4;A5D6S9;A9J T78;A9JRR3 Q90Z34	myhz1.1; myhz1.2; myhz1.3; myha;my hc4;myhz 2;myhz1	2	1.43E-29	188.81	7.52E+08	780	200	821	23539;23540; 23541;23542; 23543;23544; 23545;23546; 23547;23548; 23549;23550; 23551;23552; 23553	
INSNNIP EGSER	12	1328.632	Q90Z34	atp1b2b		2	1.53E-05	125.24	1.22E+08	781	456	23328;23329; 23330;23331; 23332;23333; 23334;23335; 23336;23337; 23338;23339; 23340;23341; 23342;23343; 23344;23345; 23346;23347;	23554;23555; 23556;23557; 23558;23559; 23560;23561; 23562;23563; 23564;23565; 23566;23567; 23568;23569; 23570;23571; 23572;23573; 23574

INTLNQ GTPYD YK	13	1525.741	F1QJH7;Q4QR C8;F1Q845	c6ast4	Metalloendopeptid ase	2	0	277.96	2.45E+09	782	294	23348;23349; 23350;23351 23352;23353; 23354;23355; 23356;23357; 23358;23359; 23360;23361; 23362;23363; 23364;23365; 23366;23367; 23368;23369; 23370;23371; 23372;23373; 23374;23375; 23376;23377; 23378;23379; 23380	23575;23576; 23577;23578; 23579;23580; 23581;23582; 23583;23584; 23585;23586; 23587;23588; 23589;23590; 23591;23592; 23593;23594; 23595;23596; 23597;23598; 23599;23600; 23601;23602; 23603;23604; 23605;23606; 23607;23608; 23609;23610; 23611;23612; 23613;23614; 23615;23616; 23617;23618; 23619;23620; 23621;23622; 23623;23624; 23625
INTLNQ GTPYD YSSVM QYER	20	2378.085	F1RBT4	c6ast3	Metalloendopeptid ase	2	0.000545	53.754	19090000	783	340	23381;23382; 23383;23384; 23385;23386	23626;23627; 23628;23629
INVENT EENR	10	1216.568	A0A0R4IU94;E 9QBQ4;E9QF3 4;Q7ZW73	aldob	Fructose- bisphosphate aldolase	2	1.85E-05	125.16	40257000	784	93	23387;23388; 23389;23390; 23391;23392; 23393;23394; 23395;23396; 23397;23398	23630;23631; 23632
IPAFGDI PSELK	12	1285.692	E7F022;A0A0R 4HIA0	xdh		2	0.023583	57.348	19899000	785	62	23399;23400; 23401;23402; 23403;23404; 23405	23633;23634
IPDDQN LFSDDP LEK	15	1744.816	B8JKW4;Q7SX K0	c3a.1		2	1.5E-73	175.21	3.12E+08	786	210	23406;23407; 23408;23409; 23410;23411; 23412;23413; 23414;23415; 23416;23417; 23418;23419; 23420;23421; 23422;23423; 23424;23425; 23426;23427;	23635;23636; 23637;23638; 23639;23640; 23641;23642; 23643;23644; 23645;23646; 23647;23648; 23649;23650; 23651;23652; 23653;23654; 23655;23656;

												23428;23429; 23430;23431; 23432;23433; 23434;23435; 23436;23437; 23438;23439; 23440;23441; 23442;23443; 23444;23445; 23446;23447; 23448;23449; 23450;23451; 23452;23453; 23454;23455; 23456;23457; 23458;23459	23657;23658; 23659;23660; 23661;23662; 23663;23664; 23665;23666; 23667;23668; 23669;23670; 23671;23672; 23673;23674; 23675;23676; 23677;23678; 23679;23680; 23681;23682; 23683;23684; 23685;23686; 23687;23688; 23689;23690; 23691;23692; 23693;23694; 23695;23696; 23697;23698; 23699;23700; 23701
IPEISIA DMTAQ VTSPSG K	19	1943.987	F1R9P5;E9QI62	f1na		2;3	2.35E-38	137.46	1.2E+08	787	335	23460;23461; 23462;23463; 23464;23465; 23466;23467; 23468;23469; 23470;23471; 23472;23473; 23474;23475; 23476;23477; 23478;23479; 23480;23481; 23482;23483; 23484;23485; 23486;23487; 23488;23489; 23490;23491; 23492;23493; 23494;23495; 23496;23497; 23498;23499; 23500;23501; 23502;23503; 23504;23505; 23506;23507	23702;23703; 23704;23705; 23706;23707; 23708;23709; 23710;23711; 23712;23713; 23714;23715; 23716;23717; 23718;23719; 23720;23721; 23722;23723; 23724;23725; 23726;23727; 23728;23729; 23730;23731; 23732
IPESAIC GEK	10	1089.538	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;Q8AX64	tfa	Serotransferrin	2	0.012421	84.615	2.04E+08	788	211	23508;23509; 23510;23511; 23512;23513; 23514;23515; 23516;23517; 23518	23733;23734; 23735;23736; 23737

IPLLSDL THQISK	13	1463.835	A3KP44;F1QSP 8	prdx4	2;3	1.03E-19	154.66	3.37E+08	789	125	23519;23520; 23521;23522; 23523;23524; 23525;23526; 23527;23528; 23529;23530; 23531;23532; 23533;23534; 23535;23536; 23537;23538; 23539;23540; 23541;23542; 23543;23544; 23545;23546; 23547;23548; 23549;23550; 23551;23552; 23553;23554; 23555;23556; 23557;23558; 23559;23560; 23561;23562; 23563;23564; 23565;23566; 23567;23568; 23569;23570; 23571;23572; 23573;23574; 23575;23576; 23577;23578; 23579;23580; 23581;23582; 23583;23584; 23585;23586; 23587;23588; 23589;23590; 23591;23592; 23593;23594; 23595;23596; 23597;23598; 23599;23600; 23601;23602; 23603;23604; 23605;23606; 23607;23608; 23609;23610; 23611;23612; 23613;23614; 23615;23616; 23617;23618; 23619;23620;	23738;23739; 23740;23741; 23742;23743; 23744;23745; 23746;23747; 23748;23749; 23750;23751; 23752;23753; 23754;23755; 23756;23757; 23758;23759; 23760;23761; 23762;23763; 23764;23765; 23766;23767; 23768;23769; 23770;23771; 23772;23773; 23774;23775; 23776;23777; 23778;23779; 23780;23781; 23782;23783
IPMNTL DLAQPI EQWR	16	1923.988	F1R5C0;F1R0Q 0	syt2a	2	0.009834	71.241	10038000	790	329	23784;23785; 23786;23787	



IPNGVN GVEDR	11	1168.584	F8W3R8;B1H1J 6	dpys		2	0.00087	85.807	0	791	182	23621;23622; 23623;23624; 23625;23626 23794;23795; 23796;23797; 23798;23799; 23800;23801; 23802;23803; 23804;23805; 23806;23807; 23808;23809; 23810;23811; 23812;23813; 23814;23815; 23816;23817; 23818;23819; 23820;23821; 23822;23823; 23824;23825; 23826;23827; 23828;23829; 23830;23831; 23832;23833; 23834;23835; 23836;23837; 23838;23839; 23840;23841; 23842;23843; 23844;23845; 23846;23847; 23848;23849; 23850;23851; 23852;23853; 23854;23855; 23856;23857; 23858;23859; 23860;23861; 23862;23863; 23864;23865; 23866;23867; 23868;23869; 23870;23871; 23872;23873; 23874;23875; 23876;23877; 23878;23879; 23880;23881; 23882;23883; 23884;23885; 23886;23887; 23888;23889; 23890;23891; 23892;23893;	23788;23789; 23790;23791; 23792;23793
IPPNWE ETK	9	1112.55	A0A0R4IKF0		2	2.04E-08	153.78	2.5E+10	792	68	833		

23894;23895;  
23896;23897;  
23898;23899;  
23900;23901;  
23902;23903;  
23904;23905;  
23906;23907;  
23908;23909;  
23910;23911;  
23912;23913;  
23914;23915;  
23916;23917;  
23918;23919;  
23920;23921;  
23922;23923;  
23924;23925;  
23926;23927;  
23928;23929;  
23930;23931;  
23932;23933;  
23934;23935;  
23936;23937;  
23938;23939;  
23940;23941;  
23942;23943;  
23944;23945;  
23946;23947;  
23948;23949;  
23950;23951;  
23952;23953;  
23954;23955;  
23956;23957;  
23958;23959;  
23960;23961;  
23962;23963;  
23964;23965;  
23966;23967;  
23968;23969;  
23970;23971;  
23972;23973;  
23974;23975;  
23976;23977;  
23978;23979;  
23980;23981;  
23982;23983;  
23984;23985;  
23986;23987;  
23988;23989;  
23990;23991;  
23992;23993;  
23994;23995;  
23996;23997;  
23998;23999;

IPPTVN	13	1542.793	Q7ZVV2;Q6NY	acyl	Aminoacylase-1	2	8.63E-28	152.54	6.68E+08	793	97	24000;24001; 24002;24003; 24004;24005; 24006;24007; 24008;24009; 24010;24011; 24012;24013; 24014;24015; 24016;24017; 24018;24019; 24020;24021; 24022;24023; 24024;24025; 24026;24027; 24028;24029; 24030;24031; 24032;24033; 24034;24035; 24036;24037; 24038;24039; 24040;24041	
LQEFEE			R6;F1QZ04;A0									23709;23710;	24042;24043;
K			A0R4IW78									23711;23712;	24044;24045;
												23713;23714;	24046;24047;
												23715;23716;	24048;24049;
												23717;23718;	24050;24051;
												23719;23720;	24052;24053;
												23721;23722;	24054;24055;
												23723;23724;	24056;24057;
												23725;23726;	24058;24059;
												23727;23728;	24060;24061;
												23729;23730;	24062;24063;
												23731;23732;	24064;24065;
												23733;23734;	24066;24067;
												23735;23736;	24068;24069;
												23737;23738;	24070;24071;
												23739;23740;	24072;24073;
												23741;23742;	24074;24075;
												23743;23744;	24076;24077;
												23745;23746;	24078;24079;
												23747;23748;	24080;24081;
												23749;23750;	24082;24083;
												23751;23752;	24084;24085;
												23753;23754;	24086;24087;
												23755;23756;	24088;24089;
												23757;23758;	24090;24091;
												23759;23760;	24092;24093;
												23761;23762;	24094;24095;
												23763;23764;	24096;24097;
												23765;23766;	24098;24099;
												23767;23768;	24100;24101;
												23769;23770;	24102;24103;
												23771;23772;	24104;24105;

IPTEQIS K	8	914.5073	Q5TZ29	apobb.1	2	1.19E-08	164.72	6.15E+09	794	385
--------------	---	----------	--------	---------	---	----------	--------	----------	-----	-----

23773;23774; 24106;24107;  
 23775;23776; 24108;24109;  
 23777;23778; 24110;24111;  
 23779;23780; 24112;24113;  
 23781;23782; 24114;24115;  
 23783;23784; 24116;24117;  
 23785;23786; 24118;24119;  
 23787;23788; 24120;24121;  
 23789;23790; 24122  
 23791;23792;  
 23793;23794;  
 23795;23796  
 23797;23798; 24123;24124;  
 23799;23800; 24125;24126;  
 23801;23802; 24127;24128;  
 23803;23804; 24129;24130;  
 23805;23806; 24131;24132;  
 23807;23808; 24133;24134;  
 23809;23810; 24135;24136;  
 23811;23812; 24137;24138;  
 23813;23814; 24139;24140;  
 23815;23816; 24141;24142;  
 23817;23818; 24143;24144;  
 23819;23820; 24145;24146;  
 23821;23822; 24147;24148;  
 23823;23824; 24149;24150;  
 23825;23826; 24151;24152;  
 23827;23828; 24153;24154;  
 23829;23830; 24155;24156;  
 23831;23832 24157;24158;  
 24159;24160;  
 24161;24162;  
 24163;24164;  
 24165;24166;  
 24167;24168;  
 24169;24170;  
 24171;24172;  
 24173;24174;  
 24175;24176;  
 24177;24178;  
 24179;24180;  
 24181;24182;  
 24183;24184;  
 24185;24186;  
 24187;24188;  
 24189;24190;  
 24191;24192;  
 24193;24194;  
 24195;24196;  
 24197;24198;  
 24199;24200;  
 24201;24202;  
 24203;24204;

IQAQDR DGNPV DVQVK	16	1780.907	F1R9P5;E9QI62	flna		2;3	8.77E-11	118.47	6.69E+08	795	335	23833;23834; 23835;23836; 23837;23838; 23839;23840; 23841;23842; 23843;23844; 23845;23846; 23847;23848; 23849;23850; 23851;23852; 23853;23854; 23855;23856; 23857;23858; 23859;23860	24205;24206; 24207;24208; 24209;24210; 24211;24212; 24213;24214; 24215;24216 24217;24218; 24219;24220; 24221;24222; 24223;24224; 24225;24226; 24227;24228; 24229;24230
IQDIIED VR	9	1099.587	E7FBD3	apoba		2	2.36E-08	153.08	5.56E+08	796	264	23861;23862; 23863;23864; 23865;23866; 23867;23868; 23869;23870; 23871;23872; 23873;23874; 23875;23876; 23877;23878; 23879;23880; 23881;23882; 23883;23884; 23885;23886; 23887;23888; 23889;23890; 23891;23892; 23893;23894	24231;24232; 24233;24234; 24235;24236; 24237;24238; 24239;24240; 24241;24242; 24243;24244; 24245;24246; 24247;24248; 24249;24250; 24251;24252; 24253
IQDKEG IPPDQQ R	13	1522.774	B0R193;Q3B7P 7;Q7SXA3;Q7Z U62;Q6TLG3;F 1Q8K7;B3DLH 2;B0R189;Q7Z U63;F1QHN6;A 0JPF1;A0A0N4 SUD2;Q6IS68	ubb;uba5 2;rps27a; si:ch211- 202a12.4; ubc	2;3	6.7E-77	191.79	2.91E+09	797	28	838	24254;24255; 24256;24257; 24258;24259; 24260;24261; 24262;24263; 24264;24265; 24266;24267; 24268;24269; 24270;24271; 24272;24273; 24274;24275; 24276;24277; 24278;24279; 24280;24281; 24282;24283; 24284;24285;	

24286;24287;  
24288;24289;  
24290;24291;  
24292;24293;  
24294;24295;  
24296;24297;  
24298;24299;  
24300;24301;  
24302;24303;  
24304;24305;  
24306;24307;  
24308;24309;  
24310;24311;  
24312;24313;  
24314;24315;  
24316;24317;  
24318;24319;  
24320;24321;  
24322;24323;  
24324;24325;  
24326;24327;  
24328;24329;  
24330;24331;  
24332;24333;  
24334;24335;  
24336;24337;  
24338;24339;  
24340;24341;  
24342;24343;  
24344;24345;  
24346;24347;  
24348;24349;  
24350;24351;  
24352;24353;  
24354;24355;  
24356;24357;  
24358;24359;  
24360;24361;  
24362;24363;  
24364;24365;  
24366;24367;  
24368;24369;  
24370;24371;  
24372;24373;  
24374;24375;  
24376;24377;  
24378;24379;  
24380;24381;  
24382;24383;  
24384;24385;  
24386;24387;  
24388;24389;  
24390;24391;

24392;24393;  
24394;24395;  
24396;24397;  
24398;24399;  
24400;24401;  
24402;24403;  
24404;24405;  
24406;24407;  
24408;24409;  
24410;24411;  
24412;24413;  
24414;24415;  
24416;24417;  
24418;24419;  
24420;24421;  
24422;24423;  
24424;24425;  
24426;24427;  
24428;24429;  
24430;24431;  
24432;24433;  
24434;24435;  
24436;24437;  
24438;24439;  
24440;24441;  
24442;24443;  
24444;24445;  
24446;24447;  
24448;24449;  
24450;24451;  
24452;24453;  
24454;24455;  
24456;24457;  
24458;24459;  
24460;24461;  
24462;24463;  
24464;24465;  
24466;24467;  
24468;24469;  
24470;24471;  
24472;24473;  
24474;24475;  
24476;24477;  
24478;24479;  
24480;24481;  
24482;24483;  
24484;24485;  
24486;24487;  
24488;24489;  
24490;24491;  
24492;24493;  
24494;24495;  
24496;24497;

IQDWY	7	966.4447	CON__P35527		2	0.036427	95.352	3.99E+08	798	230	839
DK											
IQDYV	12	1516.738	Q3B7G5;Q561T	hadhab	2	0.001547	72.547	85816000	799	124	
MSYPFV			0;Q0IIQ4;A4FU								
R											

24498;24499;  
 24500;24501;  
 24502;24503;  
 24504;24505;  
 24506;24507;  
 24508;24509;  
 24510;24511;  
 24512;24513;  
 24514;24515;  
 24516;24517;  
 24518;24519;  
 24520;24521;  
 24522;24523;  
 24524;24525;  
 24526;24527;  
 24528;24529;  
 24530;24531;  
 24532;24533;  
 24534;24535;  
 24536;24537;  
 24538;24539;  
 24540;24541;  
 24542;24543;  
 24544;24545;  
 24546;24547;  
 24548;24549;  
 24550;24551;  
 24552;24553;  
 24554;24555;  
 24556;24557;  
 24558;24559;  
 24560;24561;  
 24562;24563;  
 24564;24565;  
 24566;24567;  
 24568;24569;  
 24570;24571;  
 24572;24573;  
 24574;24575;  
 24576;24577;  
 24578;24579;  
 24580;24581;  
 24582;24583;  
 24584;24585;  
 24586;24587;  
 24588;24589;  
 24590;24591;  
 24592  
 24593;24594;  
 24595  
 24093;24094;  
 24095;24096

24596



IQELVQ AVVDT LK	13	1454.834	L2:F1QYX8;A3 KMH5 E7FBD3	apoba	2	6.69E-05	94.616	73639000	800	264	24097;24098; 24099;24100; 24101;24102; 24103;24104; 24105;24106; 24107;24108; 24109;24110; 24111;24112; 24113;24114; 24115;24116; 24117;24118; 24119;24120; 24121;24122; 24123;24124; 24125;24126; 24127;24128; 24129;24130; 24131;24132; 24133;24134; 24135;24136; 24137;24138; 24139;24140; 24141;24142; 24143;24144	24597;24598; 24599;24600; 24601;24602; 24603;24604; 24605;24606; 24607;24608; 24609;24610; 24611;24612; 24613;24614
IQINIIG LQR	10	1166.714	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46;Q7 ZZ47	ttnb	2	9E-107	225.57	3.51E+08	801	140	24145;24146; 24147;24148; 24149;24150; 24151;24152; 24153;24154; 24155;24156; 24157;24158; 24159;24160; 24161;24162; 24163;24164; 24165;24166; 24167;24168; 24169;24170; 24171;24172; 24173;24174; 24175;24176	24615;24616; 24617;24618; 24619;24620; 24621;24622; 24623;24624; 24625;24626; 24627;24628; 24629;24630; 24631;24632; 24633;24634; 24635;24636; 24637
IQNLEV NVGSSA K	13	1357.72	A5X6X5;B0S75 8	ttna	2	1.65E-56	175.64	2.24E+09	802	139	24177;24178; 24179;24180; 24181;24182; 24183;24184; 24185;24186; 24187;24188; 24189;24190; 24191;24192; 24193;24194; 24195;24196; 24197;24198;	24638;24639; 24640;24641; 24642;24643; 24644;24645; 24646;24647; 24648;24649; 24650;24651; 24652;24653; 24654;24655; 24656;24657; 24658;24659;

												24199;24200; 24201;24202	24660;24661; 24662;24663; 24664;24665; 24666;24667; 24668;24669; 24670;24671; 24672;24673; 24674;24675; 24676;24677; 24678;24679; 24680
IQSQTV ALADE VR	13	1428.757	A5X6X5;B0S75 8;F1R7N8	ttna		2	0.000985	85.813	53148000	803	332;139	24203;24204; 24205;24206; 24207;24208; 24209;24210; 24211;24212; 24213;24214; 24215;24216	24681;24682; 24683;24684; 24685;24686; 24687
IQTLDL GEGAI PLEVR	17	1851.994	E9QB46	selenbp1		2	5.98E-05	81.431	47560000	804	278	24217;24218; 24219;24220; 24221;24222; 24223;24224; 24225;24226; 24227;24228; 24229;24230; 24231;24232; 24233;24234	24688;24689; 24690
IQVNGV QVTAP VTLSNG IK	19	1937.095	F1QS73;A0A0 G2KQ10	2	0.003631	70.622	22088000	805	13	846	24235;2423 6;24237;24 238;24239; 24240;2424 1;24242;24 243		
IRDLLA EGSVDS LSR	15	1629.869	Q7T309;F1R7D 6;X1WDY3	serpinb11 3	3	1.24E-05	82.349	85398000	806	434	847	24693;24694; 24695;24696; 24697;24698; 24699;24700 24701;24702	
IRLENEI QTYR	11	1433.763	CON_P13645		2,3	0.000747	106.29	41143000	807	227	848		
ISAPFTE EENK	11	1263.598	Q5BLA2	si:ch211- 93f2.1	2	0.035503	59.908	0	808	379	849	24703	
ISDMDI R	7	848.4062	E7FBD3	apoba		2	0.033797	102.71	1.16E+08	809	264	24257;24258; 24259;24260; 24261;24262; 24263;24264; 24265;24266; 24267;24268	24704;24705
ISGGNA SGNVFY SPVSISS ALAMV SLGAK	29	2783.416	F8W412;E7EX C4;Q6TGU1;F1 R9A9;F8W475	serpinb11 4;serpinb 111	3	7.15E-05	21.467	7446600	810	238; 353	851	24706;24707; 24708	

ISGLIYE ETR	10	1179.614	Q0D294;A4VA K6;A3KPR4;X1 WGM1;Q0D27 2;A4QN89	zgc:1534 09;hist1h 4l;si:dkey - 108k21.2 3;si:dkey- 108k21.1 2;zgc:154 164;zgc:1 63040	Histone H4	2	5.06E-62	196.88	7.06E+08	811	127	24275;24276; 24277;24278; 24279;24280; 24281;24282; 24283;24284; 24285;24286; 24287;24288	24709;24710; 24711;24712; 24713;24714; 24715;24716; 24717;24718; 24719;24720; 24721;24722; 24723;24724; 24725
ISIGGGS CAISGG YGSR	17	1584.757	CON__P02538; CON__P04259	2	1.91E-08	106.32	39716000	812	219;222	853	24289;2429 0;24291;24 292;24293; 24294;2429 5;24296		
ISISTSG GSFR	11	1110.567	CON__P13647		2	8.75E-05	123.5	2.11E+08	813	228	854	24730;24731; 24732;24733	
ISLEHT GQVGL DEDEIS GDGNL LGSIK	27	2795.383	Q5TZ29	apobb.1		3	3.76E-35	94.08	1.99E+08	814	385	24313;24314; 24315;24316; 24317;24318; 24319;24320; 24321;24322; 24323;24324; 24325;24326; 24327;24328; 24329;24330; 24331;24332; 24333;24334; 24335;24336; 24337;24338; 24339;24340; 24341;24342; 24343;24344; 24345;24346; 24347;24348; 24349;24350; 24351;24352; 24353;24354; 24355;24356; 24357;24358; 24359;24360; 24361;24362; 24363;24364; 24365	24734;24735; 24736;24737; 24738;24739; 24740;24741; 24742;24743; 24744;24745; 24746;24747; 24748;24749; 24750;24751; 24752;24753; 24754;24755; 24756;24757; 24758;24759; 24760;24761; 24762;24763; 24764;24765; 24766
ISNNLN ALNIK	11	1212.683	Q5TZ29	apobb.1		2	4.79E-58	232.75	2.27E+09	815	385	24366;24367; 24368;24369; 24370;24371; 24372;24373; 24374;24375; 24376;24377; 24378;24379; 24380;24381; 24382;24383;	24767;24768; 24769;24770; 24771;24772; 24773;24774; 24775;24776; 24777;24778; 24779;24780; 24781;24782; 24783;24784;

												24384;24385; 24386;24387; 24388;24389; 24390;24391; 24392;24393; 24394;24395; 24396;24397; 24398;24399; 24400;24401; 24402;24403; 24404;24405; 24406;24407; 24408;24409; 24410;24411; 24412;24413; 24414;24415; 24416;24417; 24418	24785;24786; 24787;24788; 24789;24790; 24791;24792; 24793;24794; 24795;24796; 24797;24798; 24799;24800; 24801;24802; 24803;24804; 24805;24806; 24807;24808; 24809;24810; 24811;24812; 24813;24814; 24815;24816; 24817;24818; 24819;24820; 24821;24822; 24823;24824; 24825;24826; 24827;24828; 24829;24830; 24831;24832
ISNQEE DPFIAIH ADSK	17	1912.917	Q6P5J0	amy2a	Alpha-amylase	2,3	8.43E-31	118.48	3.5E+08	816	419	24419;24420; 24421;24422; 24423;24424; 24425;24426; 24427;24428; 24429;24430; 24431;24432; 24433;24434; 24435;24436; 24437;24438; 24439;24440; 24441;24442; 24443;24444; 24445;24446; 24447;24448; 24449;24450; 24451;24452; 24453;24454; 24455;24456; 24457;24458; 24459;24460; 24461;24462 24866;24867	24833;24834; 24835;24836; 24837;24838; 24839;24840; 24841;24842; 24843;24844; 24845;24846; 24847;24848; 24849;24850; 24851;24852; 24853;24854; 24855;24856; 24857;24858; 24859;24860; 24861;24862; 24863;24864; 24865
ISVSDF NGNPIN SK	14	1490.737	E7FFZ3;E7FFL8; A0A0R4I9L9; F1QF63;F1QIP9	si:dkey-46g23.2;zgc:165518	2	0.002232	73.435	16015000	817	273	858		
ITGFVDI PR	9	1016.566	A7MCR8;A7MCR6; A7MCM3;	si:dkey-26g8.5;im:69105	2	3.58E-16	137.9	2.91E+08	818	148	859	24868;24869; 24870;24871; 24872;24873;	

			E9QE79;A8E58 7;A7MCR7	35;MGC 174155;si :dkey- 269i1.4;ct slb							24874;24875; 24876	
ITLIDLP K	8	911.5692	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9	a2ml	2	0.050178	75.109	0	819	106	24486	24877
ITLVGY PMTPTD ASIK	16	1705.896	M9MMB0;F1Q W90;A0A0R4IP 31;E7F537	acana	2	2.37E-05	102.62	1.95E+08	820	74	24487;24488; 24489;24490; 24491;24492; 24493;24494; 24495;24496; 24497;24498; 24499;24500; 24501;24502; 24503;24504; 24505;24506; 24507;24508; 24509;24510; 24511;24512; 24513;24514; 24515;24516; 24517;24518; 24519;24520; 24521;24522; 24523;24524	24878;24879; 24880;24881; 24882;24883; 24884;24885; 24886;24887; 24888;24889; 24890;24891; 24892;24893; 24894;24895; 24896;24897; 24898;24899; 24900;24901; 24902;24903; 24904;24905; 24906;24907; 24908;24909; 24910;24911; 24912;24913; 24914;24915
ITMYEC EDMMG R	12	1521.597	Q6IQU2;F8W3 63	cryba2a	2	0.003213	87.298	65629000	821	406	24525;24526; 24527;24528; 24529;24530; 24531;24532; 24533	24916;24917; 24918;24919; 24920;24921
ITNGMF DEK	9	1053.48	F6PA24;A0A0R 4IJU9;A2CEA5; A2CEA4;Q6PC 86;F6NMS7;A8 WG85;A8E5J9	ckmt2b	2	1.18E-06	144.12	2.05E+09	822	67	24534;24535; 24536;24537; 24538;24539; 24540;24541; 24542;24543; 24544;24545; 24546;24547; 24548;24549; 24550;24551; 24552;24553; 24554;24555; 24556;24557; 24558;24559; 24560;24561; 24562;24563; 24564;24565; 24566;24567; 24568;24569; 24570;24571; 24572;24573; 24574;24575; 24576;24577;	24922;24923; 24924;24925; 24926;24927; 24928;24929; 24930;24931; 24932;24933; 24934;24935; 24936;24937; 24938;24939; 24940;24941; 24942;24943; 24944;24945; 24946;24947; 24948;24949; 24950;24951; 24952;24953; 24954;24955; 24956;24957; 24958;24959; 24960;24961; 24962;24963; 24964;24965;

												24578;24579; 24580;24581; 24582;24583; 24584;24585; 24586;24587; 24588;24589; 24590;24591; 24592;24593; 24594;24595; 24596;24597; 24598;24599; 24600;24601; 24602;24603; 24604	24966;24967; 24968;24969; 24970;24971; 24972;24973; 24974;24975; 24976;24977; 24978;24979; 24980;24981; 24982;24983; 24984;24985; 24986;24987; 24988;24989; 24990;24991; 24992;24993; 24994;24995; 24996;24997; 24998;24999; 25000;25001; 25002;25003; 25004;25005; 25006;25007; 25008;25009; 25010;25011; 25012;25013; 25014
ITPVI SVIK	11	1162.733	A8E4Z6;A0A0 N4STQ7;A0A0 N4SU18;Q05A P8	zgc:1231 03	2	0.007754	79.974	6.72E+08	823	25	865	25015;25016; 25017;25018; 25019;25020; 25021;25022; 25023;25024; 25025;25026; 25027;25028; 25029;25030; 25031;25032; 25033;25034; 25035;25036; 25037;25038; 25039;25040; 25041;25042; 25043;25044; 25045;25046; 25047;25048; 25049;25050; 25051;25052; 25053;25054; 25055;25056; 25057;25058; 25059;25060; 25061;25062; 25063	
ITQSNF AVGYK	11	1226.63	Q6NWC1	vdac1	2	0.015263	66.27	6205600	824	408		24662;24663; 24664	25064

ITSFGQ YELR	10	1212.614	A2BDW2;F1R5 T0;Q4FAI8;E9 QHI1;F1QYE2; B3DJP3;A2BD W3;Q90484	tnc		2	0.0005	108.81	27478000	825	109	24665	25065
ITSPLM EPSSIEK	13	1430.733	Q6TGV6;E9QI F2;E9QFZ7	psma5	Proteasome subunit alpha type	2	1.45E-37	159.09	9.29E+08	826	427;284	24666;24667; 24668;24669; 24670;24671; 24672;24673; 24674;24675; 24676;24677; 24678;24679; 24680;24681; 24682;24683; 24684;24685; 24686;24687; 24688;24689; 24690;24691; 24692;24693; 24694;24695; 24696;24697; 24698;24699; 24700;24701; 24702;24703; 24704;24705; 24706;24707; 24708;24709; 24710;24711; 24712;24713; 24714;24715; 24716;24717; 24718;24719; 24720	25066;25067; 25068;25069; 25070;25071; 25072;25073; 25074;25075; 25076;25077; 25078;25079; 25080;25081; 25082;25083; 25084;25085; 25086;25087; 25088;25089; 25090;25091; 25092;25093; 25094;25095; 25096;25097; 25098;25099; 25100;25101; 25102;25103; 25104;25105; 25106;25107; 25108;25109; 25110;25111; 25112;25113; 25114;25115; 25116;25117; 25118;25119; 25120;25121; 25122;25123; 25124;25125; 25126
ITTSQFS LLEPK	12	1362.74				2	0.000879	99.802	1.26E+08	827	462	24721;24722; 24723;24724; 24725;24726; 24727;24728; 24729;24730; 24731;24732	25127;25128
ITVWEE ENFQG K	12	1478.704	Q6IQU2;F8W3 63;F8W389;F8 W3H5	cryba2a		2;3	0	286.59	6E+09	828	406	24733;24734; 24735;24736; 24737;24738; 24739;24740; 24741;24742; 24743;24744; 24745;24746; 24747;24748; 24749;24750; 24751;24752; 24753;24754;	25129;25130; 25131;25132; 25133;25134; 25135;25136; 25137;25138; 25139;25140; 25141;25142; 25143;25144; 25145;25146; 25147;25148; 25149;25150;

24755;24756; 25151;25152;  
24757;24758; 25153;25154;  
24759;24760; 25155;25156;  
24761;24762; 25157;25158;  
24763;24764; 25159;25160;  
24765;24766; 25161;25162;  
24767;24768; 25163;25164;  
24769;24770; 25165;25166;  
24771;24772; 25167;25168;  
24773;24774; 25169;25170;  
24775;24776; 25171;25172;  
24777;24778; 25173;25174;  
24779;24780; 25175;25176;  
24781;24782; 25177;25178;  
24783;24784; 25179;25180;  
24785;24786; 25181;25182;  
24787;24788; 25183;25184;  
24789;24790; 25185;25186;  
24791;24792; 25187;25188;  
24793;24794; 25189;25190;  
24795;24796; 25191;25192;  
24797;24798; 25193;25194;  
24799;24800; 25195;25196;  
24801;24802; 25197;25198;  
24803;24804; 25199;25200;  
24805;24806; 25201;25202;  
24807;24808; 25203;25204;  
24809;24810; 25205;25206;  
24811;24812; 25207;25208;  
24813;24814; 25209;25210;  
24815;24816; 25211;25212;  
24817;24818; 25213;25214;  
24819;24820; 25215;25216;  
24821;24822; 25217;25218;  
24823;24824; 25219;25220;  
24825;24826; 25221;25222;  
24827;24828; 25223;25224;  
24829;24830; 25225;25226;  
24831;24832; 25227;25228;  
24833;24834; 25229;25230;  
24835;24836; 25231;25232;  
24837;24838; 25233;25234;  
24839;24840; 25235;25236;  
24841;24842; 25237;25238;  
24843;24844; 25239;25240;  
24845;24846; 25241;25242;  
24847;24848; 25243;25244;  
24849;24850; 25245;25246;  
24851;24852; 25247;25248;  
24853;24854; 25249;25250;  
24855;24856; 25251;25252;  
24857;24858; 25253;25254;  
24859;24860; 25255;25256;



24861;24862; 25257;25258;  
24863;24864; 25259;25260;  
24865;24866; 25261;25262;  
24867;24868; 25263;25264;  
24869;24870; 25265;25266;  
24871;24872; 25267;25268;  
24873;24874; 25269;25270;  
24875;24876; 25271;25272;  
24877;24878; 25273;25274;  
24879;24880; 25275;25276;  
24881;24882; 25277;25278;  
24883;24884; 25279;25280;  
24885;24886; 25281;25282;  
24887;24888; 25283;25284;  
24889;24890; 25285;25286;  
24891;24892; 25287;25288;  
24893 25289;25290;  
25291;25292;  
25293;25294;  
25295;25296;  
25297;25298;  
25299;25300;  
25301;25302;  
25303;25304;  
25305;25306;  
25307;25308;  
25309;25310;  
25311;25312;  
25313;25314;  
25315;25316;  
25317;25318;  
25319;25320;  
25321;25322;  
25323;25324;  
25325;25326;  
25327;25328;  
25329;25330;  
25331;25332;  
25333;25334;  
25335;25336;  
25337;25338;  
25339;25340;  
25341;25342;  
25343;25344;  
25345;25346;  
25347;25348;  
25349;25350;  
25351;25352;  
25353;25354;  
25355;25356;  
25357;25358;  
25359;25360;  
25361;25362;

25363;25364;  
25365;25366;  
25367;25368;  
25369;25370;  
25371;25372;  
25373;25374;  
25375;25376;  
25377;25378;  
25379;25380;  
25381;25382;  
25383;25384;  
25385;25386;  
25387;25388;  
25389;25390;  
25391;25392;  
25393;25394;  
25395;25396;  
25397;25398;  
25399;25400;  
25401;25402;  
25403;25404;  
25405;25406;  
25407;25408;  
25409;25410;  
25411;25412;  
25413;25414;  
25415;25416;  
25417;25418;  
25419;25420;  
25421;25422;  
25423;25424;  
25425;25426;  
25427;25428;  
25429;25430;  
25431;25432;  
25433;25434;  
25435;25436;  
25437;25438;  
25439;25440;  
25441;25442;  
25443;25444;  
25445;25446;  
25447;25448;  
25449;25450;  
25451;25452;  
25453;25454;  
25455;25456;  
25457;25458;  
25459;25460;  
25461;25462;  
25463;25464;  
25465;25466;

ITVWEE ENFQG KR ITVYDQ EHFQGR	13   12	1634.805  1491.711	Q61QU2;F8W3 63;F8W389;F8 W3H5 A7YYE8;Q6DG Y4	cryba2a  cryba1b	3  2;3	0.002285  4.9E-265	48.659  270.61	16449000  3.36E+09	829  830	406  149;400	24894;24895  24896;24897; 24898;24899; 24900;24901; 24902;24903; 24904;24905; 24906;24907; 24908;24909; 24910;24911; 24912;24913; 24914;24915; 24916;24917; 24918;24919; 24920;24921; 24922;24923; 24924;24925; 24926;24927; 24928;24929; 24930;24931; 24932;24933; 24934;24935; 24936;24937; 24938;24939; 24940;24941; 24942;24943; 24944;24945; 24946;24947; 24948;24949; 24950;24951; 24952;24953; 24954	25467;25468; 25469 25470  25471;25472; 25473;25474; 25475;25476; 25477;25478; 25479;25480; 25481;25482; 25483;25484; 25485;25486; 25487;25488; 25489;25490; 25491;25492; 25493;25494; 25495;25496; 25497;25498; 25499;25500; 25501;25502; 25503;25504; 25505;25506; 25507;25508; 25509;25510; 25511;25512; 25513;25514; 25515;25516; 25517;25518; 25519;25520; 25521;25522; 25523;25524; 25525;25526; 25527;25528; 25529;25530; 25531;25532; 25533;25534; 25535;25536 25537;25538; 25539;25540; 25541;25542; 25543;25544; 25545;25546; 25547;25548; 25549;25550; 25551;25552; 25553;25554; 25555;25556; 25557;25558; 25559;25560; 25561;25562; 25563;25564; 25565;25566;
ITWEGP NEMPV ER	13	1556.729	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;B8Q6 85;A0A0R4IHQ 0;X1WE71	tfa  Sero transferrin	2;3	0	309.21	6.87E+09	831	211	24955;24956; 24957;24958; 24959;24960; 24961;24962; 24963;24964; 24965;24966; 24967;24968; 24969;24970; 24971;24972; 24973;24974; 24975;24976; 24977;24978; 24979;24980; 24981;24982; 24983;24984;	

24985;24986; 25567;25568;  
24987;24988; 25569;25570;  
24989;24990; 25571;25572;  
24991;24992; 25573;25574;  
24993;24994; 25575;25576;  
24995;24996; 25577;25578;  
24997;24998; 25579;25580;  
24999;25000; 25581;25582;  
25001;25002; 25583;25584;  
25003;25004; 25585;25586;  
25005;25006; 25587;25588;  
25007;25008; 25589;25590;  
25009;25010; 25591;25592;  
25011;25012; 25593;25594;  
25013;25014; 25595;25596;  
25015;25016; 25597;25598;  
25017;25018; 25599;25600;  
25019;25020; 25601;25602;  
25021;25022; 25603;25604;  
25023;25024; 25605;25606;  
25025;25026; 25607;25608;  
25027;25028; 25609;25610;  
25029;25030; 25611;25612;  
25031;25032; 25613;25614;  
25033;25034; 25615;25616;  
25035;25036; 25617;25618;  
25037;25038; 25619;25620;  
25039;25040; 25621;25622;  
25041;25042; 25623;25624;  
25043;25044; 25625;25626;  
25045;25046; 25627;25628;  
25047;25048; 25629;25630;  
25049;25050 25631;25632;  
25633;25634;  
25635;25636;  
25637;25638;  
25639;25640;  
25641;25642;  
25643;25644;  
25645;25646;  
25647;25648;  
25649;25650;  
25651;25652;  
25653;25654;  
25655;25656;  
25657;25658;  
25659;25660;  
25661;25662;  
25663;25664;  
25665;25666;  
25667;25668;  
25669;25670;  
25671;25672;

												25673;25674; 25675;25676; 25677;25678; 25679;25680; 25681;25682; 25683;25684; 25685;25686; 25687;25688; 25689;25690; 25691;25692; 25693;25694; 25695;25696; 25697;25698; 25699
IVALEE K	7	800.4644	Q6DHR6;E7EZ 90;X1WHL0;X 1WF90	thop1	2	0.034103	97.473	4.55E+08	832	244	25051;25052; 25053;25054; 25055;25056; 25057;25058; 25059;25060; 25061;25062; 25063;25064; 25065;25066; 25067;25068; 25069;25070; 25071;25072; 25073;25074; 25075;25076; 25077;25078	25700;25701; 25702;25703; 25704;25705; 25706;25707; 25708;25709; 25710;25711; 25712;25713; 25714;25715; 25716;25717; 25718;25719; 25720;25721; 25722;25723; 25724;25725; 25726
IVALEE KLPEGS LSPEAK IVDTPC SEMNT DDFLEE IK	18 19	1909.041 2242.002	Q6DHR6;E7EZ 90;X1WHL0;X 1WF90 Q561T4;F1Q6S 1;A9JT03	thop1 npep11	3 2;3	0.004084 1.98E-46	50.787 116.84	11815000 1.76E+08	833 834	244 170	25079;25080; 25081;25082 25083;25084; 25085;25086; 25087;25088; 25089;25090; 25091;25092; 25093;25094; 25095;25096; 25097;25098; 25099;25100; 25101;25102; 25103;25104; 25105;25106; 25107;25108; 25109;25110; 25111;25112; 25113;25114; 25115;25116; 25117;25118; 25119;25120; 25121;25122; 25123;25124; 25125;25126;	25727 25728;25729; 25730;25731; 25732;25733; 25734;25735; 25736;25737; 25738;25739; 25740;25741; 25742;25743; 25744;25745; 25746;25747; 25748;25749; 25750;25751; 25752;25753; 25754;25755; 25756;25757; 25758;25759; 25760;25761; 25762;25763; 25764;25765; 25766;25767; 25768;25769; 25770;25771;

IVDVPD PPENVK	12	1320.693	F1Q699;Q5BJ1 4;F1R617;A0A0 R4IQ28;Q1JPV 5;F1QNZ9;A0A 0R4IF08;A0A0 R4IGP9;Q0IJ38 ;A0A0R4IE19 Q5TZ29	mybpc2b; mybpc2a	2	0.004645	70.1	68118000	835	289	879	25127;25128; 25129;25130; 25131;25132; 25133;25134; 25135 25778;25779; 25780;25781; 25782	25772;25773; 25774;25775; 25776;25777
IVEAMQ SYINR	11	1322.665		apobb.1		2	0.004587	87.806	19815000	836	385	25144;25145; 25146;25147	25783;25784
IVGGYE CTK	9	1012.49	A0A0R4IE72;Q 8AV83;Q561Z7	try		2	0.000458	114.5	5.41E+08	837	46	25148;25149; 25150;25151; 25152;25153; 25154;25155; 25156;25157; 25158;25159; 25160;25161; 25162;25163; 25164;25165; 25166;25167; 25168;25169; 25170;25171; 25172;25173	25785;25786; 25787;25788; 25789;25790; 25791;25792; 25793;25794; 25795;25796; 25797;25798; 25799;25800; 25801;25802; 25803;25804; 25805;25806; 25807;25808; 25809;25810; 25811;25812; 25813
IVLPSN AEINDE EVSSK	17	1842.921	F1RDU8	si:dkey- 65b12.6	2	4.76E-12	139.89	1.75E+08	838	347	882	25814;25815; 25816;25817; 25818;25819; 25820;25821; 25822;25823; 25824;25825; 25826;25827; 25828;25829; 25830;25831; 25832;25833; 25834;25835; 25836;25837; 25838;25839; 25840;25841; 25842;25843; 25844;25845; 25846;25847	
IVLQDI K	7	827.5117	Q6DHT8;E7FG K8;Q504E2;F1 R225;F1R0Z1;E 7FGI6;A8KBK3 ;A7YYB6;E7E XI4;F1R872;B7 ZVS7;A8WGK	zgc:9206 6;zgc:109 934;zgc:1 73594;L OC55881 6;BX511 021.4;zgc	Ferritin	2	0.034096	97.602	1.47E+08	839	277	25198;25199; 25200;25201; 25202;25203; 25204;25205; 25206;25207; 25208;25209;	25848

			2;A7MCB0;B3 DH93;A0A0N4 SUC5	:173593; wu:lj24c 01;zgc:19 4125								25210;25211; 25212	
IVNDLN DYIQLII K	14	1672.94	E7FBD3	apoba		2	0.028716	50.353	2924400	840	264	25213;25214	25849
IVNPSG ANTDA YVTDK	16	1663.805	F1QL44;F1QP6 8	flncb		2	2.16E-48	158.42	5.93E+08	841	311	25215;25216; 25217;25218; 25219;25220; 25221;25222; 25223;25224; 25225;25226; 25227;25228; 25229;25230; 25231;25232; 25233;25234; 25235;25236; 25237;25238; 25239	25850;25851; 25852;25853; 25854;25855; 25856;25857; 25858;25859; 25860;25861; 25862;25863; 25864;25865; 25866;25867; 25868;25869; 25870;25871; 25872;25873; 25874;25875; 25876;25877; 25878;25879; 25880;25881; 25882;25883; 25884;25885; 25886;25887; 25888;25889 25890;25891
IVTDYG R	7	822.4236	Q6DHB4;Q4VB J2;F1QL16	cpa1		2	0.044158	79.454	0	842	310	25240;25241	25892;25893
IVTQLV NEGR	10	1127.63	Q58EM3;F1QT T0;A0A0R4IU1 4;E9QDW2	man2b1	Alpha- mannosidase	2	1.31E-10	135.71	1.5E+08	843	91	25242;25243; 25244;25245; 25246;25247; 25248;25249; 25250;25251; 25252;25253; 25254;25255; 25256;25257; 25258 25259	25894
IVVFVD DLNMP K	12	1388.737	E9QH47;F1Q6J 7	dnah71		2	0.007189	64.836	0	844	285	25260;25261; 25262;25263; 25264;25265; 25266;25267; 25268;25269; 25270;25271; 25272;25273; 25274;25275; 25276;25277; 25278;25279; 25280;25281; 25282;25283;	25895;25896; 25897;25898; 25899;25900; 25901;25902; 25903;25904; 25905;25906; 25907;25908; 25909;25910; 25911;25912; 25913;25914; 25915;25916; 25917;25918;
IVVIED QDGF K	12	1376.682	Q7ZUI4	zgc:5649 3	Thioredoxin	2	2.63E-26	157.66	7.92E+08	845	440		

												25284;25285; 25286;25287; 25288;25289; 25290;25291; 25292;25293	25919;25920; 25921;25922; 25923;25924; 25925;25926; 25927;25928; 25929;25930; 25931;25932; 25933;25934; 25935;25936; 25937;25938; 25939;25940; 25941;25942; 25943;25944; 25945;25946; 25947;25948; 25949;25950; 25951;25952; 25953;25954; 25955;25956; 25957;25958; 25959;25960; 25961;25962; 25963;25964; 25965;25966
IWDLEG K	7	859.444	A7E2L4	gnb2l1	2	0.033912	100.74	1.39E+09	846	143	25294;25295; 25296;25297; 25298;25299; 25300;25301; 25302;25303; 25304;25305; 25306;25307; 25308;25309; 25310;25311; 25312;25313; 25314;25315; 25316;25317; 25318;25319; 25320;25321; 25322;25323; 25324;25325; 25326;25327; 25328;25329; 25330;25331; 25332;25333; 25334;25335; 25336;25337; 25338;25339; 25340	25967;25968; 25969;25970; 25971;25972; 25973;25974; 25975;25976; 25977;25978; 25979;25980; 25981;25982; 25983;25984; 25985;25986; 25987;25988; 25989;25990; 25991;25992; 25993;25994; 25995;25996; 25997;25998; 25999;26000; 26001;26002; 26003;26004	
IWDVIE K	7	901.4909	B8JKW4;Q7SX K0;Q3MU73;F1 R9X9;F1QX13	c3a.1;c3a .3;c3a.2	2	0.043739	86.472	1.43E+08	847	210	891	26005;26006; 26007	
IYINFE DMDPA	21	2387.089	Q0ZBR7	mif	2;3	2.62E-05	62.042	1.45E+08	848	360	25354;25355; 25356;25357;	26008;26009; 26010;26011;	



NVAWN NSTFG												25358;25359; 25360;25361; 25362;25363; 25364;25365; 25366;25367; 25368;25369; 25370;25371; 25372;25373; 25374;25375; 25376;25377; 25378;25379	26012;26013; 26014;26015
IYVPYV IANHYS SR IYVVDV GTDPR	14  11	1680.862  1232.64	F1QJH7;Q4QR C8;F1Q845;F1R BT4;Q5BKW6 E9QB46	c6ast4;c6 ast3  selenbp1	Metalloendopeptid ase	3  2	0.048951  0.006144	30.961  84.213	4906800  3.35E+08	849  850	294;340  278	25380;25381  25382;25383; 25384;25385; 25386;25387; 25388;25389; 25390;25391; 25392;25393; 25394;25395; 25396;25397; 25398;25399; 25400;25401; 25402;25403; 25404;25405; 25406;25407; 25408;25409; 25410	26016  26017;26018; 26019;26020; 26021;26022; 26023;26024; 26025;26026; 26027;26028; 26029;26030; 26031;26032; 26033;26034; 26035;26036; 26037;26038; 26039;26040; 26041;26042; 26043;26044; 26045;26046; 26047;26048; 26049;26050; 26051
IYYQPV AGGAE DMVQV PGSTTS TVLK	26	2710.352	X1WF98	coll2a1a		2;3	4.59E-10	56.298	1.32E+08	851	468	25411;25412; 25413;25414; 25415;25416; 25417;25418; 25419;25420; 25421;25422; 25423;25424; 25425;25426; 25427;25428; 25429;25430; 25431;25432; 25433;25434; 25435;25436	26052;26053; 26054;26055; 26056;26057; 26058;26059; 26060;26061; 26062;26063; 26064;26065; 26066;26067; 26068;26069
KAFHLL DADNS GFIEEE ELK KATTEA ETEIDA PK	20  14	2304.127  1502.746	Q804W1  A0A0R4ITL5	pvalb6  2;3		2  1.18E-08	4.16E-08  124.07	86.291  1.3E+08	0  853	852  90	453  897	25437  26071;26072; 26073;26074; 26075;26076	26070

KDEVST EDLDK	11	1277.599	Q3YAA1;F1QG 85	itgb1a	Integrin beta	2;3	0.014595	76.228	28868000	854	305	25458;25459; 25460;25461; 25462;25463; 25464;25465; 25466;25467; 25468	26077;26078	
KDVDA AYMNK	10	1153.544	CON__P13647; Q6NY60;F1QK 60;A9JRS6;Q9P V92;Q6P3K5;Q 9PUB5;F1R5A5 ;F1QV31;E9QB D7;CON__P025 38;CON__P042 59;CON__O956 78	krt4;krt5		2	1.87E-10	121.5	9276000	855	219;222;22 8;167;321;2 16	25469;25470; 25471;25472	26079;26080; 26081	
KDVVN AYMIK	10	1195.591	CON__P35908			2	0.01075	96.143	11683000	856	231	900	26082	
KEIFPA ATDSR	11	1233.635	Q7ZVV2;Q6NY R6;F1QZ04;A0 A0R4IW78	acy1	Aminoacylase-1	3	0.046892	35.268	9805800	857	97	25477;25478; 25479	26083	
KELTEL GEQVK	11	1272.693	A0A0R4IKF0			3	0.027492	42.425	26913000	858	68	902	26084;26085	
KGSGLT WNNLE GK	13	1402.721	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;Q8AX64	tfa	Serotransferrin	3	0.025968	25.041	4511000	859	211	25487	26086	
KLDDFS GSNQT K	12	1338.642	Q7ZUI4	zgc:5649 3	Thioredoxin	2;3	0.004679	96.745	33427000	860	440	25488;25489; 25490;25491; 25492;25493; 25494	26087;26088; 26089	
KLEDEC SELK	10	1236.591	Q508P8;B3DK5 0;A0MQ61;A0 A0R4INI3;A0A 0R4IVW7;A0A 0G2L354;A8W BZ8;Q6YJK1;B 8JLS3;B3DJP9; B6IDE0;A0A0 N4SU68;B6IDE 1;A0A0N4SUF 4;A0A0G2L6C1 ;A0A0G2L365; F1QAF1;B8A56 8;B8A561;B3DJ M6;B8A569;F1 R6C7;Q508P7; A2BGX6;E7FA D0;F1Q5K4;Q6 IQX1;Q802Z4; Q803U1;A0JM	smyhc1;s myhc3;m yh6;smyh c2;myhc4 ;myhz1.1; myhz1.2; myhz1.3; myha;my hz2;zgc:6 6156;my hb	2;3	6.7E-75	206.49	1.01E+09	861	200; 73;3 22	905	26090;26091; 26092;26093; 26094;26095; 26096;26097; 26098;26099; 26100;26101; 26102;26103; 26104;26105; 26106;26107; 26108;26109; 26110;26111; 26112;26113; 26114;26115; 26116;26117; 26118;26119; 26120;26121; 26122;26123; 26124		

KLEDEC SELKK	11	1364.686	C2;X1WF87;F1 QVX3;A7E2L9 Q508P8;B3DK5 0;A0MQ61;A0 A0R4INI3;A0A 0R4IVW7;A0A 0G2L354;A8W BZ8;Q6YJK1;B 8JLS3;B3DJP9; B6IDE0;A0A0 N4SU68;B6IDE 1;A0A0N4SUF 4;A0A0G2L6C1 ;A0A0G2L365; F1QAF1;B8A56 8;B8A561;B3DJ M6;B8A569;F1 R6C7;Q508P7; A2BGX6;E7FA D0;F1Q5K4;Q6 IQX1;Q802Z4; Q803U1;A0JM C2;X1WF87;F1 QVX3;A7E2L9	smyhc1;s myhc3;m yh6;smyh c2;myhc4 ;myhz1.1; myhz1.2; myhz1.3; myha;my hz2;zgc:6 6156;my hb	3	0.005325	67.879	10430000	862	200; 73;3 22	906	26125;26126	
KPNPGS SCVGV DPNR	15	1569.757	Q6NZS0;Q6PH V5;Q90W12;Q6 DHB4;Q4VBJ2; F1QL16	cpa5;cpa 1	3	0.00197	62.759	2.05E+08	863	413; 310	907	26127;26128; 26129;26130; 26131;26132; 26133;26134; 26135;26136; 26137;26138	
KVEEAL QALTK KVPQVS TPTLVE VSR	11 15	1228.703 1638.931	F6P6F2;A5WW J4;Q7ZVP3 CON_P02768- 1;CON_P0276 9	matn1 2;3	3.3E-104	2 191.63	0.036995 2.15E+08	77.26 865	13815000 221;220	864 909	138 25562;2556 3;25564;25 565;25566; 25567	26127;26128; 26129;26130; 26131;26132; 26133;26134; 26135;26136; 26137;26138 25561	26139
KYIDMI ER	8	1066.548	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;Q8AX64;E7FB J1	tfa	Serotransferrin	2	0.003333	147.06	1.63E+08	866	211	25568;25569; 25570;25571; 25572	26143;26144; 26145
LAADD FR	7	806.3923	CON_P13645; CON_P02535- 1;CON_Q148 H6;CON_Q7Z 3Y7;CON_P05 784;CON_Q2 M215;CON_Q 92764;F6P9S6; CON_A2AB72 ;CON_Q49714; CON_O76015;	si:ch211- 243g18.2; krt95;krt9 4;krt93;L OC55611 8;cyt11;cy t1;cki;krt 92;krt17; krt18	2	5.74E-17	178.02	4.21E+09	867	225; 218; 227; 232; 61;1 86;2 34;2 35	911	26146;26147; 26148;26149; 26150;26151; 26152;26153; 26154;26155; 26156;26157; 26158;26159; 26160;26161; 26162;26163; 26164;26165; 26166;26167;	



												25629;25630; 25631;25632; 25633;25634; 25635;25636; 25637;25638; 25639;25640; 25641;25642; 25643;25644; 25645;25646; 25647;25648; 25649;25650	26224;26225; 26226;26227; 26228;26229; 26230;26231; 26232;26233; 26234;26235; 26236;26237; 26238;26239; 26240;26241; 26242;26243; 26244;26245; 26246;26247; 26248;26249; 26250;26251; 26252;26253; 26254;26255
LAELEE ALQK	10	1142.618	CON__P13647	2		2.18E-62	201.07	7.06E+08	870	228	914	26256;26257; 26258;26259; 26260;26261; 26262;26263; 26264;26265; 26266;26267; 26268;26269; 26270;26271; 26272;26273; 26274;26275; 26276;26277; 26278;26279; 26280;26281; 26282;26283; 26284;26285; 26286	
LAELEG ALQK	10	1070.597	CON__O43790; CON__Q6NT21 ;CON__P78385; CON__Q14533	2	4.83E-11	141.52	69035000	871	215	915	25695;2569 6;25697		
LALVN AIYFK	10	1150.675	Q6DG30;A8E4 T6	serpinb1; LOC5690 77	2	0.002841	95.531	72769000	872	394	916	26290;26291; 26292;26293; 26294;26295; 26296;26297	
LANSLL LENR	10	1141.646	Q5TZ29	apobb.1		2	0.000915	104.48	78890000	873	385	25719;25720; 25721;25722; 25723;25724; 25725;25726; 25727;25728; 25729;25730; 25731	26298;26299; 26300;26301; 26302
LAQESL MDLEN DK	13	1504.708	X1WF87;F1QV X3;A7E2L9	myhb		2	1.4E-105	208.17	2.43E+08	874	322	25732;25733; 25734;25735; 25736;25737; 25738;25739; 25740;25741; 25742;25743;	26303;26304; 26305;26306; 26307;26308; 26309;26310; 26311;26312; 26313;26314;

LASNP	10	999.4985	Q5SPJ1;Q24JW	serpina1;	2	0.024141	69.423	13198000	875	367;	919	25744;25745;	26315;26316;
AQK			6;Q6P5I9	serpina1						418		25746;25747;	26317;26318;
LASYLD	7	808.4331	CON__P35527;	krtd1c19e	2	0.029377	113.1	4.72E+09	876	230;	920	25748;25749;	26319;26320;
K			I3IRY2;Q1LXJ	;krt94;krt						225;		25750;25751	26321;26322;
			9;CON__Q9945	93;LOC5						218;			26323
			6;CON__P1364	56118						227;			
			5;CON__P0578							232			
			4;CON__P0253									26324;26325	
			3;CON__P1901									26326;26327;	
			2;CON__A2A4									26328;26329;	
			G1;CON__Q04									26330;26331;	
			695;CON__P19									26332;26333;	
			001;Q05AL9;F1									26334;26335;	
			R8U0;Q1RLR3;									26336;26337;	
			F1QHM2;A0A0									26338;26339;	
			R4IJ35;E7F6W									26340;26341;	
			3;CON__P0877									26342;26343;	
			9									26344;26345;	
												26346;26347;	
												26348;26349;	
												26350;26351;	
												26352;26353;	
												26354;26355;	
												26356;26357;	
												26358;26359;	
												26360;26361;	
												26362;26363;	
												26364;26365;	
												26366;26367;	
												26368;26369;	
												26370;26371;	
												26372;26373;	
												26374;26375;	
												26376;26377;	
												26378	
LAVEGS	12	1249.604	A2BIJ2;A9JT15	bsdc1	2	0.001465	88.948	5.03E+08	877	117		25794;25795;	26379;26380;
SETTEK												25796;25797;	26381;26382;
												25798;25799;	26383;26384;
												25800;25801;	26385;26386;
												25802;25803;	26387;26388;
												25804;25805;	26389;26390;
												25806;25807;	26391;26392;
												25808;25809;	26393;26394;
												25810;25811;	26395;26396;
												25812;25813;	26397;26398;
												25814;25815;	26399;26400;
												25816;25817;	26401;26402;
												25818;25819;	26403;26404;
												25820;25821;	26405;26406;
												25822;25823;	26407;26408;
												25824;25825;	26409;26410;
												25826;25827;	26411;26412;
												25828;25829;	26413;26414;
												25830;25831;	26415;26416;

LAVEV WDWDR LAVISE QGVVER	10 11	1287.625 1199.651	F1R444 O57332;F1RC M3;E9QHJ5;B2 GRB2;Q568V4	prkca psmb6	Protein kinase C Proteasome subunit beta type	2 2	0.001848 3.06E-30	98.033 172.25	6894400 8.75E+08	878 879	328 342	25832;25833; 25834;25835; 25836;25837 25838;25839	26417;26418; 26419 26420;26421
LAVNS VTAGD YGR LAVQW MPR	13 8	1321.663 999.5324	Q4V9N1 B0R1C4	tsn fap		2 2	9.1E-08 0.005968	127.42 114.59	63575000 1.93E+08	880 881	372 176	25840;25841; 25842;25843; 25844;25845; 25846;25847; 25848;25849; 25850;25851; 25852;25853; 25854;25855; 25856;25857; 25858;25859; 25860;25861; 25862;25863; 25864;25865; 25866;25867; 25868;25869; 25870	26422;26423; 26424;26425; 26426;26427; 26428;26429; 26430;26431; 26432;26433; 26434;26435; 26436;26437; 26438;26439; 26440;26441; 26442;26443; 26444;26445; 26446;26447; 26448;26449; 26450;26451; 26452;26453; 26454;26455; 26456;26457; 26458;26459
LAVNS VTAGD YGR LAVQW MPR	13 8	1321.663 999.5324	Q4V9N1 B0R1C4	tsn fap		2 2	9.1E-08 0.005968	127.42 114.59	63575000 1.93E+08	880 881	372 176	25871;25872; 25873;25874; 25875;25876 25877;25878; 25879;25880; 25881;25882; 25883;25884; 25885;25886; 25887;25888; 25889;25890; 25891;25892; 25893;25894; 25895	26460;26461; 26462;26463; 26464 26465;26466; 26467;26468; 26469
LDDDYI TPNGNR	12	1391.632	A0A0R4IRI2			2	0.00023	112.04	1.27E+08	882	84	926	26470;26471; 26472;26473; 26474;26475; 26476;26477; 26478;26479; 26480;26481; 26482;26483; 26484;26485; 26486
LDDFSG SNQTK	11	1210.547	Q7ZUI4	zgc:5649 3	Thioredoxin	2	4.2E-175	244.55	4.27E+09	883	440	25914;25915; 25916;25917; 25918;25919; 25920;25921; 25922;25923; 25924;25925; 25926;25927;	26487;26488; 26489;26490; 26491;26492; 26493;26494; 26495;26496; 26497;26498; 26499;26500;

25928;25929; 26501;26502;  
25930;25931; 26503;26504;  
25932;25933; 26505;26506;  
25934;25935; 26507;26508;  
25936;25937; 26509;26510;  
25938;25939; 26511;26512;  
25940;25941; 26513;26514;  
25942;25943 26515;26516;  
26517;26518;  
26519;26520;  
26521;26522;  
26523;26524;  
26525;26526;  
26527;26528;  
26529;26530;  
26531;26532;  
26533;26534;  
26535;26536;  
26537;26538;  
26539;26540;  
26541;26542;  
26543;26544;  
26545;26546;  
26547;26548;  
26549;26550;  
26551;26552;  
26553;26554;  
26555;26556;  
26557;26558;  
26559;26560;  
26561;26562;  
26563;26564;  
26565;26566;  
26567;26568;  
26569;26570;  
26571;26572;  
26573;26574;  
26575;26576;  
26577;26578;  
26579;26580;  
26581;26582;  
26583;26584;  
26585;26586;  
26587;26588;  
26589;26590;  
26591;26592;  
26593;26594;  
26595;26596;  
26597;26598;  
26599;26600;  
26601;26602;  
26603;26604;  
26605;26606;



LDDILM	17	1992.852	Q5SPJ1;Q24JW	serpina11	2;3	3.6E-150	206.69	2.22E+09	884	367	25944;25945; 25946;25947; 25948;25949; 25950;25951; 25952;25953; 25954;25955; 25956;25957; 25958;25959; 25960;25961; 25962;25963; 25964;25965; 25966;25967; 25968;25969; 25970;25971; 25972;25973; 25974;25975; 25976;25977; 25978;25979; 25980;25981; 25982;25983; 25984;25985; 25986;25987; 25988;25989; 25990;25991; 25992;25993; 25994;25995; 25996;25997; 25998;25999; 26000;26001; 26002;26003; 26004;26005; 26006;26007; 26008;26009; 26010;26011; 26012;26013; 26014;26015; 26016;26017; 26018;26019; 26020;26021; 26022;26023; 26024;26025; 26026;26027; 26028;26029; 26030;26031; 26032;26033; 26034;26035; 26036;26037; 26038;26039; 26040;26041; 26042;26043;	26607;26608; 26609;26610; 26611;26612; 26613;26614; 26615;26616; 26617;26618; 26619;26620; 26621;26622; 26623;26624; 26625;26626; 26627;26628; 26629;26630; 26631;26632; 26633;26634; 26635;26636; 26637;26638; 26639;26640; 26641;26642; 26643;26644; 26645;26646; 26647;26648; 26649;26650; 26651;26652; 26653;26654; 26655;26656; 26657;26658; 26659;26660; 26661;26662; 26663;26664; 26665;26666; 26667;26668; 26669;26670; 26671;26672; 26673;26674; 26675;26676; 26677;26678; 26679;26680; 26681;26682; 26683;26684; 26685;26686; 26687;26688; 26689;26690; 26691;26692; 26693;26694; 26695;26696; 26697;26698; 26699;26700; 26701;26702; 26703;26704; 26705;26706; 26707;26708; 26709;26710; 26711;26712;
--------	----	----------	--------------	-----------	-----	----------	--------	----------	-----	-----	--	--

26044;26045; 26713;26714;  
26046;26047; 26715;26716;  
26048;26049; 26717;26718;  
26050;26051; 26719;26720;  
26052;26053; 26721;26722;  
26054;26055; 26723;26724;  
26056;26057; 26725;26726;  
26058;26059; 26727;26728;  
26060;26061; 26729;26730;  
26062;26063; 26731;26732;  
26064;26065; 26733;26734;  
26066;26067; 26735;26736;  
26068;26069; 26737;26738;  
26070;26071; 26739;26740;  
26072;26073; 26741;26742;  
26074;26075; 26743;26744;  
26076;26077; 26745;26746;  
26078;26079; 26747;26748;  
26080;26081; 26749;26750;  
26082;26083; 26751;26752;  
26084;26085; 26753;26754;  
26086;26087; 26755;26756;  
26088;26089; 26757;26758;  
26090;26091; 26759;26760;  
26092;26093; 26761;26762;  
26094;26095; 26763;26764;  
26096;26097; 26765;26766;  
26098;26099; 26767;26768;  
26100;26101; 26769;26770;  
26102;26103; 26771;26772;  
26104;26105; 26773;26774;  
26106;26107; 26775;26776;  
26108;26109; 26777;26778;  
26110;26111; 26779;26780;  
26112;26113; 26781;26782;  
26114;26115; 26783;26784;  
26116;26117; 26785;26786;  
26118;26119; 26787;26788;  
26120;26121; 26789;26790;  
26122;26123; 26791;26792;  
26124;26125; 26793;26794;  
26126;26127; 26795;26796;  
26128;26129; 26797;26798;  
26130;26131; 26799;26800;  
26132;26133; 26801;26802;  
26134;26135; 26803;26804;  
26136;26137; 26805;26806;  
26138;26139; 26807;26808;  
26140;26141; 26809;26810;  
26142;26143; 26811;26812;  
26144;26145; 26813;26814;  
26146;26147; 26815;26816;  
26148;26149; 26817;26818;

26150;26151; 26819;26820;  
26152;26153; 26821;26822;  
26154;26155; 26823;26824;  
26156;26157; 26825;26826;  
26158;26159; 26827;26828;  
26160;26161; 26829;26830;  
26162;26163; 26831;26832;  
26164;26165; 26833;26834;  
26166;26167; 26835;26836;  
26168;26169; 26837;26838;  
26170;26171; 26839;26840;  
26172;26173; 26841;26842;  
26174;26175; 26843;26844;  
26176;26177; 26845;26846;  
26178;26179; 26847;26848;  
26180;26181; 26849;26850;  
26182;26183; 26851;26852;  
26184;26185; 26853;26854;  
26186;26187; 26855;26856;  
26188;26189; 26857;26858;  
26190;26191; 26859;26860;  
26192;26193; 26861;26862;  
26194;26195; 26863;26864;  
26196;26197; 26865;26866;  
26198;26199; 26867;26868;  
26200;26201; 26869;26870;  
26202;26203; 26871;26872;  
26204;26205; 26873;26874;  
26206;26207; 26875;26876;  
26208;26209; 26877;26878;  
26210;26211; 26879;26880;  
26212;26213; 26881;26882;  
26214;26215; 26883;26884;  
26216;26217; 26885;26886;  
26218;26219; 26887;26888;  
26220;26221; 26889;26890;  
26222;26223; 26891;26892;  
26224;26225; 26893;26894;  
26226;26227; 26895;26896;  
26228;26229; 26897;26898;  
26230;26231; 26899;26900;  
26232;26233; 26901;26902;  
26234;26235; 26903;26904;  
26236;26237; 26905;26906;  
26238;26239; 26907;26908;  
26240;26241; 26909;26910;  
26242;26243; 26911;26912;  
26244;26245; 26913;26914;  
26246;26247; 26915;26916;  
26248;26249; 26917;26918;  
26250;26251; 26919;26920;  
26252;26253; 26921;26922;  
26254;26255; 26923;26924;

LDEEFD ETTADD R	13	1554.632	E7F821;Q503X 5	fabp11b	2	2.68E-05	112.13	2.07E+08	885	256
-----------------------	----	----------	-------------------	---------	---	----------	--------	----------	-----	-----

26256;26257; 26925;26926;  
 26258;26259; 26927;26928;  
 26260;26261; 26929;26930;  
 26262;26263; 26931;26932;  
 26264;26265; 26933;26934;  
 26266;26267; 26935;26936;  
 26268;26269; 26937;26938;  
 26270;26271; 26939;26940;  
 26272;26273; 26941;26942;  
 26274;26275; 26943;26944;  
 26276;26277; 26945;26946;  
 26278;26279; 26947;26948;  
 26280;26281; 26949;26950;  
 26282;26283; 26951;26952;  
 26284;26285; 26953;26954;  
 26286;26287; 26955;26956;  
 26288;26289; 26957;26958;  
 26290;26291; 26959;26960;  
 26292;26293; 26961;26962;  
 26294;26295; 26963;26964;  
 26296;26297; 26965;26966;  
 26298;26299; 26967;26968;  
 26300;26301; 26969;26970;  
 26302;26303; 26971;26972;  
 26304;26305; 26973;26974;  
 26306;26307; 26975;26976;  
 26308;26309; 26977;26978;  
 26310;26311; 26979;26980;  
 26312;26313; 26981;26982;  
 26314;26315; 26983  
 26316;26317;  
 26318;26319;  
 26320;26321;  
 26322;26323;  
 26324;26325;  
 26326;26327;  
 26328;26329;  
 26330;26331;  
 26332;26333;  
 26334;26335;  
 26336;26337;  
 26338;26339;  
 26340;26341;  
 26342;26343;  
 26344;26345;  
 26346;26347;  
 26348;26349;  
 26350  
 26351;26352; 26984;26985;  
 26353;26354; 26986;26987;  
 26355;26356; 26988;26989;  
 26357;26358; 26990;26991;  
 26359;26360; 26992;26993;

LDEFGE QLSK	10	1164.566	Q642Z0;Q5U3 A4;A0JMP4;Q7 ZW18;B2GRT2 ;A9C3Q5;A9C3 Q4	atp2a1;atp p2a1;atp 2a2a	Calcium- transporting ATPase	2	7.53E-89	200.86	8.37E+09	886	386	26361;26362; 26363;26364; 26365;26366; 26367;26368; 26369;26370; 26371;26372; 26373;26374; 26375;26376; 26377 26378;26379; 26380;26381; 26382;26383; 26384;26385; 26386;26387; 26388;26389; 26390;26391; 26392;26393; 26394;26395; 26396;26397; 26398;26399; 26400;26401; 26402;26403; 26404;26405; 26406;26407; 26408;26409; 26410;26411; 26412;26413; 26414;26415; 26416;26417; 26418;26419; 26420;26421; 26422;26423; 26424;26425; 26426;26427; 26428;26429; 26430;26431; 26432;26433; 26434;26435; 26436 26994;26995; 26996;26997; 26998;26999; 27000;27001; 27002;27003; 27004;27005; 27006;27007 27008;27009; 27010;27011; 27012;27013; 27014;27015; 27016;27017; 27018;27019; 27020;27021; 27022;27023; 27024;27025; 27026;27027; 27028;27029; 27030;27031; 27032;27033; 27034;27035; 27036;27037; 27038;27039; 27040;27041; 27042;27043; 27044;27045; 27046;27047; 27048;27049; 27050;27051; 27052;27053; 27054;27055; 27056;27057; 27058;27059; 27060;27061; 27062;27063; 27064;27065; 27066;27067; 27068;27069; 27070;27071; 27072;27073; 27074;27075; 27076;27077; 27078;27079; 27080;27081; 27082;27083; 27084;27085; 27086;27087; 27088;27089; 27090;27091; 27092;27093; 27094;27095;
----------------	----	----------	--	--------------------------------	------------------------------------	---	----------	--------	----------	-----	-----	---

27096;27097;  
 27098;27099;  
 27100;27101;  
 27102;27103;  
 27104;27105;  
 27106;27107;  
 27108;27109;  
 27110;27111;  
 27112;27113;  
 27114;27115;  
 27116;27117;  
 27118;27119;  
 27120;27121;  
 27122;27123;  
 27124;27125;  
 27126;27127;  
 27128;27129;  
 27130;27131;  
 27132;27133;  
 27134;27135;  
 27136;27137;  
 27138;27139;  
 27140;27141;  
 27142;27143;  
 27144

LDEFPQ 7 875.4389 E7FBD3 apoba 2 0.030074 114.59 1.45E+08 887 264

26437;26438;  
 26439;26440;  
 26441;26442;  
 26443;26444;  
 26445;26446;  
 26447;26448;  
 26449;26450;  
 26451;26452;  
 26453;26454;  
 26455

27145;27146

LDFNQ 18 1996.923 A1A5Y8;F1RA serpinf2b 2;3 2E-225 234.82 6.28E+08 888 107  
 DLQEA  
 MTSMG  
 LGK

26456;26457;  
 26458;26459;  
 26460;26461;  
 26462;26463;  
 26464;26465;  
 26466;26467;  
 26468;26469;  
 26470;26471;  
 26472;26473;  
 26474;26475;  
 26476;26477;  
 26478;26479;  
 26480;26481;  
 26482;26483;  
 26484;26485;  
 26486;26487;  
 26488;26489;  
 26490;26491;

27147;27148;  
 27149;27150;  
 27151;27152;  
 27153;27154;  
 27155;27156;  
 27157;27158;  
 27159;27160;  
 27161;27162;  
 27163;27164;  
 27165;27166;  
 27167;27168;  
 27169;27170;  
 27171;27172;  
 27173;27174;  
 27175;27176;  
 27177;27178;  
 27179;27180;  
 27181;27182;

												26492;26493; 26494;26495; 26496;26497; 26498;26499; 26500;26501; 26502;26503; 26504;26505; 26506;26507; 26508;26509; 26510;26511; 26512;26513; 26514;26515; 26516;26517; 26518;26519; 26520;26521; 26522;26523; 26524;26525; 26526;26527; 26528;26529; 26530;26531	27183;27184; 27185;27186; 27187;27188; 27189;27190; 27191;27192; 27193;27194; 27195;27196; 27197
LDFSAL DLER	10	1177.598	F1QRQ5;B3DK P9	mep1a.2	Metalloendopeptid ase	2	0.002384	96.331	1.37E+08	889	202	26532;26533; 26534;26535; 26536;26537; 26538;26539; 26540;26541; 26542;26543; 26544;26545; 26546;26547; 26548;26549; 26550;26551; 26552;26553; 26554;26555; 26556;26557; 26558;26559; 26560;26561; 26562;26563; 26564;26565; 26566;26567	27198;27199; 27200;27201; 27202;27203; 27204;27205; 27206;27207; 27208;27209; 27210;27211; 27212;27213; 27214;27215; 27216;27217; 27218;27219; 27220;27221
LDGNA PDYK	9	991.4611	Q5TZ29	apobb.1		2	6.08E-17	169.12	50798000	890	385	26568;26569; 26570;26571; 26572;26573	27222;27223
LDISSQ AIITR	11	1215.682	E7FBD3	apoba		2	9.07E-36	171.33	4.72E+08	891	264	26574;26575; 26576;26577; 26578;26579; 26580;26581; 26582;26583; 26584;26585; 26586;26587; 26588;26589; 26590;26591; 26592;26593; 26594;26595; 26596;26597;	27224;27225; 27226;27227; 27228;27229; 27230;27231; 27232;27233; 27234;27235; 27236;27237; 27238;27239; 27240;27241; 27242;27243; 27244;27245; 27246;27247;

LDPVSS AWNILT TGITND DGR	21	2244.102	A0A0R4IGA6		2;3	2.84E-46	136.17	35918000	892	52	939	26598;26599; 26600;26601; 26602;26603; 26604;26605; 26606;26607; 26608;26609; 26610;26611; 26612;26613; 26614;26615	27248;27249; 27250;27251; 27252;27253; 27254;27255; 27256;27257; 27258;27259; 27260;27261; 27262;27263; 27264;27265; 27266;27267; 27268;27269; 27270;27271; 27272;27273; 27274;27275; 27276;27277; 27278;27279; 27280;27281; 27282;27283; 27284;27285; 27286;27287
LDQ LDS SNALA VR LDSPAT PER	13	1400.726	FIRD57;Q7ZU D9	naalad2		2	0.033005	50.791	10984000	893	343	27288;27289; 27290;27291; 27292;27293	27294
	9	984.4876	E7F022;A0A0R 4IIA0	xdh		2	0.004934	101.43	73572000	894	62	26634;26635; 26636;26637; 26638;26639 26640;26641; 26642;26643; 26644;26645; 26646;26647; 26648;26649; 26650;26651; 26652	27295;27296; 27297;27298; 27299
LDSSTA SMAK	10	1009.475	Q7ZYX3;Q6IQ N8;A3KQR0	acadl		2	0.001848	98.033	26358000	895	128	26653;26654; 26655;26656; 26657;26658; 26659;26660; 26661;26662; 26663;26664; 26665;26666; 26667;26668; 26669;26670; 26671;26672; 26673;26674; 26675;26676; 26677	27300;27301; 27302;27303; 27304;27305
LDYGE YVDK	9	1100.503	Q568F8;B8A5I 7	ssbp1		2	0.006493	97.431	2.52E+08	896	207	26678;26679; 26680;26681; 26682;26683; 26684;26685; 26686;26687; 26688;26689;	27306;27307; 27308;27309; 27310;27311; 27312



LEAAV AQSEQ QGEAA LSDAR LECPNI LDR	20	2042.987	CON__O43790; CON__Q6NT21 ;CON__P78385; CON__Q14533	2;3	1.16E-15	100.11	16315000	897	215	944	26694;2669 5;26696;26 697;26698; 26699	26690;26691; 26692;26693	
	9	1115.565	Q61QU2;F8W3 63;F8W389;F8 W3H5	cryba2a		2	0.004851	101.64	2.89E+08	898	406	26700;26701; 26702;26703; 26704;26705; 26706;26707; 26708;26709; 26710;26711; 26712;26713; 26714;26715; 26716;26717; 26718;26719; 26720	27318;27319; 27320;27321; 27322;27323
LECPNI LDRDFQ K	13	1633.813	Q61QU2;F8W3 63;F8W389;F8 W3H5	cryba2a		3	0.000656	72.705	27228000	899	406	26721;26722; 26723;26724	27324;27325
LEDECS ELK	9	1108.496	Q508P8;B3DK5 0;A0MQ61;A0 A0R4INI3;A0A 0R4IVW7;A0A 0G2L354;A8W BZ8;Q6YJK1;B 8JLS3;B3DJP9; B6IDE0;A0A0 N4SU68;B6IDE 1;A0A0N4SUF 4;A0A0G2L6C1 ;A0A0G2L365; F1QAF1;B8A56 8;B8A561;B3DJ M6;B8A569;F1 R6C7;Q508P7; A2BGX6;E7FA D0;F1Q5K4;Q6 IQX1;Q802Z4; Q803U1;A0JM C2;X1WF87;F1 QVX3;A7E2L9	smyhc1;s myhc3;m yh6;smyh c2;myhc4 ;myhz1.1; myhz1.2; myhz1.3; myha;my hz2;zgc:6 6156;my hb	2	7.85E-33	186.3	3.18E+09	900	200; 73;3 22	947	27326;27327; 27328;27329; 27330;27331; 27332;27333; 27334;27335; 27336;27337; 27338;27339; 27340;27341; 27342;27343; 27344;27345; 27346;27347; 27348;27349; 27350;27351; 27352;27353; 27354;27355; 27356;27357; 27358;27359; 27360;27361; 27362;27363; 27364;27365; 27366;27367; 27368;27369; 27370;27371; 27372;27373; 27374;27375; 27376;27377; 27378;27379; 27380;27381; 27382;27383; 27384;27385; 27386;27387; 27388;27389; 27390;27391;	

LEDECS ELKK	10	1236.591	Q508P8;B3DK5 0;A0MQ61;A0 A0R4INI3;A0A 0R4IVW7;A0A 0G2L354;A8W BZ8;Q6YJK1;B 8JLS3;B3DJP9; B6IDE0;A0A0 N4SU68;B6IDE 1;A0A0N4SUF 4;A0A0G2L6C1 ;A0A0G2L365; F1QAF1;B8A56 8;B8A561;B3DJ M6;B8A569;F1 R6C7;Q508P7; A2BGX6;E7FA D0;F1Q5K4;Q6 IQX1;Q802Z4; Q803U1;A0JM C2;X1WF87;F1 QVX3;A7E2L9	smyhc1;s myhc3;m yh6;smyh c2;myhc4 ;myhz1.1; myhz1.2; myhz1.3; myha;my hz2;zgc:6 6156;my hb	2;3	1.89E-18	155.06	6.91E+08	901	200; 73;3 22	948	27392;27393; 27394 27395;27396; 27397;27398; 27399;27400; 27401;27402; 27403;27404; 27405;27406; 27407;27408; 27409;27410; 27411;27412; 27413;27414; 27415;27416; 27417;27418; 27419;27420; 27421;27422; 27423;27424; 27425;27426	
LEDLLD LALEK	11	1270.702	Q6DHR7;F1QT T5	zgc:9213 7	Alpha-amylase	2	4.65E-84	205.59	2.54E+09	902	319	26790;26791; 26792;26793; 26794;26795; 26796;26797; 26798;26799; 26800;26801; 26802;26803; 26804;26805; 26806;26807; 26808;26809; 26810;26811; 26812;26813; 26814;26815; 26816;26817; 26818;26819; 26820;26821; 26822;26823; 26824;26825; 26826;26827; 26828;26829; 26830;26831; 26832;26833; 26834;26835; 26836;26837; 26838;26839; 26840;26841; 26842;26843; 26844;26845; 26846;26847;	27427;27428; 27429;27430; 27431;27432; 27433;27434; 27435;27436; 27437;27438; 27439;27440; 27441;27442; 27443;27444; 27445;27446; 27447;27448; 27449;27450; 27451;27452; 27453;27454; 27455;27456; 27457;27458; 27459;27460; 27461;27462; 27463;27464; 27465;27466; 27467;27468; 27469;27470; 27471;27472; 27473;27474; 27475;27476; 27477;27478; 27479;27480; 27481;27482; 27483;27484;

26848;26849; 27485;27486;  
26850;26851; 27487;27488;  
26852;26853; 27489;27490;  
26854;26855; 27491;27492;  
26856;26857; 27493;27494;  
26858;26859; 27495;27496;  
26860;26861; 27497;27498;  
26862;26863; 27499;27500;  
26864;26865; 27501;27502;  
26866;26867; 27503;27504;  
26868;26869; 27505;27506;  
26870;26871; 27507;27508;  
26872;26873; 27509;27510;  
26874;26875; 27511;27512;  
26876;26877; 27513;27514;  
26878;26879; 27515;27516;  
26880;26881; 27517;27518;  
26882;26883; 27519;27520;  
26884;26885; 27521;27522;  
26886;26887; 27523;27524;  
26888;26889; 27525;27526;  
26890;26891; 27527;27528;  
26892;26893; 27529;27530;  
26894;26895; 27531;27532;  
26896;26897; 27533;27534;  
26898;26899; 27535;27536;  
26900;26901; 27537;27538;  
26902;26903; 27539;27540;  
26904;26905; 27541;27542;  
26906;26907; 27543;27544;  
26908;26909; 27545;27546;  
26910;26911; 27547;27548;  
26912;26913; 27549;27550;  
26914;26915; 27551;27552;  
26916;26917; 27553;27554;  
26918;26919; 27555;27556;  
26920;26921; 27557;27558;  
26922;26923; 27559;27560;  
26924;26925; 27561;27562;  
26926;26927; 27563;27564;  
26928;26929; 27565;27566;  
26930;26931; 27567;27568;  
26932;26933; 27569;27570;  
26934;26935; 27571;27572;  
26936;26937; 27573;27574;  
26938;26939; 27575;27576;  
26940;26941; 27577;27578;  
26942;26943; 27579;27580;  
26944;26945; 27581;27582;  
26946;26947; 27583;27584;  
26948;26949; 27585;27586;  
26950;26951; 27587;27588;  
26952;26953; 27589;27590;

26954;26955; 27591;27592;  
26956;26957; 27593;27594;  
26958;26959; 27595;27596;  
26960;26961; 27597;27598;  
26962;26963; 27599;27600;  
26964;26965; 27601;27602;  
26966;26967; 27603;27604;  
26968;26969; 27605;27606;  
26970;26971; 27607;27608;  
26972;26973; 27609;27610;  
26974;26975; 27611;27612;  
26976;26977; 27613;27614;  
26978;26979; 27615;27616;  
26980;26981; 27617;27618;  
26982;26983; 27619;27620;  
26984;26985; 27621;27622;  
26986;26987; 27623;27624;  
26988;26989; 27625;27626;  
26990;26991; 27627;27628;  
26992;26993; 27629;27630;  
26994;26995; 27631;27632;  
26996;26997; 27633;27634;  
26998;26999; 27635;27636;  
27000;27001; 27637;27638;  
27002;27003; 27639;27640;  
27004;27005; 27641;27642;  
27006;27007; 27643;27644;  
27008;27009; 27645;27646;  
27010;27011; 27647;27648;  
27012;27013; 27649;27650;  
27014;27015; 27651;27652;  
27016;27017; 27653;27654;  
27018;27019; 27655;27656;  
27020;27021; 27657;27658;  
27022;27023; 27659;27660;  
27024;27025; 27661;27662;  
27026;27027; 27663;27664;  
27028;27029; 27665;27666;  
27030;27031; 27667;27668;  
27032;27033; 27669;27670;  
27034;27035; 27671;27672;  
27036;27037;  
27038;27039;  
27040;27041;  
27042;27043;  
27044;27045;  
27046;27047;  
27048;27049;  
27050;27051;  
27052;27053;  
27054;27055;  
27056;27057;

LEEAFN SR	8	964.4614	Q6DHR6;E7EZ 90;X1WHL0;X 1WF90	thop1	2	0.000381	133.6	8.34E+08	903	244	27058;27059; 27060;27061 27062;27063; 27673;27674; 27064;27065; 27675;27676; 27066;27067; 27677;27678; 27068;27069; 27679;27680; 27070;27071; 27681;27682; 27072;27073; 27683;27684; 27074;27075; 27685;27686; 27076;27077; 27687;27688; 27078;27079; 27689;27690; 27080;27081; 27691;27692; 27082;27083; 27693;27694; 27084;27085; 27695;27696; 27086;27087; 27697;27698; 27088;27089; 27699;27700; 27090;27091; 27701;27702; 27092;27093; 27703;27704; 27094;27095; 27705;27706; 27096 27707;27708; 27709;27710; 27711;27712; 27713;27714; 27715;27716; 27717;27718; 27719;27720; 27721;27722; 27723;27724; 27725;27726; 27727;27728; 27729;27730; 27731;27732; 27733;27734; 27735
LEEIPV K	7	826.48	A2BFT0	tcnl	2	0.029899	114.19	2.58E+09	904	111	27097;27098; 27736;27737; 27099;27100; 27738;27739; 27101;27102; 27740;27741; 27103;27104; 27742;27743; 27105;27106; 27744;27745; 27107;27108; 27746;27747; 27109;27110; 27748;27749; 27111;27112; 27750;27751; 27113;27114; 27752;27753; 27115;27116; 27754;27755; 27117;27118; 27756;27757; 27119;27120; 27758;27759; 27121;27122; 27760;27761; 27123;27124 27762;27763; 27764;27765; 27766;27767; 27768;27769; 27770;27771; 27772;27773

LEETAE NLR	9	1073.535	A4VAJ8;A8KB A6	apoeb	2	1.45E-10	126.52	1.53E+08	905	132	27125;27126; 27127;27128; 27129;27130; 27131;27132; 27133;27134; 27135;27136; 27137;27138; 27139;27140; 27141;27142; 27143;27144; 27145	27774;27775; 27776;27777; 27778;27779; 27780;27781; 27782;27783
LEGLED ALQK	10	1114.587	CON_P02538; CON_P04259	2	5.88E-17	158.87	3.16E+09	906	219;222	953	27146;2714 7;27148;27 149;27150; 27151;2715 2;27153;27 154;27155; 27156;2715 7;27158;27 159;27160; 27161;2716 2;27163;27 164;27165; 27166;2716 7;27168;27 169;27170; 27171;2717 2;27173;27 174;27175; 27176;2717 7;27178;27 179;27180; 27181;2718 2;27183;27 184;27185; 27186;2718 7;27188;27 189;27190; 27191;2719 2;27193;27 194;27195; 27196;2719 7;27198;27 199;27200; 27201;2720 2;27203;27 204;27205; 27206;2720 7;27208	
LEGTSS LSTK	10	1021.529	Q5TZ29	apobb.1	2	0.006364	89.355	1.12E+08	907	385	27209;27210; 27211;27212; 27213;27214; 27215;27216;	27838;27839; 27840;27841; 27842;27843; 27844;27845;

LELLVD R	7	856.5018	A8KBB1;A8KB B0;A3KPG5	crp3	2	0.031998	117.93	2.88E+08	908	126	27217;27218; 27219;27220; 27221;27222; 27223;27224; 27225;27226; 27227;27228 27229;27230; 27231;27232; 27233;27234; 27235;27236; 27237;27238; 27239;27240; 27241;27242; 27243;27244; 27245;27246; 27247;27248; 27249;27250; 27251;27252; 27253;27254	27846;27847; 27848;27849; 27850;27851; 27852;27853 27854;27855; 27856;27857; 27858;27859; 27860;27861; 27862;27863; 27864;27865; 27866;27867
LEMLE AEVSSL R	12	1375.702	A2BDW2;F1R5 T0;Q4FAI8;E9 QHI1;F1QYE2; B3DJP3	tnc	2	1.31E-25	155.15	4.53E+08	909	109	27255;27256; 27257;27258; 27259;27260; 27261;27262; 27263;27264; 27265;27266; 27267;27268; 27269;27270; 27271;27272; 27273;27274; 27275;27276; 27277;27278; 27279;27280; 27281;27282; 27283;27284; 27285;27286; 27287;27288; 27289;27290; 27291;27292; 27293;27294; 27295;27296; 27297;27298; 27299;27300; 27301;27302; 27303;27304; 27305;27306; 27307;27308; 27309;27310; 27311;27312; 27313;27314; 27315;27316; 27317;27318; 27319;27320; 27321;27322;	27868;27869; 27870;27871; 27872;27873; 27874;27875; 27876;27877; 27878;27879; 27880;27881; 27882;27883; 27884;27885; 27886;27887; 27888;27889; 27890;27891; 27892;27893; 27894;27895; 27896;27897; 27898;27899; 27900;27901; 27902;27903; 27904;27905; 27906;27907; 27908;27909; 27910;27911; 27912;27913; 27914;27915

LEMLE GEVSTL R	12	1375.702	E7EZJ2	CABZ01 048373.1	2	0.001394	90.108	1.64E+08	910	245	958	27323;27324; 27325;27326; 27327;27328; 27329;27330; 27331;27332; 27333;27334; 27335;27336; 27337 27916;27917; 27918;27919; 27920;27921; 27922;27923; 27924;27925; 27926;27927; 27928;27929; 27930;27931; 27932;27933; 27934;27935; 27936;27937; 27938;27939; 27940
LENEIQ TYR	9	1164.578	CON_P13645; CON_P02535- 1	2	5.13E-43	191.85	8.73E+08	911	227	959	27367;2736 8;27369;27 370;27371; 27372;2737 3;27374;27 375;27376	
LENILT TELLMP TK	14	1614.89	B0R1C4	fap	2	0.00052	76.655	95230000	912	176	27377;27378; 27379;27380; 27381;27382; 27383;27384; 27385;27386; 27387;27388; 27389;27390; 27391;27392; 27393;27394; 27395;27396; 27397;27398; 27399;27400; 27401;27402; 27403;27404; 27405;27406; 27407;27408; 27409;27410; 27411;27412; 27413;27414; 27415;27416; 27417;27418; 27419;27420; 27421;27422; 27423;27424; 27425;27426; 27427;27428; 27959;27960; 27961;27962; 27963;27964; 27965;27966; 27967;27968; 27969;27970; 27971;27972; 27973;27974; 27975;27976; 27977;27978; 27979;27980; 27981;27982; 27983;27984; 27985;27986; 27987	



LEPVVL	9	996.6219	A0A0R4IKF0		2	0.020378	90.657	59213000	913	68	961	27429;27430; 27431 27988
SLK												
LEQEIA	9	1121.572	CON__P02533; CON__P19012; CON__A2A4G 1;CON__P3590 0;Q6DG66;F6P 9T1;E7F1P8;C ON__Q9D312;F 1QQ61;CON__ Q8N1A0;CON__ _Q04695;CON__ _P19001;Q05A L9;F1R8U0;Q1 RLR3;F1QHM2 ;A0A0R4I35;E 7F6W3;CON__ P08779;CON__ Q9Z2K1;CON__ _Q3ZAW8	krt95;krt9 4;krt93;L OC55611 8	2	2.55E-55	199.8	1.77E+09	914	225; 218; 232	962	27989;27990; 27991;27992; 27993;27994; 27995;27996; 27997;27998; 27999;28000; 28001;28002; 28003;28004; 28005;28006; 28007;28008; 28009;28010; 28011;28012
LEQQV	16	1858.88	Q508P8;B3DK5 0;A0MQ61;A0 A0R4INI3;A0A 0R4IVW7;A0A 0G2L354;A8W BZ8;Q6YJK1;B 8JLS3;B3DJP9; B6IDE0;A0A0 N4SU68;B6IDE 1;A0A0N4SUF 4;A0A0G2L6C1 ;A0A0G2L365; E7F5L1;E9QF0 7;E7FD18;R4G DZ5;B8A568;B 8A561;B3DJM6 ;B8A569;F1R6 C7;Q508P7;A2 BGX6;E7FAD0 ;F1Q5K4;Q6IQ X1;Q802Z4;Q8 03U1;X1WF87; F1QVX3;A7E2 L9	smyhc1;s myhc3;m yh6;smyh c2;myh7b b;myh7ba ;myhz1.1; myhz1.2; myhz1.3; myha;my hc4;myhz 2;zgc:661 56;myhb	2;3	0	392.58	1.01E+10	915	200; 73;3 22	963	28013;28014; 28015;28016; 28017;28018; 28019;28020; 28021;28022; 28023;28024; 28025;28026; 28027;28028; 28029;28030; 28031;28032; 28033;28034; 28035;28036; 28037;28038; 28039;28040; 28041;28042; 28043;28044; 28045;28046; 28047;28048; 28049;28050; 28051;28052; 28053;28054; 28055;28056; 28057;28058; 28059;28060; 28061;28062; 28063;28064; 28065;28066; 28067;28068; 28069;28070; 28071;28072; 28073;28074;

28075;28076;  
28077;28078;  
28079;28080;  
28081;28082;  
28083;28084;  
28085;28086;  
28087;28088;  
28089;28090;  
28091;28092;  
28093;28094;  
28095;28096;  
28097;28098;  
28099;28100;  
28101;28102;  
28103;28104;  
28105;28106;  
28107;28108;  
28109;28110;  
28111;28112;  
28113;28114;  
28115;28116;  
28117;28118;  
28119;28120;  
28121;28122;  
28123;28124;  
28125;28126;  
28127;28128;  
28129;28130;  
28131;28132;  
28133;28134;  
28135;28136;  
28137;28138;  
28139;28140;  
28141;28142;  
28143;28144;  
28145;28146;  
28147;28148;  
28149;28150;  
28151;28152;  
28153;28154;  
28155;28156;  
28157;28158;  
28159;28160;  
28161;28162;  
28163;28164;  
28165;28166;  
28167;28168;  
28169;28170;  
28171;28172;  
28173;28174;  
28175;28176;  
28177;28178;  
28179;28180;

LEQQV  
DDLEGS  
LEQEKK

17

1986.975

Q508P8;B3DK5  
0;A0MQ61;A0  
A0R4INI3;A0A  
0R4IVW7;A0A  
0G2L354;A8W

smyhc1;s  
myhc3;m  
yh6;smyh  
c2;myh7b  
b;myh7ba

2;3

1.9E-131

170.16

5.98E+08

916

200;  
73;3  
22

964

28181;28182;  
28183;28184;  
28185;28186;  
28187;28188;  
28189;28190;  
28191;28192;  
28193;28194;  
28195;28196;  
28197;28198;  
28199;28200;  
28201;28202;  
28203;28204;  
28205;28206;  
28207;28208;  
28209;28210;  
28211;28212;  
28213;28214;  
28215;28216;  
28217;28218;  
28219;28220;  
28221;28222;  
28223;28224;  
28225;28226;  
28227;28228;  
28229;28230;  
28231;28232;  
28233;28234;  
28235;28236;  
28237;28238;  
28239;28240;  
28241;28242;  
28243;28244;  
28245;28246;  
28247;28248;  
28249;28250;  
28251;28252;  
28253;28254;  
28255;28256;  
28257;28258;  
28259;28260;  
28261;28262;  
28263;28264;  
28265;28266;  
28267;28268;  
28269;28270;  
28271;28272;  
28273;28274;  
28275  
28276;28277;  
28278;28279;  
28280;28281;  
28282;28283;  
28284;28285;

			BZ8;Q6YJK1;B8JLS3;B3DJP9;B6IDE0;A0A0N4SU68;B6IDE1;A0A0N4SUF4;A0A0G2L6C1;A0A0G2L365;E7F5L1;E9QF07;E7FD18;R4GDZ5;B8A568;B8A561;B3DJM6;B8A569;F1R6C7;Q508P7;A2BGX6;E7FAD0;F1Q5K4;Q6IQX1;Q802Z4;Q803U1;X1WF87;F1QVX3;A7E2L9	;myhz1.1;myhz1.2;myhz1.3;myha;myhc4;myhz2;zgc:66156;myhb									28286;28287;28288;28289;28290;28291;28292;28293;28294;28295;28296;28297;28298;28299;28300;28301;28302;28303;28304;28305;28306;28307;28308;28309;28310;28311;28312
LESELTIDK	9	1046.55	Q6DG30	serpinb1		1;2	1.69E-06	135.79	1.03E+09	917	394	27691;27692;27693;27694;27695;27696;27697;27698;27699;27700;27701;27702;27703;27704;27705;27706;27707;27708;27709;27710;27711;27712;27713;27714;27715;27716;27717;27718;27719;27720;27721;27722;27723;27724	28313;28314;28315;28316;28317;28318;28319;28320;28321;28322;28323;28324;28325;28326
LESFYIQR	8	1054.545	A2BHD8;F1QUU0;A0A0R4IQN2;A3KNW3;F1QTE2;A2BHD9	hexb	Beta-hexosaminidase	2	1.02E-08	164.89	4.31E+08	918	115	27725;27726;27727;27728;27729;27730;27731;27732;27733;27734;27735;27736;27737;27738;27739;27740;27741;27742;27743;27744	28327;28328;28329;28330;28331;28332;28333;28334;28335;28336;28337;28338;28339;28340;28341;28342
LESGQS IDDLMP EQK	15	1688.793	Q8AY63;Q7ZU04;R4GE87	ckbb		2	0	282.62	7.27E+08	919	437	27745;27746;27747;27748;27749;27750;27751;27752;27753;27754;27755;27756;27757;27758;	28343;28344;28345;28346;28347;28348;28349;28350;28351;28352;28353;28354;28355;28356;

												27759;27760; 27761;27762; 27763;27764; 27765;27766; 27767;27768; 27769;27770; 27771;27772; 27773;27774; 27775;27776; 27777;27778; 27779;27780; 27781;27782; 27783;27784; 27785;27786; 27787	28357;28358; 28359;28360; 28361;28362; 28363;28364; 28365;28366; 28367;28368; 28369;28370; 28371;28372; 28373;28374; 28375;28376; 28377;28378; 28379;28380; 28381;28382; 28383;28384; 28385;28386; 28387
LESLTD EINFLR	12	1448.751	A8WGN0	krt8		2	0.000209	112.75	17259000	920	163	27788;27789	28388;28389; 28390;28391; 28392;28393; 28394
LEVEW ER	7	959.4713	A4VCF4;Q8JH 37;Q1MTC6;F1 R2T3;A3KMS4; A0A0R4IUA0; Q90YN8;Q1LW N2;A0A0R4IY4 9;E9QFD8;F1Q V15;Q3T7A8;Q 504J4;Q3T7B0; A8WGJ7;F1QH H9;A2VCZ6;F1 RBA0;Q4QRF3 ;F1R2S5;F1Q7L 0;A5PL84;A8E 4Y8;Q1RM99; Q3T7B1;Q3T7 A9	vtg1;vtg7 ;vtg4;vtg 6;vtg5	2	0.029899	110.61	47210000	921	94	970	28395;28396	
LEVYG GPDLSA PR	13	1372.699	X1WG04;A0A0 R4IHW6	cubn		2	0.015333	60.434	81408000	922	63	27791;27792; 27793;27794; 27795;27796; 27797;27798; 27799;27800; 27801;27802; 27803;27804; 27805;27806; 27807;27808; 27809;27810; 27811;27812; 27813;27814	28397;28398; 28399
LFEENG VTFVK	11	1281.661	Q6P696	glol	Lactoylglutathione lyase	2	1.41E-97	196.88	1.33E+09	923	421	27815;27816; 27817;27818; 27819;27820; 27821;27822;	28400;28401; 28402;28403; 28404;28405; 28406;28407;

27823;27824; 28408;28409;  
27825;27826; 28410;28411;  
27827;27828; 28412;28413;  
27829;27830; 28414;28415;  
27831;27832; 28416;28417;  
27833;27834; 28418;28419;  
27835;27836; 28420;28421;  
27837;27838; 28422;28423;  
27839;27840; 28424;28425;  
27841;27842; 28426;28427;  
27843;27844; 28428;28429;  
27845;27846; 28430;28431;  
27847;27848; 28432;28433;  
27849;27850; 28434;28435;  
27851;27852; 28436;28437;  
27853;27854; 28438;28439;  
27855;27856; 28440;28441;  
27857;27858; 28442;28443;  
27859;27860; 28444;28445;  
27861;27862; 28446;28447;  
27863 28448;28449;  
28450;28451;  
28452;28453;  
28454;28455;  
28456;28457;  
28458;28459;  
28460;28461;  
28462;28463;  
28464;28465;  
28466;28467;  
28468;28469;  
28470;28471;  
28472;28473;  
28474;28475;  
28476;28477;  
28478;28479;  
28480;28481;  
28482;28483;  
28484;28485;  
28486;28487;  
28488;28489;  
28490;28491;  
28492;28493;  
28494;28495;  
28496;28497;  
28498;28499;  
28500;28501;  
28502;28503;  
28504;28505;  
28506;28507;  
28508;28509;  
28510;28511;  
28512

LFEVGG SPATTR	12	1233.635	E9QD09;F1QD 93;A0A0R4IQG 9;E7F169;A0A0 R4IRY8;A0A0 R4IZT7	ppp3ca;p pp3cb	Serine/threonine- protein phosphatase	2	8.7E-05	123.86	5.33E+08	924	81	27864;27865; 27866;27867; 27868;27869; 27870;27871; 27872;27873; 27874;27875; 27876;27877; 27878;27879; 27880;27881; 27882;27883; 27884;27885; 27886;27887; 27888	28513;28514; 28515;28516; 28517;28518; 28519;28520; 28521;28522; 28523;28524; 28525;28526; 28527;28528; 28529;28530; 28531;28532; 28533;28534; 28535;28536; 28537;28538
LFGDS WQTK	9	1080.524	F1QS73;A0A0 G2KQ10	2	1.91E-06	128.61	2.37E+08	925	13	974	27889;2789 0;27891;27 892;27893; 27894;2789 5;27896;27 897;27898; 27899;2790 0;27901;27 902;27903; 27904;2790 5;27906;27 907;27908; 27909		
LFIDEL K	7	876.4957	F1Q6P3;A0A0R 4IDY3	col6a1		2	0.033716	104.11	4.57E+08	926	291	27910;27911; 27912;27913; 27914;27915; 27916;27917; 27918;27919; 27920;27921; 27922;27923; 27924;27925; 27926;27927; 27928;27929; 27930;27931	28544;28545; 28546;28547; 28548;28549; 28550;28551; 28552;28553; 28554;28555; 28556
LFLQNF K	7	908.512	Q804W0;A0A0 R4INM7;Q6IM W7;Q804V8	pvalb1;pv alb4	2	0.014133	130.84	1.21E+10	927	452; 403	976	28557;28558; 28559;28560; 28561;28562; 28563;28564; 28565;28566; 28567;28568; 28569;28570; 28571;28572; 28573;28574; 28575;28576; 28577;28578; 28579;28580; 28581;28582; 28583;28584; 28585;28586; 28587;28588;	

28589;28590;  
28591;28592;  
28593;28594;  
28595;28596;  
28597;28598;  
28599;28600;  
28601;28602;  
28603;28604;  
28605;28606;  
28607;28608;  
28609;28610;  
28611;28612;  
28613;28614;  
28615;28616;  
28617;28618;  
28619;28620;  
28621;28622;  
28623;28624;  
28625;28626;  
28627;28628;  
28629;28630;  
28631;28632;  
28633;28634;  
28635;28636;  
28637;28638;  
28639;28640;  
28641;28642;  
28643;28644;  
28645;28646;  
28647;28648;  
28649;28650;  
28651;28652;  
28653;28654;  
28655;28656;  
28657;28658;  
28659;28660;  
28661;28662;  
28663;28664;  
28665;28666;  
28667;28668;  
28669;28670;  
28671;28672;  
28673;28674;  
28675;28676;  
28677;28678;  
28679;28680;  
28681;28682;  
28683;28684;  
28685;28686;  
28687;28688;  
28689;28690;  
28691;28692;  
28693;28694;



LFLQNF 11 1222.646 Q7ZT36 pvalb3 2 3.7E-101 219.54 5.18E+09 928 435  
SAGAR

28695;28696;  
28697;28698;  
28699;28700;  
28701;28702;  
28703;28704;  
28705;28706;  
28707;28708;  
28709;28710;  
28711;28712;  
28713;28714;  
28715;28716;  
28717;28718;  
28719;28720;  
28721;28722;  
28723;28724;  
28725;28726;  
28727;28728;  
28729;28730;  
28731;28732;  
28733;28734;  
28735;28736;  
28737;28738;  
28739;28740;  
28741;28742;  
28743;28744;  
28745;28746;  
28747;28748;  
28749;28750;  
28751;28752  
28067;28068; 28753;28754;  
28069;28070; 28755;28756;  
28071;28072; 28757;28758;  
28073;28074; 28759;28760;  
28075;28076; 28761;28762;  
28077;28078; 28763;28764;  
28079;28080; 28765;28766;  
28081;28082; 28767;28768;  
28083;28084; 28769;28770;  
28085;28086; 28771;28772;  
28087;28088; 28773;28774;  
28089;28090; 28775;28776;  
28091;28092; 28777;28778;  
28093;28094; 28779;28780;  
28095;28096; 28781;28782;  
28097;28098; 28783;28784;  
28099;28100; 28785;28786;  
28101;28102; 28787;28788;  
28103;28104; 28789;28790;  
28105;28106; 28791;28792;  
28107;28108; 28793;28794;  
28109;28110; 28795;28796;  
28111;28112; 28797;28798;  
28113;28114; 28799;28800;



LFVFD NTNTIK	12	1411.735	B5DDZ4	acta1	2	5.04E-46	175.73	7.23E+08	930	203	28907;28908; 28909;28910; 28911;28912; 28913;28914; 28915;28916; 28917 28200;28201; 28202;28203; 28204;28205; 28206;28207; 28208;28209; 28210;28211; 28212;28213; 28214;28215; 28216;28217; 28218;28219; 28220;28221; 28222;28223; 28224;28225; 28226;28227; 28228;28229; 28230;28231; 28232;28233; 28234;28235; 28236;28237; 28238;28239; 28240;28241; 28242;28243; 28244;28245; 28246;28247; 28248;28249; 28250;28251; 28252;28253; 28254;28255; 28256;28257; 28258;28259; 28260;28261; 28262;28263; 28264;28265; 28266 28267;28268; 28269;28270; 28271;28272; 28273;28274; 28275;28276; 28277;28278; 28279;28280; 28281;28282; 28283;28284; 28285;28286; 28287;28288 28289;28290; 28291;28292	28918;28919; 28920;28921; 28922;28923; 28924;28925; 28926;28927; 28928;28929; 28930;28931; 28932;28933; 28934;28935; 28936;28937; 28938;28939; 28940;28941; 28942;28943; 28944;28945; 28946;28947; 28948;28949; 28950;28951; 28952;28953; 28954;28955; 28956;28957; 28958;28959; 28960;28961; 28962;28963; 28964;28965; 28966;28967; 28968;28969; 28970;28971; 28972;28973; 28974;28975; 28976;28977; 28978;28979; 28980;28981; 28982
LFVIDV ENPSR	11	1287.682	B0R1C4	fap	2	0.003075	93.111	1.7E+08	931	176	28267;28268; 28269;28270; 28271;28272; 28273;28274; 28275;28276; 28277;28278; 28279;28280; 28281;28282; 28283;28284; 28285;28286; 28287;28288 28289;28290; 28291;28292	28983;28984; 28985;28986; 28987;28988; 28989;28990; 28991;28992; 28993;28994; 28995
LFWVD STLDK	10	1222.623	X1WE42;E7F6 D3;X1WGD8	nid2a	2	0.024476	68.735	6504600	932	252	28289;28290; 28291;28292	28996

LGDHIT NLSK	10	1096.588	Q6DHT8;E7FG K8;Q504E2;F1 R225;F1R0Z1;E 7FG16;A8KKBK3 ;A7YYB6;E7E X14;F1R872;B7 ZVS7;A8WGK 2;A7MCB0;B3 DH93;A0A0N4 SUC5	zgc:9206 6;zgc:109 934;zgc:1 73594;L OC55881 6;BX511 021.4;zgc :173593; wu:fj24c 01;zgc:19 4125	Ferritin	2	1.09E-75	208.11	4.75E+08	933	277	28293;28294; 28295;28296; 28297;28298; 28299;28300; 28301;28302; 28303;28304; 28305;28306; 28307;28308; 28309;28310; 28311;28312; 28313;28314; 28315;28316; 28317 28318;28319; 28320;28321; 28322;28323; 28324;28325; 28326;28327; 28328;28329; 28330;28331; 28332;28333; 28334;28335; 28336;28337; 28338;28339; 28340;28341; 28342;28343; 28344;28345; 28346;28347; 28348;28349; 28350;28351; 28352;28353; 28354;28355; 28356;28357; 28358;28359; 28360	28997;28998; 28999;29000; 29001;29002; 29003 29004;29005; 29006;29007; 29008;29009; 29010;29011; 29012;29013; 29014;29015; 29016;29017; 29018;29019; 29020;29021; 29022;29023; 29024;29025; 29026;29027; 29028;29029; 29030;29031; 29032;29033; 29034;29035; 29036;29037; 29038;29039; 29040;29041; 29042;29043; 29044;29045; 29046;29047; 29048;29049; 29050;29051; 29052;29053; 29054;29055; 29056;29057; 29058;29059; 29060;29061; 29062;29063; 29064;29065; 29066;29067; 29068;29069; 29070;29071; 29072;29073; 29074;29075; 29076;29077; 29078;29079; 29080;29081; 29082;29083;
LGEEFD ETTADD R	13	1496.627	Q90ZG6;F8W4 L9;F8W3N3;Q9 I8N9	fabp7a		2	0	273.44	6.49E+09	934	352		

29084;29085;  
29086;29087;  
29088;29089;  
29090;29091;  
29092;29093;  
29094;29095;  
29096;29097;  
29098;29099;  
29100;29101;  
29102;29103;  
29104;29105;  
29106;29107;  
29108;29109;  
29110;29111;  
29112;29113;  
29114;29115;  
29116;29117;  
29118;29119;  
29120

LGEHNI	20	2210.097	CON__P00761	2;3;4	0	485.32	1.16E+10	935	217	984
DVLEG										
NEQFIN										
AAK										

29121;29122;  
29123;29124;  
29125;29126;  
29127;29128;  
29129;29130;  
29131;29132;  
29133;29134;  
29135;29136;  
29137;29138;  
29139;29140;  
29141;29142;  
29143;29144;  
29145;29146;  
29147;29148;  
29149;29150;  
29151;29152;  
29153;29154;  
29155;29156;  
29157;29158;  
29159;29160;  
29161;29162;  
29163;29164;  
29165;29166;  
29167;29168;  
29169;29170;  
29171;29172;  
29173;29174;  
29175;29176;  
29177;29178;  
29179;29180;  
29181;29182;  
29183;29184;  
29185;29186;  
29187;29188;

29189;29190;  
29191;29192;  
29193;29194;  
29195;29196;  
29197;29198;  
29199;29200;  
29201;29202;  
29203;29204;  
29205;29206;  
29207;29208;  
29209;29210;  
29211;29212;  
29213;29214;  
29215;29216;  
29217;29218;  
29219;29220;  
29221;29222;  
29223;29224;  
29225;29226;  
29227;29228;  
29229;29230;  
29231;29232;  
29233;29234;  
29235;29236;  
29237;29238;  
29239;29240;  
29241;29242;  
29243;29244;  
29245;29246;  
29247;29248;  
29249;29250;  
29251;29252;  
29253;29254;  
29255;29256;  
29257;29258;  
29259;29260;  
29261;29262;  
29263;29264;  
29265;29266;  
29267;29268;  
29269;29270;  
29271;29272;  
29273;29274;  
29275;29276;  
29277;29278;  
29279;29280;  
29281;29282;  
29283;29284;  
29285;29286;  
29287;29288;  
29289;29290;  
29291;29292;  
29293;29294;

29295;29296;  
29297;29298;  
29299;29300;  
29301;29302;  
29303;29304;  
29305;29306;  
29307;29308;  
29309;29310;  
29311;29312;  
29313;29314;  
29315;29316;  
29317;29318;  
29319;29320;  
29321;29322;  
29323;29324;  
29325;29326;  
29327;29328;  
29329;29330;  
29331;29332;  
29333;29334;  
29335;29336;  
29337;29338;  
29339;29340;  
29341;29342;  
29343;29344;  
29345;29346;  
29347;29348;  
29349;29350;  
29351;29352;  
29353;29354;  
29355;29356;  
29357;29358;  
29359;29360;  
29361;29362;  
29363;29364;  
29365;29366;  
29367;29368;  
29369;29370;  
29371;29372;  
29373;29374;  
29375;29376;  
29377;29378;  
29379;29380;  
29381;29382;  
29383;29384;  
29385;29386;  
29387;29388;  
29389;29390;  
29391;29392;  
29393;29394;  
29395;29396;  
29397;29398;  
29399;29400;

29401;29402;  
29403;29404;  
29405;29406;  
29407;29408;  
29409;29410;  
29411;29412;  
29413;29414;  
29415;29416;  
29417;29418;  
29419;29420;  
29421;29422;  
29423;29424;  
29425;29426;  
29427;29428;  
29429;29430;  
29431;29432;  
29433;29434;  
29435;29436;  
29437;29438;  
29439;29440;  
29441;29442;  
29443;29444;  
29445;29446;  
29447;29448;  
29449;29450;  
29451;29452;  
29453;29454;  
29455;29456;  
29457;29458;  
29459;29460;  
29461;29462;  
29463;29464;  
29465;29466;  
29467;29468;  
29469;29470;  
29471;29472;  
29473;29474;  
29475;29476;  
29477;29478;  
29479;29480;  
29481;29482;  
29483;29484;  
29485;29486;  
29487;29488;  
29489;29490;  
29491;29492;  
29493;29494;  
29495;29496;  
29497;29498;  
29499;29500;  
29501;29502;  
29503;29504;  
29505;29506;



29507;29508;  
29509;29510;  
29511;29512;  
29513;29514;  
29515;29516;  
29517;29518;  
29519;29520;  
29521;29522;  
29523;29524;  
29525;29526;  
29527;29528;  
29529;29530;  
29531;29532;  
29533;29534;  
29535;29536;  
29537;29538;  
29539;29540;  
29541;29542;  
29543;29544;  
29545;29546;  
29547;29548;  
29549;29550;  
29551;29552;  
29553;29554;  
29555;29556;  
29557;29558;  
29559;29560;  
29561;29562;  
29563;29564;  
29565;29566;  
29567;29568;  
29569;29570;  
29571;29572;  
29573;29574;  
29575;29576;  
29577;29578;  
29579;29580;  
29581;29582;  
29583;29584;  
29585;29586;  
29587;29588;  
29589;29590;  
29591;29592;  
29593;29594;  
29595;29596;  
29597;29598;  
29599;29600;  
29601;29602;  
29603;29604;  
29605;29606;  
29607;29608;  
29609;29610;  
29611;29612;

29613;29614;  
29615;29616;  
29617;29618;  
29619;29620;  
29621;29622;  
29623;29624;  
29625;29626;  
29627;29628;  
29629;29630;  
29631;29632;  
29633;29634;  
29635;29636;  
29637;29638;  
29639;29640;  
29641;29642;  
29643;29644;  
29645;29646;  
29647;29648;  
29649;29650;  
29651;29652;  
29653;29654;  
29655;29656;  
29657;29658;  
29659;29660;  
29661;29662;  
29663;29664;  
29665;29666;  
29667;29668;  
29669;29670;  
29671;29672;  
29673;29674;  
29675;29676;  
29677;29678;  
29679;29680;  
29681;29682;  
29683;29684;  
29685;29686;  
29687;29688;  
29689;29690;  
29691;29692;  
29693;29694;  
29695;29696;  
29697;29698;  
29699;29700;  
29701;29702;  
29703;29704;  
29705;29706;  
29707;29708;  
29709;29710;  
29711;29712;  
29713;29714;  
29715;29716;  
29717

LGEHNI DVTEGT EQFINS EK	20	2259.066	A0A0R4IE72;Q 8AV83;Q561Z7	try	2;3	0	415.74	2.58E+09	936	46	28752;28753; 28754;28755; 28756;28757; 28758;28759; 28760;28761; 28762;28763; 28764;28765; 28766;28767; 28768;28769; 28770;28771; 28772;28773; 28774;28775; 28776;28777; 28778;28779; 28780;28781; 28782;28783; 28784;28785; 28786;28787; 28788;28789; 28790;28791; 28792;28793; 28794;28795; 28796;28797; 28798;28799; 28800;28801; 28802;28803; 28804;28805; 28806;28807; 28808;28809; 28810;28811; 28812;28813; 28814;28815; 28816;28817; 28818;28819; 28820;28821; 28822;28823; 28824;28825; 28826;28827; 28828;28829; 28830;28831; 28832;28833; 28834;28835; 28836;28837; 28838;28839; 28840;28841; 28842;28843; 28844;28845; 28846;28847; 28848;28849; 28850;28851; 28852;28853; 28854;28855; 28856;28857;	29718;29719; 29720;29721; 29722;29723; 29724;29725; 29726;29727; 29728;29729; 29730;29731; 29732;29733; 29734;29735; 29736;29737; 29738;29739; 29740;29741; 29742;29743; 29744;29745; 29746;29747; 29748;29749; 29750;29751; 29752;29753; 29754;29755; 29756;29757; 29758;29759; 29760;29761; 29762;29763; 29764;29765; 29766;29767; 29768;29769; 29770;29771; 29772;29773; 29774;29775; 29776;29777; 29778;29779; 29780;29781; 29782;29783; 29784;29785; 29786;29787; 29788;29789; 29790;29791; 29792;29793; 29794;29795; 29796;29797; 29798;29799; 29800;29801; 29802;29803; 29804;29805; 29806;29807; 29808;29809; 29810;29811; 29812;29813; 29814;29815; 29816;29817; 29818;29819; 29820;29821; 29822;29823;
----------------------------------	----	----------	------------------------------	-----	-----	---	--------	----------	-----	----	--	--

												28858;28859; 28860;28861; 28862;28863; 28864;28865; 28866;28867; 28868;28869; 28870;28871; 28872;28873; 28874;28875; 28876;28877; 28878;28879; 28880;28881; 28882;28883; 28884;28885; 28886;28887; 28888;28889; 28890;28891; 28892;28893; 28894;28895; 28896;28897	29824;29825; 29826;29827; 29828;29829; 29830;29831; 29832;29833; 29834;29835; 29836;29837; 29838;29839; 29840;29841; 29842;29843; 29844;29845; 29846;29847; 29848;29849; 29850;29851; 29852;29853; 29854;29855; 29856;29857; 29858;29859; 29860;29861; 29862;29863; 29864;29865; 29866;29867; 29868;29869; 29870;29871; 29872
LGEHNI EVLEGN EQFINA AK	20	2224.112	CON__P07477		2;3	6.36E-05	62.042	2.95E+08	937	224	986	29873;29874; 29875;29876; 29877;29878; 29879;29880; 29881;29882; 29883;29884; 29885;29886; 29887;29888; 29889;29890; 29891;29892; 29893;29894; 29895;29896; 29897;29898; 29899;29900; 29901;29902; 29903	
LGEHNI VINEGT EQFITSE K	20	2257.123	E7FBA9;F8W4J 1;Q7SX90;F1R 894;F8W3C3	prss59.2; prss59.1	2;3;4	0	463.56	7.8E+09	938	263; 333	987	29904;29905; 29906;29907; 29908;29909; 29910;29911; 29912;29913; 29914;29915; 29916;29917; 29918;29919; 29920;29921; 29922;29923; 29924;29925; 29926;29927;	

29928;29929;  
29930;29931;  
29932;29933;  
29934;29935;  
29936;29937;  
29938;29939;  
29940;29941;  
29942;29943;  
29944;29945;  
29946;29947;  
29948;29949;  
29950;29951;  
29952;29953;  
29954;29955;  
29956;29957;  
29958;29959;  
29960;29961;  
29962;29963;  
29964;29965;  
29966;29967;  
29968;29969;  
29970;29971;  
29972;29973;  
29974;29975;  
29976;29977;  
29978;29979;  
29980;29981;  
29982;29983;  
29984;29985;  
29986;29987;  
29988;29989;  
29990;29991;  
29992;29993;  
29994;29995;  
29996;29997;  
29998;29999;  
30000;30001;  
30002;30003;  
30004;30005;  
30006;30007;  
30008;30009;  
30010;30011;  
30012;30013;  
30014;30015;  
30016;30017;  
30018;30019;  
30020;30021;  
30022;30023;  
30024;30025;  
30026;30027;  
30028;30029;  
30030;30031;  
30032;30033;

30034;30035;  
30036;30037;  
30038;30039;  
30040;30041;  
30042;30043;  
30044;30045;  
30046;30047;  
30048;30049;  
30050;30051;  
30052;30053;  
30054;30055;  
30056;30057;  
30058;30059;  
30060;30061;  
30062;30063;  
30064;30065;  
30066;30067;  
30068;30069;  
30070;30071;  
30072;30073;  
30074;30075;  
30076;30077;  
30078;30079;  
30080;30081;  
30082;30083;  
30084;30085;  
30086;30087;  
30088;30089;  
30090;30091;  
30092;30093;  
30094;30095;  
30096;30097;  
30098;30099;  
30100;30101;  
30102;30103;  
30104;30105;  
30106;30107;  
30108;30109;  
30110;30111;  
30112;30113;  
30114;30115;  
30116;30117;  
30118;30119;  
30120;30121;  
30122;30123;  
30124;30125;  
30126;30127;  
30128;30129;  
30130;30131;  
30132;30133;  
30134;30135;  
30136;30137;  
30138;30139;

30140;30141;  
30142;30143;  
30144;30145;  
30146;30147;  
30148;30149;  
30150;30151;  
30152;30153;  
30154;30155;  
30156;30157;  
30158;30159;  
30160;30161;  
30162;30163;  
30164;30165;  
30166;30167;  
30168;30169;  
30170;30171;  
30172;30173;  
30174;30175;  
30176;30177;  
30178;30179;  
30180;30181;  
30182;30183;  
30184;30185;  
30186;30187;  
30188;30189;  
30190;30191;  
30192;30193;  
30194;30195;  
30196;30197;  
30198;30199;  
30200;30201;  
30202;30203;  
30204;30205;  
30206;30207;  
30208;30209;  
30210;30211;  
30212;30213;  
30214;30215;  
30216;30217;  
30218;30219;  
30220;30221;  
30222;30223;  
30224;30225;  
30226;30227;  
30228;30229;  
30230;30231;  
30232;30233;  
30234;30235;  
30236;30237;  
30238;30239;  
30240;30241;  
30242;30243;  
30244;30245;

30246;30247;  
30248;30249;  
30250;30251;  
30252;30253;  
30254;30255;  
30256;30257;  
30258;30259;  
30260;30261;  
30262;30263;  
30264;30265;  
30266;30267;  
30268;30269;  
30270;30271;  
30272;30273;  
30274;30275;  
30276;30277;  
30278;30279;  
30280;30281;  
30282;30283;  
30284;30285;  
30286;30287;  
30288;30289;  
30290;30291;  
30292;30293;  
30294;30295;  
30296;30297;  
30298;30299;  
30300;30301;  
30302;30303;  
30304;30305;  
30306;30307;  
30308;30309;  
30310;30311;  
30312;30313;  
30314;30315;  
30316;30317;  
30318;30319;  
30320;30321;  
30322;30323;  
30324;30325;  
30326;30327;  
30328;30329;  
30330;30331;  
30332;30333;  
30334;30335;  
30336;30337;  
30338;30339;  
30340;30341;  
30342;30343;  
30344;30345;  
30346;30347;  
30348;30349;  
30350;30351;



30352;30353;  
30354;30355;  
30356;30357;  
30358;30359;  
30360;30361;  
30362;30363;  
30364;30365;  
30366;30367;  
30368;30369;  
30370;30371;  
30372;30373;  
30374;30375;  
30376;30377;  
30378;30379;  
30380;30381;  
30382;30383;  
30384;30385;  
30386;30387;  
30388;30389;  
30390;30391;  
30392;30393;  
30394;30395;  
30396;30397;  
30398;30399;  
30400;30401;  
30402;30403;  
30404;30405;  
30406;30407;  
30408;30409;  
30410;30411;  
30412;30413;  
30414;30415;  
30416;30417;  
30418;30419;  
30420;30421;  
30422;30423;  
30424;30425;  
30426;30427;  
30428;30429;  
30430;30431;  
30432;30433;  
30434;30435;  
30436;30437;  
30438;30439;  
30440;30441;  
30442;30443;  
30444;30445;  
30446;30447;  
30448;30449;  
30450;30451;  
30452;30453;  
30454;30455;  
30456;30457;

LGEYGF QNALIV R	13	1478.788	CON_P02769		2	1.46E-06	123.75	22205000	939	221	988	30458;30459; 30460;30461; 30462;30463; 30464;30465; 30466;30467; 30468;30469; 30470;30471; 30472;30473; 30474;30475; 30476;30477; 30478;30479; 30480;30481; 30482;30483; 30484;30485; 30486;30487; 30488;30489; 30490;30491; 30492;30493; 30494;30495; 30496;30497; 30498;30499; 30500;30501; 30502;30503; 30504;30505; 30506;30507; 30508;30509; 30510;30511; 30512;30513; 30514;30515; 30516;30517; 30518;30519; 30520;30521; 30522;30523; 30524;30525; 30526;30527; 30528;30529; 30530;30531; 30532;30533; 30534;30535; 30536;30537; 30538 30539	
LGFSEV ELVQM VVDGV K	17	1847.97	Q8AY63;Q7ZU 04;R4GE87;A0 A0R4IU65;Q08 BV6;A0A0R4I GD0	ckbb;ckb a	3	0.036194	20.368	1759400	940	437	989	30540	
LGGIVL PNDGK	11	1081.613	A0A0R4IR57;Q 3YAA0;B3DHB 6	itgb1b	Integrin beta	2	0.000813	109.44	7.99E+08	941	82	29369;29370; 29371;29372; 29373;29374; 29375;29376;	30541;30542; 30543;30544; 30545;30546; 30547;30548;

LGGIVL PNDGR	11	1109.619	Q3YAA1;F1QG 85	itgb1a	Integrin beta	2	0.013699	68.224	73208000	942	305	29377;29378; 29379;29380; 29381;29382; 29383;29384; 29385;29386; 29387;29388; 29389;29390; 29391;29392; 29393;29394; 29395;29396; 29397;29398; 29399;29400; 29401;29402; 29403;29404; 29405;29406; 29407;29408; 29409;29410; 29411;29412; 29413;29414 29415;29416; 29417;29418; 29419;29420; 29421;29422; 29423;29424; 29425;29426; 29427;29428; 29429;29430; 29431;29432; 29433;29434; 29435;29436; 29437;29438 29439;29440; 29441;29442; 29443;29444; 29445;29446 29447;29448; 29449;29450; 29451;29452; 29453 30584	30549;30550; 30551;30552; 30553;30554; 30555;30556; 30557;30558; 30559;30560; 30561;30562; 30563;30564; 30565;30566; 30567;30568; 30569;30570; 30571;30572; 30573;30574 30575;30576; 30577;30578 30579;30580; 30581 30582;30583 30585;30586; 30587;30588; 30589;30590; 30591;30592; 30593;30594; 30595;30596; 30597;30598; 30599;30600; 30601 29483;29484;
LGLDTS FVPNTG K	13	1347.703	B0R198;Q6P0S 2;A8E517;B0R1 97	vdac3		2	1.94E-09	132.85	63679000	943	157		
LGSUSD FEAYFI R	13	1460.694	F1RD57;Q7ZU D9	naalad2		2	0.00382	69.01	10995000	944	343		
LGSNDP IGK	9	899.4713	Q504A0;F1QC C9;Q6DH18;A7 MCG9;E7EYD5 ;F1QX49	syt5b;syt 5a	2	1.9E-06	128.93	80939000	945	298	994		
LGTYEV EDQITA AR	14	1564.773	B5DDZ4	acta1		2	9.52E-24	148.28	3.34E+08	946	203		

LGTYEV EDQITA VR	14	1592.805	B0R1C4	fap		2	1.16E-29	134.75	2.97E+08	947	176	29485;29486; 29487;29488; 29489;29490 29491;29492; 29493;29494; 29495;29496; 29497;29498; 29499;29500; 29501;29502; 29503;29504; 29505;29506; 29507;29508; 29509;29510; 29511;29512; 29513;29514; 29515;29516; 29517;29518; 29519;29520; 29521;29522; 29523;29524; 29525;29526; 29527;29528	30602;30603; 30604;30605; 30606;30607; 30608;30609; 30610;30611; 30612;30613; 30614;30615; 30616;30617; 30618;30619; 30620;30621; 30622;30623; 30624;30625; 30626;30627; 30628;30629; 30630;30631; 30632;30633; 30634;30635; 30636;30637; 30638;30639; 30640;30641; 30642;30643; 30644;30645; 30646;30647; 30648;30649; 30650;30651; 30652;30653
LIDMGV AGFR	10	1077.564	Q6P5J0;Q7SYL 6	amy2a	Alpha-amylase	2	2.1E-30	179.73	9.86E+08	948	419	29529;29530; 29531;29532; 29533;29534; 29535;29536; 29537;29538; 29539;29540; 29541;29542; 29543;29544; 29545;29546; 29547;29548; 29549;29550; 29551;29552; 29553;29554; 29555;29556; 29557;29558; 29559;29560; 29561;29562; 29563;29564; 29565;29566; 29567;29568; 29569;29570; 29571;29572; 29573;29574;	30654;30655; 30656;30657; 30658;30659; 30660;30661; 30662;30663; 30664;30665; 30666;30667; 30668;30669; 30670;30671; 30672;30673; 30674;30675; 30676;30677; 30678;30679; 30680;30681; 30682;30683; 30684;30685; 30686;30687; 30688;30689; 30690;30691; 30692;30693; 30694;30695; 30696

LIDMLT TEFK	10	1209.632				2	0.009053	75.109	15681000	949	464	29575;29576; 29577;29578 29579;29580	30697
LIELGV AGFR	10	1073.623	Q6DHR7;F1QT T5	zgc:9213 7	Alpha-amylase	2	1.52E-07	133.12	3.27E+08	950	319	29581;29582; 29583;29584; 29585;29586; 29587;29588; 29589;29590; 29591;29592; 29593;29594; 29595;29596; 29597;29598; 29599;29600; 29601;29602; 29603;29604; 29605;29606; 29607;29608; 29609;29610; 29611;29612; 29613;29614; 29615;29616; 29617;29618; 29619;29620; 29621;29622; 29623;29624; 29625;29626; 29627;29628; 29629;29630; 29631;29632; 29633;29634; 29635;29636; 29637;29638; 29639;29640; 29641	30698;30699; 30700;30701; 30702;30703; 30704;30705; 30706;30707; 30708;30709; 30710;30711; 30712;30713; 30714;30715; 30716;30717; 30718;30719; 30720;30721; 30722;30723; 30724;30725; 30726;30727; 30728;30729; 30730;30731; 30732;30733; 30734;30735; 30736;30737; 30738;30739; 30740;30741; 30742;30743; 30744;30745; 30746;30747
LIESPD YQSK	10	1178.582	Q5XJ64;A8E5C 2;A8E5C1;F8W 5C3;A9JSZ7;F8 W298;Q4V9D6; E7FF11;F8W3S 9	serpina7; zgc:1742 59;zgc:11 3828;si:c h211- 186e20.2	2	3.46E-17	161.79	1.24E+09	951	154; 169	1001	30748;30749; 30750;30751; 30752;30753; 30754;30755; 30756;30757; 30758;30759; 30760;30761; 30762;30763; 30764;30765; 30766;30767; 30768;30769; 30770;30771; 30772;30773; 30774;30775; 30776;30777; 30778;30779; 30780;30781; 30782;30783;	

LIFAGK QLEDG R	12	1345.735	B0R193;Q3B7P 7;Q7SXA3;Q7Z U62;Q6TLG3;F 1Q8K7;B3DLH 2;B0R189;Q7Z U63;F1QHN6;A 0JPF1;A0A0N4 SUD2;Q6IS68 E9QB46	ubb;uba5 2; rps27a; si:ch211- 202a12.4; ubc	3	0.00073	72.29	1.08E+08	952	28	1002	30784;30785; 30786;30787; 30788;30789; 30790;30791; 30792;30793; 30794;30795 30796;30797; 30798;30799; 30800;30801; 30802;30803; 30804;30805
LILPSLI SSR	10	1097.681	E9QB46	selenbp1	2	0.008978	87.308	38256000	953	278	29690;29691; 29692;29693; 29694;29695; 29696;29697; 29698;29699; 29700 29701;29702; 29703;29704; 29705;29706; 29707;29708; 29709;29710; 29711;29712; 29713;29714; 29715;29716; 29717;29718; 29719;29720; 29721;29722; 29723;29724; 29725;29726; 29727;29728; 29729;29730; 29731;29732; 29733;29734; 29735;29736; 29737;29738	30806;30807; 30808;30809; 30810
LINEAQ FK	8	961.5233	Q5TZ29	apobb.1	2	0.000258	143.02	4.57E+09	954	385	29701;29702; 29703;29704; 29705;29706; 29707;29708; 29709;29710; 29711;29712; 29713;29714; 29715;29716; 29717;29718; 29719;29720; 29721;29722; 29723;29724; 29725;29726; 29727;29728; 29729;29730; 29731;29732; 29733;29734; 29735;29736; 29737;29738	30811;30812; 30813;30814; 30815;30816; 30817;30818; 30819;30820; 30821;30822; 30823;30824; 30825;30826; 30827;30828; 30829;30830; 30831;30832; 30833;30834; 30835;30836; 30837;30838; 30839;30840; 30841;30842; 30843;30844; 30845;30846; 30847;30848; 30849;30850; 30851;30852; 30853;30854; 30855;30856; 30857;30858; 30859;30860; 30861;30862; 30863;30864; 30865;30866; 30867
LISSSG QILVPGI R	14	1438.851	X1WHB9	zgc:1141 81	2	6.23E-67	175.15	7.04E+08	955	469	1005	30868;30869; 30870;30871; 30872;30873; 30874;30875;

LIVEEL PVK	9	1038.633	A5X6X5;F1R7 N8;FIQZQ0	ttna	2	0.006093	98.458	7.52E+08	956	332;139
---------------	---	----------	--------------------------	------	---	----------	--------	----------	-----	---------

30876;30877;  
 30878;30879;  
 30880;30881;  
 30882;30883;  
 30884;30885;  
 30886;30887;  
 30888;30889;  
 30890;30891;  
 30892;30893;  
 30894;30895;  
 30896;30897;  
 30898;30899;  
 30900;30901;  
 30902;30903;  
 30904;30905;  
 30906;30907;  
 30908;30909;  
 30910;30911;  
 30912;30913;  
 30914;30915;  
 30916;30917;  
 30918;30919;  
 30920;30921;  
 30922;30923;  
 30924;30925;  
 30926;30927;  
 30928;30929;  
 30930;30931;  
 30932;30933;  
 30934;30935;  
 30936;30937;  
 30938;30939;  
 30940;30941;  
 30942;30943;  
 30944;30945;  
 30946;30947;  
 30948;30949;  
 30950  
 29806;29807;  
 29808;29809;  
 29810;29811;  
 29812;29813;  
 29814;29815;  
 29816;29817;  
 29818;29819;  
 29820;29821;  
 29822;29823;  
 29824;29825;  
 29826;29827;  
 29828;29829;  
 29830;29831;  
 29832;29833;  
 29834;29835;

30951;30952;  
 30953;30954;  
 30955;30956;  
 30957;30958;  
 30959;30960;  
 30961;30962;  
 30963;30964;  
 30965;30966;  
 30967;30968;  
 30969;30970;  
 30971;30972;  
 30973;30974;  
 30975

LLANM VYQYK	10	1241.648	Q9PUS4;Q6IQ D0;B0R028;A8 E5G8;O57331	psmb5	Proteasome subunit beta type	2	0.025238	67.169	23830000	957	155	29836;29837; 29838;29839; 29840;29841; 29842;29843; 29844;29845; 29846;29847; 29848;29849 29850;29851; 29852;29853; 29854;29855; 29856	30976;30977
LLDEVF FSEK	10	1225.623	Q7ZV77	psma4	Proteasome subunit alpha type	2	7.86E-12	148.52	8.06E+08	958	442	29857;29858; 29859;29860; 29861;29862; 29863;29864; 29865;29866; 29867;29868; 29869;29870; 29871;29872; 29873;29874; 29875;29876; 29877;29878; 29879;29880; 29881;29882; 29883;29884; 29885;29886; 29887;29888; 29889;29890; 29891;29892; 29893;29894; 29895;29896; 29897;29898; 29899;29900; 29901;29902; 29903;29904; 29905;29906; 29907;29908; 29909;29910; 29911;29912; 29913;29914; 29915;29916; 29917;29918; 29919;29920; 29921;29922; 29923;29924; 29925;29926; 29927;29928; 29929;29930; 29931;29932; 29933;29934; 29935	30978;30979; 30980;30981; 30982;30983; 30984;30985; 30986;30987; 30988;30989; 30990;30991; 30992;30993; 30994;30995; 30996;30997; 30998;30999; 31000;31001; 31002;31003; 31004;31005; 31006;31007; 31008;31009; 31010;31011; 31012;31013; 31014;31015; 31016;31017; 31018;31019; 31020;31021; 31022;31023; 31024;31025; 31026;31027; 31028;31029; 31030;31031; 31032;31033; 31034;31035; 31036;31037; 31038;31039; 31040
LLDIVA ATK	9	942.575	A2BHD8;F1QU U0;A0A0R4IQ	hexb	Beta- hexosaminidase	2	0.005709	99.442	4.95E+08	959	115	29936;29937; 29938;29939;	31041;31042; 31043;31044;



			N2;A3KNW3;F 1QTE2;A2BHD 9									29940;29941; 29942;29943; 29944;29945; 29946;29947; 29948;29949; 29950;29951; 29952;29953; 29954;29955; 29956;29957; 29958;29959; 29960;29961; 29962;29963 31054;31055; 31056;31057	31045;31046; 31047;31048; 31049;31050; 31051;31052; 31053
LLDPED VDVPH DEK	15	1716.821	A0A0R4INC4; A5WV02;E7F8 G7;Q503P9;E7F 4T0;E9QCV2;A 0A0R4IJ71	pleca;ple cb	3	0.000365	61.097	25164000	960	72	1010		
LLDSST VTHLFR	12	1387.746	F1R2U4;Q90ZS 4;Q7SXN6;Q6D GY8;A0A0R4IS C7	psma6a;p sma6b	Proteasome subunit alpha type	3	0.000371	84.289	10946000	961	87	29973;29974; 29975	31058;31059; 31060;31061; 31062
LLEGED AHLSSQ QASGQS YSSR	22	2349.083	CON__P08779		2;3	0	231.29	2.59E+08	962	225	1012	31063;31064; 31065;31066; 31067;31068; 31069;31070; 31071;31072; 31073;31074; 31075;31076; 31077;31078; 31079;31080; 31081;31082; 31083;31084; 31085;31086 31087;31088; 31089;31090; 31091;31092; 31093;31094; 31095;31096; 31097;31098; 31099;31100; 31101;31102; 31103;31104; 31105;31106; 31107;31108; 31109;31110; 31111;31112 31113;31114; 31115;31116; 31117;31118; 31119;31120; 31121	
LLEGED AHLSSS QFSSGS QSSR	22	2308.057	CON__P02533		2;3	6.78E-91	161.66	2.62E+08	963	218	1013		
LLEGED AHLTQ YK	13	1515.757	CON__Q04695		2;3	0.00014	126.19	81118000	964	232	1014		

LLTSP GSGQEF R	13	1419.699	F1R0C2;A0A0 R4IEI2	si:ch211- 127i16.2	2	0.013199	58.699	18421000	965	47	1015	31122	
LLGLP TYGR	10	1101.655	Q7ZVF1	chia.1	2	0.000415	109.71	2.59E+08	966	444		30038;30039; 30040;30041; 30042;30043; 30044;30045; 30046;30047; 30048;30049; 30050;30051; 30052;30053; 30054;30055; 30056;30057; 30058;30059; 30060;30061; 30062;30063; 30064;30065; 30066;30067; 30068;30069; 30070;30071; 30072;30073; 30074;30075; 30076;30077; 30078;30079; 30080;30081; 30082;30083; 30084;30085; 30086;30087; 30088	31123;31124; 31125;31126; 31127;31128; 31129;31130; 31131;31132; 31133;31134; 31135;31136; 31137;31138; 31139;31140; 31141;31142; 31143;31144
LLTME EEAK	10	1175.611	Q5TZ29;Q5BL C2	apobb.1	2	4.78E-07	128.38	2.95E+08	967	385		30089;30090; 30091;30092; 30093;30094; 30095;30096; 30097;30098; 30099;30100; 30101;30102; 30103;30104; 30105;30106; 30107;30108; 30109;30110; 30111;30112; 30113;30114; 30115;30116; 30117;30118	31145;31146; 31147;31148; 31149;31150; 31151;31152; 31153;31154; 31155;31156; 31157;31158; 31159;31160; 31161;31162
LLMGL LNK	8	900.5467	Q0ZBR7	mif	1;2	0.000939	146.21	1.01E+09	968	360		30119;30120; 30121;30122; 30123;30124; 30125;30126; 30127;30128; 30129;30130; 30131;30132; 30133;30134; 30135;30136;	31163;31164; 31165;31166; 31167;31168; 31169;31170; 31171;31172; 31173;31174; 31175;31176; 31177;31178; 31179;31180;

												30137;30138; 30139;30140; 30141;30142; 30143;30144; 30145;30146; 30147;30148; 30149;30150; 30151;30152; 30153;30154; 30155;30156; 30157;30158; 30159;30160; 30161;30162; 30163;30164; 30165;30166; 30167;30168; 30169;30170; 30171;30172; 30173;30174; 30175;30176; 30177;30178; 30179;30180; 30181;30182; 30183;30184; 30185;30186; 30187;30188; 30189;30190; 30191	31181;31182; 31183;31184; 31185;31186; 31187;31188; 31189;31190; 31191;31192; 31193;31194; 31195
LLPFEG MPR	9	1058.558	F1R2V0	aoc2		2	0.006067	98.523	1.22E+08	969	326	30192;30193; 30194;30195; 30196;30197; 30198;30199	31196;31197
LLPHDS LYEIK	11	1326.718	A5PKS5;Q6B32 4;F1QA74;A0A 0G2KRW9	pts	6-pyruvoyl tetrahydrobiopteri n synthase	2;3	0.000357	101.65	5.32E+08	970	133	30200;30201; 30202;30203; 30204;30205; 30206;30207; 30208;30209; 30210;30211; 30212;30213; 30214;30215; 30216;30217; 30218;30219; 30220;30221; 30222;30223; 30224;30225; 30226;30227; 30228;30229	31198;31199; 31200;31201; 31202;31203; 31204;31205; 31206;31207; 31208;31209; 31210;31211; 31212;31213; 31214;31215; 31216;31217; 31218;31219; 31220;31221; 31222;31223; 31224;31225
LLQDYF NGK	9	1096.555	A0A0R4IVB0; A0A0R4IMF8; Q7ZVJ1;Q6TE Q5;Q6NYR4	hspa8		2	0.0005	113.89	19778000	971	70	30230;30231; 30232;30233; 30234;30235; 30236	31226;31227; 31228

LLSPVT NPEK	10	1096.613	A0A140LG92; Q6NWI6;A0A0 R4IWE1	fahd2a		2	2.73E-14	157.68	1.41E+09	972	98	30237;30238; 30239;30240; 30241;30242; 30243;30244; 30245;30246; 30247;30248; 30249;30250; 30251;30252; 30253;30254; 30255;30256; 30257;30258; 30259	31229;31230; 31231;31232; 31233;31234; 31235;31236; 31237;31238; 31239;31240; 31241;31242; 31243;31244; 31245;31246; 31247;31248; 31249;31250
LLTEM NR	7	875.4535	Q7T309;F1R7D 6;X1WDY3	serpinb1 3	2	0.029363	120.9	4.34E+08	973	434	1023	31251;31252; 31253;31254; 31255;31256; 31257;31258; 31259;31260; 31261;31262; 31263;31264; 31265;31266; 31267;31268; 31269;31270; 31271;31272; 31273;31274; 31275;31276; 31277;31278; 31279;31280; 31281;31282	
LLVNYE EPYR	10	1294.656	Q7ZUD5	galcb		2	0.000162	112.84	65478000	974	438	30284;30285; 30286;30287; 30288;30289; 30290;30291; 30292;30293; 30294;30295	31283;31284; 31285;31286
LMEWT KPEVM R	11	1418.705	F8W412;E7EX C4	serpinb1 4	3	0.0145	62.408	49068000	975	238	1025	31287;31288	
LMPLE AIR	9	1054.621	A0A0R4IKF0		1;2	8.43E-33	186.11	3.93E+10	976	68	1026;1027	31289;31290; 31291;31292; 31293;31294; 31295;31296; 31297;31298; 31299;31300; 31301;31302; 31303;31304; 31305;31306; 31307;31308; 31309;31310; 31311;31312; 31313;31314; 31315;31316; 31317;31318; 31319;31320;	

31321;31322;  
31323;31324;  
31325;31326;  
31327;31328;  
31329;31330;  
31331;31332;  
31333;31334;  
31335;31336;  
31337;31338;  
31339;31340;  
31341;31342;  
31343;31344;  
31345;31346;  
31347;31348;  
31349;31350;  
31351;31352;  
31353;31354;  
31355;31356;  
31357;31358;  
31359;31360;  
31361;31362;  
31363;31364;  
31365;31366;  
31367;31368;  
31369;31370;  
31371;31372;  
31373;31374;  
31375;31376;  
31377;31378;  
31379;31380;  
31381;31382;  
31383;31384;  
31385;31386;  
31387;31388;  
31389;31390;  
31391;31392;  
31393;31394;  
31395;31396;  
31397;31398;  
31399;31400;  
31401;31402;  
31403;31404;  
31405;31406;  
31407;31408;  
31409;31410;  
31411;31412;  
31413;31414;  
31415;31416;  
31417;31418;  
31419;31420;  
31421;31422;  
31423;31424;  
31425;31426;

31427;31428;  
31429;31430;  
31431;31432;  
31433;31434;  
31435;31436;  
31437;31438;  
31439;31440;  
31441;31442;  
31443;31444;  
31445;31446;  
31447;31448;  
31449;31450;  
31451;31452;  
31453;31454;  
31455;31456;  
31457;31458;  
31459;31460;  
31461;31462;  
31463;31464;  
31465;31466;  
31467;31468;  
31469;31470;  
31471;31472;  
31473;31474;  
31475;31476;  
31477;31478;  
31479;31480;  
31481;31482;  
31483;31484;  
31485;31486;  
31487;31488;  
31489;31490;  
31491;31492;  
31493;31494;  
31495;31496;  
31497;31498;  
31499;31500;  
31501;31502;  
31503;31504;  
31505;31506;  
31507;31508;  
31509;31510;  
31511;31512;  
31513;31514;  
31515;31516;  
31517;31518;  
31519;31520;  
31521;31522;  
31523;31524;  
31525;31526;  
31527;31528;  
31529;31530;  
31531;31532;

31533;31534;  
31535;31536;  
31537;31538;  
31539;31540;  
31541;31542;  
31543;31544;  
31545;31546;  
31547;31548;  
31549;31550;  
31551;31552;  
31553;31554;  
31555;31556;  
31557;31558;  
31559;31560;  
31561;31562;  
31563;31564;  
31565;31566;  
31567;31568;  
31569;31570;  
31571;31572;  
31573;31574;  
31575;31576;  
31577;31578;  
31579;31580;  
31581;31582;  
31583;31584;  
31585;31586;  
31587;31588;  
31589;31590;  
31591;31592;  
31593;31594;  
31595;31596;  
31597;31598;  
31599;31600;  
31601;31602;  
31603;31604;  
31605;31606;  
31607;31608;  
31609;31610;  
31611;31612;  
31613;31614;  
31615;31616;  
31617;31618;  
31619;31620;  
31621;31622;  
31623;31624;  
31625;31626;  
31627;31628;  
31629;31630;  
31631;31632;  
31633;31634;  
31635;31636;  
31637;31638;

31639;31640;  
31641;31642;  
31643;31644;  
31645;31646;  
31647;31648;  
31649;31650;  
31651;31652;  
31653;31654;  
31655;31656;  
31657;31658;  
31659;31660;  
31661;31662;  
31663;31664;  
31665;31666;  
31667;31668;  
31669;31670;  
31671;31672;  
31673;31674;  
31675;31676;  
31677;31678;  
31679;31680;  
31681;31682;  
31683;31684;  
31685;31686;  
31687;31688;  
31689;31690;  
31691;31692;  
31693;31694;  
31695;31696;  
31697;31698;  
31699;31700;  
31701;31702;  
31703;31704;  
31705;31706;  
31707;31708;  
31709;31710;  
31711;31712;  
31713;31714;  
31715;31716;  
31717;31718;  
31719;31720;  
31721;31722;  
31723;31724;  
31725;31726;  
31727;31728;  
31729;31730;  
31731;31732;  
31733;31734;  
31735;31736;  
31737;31738;  
31739;31740;  
31741;31742



LMSLQ NQR	8	988.5124	Q66HX7	fth1b	Ferritin	2	2.32E-50	201.35	1.13E+09	977	391	30906;30907; 30908;30909; 30910;30911; 30912;30913; 30914;30915; 30916;30917; 30918;30919; 30920;30921; 30922;30923; 30924;30925; 30926;30927; 30928;30929; 30930;30931; 30932;30933; 30934;30935; 30936;30937; 30938;30939; 30940;30941; 30942;30943; 30944;30945	31743;31744; 31745;31746; 31747;31748; 31749;31750; 31751;31752; 31753;31754; 31755;31756; 31757;31758; 31759;31760; 31761;31762; 31763;31764; 31765;31766; 31767;31768; 31769;31770; 31771;31772; 31773;31774; 31775;31776; 31777;31778; 31779;31780; 31781;31782; 31783;31784; 31785;31786; 31787;31788; 31789;31790; 31791;31792; 31793;31794; 31795;31796; 31797;31798; 31799;31800; 31801;31802; 31803;31804; 31805;31806; 31807;31808; 31809;31810; 31811;31812; 31813;31814; 31815;31816; 31817;31818; 31819;31820; 31821;31822; 31823;31824; 31825;31826	
LMVEM EK	7	878.4242	Q90X19;A2BH A3;Q9PV91;Q7 T306;A8E5L0; A0A0R4IA56	ckma;ck mb		2	0.043012	64.757	16686000	978	114; 32	1029	31827	
LNATNI ELATVE PGK	15	1568.841	Q6TGV6;E9QI F2	psma5	Proteasome subunit alpha type	2	2.2E-103	189.24	59588000	979	427		30948;30949; 30950;30951; 30952;30953; 30954;30955	31828;31829; 31830;31831; 31832
LNDLED ALQQA K	12	1356.689	CON_P04264			2	0	334.13	6.46E+09	980	223	1031	31833;31834; 31835;31836; 31837;31838;	

LNDLEE 12 1370.704 CON\_P35908 2 0 310.49 7.51E+08 981 231 1032  
ALQQA  
K

31839;31840;  
31841;31842;  
31843;31844;  
31845;31846;  
31847;31848;  
31849;31850;  
31851;31852;  
31853;31854;  
31855;31856;  
31857;31858;  
31859;31860;  
31861;31862;  
31863;31864;  
31865;31866;  
31867;31868;  
31869;31870;  
31871;31872;  
31873;31874;  
31875;31876;  
31877;31878;  
31879;31880;  
31881;31882;  
31883;31884;  
31885;31886;  
31887;31888;  
31889;31890  
31891;31892;  
31893;31894;  
31895;31896;  
31897;31898;  
31899;31900;  
31901;31902;  
31903;31904;  
31905;31906;  
31907;31908;  
31909;31910;  
31911;31912;  
31913;31914;  
31915;31916;  
31917;31918;  
31919;31920;  
31921;31922;  
31923;31924;  
31925;31926;  
31927;31928;  
31929;31930;  
31931;31932;  
31933;31934;  
31935;31936;  
31937;31938;  
31939;31940;  
31941;31942;  
31943;31944;

												31945;31946; 31947;31948; 31949;31950; 31951;31952; 31953;31954; 31955;31956; 31957;31958; 31959;31960; 31961;31962; 31963;31964	
LNFEDGE TNSR	10	1151.521	E7FBD3	apoba		2	2.24E-13	153.24	5.3E+08	982	264	31071;31072; 31073;31074; 31075;31076; 31077;31078; 31079;31080; 31081;31082; 31083;31084; 31085;31086; 31087;31088; 31089;31090; 31091;31092; 31093;31094	31965;31966; 31967;31968; 31969;31970; 31971;31972; 31973;31974; 31975;31976; 31977;31978; 31979;31980; 31981;31982; 31983;31984; 31985;31986; 31987;31988; 31989;31990; 31991;31992; 31993;31994; 31995
LNLVEP LSAK	10	1082.634	Q5TZ29;Q5BL C2	apobb.1		2	0.003319	94.692	2.24E+08	983	385	31095;31096; 31097;31098; 31099;31100; 31101;31102; 31103;31104; 31105;31106; 31107;31108; 31109;31110; 31111;31112; 31113;31114; 31115;31116; 31117	31996;31997; 31998;31999; 32000;32001; 32002;32003; 32004;32005; 32006;32007; 32008
LNNHA YNQDV NIYNK	15	1818.865	E7FBD3	apoba		3	6.06E-07	96.734	31678000	984	264	31118;31119; 31120;31121; 31122	32009;32010
LNPNI VAAQN CYK	14	1605.782	A0A0R4IGG3; A0A0R4I9C4;E 9QBF0	tpi1b	Triosephosphate isomerase	2	0.000127	103.31	84004000	985	29	31123;31124; 31125;31126; 31127;31128; 31129;31130; 31131;31132; 31133;31134; 31135	32011;32012; 32013;32014; 32015;32016; 32017;32018; 32019;32020; 32021;32022; 32023
LNPVDP SAK	9	939.5026	E7FG81	col12a1b		2	1.99E-15	133.86	1.73E+09	986	274	31136;31137; 31138;31139; 31140;31141; 31142;31143; 31144;31145;	32024;32025; 32026;32027; 32028;32029; 32030;32031; 32032;32033;

LNSGEV LPIDLS K	13	1383.761	F1RDU8	si:dkey- 65b12.6	2	0.005998	65.395	22904000	987	347	1038	31146;31147; 31148;31149; 31150;31151; 31152;31153; 31154;31155; 31156;31157; 31158;31159; 31160;31161; 31162;31163; 31164;31165; 31166;31167; 31168;31169; 31170;31171; 31172;31173; 31174	32034;32035; 32036;32037; 32038;32039; 32040;32041; 32042;32043; 32044;32045; 32046;32047; 32048;32049; 32050;32051; 32052;32053; 32054;32055; 32056;32057; 32058;32059; 32060;32061; 32062;32063; 32064;32065; 32066;32067
LNVEV DAAPT VDLNR	15	1624.842	CON__Q9UE12 ;CON__Q15323 ;CON__A2A5Y 0;CON__REFS EQ:XP_986630; CON__Q9D646		2	0.000448	70.089	4181600	988	235	1039	31180;31181; 31182	
LNVGIG CYQPER	12	1391.687	A2BFS9	si:ch211- 117m20.5	2	0.003751	72.2	3967200	989	110	1040	32073	
LNYPFF TPR	9	1103.576	A0A0G2L1N0		2	1.84E-06	131.06	3.32E+08	990	19	1041	32074;32075; 32076;32077; 32078;32079; 32080;32081; 32082;32083; 32084;32085; 32086;32087; 32088;32089; 32090;32091; 32092;32093; 32094;32095; 32096;32097; 32098;32099; 32100;32101	
LNYSV DEEYPD LSK	14	1670.768	Q90X19;A2BH A3;Q9PV91	ckma		2	0.017174	56.205	38844000	991	114	31227;31228; 31229;31230; 31231;31232; 31233;31234; 31235;31236	32102
LPAEAL LGQVN K	12	1251.719	Q7ZYX3;Q6IQ N8;A3KQR0	acadl		2	0.002363	98.044	1.65E+08	992	128	31237;31238; 31239;31240; 31241;31242; 31243;31244; 31245;31246; 31247;31248;	32103;32104; 32105;32106; 32107;32108; 32109;32110; 32111;32112;



LPTEYV YGFGET EHPSYK	18	2115.979	A0A0G2L1N0		3	4.55E-14	112.01	60808000	997	19	1048	32173;32174; 32175	
LPPTSAD VESVLR	12	1285.688	F1QDZ4;Q8AY A1	tyr		2	5.66E-06	103.31	3.02E+08	998	301	31332;31333; 31334;31335; 31336;31337; 31338;31339; 31340;31341; 31342;31343; 31344;31345; 31346;31347; 31348;31349; 31350;31351; 31352;31353; 31354;31355; 31356;31357; 31358;31359; 31360;31361; 31362;31363; 31364;31365; 31366;31367; 31368;31369; 31370;31371	32176;32177; 32178;32179; 32180;32181; 32182;32183; 32184;32185; 32186;32187; 32188;32189; 32190;32191; 32192;32193; 32194;32195; 32196;32197; 32198
LQCLEI PILSDR	12	1442.78	E7FBA9;F8W4J 1;Q7SX90;FIR 894;F8W3C3	prss59.2; prss59.1	2	1.31E-55	182.28	2.17E+09	999	263; 333	1050	32199;32200; 32201;32202; 32203;32204; 32205;32206; 32207;32208; 32209;32210; 32211;32212; 32213;32214; 32215;32216; 32217;32218; 32219;32220; 32221;32222; 32223;32224; 32225;32226; 32227;32228; 32229;32230; 32231;32232; 32233;32234; 32235;32236; 32237;32238; 32239;32240; 32241;32242; 32243;32244; 32245;32246; 32247;32248; 32249;32250; 32251;32252; 32253;32254; 32255;32256; 32257;32258;	

LQDLYS IVR	9	1105.613	Q4TZW5;Q8A WC6;Q4TZW4; Q2PBM9;Q2PB M8;B0S8G3;B0	col18a1	2	0.000761	111.95	41175000	1000	180
---------------	---	----------	--	---------	---	----------	--------	----------	------	-----

32259;32260;  
 32261;32262;  
 32263;32264;  
 32265;32266;  
 32267;32268;  
 32269;32270;  
 32271;32272;  
 32273;32274;  
 32275;32276;  
 32277;32278;  
 32279;32280;  
 32281;32282;  
 32283;32284;  
 32285;32286;  
 32287;32288;  
 32289;32290;  
 32291;32292;  
 32293;32294;  
 32295;32296;  
 32297;32298;  
 32299;32300;  
 32301;32302;  
 32303;32304;  
 32305;32306;  
 32307;32308;  
 32309;32310;  
 32311;32312;  
 32313;32314;  
 32315;32316;  
 32317;32318;  
 32319;32320;  
 32321;32322;  
 32323;32324;  
 32325;32326;  
 32327;32328;  
 32329;32330;  
 32331;32332;  
 32333;32334;  
 32335;32336;  
 32337;32338;  
 32339;32340;  
 32341;32342;  
 32343;32344;  
 32345;32346;  
 32347;32348;  
 32349;32350;  
 32351;32352;  
 32353  
 31557;31558;  
 31559;31560;  
 31561;31562;  
 31563;31564;

32354

LQDVE VK	7	829.4545	S8G5;Q2PBM7; B0S8G4 A0A140LGX4; E7EYGI	obscnb	2	0.044727	88.029	1.44E+08	1001	104	31565;31566; 31567;31568 31569;31570; 31571;31572; 31573;31574	32355;32356
LQEALQ EAESSA ESWK	16	1804.848	F1QU32;F1QT6 5;A0A0G2KIM 0;B0JZL8	homer2	2	1.5E-22	166.48	2.57E+08	1002	10	31575;31576; 31577;31578; 31579;31580; 31581;31582; 31583;31584; 31585;31586; 31587;31588; 31589;31590; 31591;31592; 31593;31594; 31595;31596; 31597;31598; 31599;31600; 31601;31602; 31603;31604; 31605;31606; 31607;31608; 31609;31610; 31611	32357;32358; 32359;32360; 32361;32362; 32363;32364; 32365;32366; 32367;32368; 32369;32370; 32371;32372; 32373;32374; 32375;32376; 32377;32378; 32379;32380; 32381;32382; 32383;32384; 32385;32386; 32387;32388; 32389
LQEIAM PSNMY GK	13	1480.705	B5DDZ4	acta1	2	8.63E-28	152.54	1.64E+08	1003	203	31612;31613; 31614;31615; 31616;31617; 31618;31619; 31620;31621; 31622;31623; 31624;31625; 31626;31627; 31628;31629; 31630;31631 31632;31633	32390;32391; 32392;32393; 32394;32395; 32396;32397
LQHENL SNVAA K	12	1322.694	E7F3Z2;F6NQ5 8	serpinf2a	3	0.010049	39.006	5829700	1004	249	31634;31635; 31636;31637; 31638;31639; 31640;31641; 31642;31643; 31644;31645; 31646;31647; 31648;31649; 31650;31651; 31652;31653; 31654;31655	32398
LQISGD PGAR	10	1012.53	B8JKW4;Q7SX K0	c3a.1	2	4.77E-05	121.09	9.13E+08	1005	210	31634;31635; 31636;31637; 31638;31639; 31640;31641; 31642;31643; 31644;31645; 31646;31647; 31648;31649; 31650;31651; 31652;31653; 31654;31655	32399;32400; 32401;32402; 32403;32404; 32405;32406; 32407;32408; 32409;32410; 32411;32412; 32413;32414; 32415;32416
LQMAV QTPSR	10	1129.591	G1K2K5	cpped1	2	0.020385	55.064	6285000	1006	355	31656;31657; 31658;31659; 31660;31661; 31662	32417;32418



LQNVN YR	7	905.4719	E7FCV8;A3KN X1	col6a2		2	0.033878	101.33	63518000	1007	267	31663;31664; 31665;31666; 31667;31668; 31669;31670; 31671;31672; 31673;31674; 31675;31676; 31677;31678; 31679;31680; 31681;31682; 31683 31684	32419;32420; 32421;32422; 32423;32424; 32425;32426	
LQTIWA DEDK	10	1217.593	Q5RKM1;Q5R HM1	mep1a.1	Metalloendopeptid ase	2	0.047767	54.982	23402000	1008	382	31677;31678; 31679;31680; 31681;31682; 31683 31684	32427	
LRPHPG QNEVA MR	13	1503.773	F6P849;A4FUP 1	hal	Histidine ammonia-lyase	3	0.000257	93.011	2826900	1009	131	31684	32428	
LRSEID NVK	9	1072.588	CON__P04264			2	5.73E-05	129.38	1.92E+08	1010	223	1062	32429;32430	
LSEFDV EMSMR	11	1342.59	Q6DHR6;E7EZ 90;X1WHL0;X 1WF90	thop1		2	0.001084	86.898	27947000	1011	244	31694;31695; 31696;31697; 31698;31699; 31700;31701; 31702;31703; 31704;31705; 31706	32431;32432; 32433;32434; 32435;32436; 32437	
LSESGE LDYFR	11	1314.609	A0A0B5JF18;B 8JLR6	Si:ch211- 251b21.1; si:ch211- 251b21.1		2	2.03E-58	195.48	4.39E+08	1012	3	1065	32438;32439; 32440;32441; 32442;32443; 32444;32445; 32446;32447; 32448;32449; 32450;32451; 32452;32453; 32454;32455; 32456;32457; 32458;32459; 32460;32461; 32462;32463; 32464;32465; 32466;32467; 32468;32469; 32470;32471; 32472;32473; 32474;32475; 32476;32477; 32478;32479; 32480;32481; 32482;32483; 32484;32485	
LSFPVIL IDEALK	13	1456.854	Q642Z0;Q5U3 A4	atp2a1	Calcium- transporting ATPase	2	0.037447	49.5	68216000	1013	386	31747;31748; 31749;31750; 31751;31752; 31753;31754; 31755;31756; 31757;31758;	32486;32487; 32488;32489; 32490;32491	

LSKPAT LNK	9	970.5811	E7FBA9;F8W4J 1;Q7SX90;F1R 894;F8W3C3	prss59.2; prss59.1	2	5.23E-05	135	24450000	1014	263; 333	1067	31759;31760; 31761;31762; 31763;31764; 31765;31766; 31767;31768 32492
LSSAVS GVGAP ASGAAS AGTYT R	23	2037.013	Q6PHU7;Q6P0 K5;F1QJL0;A0 A0R4IJ02;Q7Z V48	chia.6;zg c:65788	2	0.000205	45.33	54517000	1015	64	1068	32493;32494; 32495;32496; 32497;32498; 32499;32500
LSSGTD ELK	9	948.4764	Q5TZ29	apobb.1	2	1.65E-06	136.8	2.29E+09	1016	385		31786;31787; 31788;31789; 31790;31791; 31792;31793; 31794;31795; 31796;31797; 31798;31799; 31800;31801; 31802;31803; 31804;31805; 31806;31807; 31808;31809; 31810;31811; 31812;31813; 31814;31815; 31816;31817 32501;32502; 32503;32504; 32505;32506; 32507;32508; 32509;32510; 32511;32512; 32513;32514; 32515;32516; 32517;32518; 32519;32520; 32521;32522; 32523;32524; 32525;32526; 32527;32528; 32529;32530; 32531;32532; 32533;32534; 32535;32536; 32537;32538; 32539;32540; 32541;32542; 32543;32544; 32545;32546; 32547;32548; 32549;32550; 32551;32552; 32553;32554; 32555;32556; 32557;32558; 32559;32560; 32561;32562; 32563;32564; 32565;32566; 32567;32568; 32569;32570; 32571;32572; 32573;32574; 32575;32576; 32577;32578;

LSSNFY DMEAK	11	1303.576	Q5TZ29	apobb.1	2	0.0008	110.14	1.45E+08	1017	385	31818;31819; 31820;31821; 31822;31823; 31824;31825; 31826;31827; 31828;31829; 31830;31831; 31832;31833; 31834;31835; 31836;31837; 31838	32579;32580; 32581 32582;32583; 32584;32585; 32586;32587; 32588;32589; 32590;32591; 32592;32593; 32594;32595; 32596;32597; 32598
LSSPAT LNSR	10	1044.556	CON_P00761	2	2.27E-60	186.76	3.56E+10	1018	217	1071	32599;32600; 32601;32602; 32603;32604; 32605;32606; 32607;32608; 32609;32610; 32611;32612; 32613;32614; 32615;32616; 32617;32618; 32619;32620; 32621;32622; 32623;32624; 32625;32626; 32627;32628; 32629;32630; 32631;32632; 32633;32634; 32635;32636; 32637;32638; 32639;32640; 32641;32642; 32643;32644; 32645;32646; 32647;32648; 32649;32650; 32651;32652; 32653;32654; 32655;32656; 32657;32658; 32659;32660; 32661;32662; 32663;32664; 32665;32666; 32667;32668; 32669;32670; 32671;32672; 32673;32674; 32675;32676; 32677;32678;	

LSSSAQ	12	1295.672	A0A0R4IE72;Q	try	2	2.92E-80	232.88	3.84E+09	1019	46
INSYVK			8AV83;Q561Z7							
			;Q9DDEI							

32679;32680;  
 32681;32682;  
 32683;32684;  
 32685;32686;  
 32687;32688;  
 32689;32690;  
 32691;32692;  
 32693;32694;  
 32695;32696;  
 32697;32698;  
 32699;32700;  
 32701;32702;  
 32703;32704;  
 32705;32706;  
 32707;32708;  
 32709;32710;  
 32711;32712;  
 32713;32714;  
 32715;32716;  
 32717;32718;  
 32719;32720;  
 32721;32722;  
 32723;32724  
 31892;31893; 32725;32726;  
 31894;31895; 32727;32728;  
 31896;31897; 32729;32730;  
 31898;31899; 32731;32732;  
 31900;31901; 32733;32734;  
 31902;31903; 32735;32736;  
 31904;31905; 32737;32738;  
 31906;31907; 32739;32740;  
 31908;31909; 32741;32742;  
 31910;31911; 32743;32744;  
 31912;31913; 32745;32746;  
 31914;31915; 32747;32748;  
 31916;31917; 32749;32750;  
 31918;31919; 32751;32752;  
 31920;31921; 32753;32754;  
 31922;31923; 32755;32756;  
 31924;31925; 32757;32758;  
 31926;31927; 32759;32760;  
 31928;31929; 32761;32762;  
 31930;31931; 32763;32764;  
 31932 32765;32766;  
 32767;32768;  
 32769;32770;  
 32771;32772;  
 32773;32774;  
 32775;32776;  
 32777;32778;  
 32779;32780;  
 32781;32782;  
 32783;32784;

LSTGGA LPDK	10	957.5131	Q504D4;Q53C G5	ela3l	2	0.000111	116.3	5.96E+08	1020	375	31933;31934; 31935;31936; 31937;31938; 31939;31940; 31941;31942; 31943;31944; 31945;31946; 31947;31948; 31949;31950; 31951	32785;32786; 32787;32788; 32789;32790; 32791;32792; 32793;32794; 32795;32796; 32797;32798; 32799;32800; 32801;32802; 32803;32804; 32805;32806; 32807;32808; 32809;32810; 32811;32812; 32813;32814; 32815;32816; 32817;32818; 32819;32820; 32821;32822; 32823;32824
LSTPVT FTDK	10	1107.581	F1Q5I4;A0A0R 4IXD6;Q803Z4	ela2	2	0.022436	72.928	1.24E+08	1021	100	31952;31953; 31954;31955; 31956;31957; 31958;31959; 31960;31961; 31962;31963; 31964;31965; 31966;31967; 31968;31969; 31970;31971	32825;32826; 32827;32828; 32829;32830; 32831;32832; 32833;32834; 32835;32836; 32837;32838
LSVDTA QPK	9	957.5131	E7FBW8	hapln1b	2	5.16E-05	122.74	1.47E+09	1022	265	31972;31973; 31974;31975; 31976;31977; 31978;31979; 31980;31981; 31982;31983; 31984;31985; 31986;31987; 31988;31989; 31990;31991; 31992;31993; 31994;31995;	32839;32840; 32841;32842  32843;32844; 32845;32846; 32847;32848; 32849;32850; 32851;32852; 32853;32854; 32855;32856; 32857;32858; 32859;32860; 32861;32862; 32863;32864; 32865;32866; 32867;32868;

											31996;31997; 31998;31999	32869;32870; 32871;32872; 32873;32874; 32875;32876; 32877;32878; 32879;32880; 32881;32882; 32883;32884; 32885;32886; 32887;32888	
LSVEAD INGLR	11	1185.635	CON__Q04695; CON__P19001	2	0.025955	61.78	23163000	1023	232	1076	32000;3200 1;32002;32 003;32004; 32005;3200 6;32007		
LSVIAT DINYR	11	1263.682	F1Q6P3;A0A0R 4IDY3	col6a1		2	0.022535	63.216	28928000	1024	291	32008;32009; 32010;32011; 32012;32013; 32014	32891;32892
LTAPFP PVGTP VLDK	16	1663.955	B7SW26;B0S5 W0	col8a1a		2;3	1.05E-29	147.33	2.45E+09	1025	177	32015;32016; 32017;32018; 32019;32020; 32021;32022; 32023;32024; 32025;32026; 32027;32028; 32029;32030; 32031;32032; 32033;32034; 32035;32036; 32037;32038; 32039;32040; 32041;32042; 32043;32044; 32045;32046; 32047;32048; 32049;32050; 32051;32052; 32053;32054; 32055;32056; 32057;32058; 32059;32060; 32061;32062; 32063;32064; 32065;32066; 32067;32068; 32069;32070; 32071;32072; 32073;32074; 32075;32076; 32077;32078; 32079;32080; 32081;32082;	32893;32894; 32895;32896; 32897;32898; 32899;32900; 32901;32902; 32903;32904; 32905;32906; 32907;32908; 32909;32910; 32911;32912; 32913;32914; 32915;32916; 32917;32918; 32919;32920; 32921;32922; 32923;32924; 32925;32926; 32927;32928; 32929;32930; 32931;32932; 32933;32934; 32935;32936; 32937;32938; 32939;32940; 32941;32942; 32943;32944; 32945;32946; 32947;32948; 32949;32950; 32951;32952; 32953;32954; 32955;32956; 32957;32958; 32959;32960;

32083;32084; 32961;32962;  
32085;32086; 32963;32964;  
32087;32088; 32965;32966;  
32089;32090; 32967;32968;  
32091;32092; 32969;32970;  
32093;32094; 32971;32972;  
32095;32096; 32973;32974;  
32097;32098; 32975;32976;  
32099;32100; 32977;32978;  
32101;32102; 32979;32980;  
32103;32104; 32981;32982;  
32105;32106; 32983;32984;  
32107;32108; 32985;32986;  
32109;32110; 32987;32988;  
32111;32112; 32989;32990;  
32113;32114; 32991;32992;  
32115;32116; 32993;32994;  
32117;32118; 32995;32996;  
32119;32120; 32997;32998;  
32121;32122; 32999;33000;  
32123;32124; 33001;33002;  
32125;32126; 33003;33004;  
32127;32128; 33005;33006;  
32129;32130; 33007;33008;  
32131;32132; 33009;33010;  
32133;32134; 33011;33012;  
32135;32136; 33013;33014;  
32137;32138; 33015;33016;  
32139;32140; 33017;33018;  
32141;32142; 33019;33020;  
32143;32144; 33021;33022;  
32145;32146; 33023;33024;  
32147;32148; 33025;33026;  
32149;32150; 33027;33028;  
32151;32152; 33029;33030;  
32153;32154; 33031;33032;  
32155;32156; 33033;33034;  
32157;32158; 33035;33036;  
32159;32160; 33037;33038;  
32161;32162; 33039;33040;  
32163;32164; 33041;33042;  
32165;32166; 33043;33044;  
32167;32168; 33045;33046;  
32169;32170; 33047;33048;  
32171;32172; 33049;33050;  
32173;32174; 33051;33052;  
32175;32176; 33053;33054;  
32177;32178; 33055;33056;  
32179;32180; 33057;33058;  
32181;32182; 33059;33060;  
32183;32184; 33061;33062;  
32185;32186; 33063;33064;  
32187;32188; 33065;33066;

LTDVIV  
SEVLHG  
ADGTDI  
R

19

2009.043

F1RBR6;Z4YJ5  
8

pter

2;3

8.42E-18

116.6

3.04E+08

1026

338

32189;32190; 33067;33068;  
32191;32192; 33069;33070;  
32193;32194; 33071;33072;  
32195;32196 33073;33074;  
33075;33076;  
33077;33078;  
33079;33080;  
33081;33082;  
33083;33084;  
33085;33086;  
33087;33088;  
33089;33090;  
33091;33092;  
33093;33094;  
33095;33096;  
33097;33098;  
33099;33100;  
32197;32198; 33101;33102;  
32199;32200; 33103;33104;  
32201;32202; 33105;33106;  
32203;32204; 33107;33108;  
32205;32206; 33109;33110;  
32207;32208; 33111;33112;  
32209;32210; 33113;33114;  
32211;32212; 33115;33116;  
32213;32214; 33117;33118;  
32215;32216; 33119;33120;  
32217;32218; 33121;33122;  
32219;32220; 33123;33124;  
32221;32222; 33125;33126;  
32223;32224; 33127;33128;  
32225;32226; 33129;33130;  
32227;32228; 33131;33132;  
32229;32230; 33133;33134;  
32231;32232; 33135;33136;  
32233;32234; 33137;33138;  
32235;32236; 33139;33140;  
32237;32238; 33141;33142;  
32239;32240; 33143;33144;  
32241;32242; 33145;33146;  
32243;32244; 33147;33148;  
32245;32246; 33149;33150;  
32247;32248; 33151;33152;  
32249;32250; 33153;33154;  
32251;32252; 33155;33156;  
32253;32254; 33157;33158;  
32255;32256; 33159;33160;  
32257;32258; 33161;33162;  
32259;32260; 33163;33164;  
32261;32262; 33165;33166;  
32263;32264; 33167;33168;  
32265;32266; 33169;33170;  
32267;32268; 33171;33172;





												32372;32373; 32374;32375; 32376;32377; 32378;32379; 32380;32381 32382;32383	33234;33235; 33236;33237; 33238 33239;33240; 33241;33242
LTGMA FR	7	794.4109	A0A0R4IGI1;E 9QIH5;F1R3D3	gapdh;ga pdhs	Glyceraldehyde-3- phosphate dehydrogenase	2	0.019187	83.287	47634000	1030	54		
LTPPQP ADAWQ GVR	14	1534.789	A8WGC0;A0A 0R4IU19	si:ch211- 93f2.1	Carboxylic ester hydrolase	2	0.022976	52.693	38957000	1031	92	32384;32385; 32386;32387; 32388;32389; 32390;32391; 32392;32393	33243;33244
LTPVQF TDYQE R	12	1495.731	Q6DBS1;F1QG 32;Q32LW3	ca4b		2	7.19E-32	159.4	2.18E+08	1032	304	32394;32395; 32396;32397; 32398;32399; 32400;32401; 32402;32403; 32404;32405; 32406;32407; 32408;32409; 32410;32411; 32412;32413; 32414;32415	33245;33246; 33247;33248; 33249;33250; 33251;33252; 33253;33254; 33255;33256; 33257;33258; 33259;33260; 33261;33262; 33263;33264; 33265;33266; 33267;33268; 33269;33270; 33271;33272; 33273
LTQGG GPPDP TPGGA K	17	1545.779	Q4G5K8	rtn2a	Reticulon	2	0.000663	75.088	1.02E+08	1033	369	32416;32417; 32418;32419; 32420;32421; 32422;32423; 32424;32425; 32426;32427; 32428;32429; 32430;32431; 32432	33274;33275; 33276;33277; 33278;33279; 33280
LTQGG GPPDP TPGGA KPK	19	1770.926	Q4G5K8	rtn2a	Reticulon	3	0.000244	61.015	22049000	1034	369	32433;32434; 32435;32436; 32437;32438	33281;33282
LTSADL SESGFR	12	1281.62	A9JRE6	dmgdh		2	0.000294	110.53	51222000	1035	166	32439;32440; 32441;32442; 32443;32444; 32445	33283;33284
LTSSDT SVGAPA SGPASA GTYTR	23	2153.024	Q803B7;Q6P00 6;B5DDE1;Q6N ZZ8	chia.2;chi a.3	2;3		8.64E-30	113.01	2.07E+08	1036	414	1090	33285;33286; 33287;33288; 33289;33290; 33291;33292; 33293;33294; 33295;33296; 33297;33298; 33299;33300;

LTVEDP VTVEYI TR	14	1633.856	Q6P0I2	psma8	Proteasome subunit alpha type	2	1.1E-29	128.28	70327000	1037	416	33301;33302; 33303;33304 32473;32474; 32475;32476; 32477;32478; 32479;32480; 32481;32482; 32483;32484; 32485;32486; 32487;32488; 32489;32490	33305;33306; 33307;33308; 33309;33310; 33311;33312; 33313;33314; 33315;33316; 33317;33318; 33319;33320
LTWDA APGNV R	11	1198.61	E7FG81;I3IT32	col12a1b		2	9.7E-20	153.08	1.35E+09	1038	274	32491;32492; 32493;32494; 32495;32496; 32497;32498; 32499;32500; 32501;32502; 32503;32504; 32505;32506; 32507;32508; 32509;32510; 32511;32512; 32513;32514; 32515;32516; 32517;32518; 32519;32520; 32521;32522; 32523;32524; 32525;32526; 32527;32528; 32529;32530; 32531;32532; 32533;32534; 32535;32536; 32537;32538; 32539	33321;33322; 33323;33324; 33325;33326; 33327;33328; 33329;33330; 33331;33332; 33333;33334; 33335;33336; 33337;33338; 33339;33340; 33341;33342; 33343;33344; 33345;33346; 33347;33348; 33349;33350; 33351;33352; 33353;33354; 33355;33356; 33357;33358; 33359;33360; 33361
LTYDEA VQACQ K	12	1411.665	E7FBW8;A0A0 G2L6W2	hapln1b		2	0.001325	91.584	47039000	1039	265	32540;32541; 32542;32543; 32544;32545; 32546;32547; 32548;32549; 32550;32551; 32552;32553 33364	33362;33363
LYDTV SVAR	10	1123.587	F1RDU8;F1R3I 9;F1R526	si:dkey- 65b12.6	2	0.024654	68.371	60671000	1040	347	1094	33364	
LVAVN SIFFK	10	1136.659	Q7ZVL5	serpine2	2	0.037908	57.96	1776200	1041	445		32566	33365
LVCST GPVNR	11	1235.6	Q08CQ0;Q6N WE8;Q32LS3;F 1QPJ6;X1WC2 8	alas2;sb:c b283;LO C100535 398	2	0.009281	74.92	59393000	1042	359	1096	33366	
LVEAV QIQDVK	11	1240.703	F1RDU8;F1R3I 9	si:dkey- 65b12.6	2	5.35E-20	155.42	2.79E+08	1043	347	1097	33367;33368; 33369;33370;	

LVGLLD LALEK	11	1182.722	Q6P5J0;Q7SYL 6	amy2a	Alpha-amylase	2	0.003749	90.108	1.42E+08	1044	419	33371;33372; 33373;33374; 33375;33376; 33377;33378; 33379;33380; 33381 32596;32597; 32598;32599; 32600;32601; 32602;32603; 32604;32605; 32606;32607; 32608;32609; 32610;32611; 32612;32613; 32614;32615; 32616;32617; 32618;32619; 32620;32621; 32622;32623; 32624;32625; 32626;32627; 32628;32629; 32630;32631; 32632 32633;32634; 32635;32636; 32637;32638; 32639;32640; 32641;32642; 32643;32644; 32645;32646; 32647;32648; 32649;32650; 32651;32652; 32653;32654; 32655;32656; 32657;32658; 32659 33382;33383; 33384;33385; 33386;33387; 33388;33389; 33390;33391; 33392;33393; 33394;33395; 33396;33397; 33398;33399; 33400;33401; 33402;33403; 33404;33405; 33406;33407; 33408;33409; 33410	
LVLSDG VYAS K	12	1249.692	Q561T4;F1Q6S 1;A9JT03	npep11		2	4.76E-05	120.09	5.62E+08	1045	170	32663;32664; 32665;32666; 32667;32668; 32669;32670; 32671;32672; 32673;32674; 32675;32676; 32677;32678; 32679;32680; 32681;32682; 32683;32684; 32685;32686; 32687;32688; 32689 33411;33412; 33413;33414; 33415;33416; 33417;33418; 33419;33420; 33421;33422; 33423;33424; 33425;33426; 33427;33428; 33429;33430; 33431;33432; 33433;33434; 33435;33436; 33437;33438; 33439;33440	
LVLVN AVYFK	10	1164.691	Q7T309;F1R7D 6;X1WDY3	serpinb1 3		2	0.019631	77.058	37245000	1046	434	1100	33441;33442; 33443;33444; 33445;33446; 33447 32672;32673; 32674;32675; 32676;32677; 32678;32679; 32680;32681; 32682;32683; 32684;32685; 32686;32687; 32688;32689; 33448;33449; 33450;33451; 33452;33453; 33454;33455; 33456;33457; 33458;33459; 33460;33461; 33462;33463; 33464;33465;
LVNAW EK	7	858.46	B3DFP9	apoa2		2	0.013999	131.04	8.59E+09	1047	193		

32690;32691; 33466;33467;  
 32692;32693; 33468;33469;  
 32694;32695; 33470;33471;  
 32696;32697; 33472;33473;  
 32698;32699 33474;33475;  
 33476;33477;  
 33478;33479;  
 33480;33481;  
 33482;33483;  
 33484;33485;  
 33486;33487;  
 33488;33489;  
 33490;33491;  
 33492;33493;  
 33494;33495;  
 33496;33497;  
 33498;33499;  
 33500;33501;  
 33502;33503;  
 33504;33505;  
 33506;33507;  
 33508;33509;  
 33510;33511;  
 33512;33513;  
 33514;33515;  
 33516;33517;  
 33518;33519;  
 33520;33521;  
 33522;33523;  
 33524;33525;  
 33526;33527;  
 33528;33529;  
 33530;33531;  
 33532;33533;  
 33534;33535;  
 33536;33537;  
 33538;33539;  
 33540;33541;  
 33542;33543;  
 33544;33545;  
 33546;33547;  
 33548;33549;  
 33550;33551;  
 33552;33553;  
 33554;33555;  
 33556;33557;  
 33558;33559  
 33560;33561;  
 33562;33563;  
 33564;33565;  
 33566;33567;  
 33568;33569;  
 33570;33571;

LVNDY	8	995.4746	Q90XD4;Q6NX	adh5	S-	2	0.001706	130.04	8.9E+08	1048	95
MNK			A6;A0A0R4IU		(hydroxymethyl)gl						
			R6		utathione						
					dehydrogenase						

												32712;32713; 32714;32715; 32716;32717; 32718;32719; 32720;32721; 32722;32723 33572;33573; 33574;33575; 33576;33577; 33578;33579
LVNELT	10	1162.623	CON_P02769		2	2.48E-17	162.97	1.54E+08	1049	221	1103	33580;33581; 33582
EFAK												
LVNEVT	10	1148.608	CON_P02768-1		2	0.000119	115.71	37607000	1050	220	1104	33583;33584
EFAK												
LVQAF	10	1211.619	A3KP44;F1QSP	prdx4	2	6.41E-38	152.34	2.68E+08	1051	125		32733;32734; 32735;32736; 32737;32738; 32739;32740; 32741;32742; 32743;32744; 32745;32746; 32747;32748; 32749;32750; 32751;32752; 32753;32754; 32755;32756; 32757;32758
QYTDK			8									33585;33586; 33587;33588; 33589;33590; 33591;33592; 33593;33594; 33595;33596; 33597;33598; 33599;33600; 33601;33602; 33603;33604; 33605;33606; 33607;33608; 33609;33610; 33611;33612; 33613
LVSEVQ	9	1079.55	Q568H0;B8JM1	epcam	2	2.25E-10	136.75	1.52E+09	1052	213		32759;32760; 32761;32762; 32763;32764; 32765;32766; 32767;32768; 32769;32770; 32771;32772; 32773;32774; 32775;32776; 32777;32778; 32779;32780; 32781;32782; 32783;32784; 32785;32786
YDK			1									33614;33615; 33616;33617; 33618;33619; 33620;33621; 33622;33623; 33624;33625; 33626;33627; 33628;33629; 33630;33631; 33632;33633; 33634;33635; 33636;33637; 33638;33639; 33640;33641; 33642;33643; 33644;33645; 33646;33647; 33648;33649; 33650;33651; 33652;33653; 33654;33655; 33656;33657; 33658;33659; 33660;33661; 33662
LVSEVQ	12	1407.699	Q568H0;B8JM1	epcam	3	0.036087	42.209	37835000	1053	213		32787;32788; 32789;32790; 32791;32792
YDKDG			1									33663
R												

LVTELD TYVVEI EK	14	1649.876	Q5TZ29	apobb.1		2	2.19E-05	107.18	11940000	1054	385	32793;32794	33664;33665
LVTIVN GNYMN K	12	1364.712	F1RDU8	si:dkey- 65b12.6	2		0.001855	84.615	36325000	1055	347	1109	33666;33667; 33668;33669; 33670
LVTWY DNEFG YSNR	14	1762.795	A0A0R4IGH1		2;3		1.7E-134	218.15	2.13E+08	1056	54	1110	33671;33672; 33673;33674; 33675;33676; 33677;33678; 33679;33680; 33681;33682
LVVEEL PVK	9	1024.617	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46;Q7 ZZ47	ttnb		2	0.000337	116.25	2.08E+09	1057	140		32823;32824; 32825;32826; 32827;32828; 32829;32830; 32831;32832; 32833;32834; 32835;32836; 32837;32838; 32839;32840; 32841;32842; 32843;32844; 32845;32846; 32847;32848; 32849;32850; 32851;32852; 32853;32854; 32855;32856; 32857;32858; 32859;32860; 32861;32862; 32863;32864; 32865;32866; 32867;32868; 32869;32870; 32871 33725
LVVLGS GGVGK	11	984.5968	Z4YIG5;A0A0J 9YJ23;Q6IQP4; E7FBI4	rap1b;rap laa;rap1a b	2		0.006977	82.287	10704000	1058	471	1112	33683;33684; 33685;33686; 33687;33688; 33689;33690; 33691;33692; 33693;33694; 33695;33696; 33697;33698; 33699;33700; 33701;33702; 33703;33704; 33705;33706; 33707;33708; 33709;33710; 33711;33712; 33713;33714; 33715;33716; 33717;33718; 33719;33720; 33721;33722; 33723;33724
LVVSTQ TALA	10	1001.576	CON__P02769		2		0.019631	77.058	57113000	1059	221	1113	33726
LVYQPT TK	8	948.528	E7FG81;I3IT32	col12a1b		2	0.008452	109.36	5.75E+08	1060	274		32878;32879; 32880;32881; 32882;32883; 32884;32885; 32886;32887; 32888 32889;32890; 32891;32892; 32893;32894; 32895;32896; 32897;32898;
LWDLT TGTTR	11	1263.646	A7E2L4	gnb2l1		2	1.56E-29	166.66	1.21E+09	1061	143		33727;33728; 33729;33730; 33731;33732; 33733;33734
													33735;33736; 33737;33738; 33739;33740; 33741;33742; 33743;33744;

LWSDA SVTDV GNAYT R	16	1753.827	A2BHD8;A0A0 R4IQN2;F1QTE 2;A2BHD9	hexb	Beta- hexosaminidase	2	1.8E-119	198.32	1.82E+08	1062	115
------------------------------	----	----------	---	------	-------------------------	---	----------	--------	----------	------	-----

32899;32900;	33745;33746;
32901;32902;	33747;33748;
32903;32904;	33749;33750;
32905;32906;	33751;33752;
32907;32908;	33753;33754;
32909;32910;	33755;33756;
32911;32912;	33757;33758;
32913;32914;	33759;33760;
32915;32916;	33761;33762;
32917;32918;	33763;33764;
32919;32920;	33765;33766;
32921;32922;	33767;33768;
32923;32924;	33769;33770;
32925;32926;	33771;33772;
32927;32928;	33773;33774;
32929;32930;	33775;33776;
32931;32932;	33777;33778;
32933;32934;	33779;33780;
32935;32936;	33781;33782;
32937;32938;	33783;33784;
32939;32940;	33785;33786;
32941;32942;	33787;33788;
32943;32944;	33789;33790;
32945	33791;33792;
	33793;33794;
	33795;33796;
	33797;33798;
	33799;33800;
	33801;33802;
	33803;33804;
	33805;33806;
	33807;33808;
	33809;33810;
	33811;33812;
	33813;33814;
	33815;33816;
	33817;33818;
	33819;33820;
	33821;33822;
	33823;33824;
	33825;33826;
	33827;33828;
	33829;33830;
	33831;33832;
	33833;33834;
32946;32947;	33835;33836;
32948;32949;	33837;33838;
32950;32951;	33839;33840;
32952;32953;	33841;33842;
32954;32955;	33843;33844;
32956;32957;	33845;33846;
32958;32959;	33847;33848;
32960;32961;	33849;33850;



												32962;32963; 32964;32965; 32966;32967; 32968;32969; 32970;32971; 32972	33851;33852; 33853;33854; 33855;33856; 33857;33858; 33859;33860; 33861;33862; 33863;33864; 33865 33866
LYAGA TMK	8	853.4368	Q7T2C8;A8WG N7;Q802F7	txnr1		2	0.053071	89.142	25617000	1063	164	32973;32974; 32975;32976; 32977;32978	
LYDSEP ATLTDV NDVNE WVK	20	2307.091	A1A5Y8;F1RA P6	serpinf2b		2;3	2.94E-46	140.1	2.58E+08	1064	107	32979;32980; 32981;32982; 32983;32984; 32985;32986; 32987;32988; 32989;32990; 32991;32992; 32993;32994; 32995;32996; 32997;32998; 32999;33000; 33001;33002; 33003;33004; 33005;33006; 33007;33008; 33009;33010; 33011;33012; 33013;33014; 33015;33016; 33017;33018; 33019;33020; 33021;33022; 33023;33024; 33025;33026; 33027;33028; 33029;33030; 33031;33032; 33033;33034; 33035	33867;33868; 33869;33870; 33871;33872; 33873;33874; 33875;33876; 33877;33878; 33879;33880; 33881;33882; 33883;33884; 33885;33886; 33887;33888; 33889;33890; 33891;33892; 33893;33894; 33895;33896; 33897;33898; 33899;33900; 33901;33902; 33903;33904; 33905;33906; 33907;33908; 33909;33910; 33911;33912; 33913;33914; 33915;33916
LYGAEL QPLDFI SQPEAS R	19	2133.074	Q7T309;F1R7D 6;X1WDY3	serpinb1 3	2;3		1.9E-66	162.93	8.42E+08	1065	434	1119	33917;33918; 33919;33920; 33921;33922; 33923;33924; 33925;33926; 33927;33928; 33929;33930; 33931;33932; 33933;33934; 33935;33936; 33937;33938; 33939;33940; 33941;33942;

33943;33944;  
33945;33946;  
33947;33948;  
33949;33950;  
33951;33952;  
33953;33954;  
33955;33956;  
33957;33958;  
33959;33960;  
33961;33962;  
33963;33964;  
33965;33966;  
33967;33968;  
33969;33970;  
33971;33972;  
33973;33974;  
33975;33976;  
33977;33978;  
33979;33980;  
33981;33982;  
33983;33984;  
33985;33986;  
33987;33988;  
33989;33990;  
33991;33992;  
33993;33994;  
33995;33996;  
33997;33998;  
33999;34000;  
34001;34002;  
34003;34004;  
34005;34006;  
34007;34008;  
34009;34010;  
34011;34012;  
34013;34014;  
34015;34016;  
34017;34018;  
34019;34020;  
34021;34022;  
34023;34024;  
34025;34026;  
34027;34028;  
34029;34030;  
34031;34032;  
34033;34034;  
34035;34036;  
34037;34038;  
34039;34040;  
34041;34042;  
34043;34044;  
34045;34046;  
34047;34048;

LYGEQT YQFLEK	12	1517.74	F8W475	serpinb11 4	2	5.24E-32	161.17	59055000	1066	353	1120	34049;34050; 34051;34052; 34053;34054; 34055;34056; 34057;34058; 34059;34060; 34061;34062; 34063;34064; 34065;34066; 34067 34068;34069; 34070;34071; 34072;34073; 34074;34075; 34076;34077	
LYGEQT YQFVE K	12	1503.725	F8W412;E7EX C4	serpinb11 4	2	5.41E-46	175.33	7.41E+08	1067	238	1121	34078;34079; 34080;34081; 34082;34083; 34084;34085; 34086;34087; 34088;34089; 34090;34091; 34092;34093; 34094;34095; 34096;34097; 34098;34099; 34100;34101; 34102;34103; 34104;34105; 34106;34107; 34108;34109; 34110;34111; 34112;34113; 34114;34115; 34116;34117; 34118;34119; 34120;34121; 34122;34123; 34124;34125; 34126;34127	
LYLVPG YTVNP DFVDR	16	1866.952	E7F3Z2;F6NQ5 8	serpint2a		2	0.040751	57.836	21883000	1068	249	33245;33246; 33247;33248; 33249;33250; 33251;33252; 33253;33254; 33255	34128;34129
LYPPSA DFPDLR	12	1389.693	F6PA24;A0A0R 4IJU9;A2CEA5; A2CEA4;Q6PC 86;F6NMS7;A8 WG85;A8E5J9	ckmt2b		2;3	2.4E-05	123.86	2.84E+09	1069	67	33256;33257; 33258;33259; 33260;33261; 33262;33263; 33264;33265; 33266;33267; 33268;33269;	34130;34131; 34132;34133; 34134;34135; 34136;34137; 34138;34139; 34140;34141; 34142;34143;

												33270;33271;	34144;34145;
												33272;33273;	34146;34147;
												33274;33275;	34148;34149;
												33276;33277;	34150;34151;
												33278;33279;	34152;34153;
												33280;33281;	34154;34155;
												33282;33283;	34156;34157;
												33284;33285;	34158;34159;
												33286;33287;	34160;34161;
												33288;33289;	34162;34163;
												33290;33291;	34164;34165;
												33292;33293;	34166;34167;
												33294;33295;	34168;34169;
												33296;33297;	34170;34171;
												33298;33299;	34172;34173;
												33300;33301;	34174;34175;
												33302;33303;	34176;34177;
												33304;33305;	34178;34179;
												33306;33307;	34180;34181;
												33308;33309;	34182;34183;
												33310;33311;	34184;34185;
												33312;33313;	34186;34187;
												33314;33315;	34188;34189;
												33316;33317;	34190;34191;
												33318;33319;	34192;34193;
												33320;33321;	34194;34195;
												33322;33323;	34196;34197;
												33324;33325;	34198;34199;
												33326;33327;	34200;34201;
												33328;33329;	34202;34203;
												33330;33331;	34204;34205;
												33332;33333;	34206;34207;
												33334;33335;	34208;34209;
												33336;33337;	34210;34211;
												33338;33339;	34212;34213
												33340;33341;	
												33342;33343;	
												33344;33345;	
												33346	
LYPPSA	13	1517.788	F6PA24;A0A0R	ckmt2b		3	0.001602	52.265	30272000	1070	67	33347;33348;	34214;34215;
DFPDLR			4IJU9;A2CEA5;									33349;33350;	34216
K			A2CEA4;Q6PC									33351	
			86;F6NMS7;A8										
MAEEL	10	1131.567	WG85;A8E5J9	acy1;CU	Aminoacylase-1	2	3.83E-12	149.65	3.79E+08	1071	97	33352;33353;	34217;34218;
ALPMK			Q7ZVV2;Q6NY	896698.1								33354;33355;	34219;34220;
			R6;F1QZ04;A0									33356;33357;	34221;34222;
			A0R4IW78;E7E									33358;33359;	34223;34224;
			XK9;F1QXZ4									33360;33361;	34225;34226;
												33362;33363;	34227;34228;
												33364;33365;	34229;34230;
												33366;33367;	34231;34232;
												33368;33369;	34233;34234;

												33370;33371; 33372;33373; 33374;33375; 33376;33377; 33378;33379; 33380;33381; 33382;33383; 33384;33385; 33386;33387; 33388;33389; 33390;33391; 33392;33393; 33394;33395	34235;34236; 34237;34238; 34239;34240; 34241;34242; 34243;34244; 34245;34246; 34247;34248; 34249;34250; 34251;34252; 34253;34254; 34255;34256; 34257;34258; 34259;34260; 34261;34262; 34263
MAEYL FDK	8	1015.469	F1QS22;Q7ZV D6;Q6IQF1;Q6 DHT8;E7FGK8; Q504E2;F1R22 5;F1R0Z1;E7F G16;A8KKBK3;A 7YYB6;E7EXI4 ;F1R872;B7ZV S7;A8WVK2;A 7MCB0;B3DH9 3;A0A0N4SUC 5	zgc:5609 5;zgc:920 66;zgc:10 9934;zgc: 173594;L OC55881 6;BX511 021.4;zgc :173593; wu:fj24c 01;zgc:19 4125	Ferritin	1;2	0.006225	113.5	2.17E+09	1072	315;277	33396;33397; 33398;33399; 33400;33401; 33402;33403; 33404;33405; 33406;33407; 33408;33409; 33410;33411; 33412;33413; 33414;33415; 33416;33417; 33418;33419; 33420;33421; 33422;33423; 33424;33425; 33426;33427; 33428;33429; 33430;33431; 33432;33433; 33434;33435; 33436;33437; 33438;33439; 33440;33441; 33442;33443; 33444;33445; 33446	34264;34265; 34266;34267; 34268;34269; 34270;34271; 34272;34273; 34274;34275; 34276;34277; 34278;34279; 34280;34281; 34282;34283; 34284;34285; 34286;34287; 34288;34289; 34290;34291; 34292
MATNL AVR	8	874.4695	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9	a2ml		2	0.009186	108.24	40507000	1073	106	33447;33448; 33449;33450; 33451	34293
MATQS DLMEL EMAMD PDR	18	2082.873	Q90424;Q7ZU1 4;F1QGH7;A0A 0N4SUA5	ctnnb1		2	1.05E-08	91.313	8.23E+09	1074	27	33452;33453; 33454;33455; 33456;33457; 33458;33459; 33460;33461; 33462;33463; 33464;33465; 33466;33467; 33468;33469;	34294;34295; 34296;34297; 34298;34299; 34300;34301; 34302;34303; 34304;34305; 34306;34307; 34308;34309; 34310;34311;

											33470;33471; 33472;33473; 33474;33475; 33476;33477; 33478;33479; 33480;33481; 33482;33483; 33484;33485	34312;34313; 34314;34315; 34316;34317; 34318;34319; 34320;34321; 34322;34323; 34324;34325; 34326;34327; 34328;34329; 34330;34331; 34332;34333; 34334;34335; 34336;34337; 34338;34339; 34340;34341; 34342;34343; 34344;34345; 34346;34347; 34348;34349; 34350;34351; 34352
MCPLGP GYTTD GR	13	1410.627	B6CS38;A0A0 G2KQ62	fbn2b	2	0.047065	46.706	97112000	1075	204	33486;33487; 33488;33489; 33490;33491; 33492;33493; 33494;33495; 33496;33497; 33498;33499; 33500;33501; 33502;33503; 33504;33505	34353
MDPEY EPDEEE VR	13	1636.656	B3DKL0;A2CE W4	atic	2	0.000595	90.05	66700000	1076	118	33506;33507; 33508;33509; 33510;33511; 33512;33513; 33514;33515; 33516;33517; 33518;33519	34354;34355; 34356;34357; 34358;34359
MDPSLT EMVEK	11	1278.584	Q4QRJ9;E7F8 M7;F1QNK5	alpi.2	2	0.00175	100.48	1.26E+08	1077	258	33520;33521; 33522;33523; 33524;33525; 33526;33527; 33528;33529; 33530;33531; 33532;33533; 33534;33535; 33536;33537; 33538;33539; 33540;33541; 33542;33543; 33544	34360;34361; 34362;34363; 34364;34365; 34366;34367; 34368;34369; 34370;34371

MDVGG LSDPYV K	12	1279.612	Q5TZ27;Q1LX 36;A3KQ92;F1 R5C0;Q504A0; F1QCC9	syt1a;syt 1b;syt5b	2	3.81E-05	121.61	7.62E+08	1078	384; 329; 298	1132;1133	34372;34373; 34374;34375; 34376;34377; 34378;34379; 34380;34381; 34382;34383; 34384;34385; 34386;34387; 34388;34389; 34390;34391; 34392;34393; 34394;34395; 34396;34397; 34398;34399; 34400;34401; 34402;34403; 34404;34405; 34406;34407; 34408;34409; 34410;34411; 34412;34413; 34414;34415; 34416;34417; 34418;34419; 34420;34421; 34422;34423
MDYNF DVPIIK	11	1353.664	Q5TZ29	apobb.1	2	5.79E-82	169.76	6.13E+08	1079	385		33585;33586; 33587;33588; 33589;33590; 33591;33592; 33593;33594; 33595;33596; 33597;33598; 33599;33600; 33601;33602; 33603;33604; 33605;33606; 33607;33608; 33609;33610; 33611;33612; 33613;33614; 33615;33616; 33617;33618; 33619;33620; 33621;33622; 33623;33624; 33625;33626; 33627;33628; 33629;33630; 33631;33632; 33633;33634; 33635;33636; 33637;33638;
												34424;34425; 34426;34427; 34428;34429; 34430;34431; 34432;34433; 34434;34435; 34436;34437; 34438;34439; 34440;34441; 34442;34443; 34444;34445; 34446;34447; 34448;34449; 34450;34451; 34452;34453; 34454;34455; 34456;34457; 34458;34459; 34460;34461; 34462;34463; 34464;34465; 34466;34467; 34468;34469; 34470;34471; 34472;34473; 34474;34475; 34476;34477;

												33639;33640; 33641;33642; 33643;33644; 33645;33646; 33647;33648; 33649;33650; 33651;33652; 33653;33654; 33655;33656; 33657;33658; 33659;33660; 33661	34478;34479; 34480;34481; 34482;34483	
MEEDM DEGQT QK	12	1439.555	Q8UUT4;A7E2 P4	gpm6aa		2	3.16E-05	119.68	88614000	1080	455	33662;33663; 33664;33665; 33666;33667; 33668;33669; 33670;33671; 33672;33673; 33674	34484;34485; 34486;34487; 34488;34489; 34490;34491; 34492;34493; 34494;34495; 34496;34497; 34498 34499	
MEFSDS DLLK	10	1183.543	E7FDT4;A0A0 R4ILF0	si:ch73- 40a17.3	Metalloendopeptid ase	2	0.051823	53.756	23136000	1081	69	33675;33676; 33677;33678; 33679;33680; 33681;33682; 33683;33684; 33685;33686		
MEPLSA AHAR	10	1081.534	Q7T309;F1R7D 6;X1WDY3	serpinb11 3		2	7.02E-12	147.29	8.31E+08	1082	434	1138;1139	34500;34501; 34502;34503; 34504;34505; 34506;34507; 34508;34509; 34510;34511; 34512;34513; 34514;34515; 34516;34517	
MEQTY DMK	8	1044.426	F8W412;E7EX C4	serpinb11 4		2	0.004851	119.29	2.12E+08	1083	238	1140	34518;34519; 34520;34521; 34522;34523; 34524;34525; 34526;34527; 34528;34529; 34530;34531; 34532;34533; 34534;34535; 34536;34537; 34538;34539; 34540;34541; 34542;34543; 34544;34545; 34546;34547; 34548;34549; 34550;34551;	



MESAIN VLVSEF K	13	1465.749	A5WW28	s100a11		2	7.64E-05	105.46	7752300	1084	136	34552;34553; 34554 33758;33759; 33760;33761	34555;34556	
MESLSA ANTQFS LNLFK	17	1899.94	F8W412;E7EX C4;Q6TGU1;F1 R9A9;F8W475	serpinb11 4;serpinb 111	2	2.6E-131	201	31111000	1085	238; 353	1142	34557;34558; 34559;34560; 34561;34562		
MGAPQ NGMAE YMFDK	15	1688.7	Q9DDT0	fth1a	Ferritin	2	1.3E-186	228.73	6.76E+09	1086	457	33771;33772; 33773;33774; 33775;33776; 33777;33778; 33779;33780; 33781;33782; 33783;33784; 33785;33786; 33787;33788; 33789;33790; 33791;33792; 33793;33794; 33795;33796; 33797;33798; 33799;33800; 33801;33802; 33803;33804; 33805;33806; 33807;33808; 33809;33810; 33811;33812; 33813;33814; 33815;33816; 33817;33818; 33819;33820; 33821;33822; 33823;33824; 33825;33826; 33827;33828; 33829;33830; 33831;33832; 33833;33834; 33835;33836; 33837;33838; 33839;33840; 33841;33842; 33843;33844; 33845;33846; 33847;33848; 33849;33850; 33851;33852; 33853;33854; 33855;33856; 33857;33858; 33859;33860;	34563;34564; 34565;34566; 34567;34568; 34569;34570; 34571;34572; 34573;34574; 34575;34576; 34577;34578; 34579;34580; 34581;34582; 34583;34584; 34585;34586; 34587;34588; 34589;34590; 34591;34592; 34593;34594; 34595;34596; 34597;34598; 34599;34600; 34601;34602; 34603;34604; 34605;34606; 34607;34608; 34609;34610; 34611;34612; 34613;34614; 34615;34616; 34617;34618; 34619;34620; 34621;34622; 34623;34624; 34625;34626; 34627;34628; 34629;34630; 34631;34632; 34633;34634; 34635;34636; 34637;34638; 34639;34640; 34641;34642; 34643;34644; 34645;34646; 34647;34648; 34649;34650; 34651;34652;	

33861;33862; 34653;34654;  
33863;33864; 34655;34656;  
33865;33866; 34657;34658;  
33867;33868; 34659;34660;  
33869;33870; 34661;34662;  
33871;33872; 34663;34664;  
33873;33874; 34665;34666;  
33875;33876; 34667;34668;  
33877;33878; 34669;34670;  
33879;33880; 34671;34672;  
33881;33882; 34673;34674;  
33883;33884; 34675;34676;  
33885;33886; 34677;34678;  
33887;33888; 34679;34680;  
33889;33890; 34681;34682;  
33891;33892; 34683;34684;  
33893;33894; 34685;34686;  
33895;33896; 34687;34688;  
33897;33898; 34689;34690;  
33899;33900; 34691;34692;  
33901;33902; 34693;34694;  
33903;33904; 34695;34696;  
33905;33906; 34697;34698;  
33907;33908; 34699;34700;  
33909;33910; 34701;34702;  
33911;33912; 34703;34704;  
33913;33914; 34705;34706;  
33915;33916; 34707;34708;  
33917;33918; 34709;34710;  
33919;33920; 34711;34712;  
33921;33922; 34713;34714;  
33923;33924; 34715;34716;  
33925;33926; 34717;34718;  
33927;33928; 34719;34720;  
33929;33930; 34721;34722;  
33931;33932; 34723;34724;  
33933;33934; 34725;34726;  
33935;33936; 34727;34728;  
33937;33938; 34729;34730;  
33939;33940; 34731;34732;  
33941;33942; 34733;34734;  
33943;33944; 34735;34736;  
33945;33946; 34737;34738;  
33947;33948; 34739;34740;  
33949;33950; 34741;34742;  
33951;33952; 34743;34744;  
33953;33954; 34745;34746;  
33955;33956; 34747;34748;  
33957;33958; 34749;34750;  
33959;33960; 34751;34752;  
33961;33962; 34753;34754;  
33963;33964; 34755;34756;  
33965;33966; 34757;34758;

33967;33968; 34759;34760;  
 33969;33970; 34761;34762;  
 33971;33972; 34763;34764;  
 33973;33974; 34765;34766;  
 33975;33976; 34767;34768;  
 33977;33978; 34769;34770;  
 33979;33980; 34771;34772;  
 33981;33982; 34773;34774;  
 33983;33984; 34775;34776;  
 33985;33986; 34777;34778;  
 33987;33988; 34779;34780;  
 33989;33990; 34781;34782;  
 33991;33992; 34783;34784;  
 33993;33994; 34785;34786;  
 33995;33996; 34787;34788;  
 33997;33998 34789;34790;  
 34791;34792;  
 34793;34794;  
 34795;34796;  
 34797;34798;  
 34799;34800;  
 34801;34802;  
 34803;34804;  
 34805;34806;  
 34807;34808;  
 34809;34810;  
 34811;34812;  
 34813;34814;  
 34815;34816;  
 34817;34818;  
 34819;34820;  
 34821;34822;  
 34823;34824;  
 34825;34826;  
 34827;34828;  
 34829;34830;  
 34831;34832;  
 34833;34834;  
 34835;34836;  
 34837;34838;  
 34839;34840;  
 34841;34842;  
 34843;34844;  
 34845;34846;  
 34847;34848;  
 34849;34850;  
 34851;34852;  
 34853;34854;  
 34855;34856;  
 34857;34858  
 33999;34000; 34859;34860;  
 34001;34002; 34861;34862;  
 34003;34004; 34863;34864;

MGAPQ 15 1755.771 Q66HX7 fth1b Ferritin 2 7.32E-38 155.97 6.16E+08 1087 391  
 NNMAE  
 YLFDR

MGGNY GPTIAV QNEAA K	17	1719.825	E9QFU8;E9QC Q6;F1QLF8;Q6 DG83	bcat2	Branched-chain- amino-acid aminotransferase	2	5.2E-113	191.79	6.52E+08	1088	283
-------------------------------	----	----------	-------------------------------------	-------	---	---	----------	--------	----------	------	-----

34005;34006; 34865;34866;  
 34007;34008; 34867;34868;  
 34009;34010; 34869;34870;  
 34011;34012; 34871;34872;  
 34013;34014; 34873;34874;  
 34015;34016; 34875;34876;  
 34017;34018; 34877;34878;  
 34019;34020; 34879;34880;  
 34021;34022; 34881;34882;  
 34023;34024; 34883;34884;  
 34025;34026; 34885;34886;  
 34027;34028; 34887;34888;  
 34029;34030; 34889;34890;  
 34031;34032; 34891;34892;  
 34033;34034; 34893;34894;  
 34035;34036; 34895;34896;  
 34037;34038; 34897;34898;  
 34039;34040; 34899;34900;  
 34041;34042; 34901;34902;  
 34043;34044; 34903;34904;  
 34045;34046; 34905;34906;  
 34047;34048; 34907;34908;  
 34049;34050; 34909;34910;  
 34051;34052; 34911;34912;  
 34053;34054; 34913;34914;  
 34055;34056; 34915;34916;  
 34057;34058; 34917;34918;  
 34059;34060; 34919;34920;  
 34061;34062; 34921;34922;  
 34063;34064; 34923;34924;  
 34065;34066; 34925  
 34067;34068;  
 34069;34070;  
 34071;34072;  
 34073;34074;  
 34075;34076;  
 34077;34078;  
 34079;34080;  
 34081;34082;  
 34083;34084;  
 34085;34086;  
 34087;34088;  
 34089;34090;  
 34091;34092;  
 34093;34094;  
 34095;34096;  
 34097;34098;  
 34099  
 34100;34101; 34926;34927;  
 34102;34103; 34928;34929;  
 34104;34105; 34930;34931;  
 34106;34107; 34932;34933;  
 34108;34109; 34934;34935;

											34110;34111;	34936;34937;
											34112;34113;	34938;34939;
											34114;34115;	34940;34941;
											34116;34117;	34942;34943;
											34118;34119;	34944;34945;
											34120;34121;	34946;34947;
											34122;34123;	34948;34949;
											34124;34125;	34950;34951;
											34126;34127;	34952;34953;
											34128;34129;	34954;34955;
											34130;34131;	34956;34957;
											34132;34133;	34958;34959;
											34134;34135;	34960
											34136;34137;	
											34138	
MGIENA	10	1158.582	Q6NY70;Q6DR	epcam	2	4.23E-90	215.39	3.92E+09	1089	411	34139;34140;	34961;34962;
LQQR			J5								34141;34142;	34963;34964;
											34143;34144;	34965;34966;
											34145;34146;	34967;34968;
											34147;34148;	34969;34970;
											34149;34150;	34971;34972;
											34151;34152;	34973;34974;
											34153;34154;	34975;34976;
											34155;34156;	34977;34978;
											34157;34158;	34979;34980;
											34159;34160;	34981;34982;
											34161;34162;	34983;34984;
											34163;34164;	34985;34986;
											34165;34166;	34987;34988;
											34167;34168;	34989;34990;
											34169;34170;	34991;34992;
											34171;34172;	34993;34994;
											34173;34174;	34995;34996;
											34175;34176;	34997;34998;
											34177;34178;	34999;35000;
											34179;34180;	35001;35002;
											34181;34182;	35003;35004;
											34183;34184;	35005;35006;
											34185;34186;	35007;35008;
											34187;34188;	35009;35010;
											34189;34190;	35011;35012;
											34191;34192;	35013;35014;
											34193;34194;	35015;35016;
											34195;34196;	35017;35018;
											34197;34198;	35019;35020;
											34199;34200;	35021;35022;
											34201;34202;	35023;35024;
											34203;34204;	35025;35026;
											34205;34206;	35027;35028;
											34207;34208;	35029;35030;
											34209;34210;	35031;35032;
											34211;34212;	35033;35034;
											34213;34214;	35035;35036;

												34215;34216; 34217;34218; 34219;34220; 34221;34222; 34223;34224; 34225;34226; 34227;34228; 34229;34230	35037;35038; 35039;35040; 35041;35042; 35043;35044; 35045;35046; 35047;35048; 35049;35050; 35051;35052; 35053;35054; 35055;35056
MGQVF FPQDK	10	1195.57	A0A0R4IRI2;F 1RDU8;FIR526	si:dkey- 65b12.6	2	0.005375	91.087	1.43E+08	1090	347; 84	1151	35057;35058; 35059;35060; 35061;35062; 35063;35064 34246	
MIPGVV ETGLFV GMAER	17	1804.922	Q6NXA0;B8JI1 5;A0A0R4IMX 5;A0A0R4IAX3 ;Q5U3H4	rpia		2	0.032239	42.095	0	1091	37		35065
MIQSDT SGDYR	11	1271.545	Q804G6;Q803A 1;Q6P0V8;A9J TC0	anxa5b	Annexin	2	0.009418	74.464	4890600	1092	172	34247;34248	35066
MIVVIE DQDGF DK	13	1507.723	Q7ZUI4	zgc:5649 3	Thioredoxin	2;3	1.5E-117	211.78	3.51E+09	1093	440	34249;34250; 34251;34252; 34253;34254; 34255;34256; 34257;34258; 34259;34260; 34261;34262; 34263;34264; 34265;34266; 34267;34268; 34269;34270; 34271;34272; 34273;34274; 34275;34276; 34277;34278; 34279;34280; 34281;34282; 34283;34284; 34285;34286; 34287;34288; 34289;34290; 34291;34292; 34293;34294; 34295;34296; 34297;34298; 34299;34300; 34301;34302; 34303;34304; 34305;34306; 34307;34308; 34309;34310; 34311;34312;	35067;35068; 35069;35070; 35071;35072; 35073;35074; 35075;35076; 35077;35078; 35079;35080; 35081;35082; 35083;35084; 35085;35086; 35087;35088; 35089;35090; 35091;35092; 35093;35094; 35095;35096; 35097;35098; 35099;35100; 35101;35102; 35103;35104; 35105;35106; 35107;35108; 35109;35110; 35111;35112; 35113;35114; 35115;35116; 35117;35118; 35119;35120; 35121;35122; 35123;35124; 35125;35126; 35127;35128; 35129;35130;

34313;34314; 35131;35132;  
34315;34316; 35133;35134;  
34317;34318; 35135;35136;  
34319;34320; 35137;35138;  
34321;34322; 35139;35140;  
34323;34324; 35141;35142;  
34325;34326; 35143;35144;  
34327;34328; 35145;35146;  
34329;34330; 35147;35148;  
34331;34332; 35149;35150;  
34333;34334; 35151;35152;  
34335;34336; 35153;35154;  
34337;34338; 35155;35156;  
34339;34340; 35157;35158;  
34341;34342; 35159;35160;  
34343;34344; 35161;35162;  
34345;34346; 35163;35164;  
34347;34348; 35165;35166;  
34349;34350; 35167;35168;  
34351;34352; 35169;35170;  
34353;34354; 35171;35172;  
34355;34356; 35173;35174;  
34357;34358; 35175;35176;  
34359;34360; 35177;35178;  
34361;34362; 35179;35180;  
34363;34364; 35181;35182;  
34365;34366; 35183;35184;  
34367;34368; 35185;35186;  
34369;34370; 35187;35188;  
34371;34372; 35189;35190;  
34373;34374; 35191;35192;  
34375;34376; 35193;35194;  
34377;34378; 35195;35196;  
34379;34380; 35197;35198;  
34381;34382; 35199;35200;  
34383;34384; 35201;35202;  
34385;34386; 35203;35204;  
34387;34388; 35205;35206;  
34389;34390; 35207;35208;  
34391;34392; 35209;35210;  
34393;34394; 35211;35212;  
34395;34396; 35213;35214;  
34397;34398; 35215;35216;  
34399;34400; 35217;35218;  
34401;34402; 35219;35220;  
34403;34404; 35221;35222;  
34405;34406; 35223;35224;  
34407;34408 35225;35226;  
35227;35228;  
35229;35230;  
35231;35232;  
35233;35234;  
35235;35236;

MIYWT DISTPAI SR	14	1652.823	FIR998;FIRAG 3	nid1a		2	0.000576	76.143	1880300	1094	334	34409;34410; 34411;34412	35237;35238; 35239;35240; 35241;35242; 35243;35244; 35245;35246; 35247;35248; 35249;35250; 35251;35252; 35253;35254; 35255;35256; 35257;35258 35259;35260; 35261
MLAEL DLGRTE K	12	1374.718	B0S690;Q32LR 3;Q1JPT8	clybl		2	0.009208	53.775	3830300	1095	178	34413;34414; 34415;34416	35262
MLGET NPADSL PGTIR	16	1670.83	Q9PTF3;A0A0 R4IS05	nme3	Nucleoside diphosphate kinase	2	0.043883	43.991	13124000	1096	85	34417;34418; 34419;34420; 34421;34422 35264	35263
MLVEQI GSDR	10	1146.57	FIR0C2;A0A0 R4IEI2	si:ch211- 127i16.2	2	0.019126	77.732	42898000	1097	47	1160		
MMEIM DSIVSL LK	13	1508.765	E7FBD3	apoba		2	0.010335	61.353	1658500	1098	264	34437;34438	35265
MMEVQ NECMN VCER	14	1802.713	Q90WT1;Q6DG Z8;F1QT01	crybb1		2	3.98E-09	122.42	51804000	1099	318	34439;34440; 34441;34442; 34443;34444; 34445;34446; 34447;34448; 34449;34450 34451;34452; 34453;34454; 34455;34456; 34457;34458; 34459;34460; 34461;34462; 34463;34464; 34465;34466; 34467;34468; 34469;34470; 34471;34472; 34473;34474; 34475;34476 34477;34478; 34479;34480; 34481;34482; 34483;34484; 34485;34486; 34487;34488; 34489;34490; 34491;34492; 34493;34494;	35266;35267; 35268;35269; 35270;35271
MMLFD CENMT GK	12	1462.597	A7YYE8;Q6DG Y4	cryba1b		2	0.000125	116.52	1.63E+08	1100	149;400		35272;35273; 35274;35275; 35276;35277; 35278;35279; 35280;35281; 35282;35283; 35284;35285; 35286;35287; 35288;35289
MMVGD TDPAA AAPGTI R	17	1672.791	E9QH32;Q7ZUI 5;A8E5L8;FIR2 F7	nme4	Nucleoside diphosphate kinase	2	2E-06	94.122	1.11E+08	1101	158		35290;35291; 35292;35293; 35294;35295; 35296;35297; 35298;35299; 35300;35301; 35302;35303; 35304;35305;



MNAIYT NVR	9	1080.539	Q5TZ29	apobb.1		2	3.02E-17	171.38	8.78E+08	1102	385	34495;34496; 34497;34498 34499;34500; 34501;34502; 34503;34504; 34505;34506; 34507;34508; 34509 35306;35307; 35308;35309 35310;35311; 35312;35313; 35314;35315; 35316;35317; 35318
MNAPS LFGADI K	12	1262.633	A0A0G2KY72		2	0.00934	64.439	47420000	1103	17	1167	35319;35320; 35321
MNLPIL TANAN HQLTA DNK	19	2078.058	Q5TZ29	apobb.1		2,3	6.4E-11	97.271	50403000	1104	385	34517;34518; 34519;34520; 34521;34522; 34523;34524; 34525;34526 35322;35323; 35324
MNPQE QLEQR	10	1271.593	Q45FX9;Q6DG Y2	cryba2b		2	1.46E-62	200.54	6.88E+09	1105	368	34527;34528; 34529;34530; 34531;34532; 34533;34534; 34535;34536; 34537;34538; 34539;34540; 34541;34542; 34543;34544; 34545;34546; 34547;34548; 34549;34550; 34551;34552; 34553;34554; 34555;34556; 34557;34558; 34559;34560; 34561;34562; 34563;34564; 34565;34566; 34567;34568; 34569;34570; 34571;34572; 34573;34574; 34575;34576; 34577;34578; 34579;34580; 34581;34582; 34583;34584; 34585;34586; 34587;34588; 34589;34590; 34591;34592; 34593;34594; 34595;34596; 34597;34598; 34599;34600; 35325;35326; 35327;35328; 35329;35330; 35331;35332; 35333;35334; 35335;35336; 35337;35338; 35339;35340; 35341;35342; 35343;35344; 35345;35346; 35347;35348; 35349;35350; 35351;35352; 35353;35354; 35355;35356; 35357;35358; 35359;35360; 35361;35362; 35363;35364; 35365;35366; 35367;35368; 35369;35370; 35371;35372; 35373;35374; 35375;35376; 35377;35378; 35379;35380; 35381;35382; 35383;35384; 35385;35386; 35387;35388; 35389;35390; 35391;35392; 35393;35394; 35395;35396; 35397;35398;

34601;34602; 35399;35400;  
34603;34604; 35401;35402;  
34605;34606; 35403;35404;  
34607;34608; 35405;35406;  
34609;34610; 35407;35408;  
34611;34612; 35409;35410;  
34613;34614; 35411;35412;  
34615;34616; 35413;35414;  
34617;34618; 35415;35416;  
34619;34620; 35417;35418;  
34621;34622; 35419;35420;  
34623;34624; 35421;35422;  
34625;34626; 35423;35424;  
34627;34628; 35425;35426;  
34629;34630; 35427;35428;  
34631;34632; 35429;35430;  
34633;34634; 35431;35432;  
34635;34636; 35433;35434;  
34637;34638; 35435;35436;  
34639;34640; 35437;35438;  
34641;34642; 35439;35440;  
34643;34644; 35441;35442;  
34645;34646; 35443;35444;  
34647;34648; 35445;35446;  
34649;34650; 35447;35448;  
34651;34652; 35449;35450;  
34653;34654; 35451;35452;  
34655;34656; 35453;35454;  
34657;34658; 35455;35456;  
34659;34660 35457;35458;  
35459;35460;  
35461;35462;  
35463;35464;  
35465;35466;  
35467;35468;  
35469;35470;  
35471;35472;  
35473;35474;  
35475;35476;  
35477;35478;  
35479;35480;  
35481;35482;  
35483;35484;  
35485;35486;  
35487;35488;  
35489;35490;  
35491;35492;  
35493;35494;  
35495;35496;  
35497;35498;  
35499;35500;  
35501;35502;  
35503

MNYS EQEYPD LTK	14	1687.74	Q8AY63;Q7ZU 04;R4GE87;R4 GEP9;F6NIF4; R4GDX0	ckbb		2	3.3E-239	252.59	2.42E+08	1106	437	34661;34662; 34663;34664; 34665;34666; 34667;34668; 34669;34670; 34671;34672; 34673;34674; 34675;34676; 34677;34678; 34679;34680; 34681;34682; 34683;34684; 34685;34686; 34687;34688; 34689;34690	35504;35505; 35506;35507; 35508;35509; 35510;35511; 35512;35513; 35514;35515; 35516;35517; 35518;35519; 35520;35521; 35522;35523; 35524;35525; 35526;35527; 35528;35529; 35530;35531; 35532;35533; 35534;35535; 35536
MPAPG VCLNIL SER	14	1542.79	Q1RLS9;F1QW 40;E7F6J9	zgc:1368 72	2	0.011292	43.308	64975000	1107	253	1174	35537	
MREVID EKHME EIK	14	1785.875	E7F7Y8	LOC1003 30765	2	0.001337	53.124	0	1108	255	1175	35538	
MSDAG EYSVV AGSSVS K	17	1672.761	A5X6X5;B0S75 8;FIR7N8	ttna		2	2.37E-08	131.66	1.19E+08	1109	332;139	34699;34700; 34701;34702; 34703;34704; 34705;34706; 34707;34708; 34709;34710; 34711;34712; 34713;34714; 34715;34716	35539;35540; 35541;35542; 35543;35544; 35545;35546; 35547;35548
MSVEA DINGLR	11	1203.592	CON__P02533		2	9.91E-24	159.37	3.75E+08	1110	218	1178;1179	35549;35550; 35551;35552; 35553;35554; 35555;35556; 35557;35558; 35559;35560; 35561;35562; 35563;35564; 35565;35566; 35567;35568	
MTLDD FR	7	896.4062	CON__P35527		2	1.44E-24	184.16	2.55E+09	1111	230	1180;1181	35569;35570; 35571;35572; 35573;35574; 35575;35576; 35577;35578; 35579;35580; 35581;35582; 35583;35584; 35585;35586; 35587;35588; 35589;35590;	

												35591;35592; 35593;35594; 35595;35596; 35597;35598; 35599;35600; 35601;35602; 35603;35604; 35605;35606; 35607;35608; 35609;35610; 35611;35612; 35613;35614; 35615;35616; 35617;35618; 35619;35620; 35621;35622; 35623;35624; 35625;35626; 35627;35628; 35629;35630; 35631;35632; 35633;35634; 35635;35636; 35637;35638; 35639;35640; 35641;35642; 35643;35644; 35645;35646; 35647;35648; 35649;35650; 35651;35652; 35653;35654; 35655;35656; 35657;35658; 35659;35660; 35661;35662; 35663;35664; 35665;35666	
MTQNN FAVGY K	11	1271.597	Q8AWD0;Q4JH L7	vdac2	2	0.008749	76.679	26825000	1112	370	34827;34828; 34829;34830; 34831;34832; 34833;34834; 34835;34836; 34837	35667;35668; 35669;35670	
MTVFEE EHFQG K	12	1480.666	Q45FX9;Q6DG Y2	cryba2b	2;3	3.67E-80	208.63	2.13E+09	1113	368	34838;34839; 34840;34841; 34842;34843; 34844;34845; 34846;34847; 34848;34849; 34850;34851; 34852;34853; 34854;34855;	35671;35672; 35673;35674; 35675;35676; 35677;35678; 35679;35680; 35681;35682; 35683;35684; 35685;35686; 35687;35688;	

MVIEFA R	7	864.4528	A2BHD8;F1QU U0;A0A0R4IQ N2;A3KNW3	hexb	Beta- hexosaminidase	2	0.03396	99.919	75477000	1114	115
-------------	---	----------	---	------	-------------------------	---	---------	--------	----------	------	-----

34856;34857; 35689;35690;  
 34858;34859; 35691;35692;  
 34860;34861; 35693;35694;  
 34862;34863; 35695;35696;  
 34864;34865; 35697;35698;  
 34866;34867; 35699;35700;  
 34868;34869; 35701;35702;  
 34870;34871; 35703;35704;  
 34872;34873; 35705;35706;  
 34874;34875; 35707;35708;  
 34876;34877; 35709;35710;  
 34878;34879; 35711;35712;  
 34880;34881; 35713;35714;  
 34882;34883; 35715;35716;  
 34884;34885; 35717;35718;  
 34886;34887; 35719;35720;  
 34888;34889; 35721;35722;  
 34890;34891; 35723;35724;  
 34892;34893; 35725;35726;  
 34894;34895; 35727;35728;  
 34896;34897; 35729;35730;  
 34898;34899; 35731;35732;  
 34900;34901; 35733;35734;  
 34902;34903; 35735;35736;  
 34904;34905; 35737;35738;  
 34906;34907; 35739;35740;  
 34908;34909; 35741;35742;  
 34910;34911; 35743;35744;  
 34912;34913; 35745;35746;  
 34914;34915; 35747;35748;  
 34916;34917; 35749;35750;  
 34918;34919; 35751;35752;  
 34920;34921; 35753;35754;  
 34922;34923; 35755;35756;  
 34924;34925; 35757;35758;  
 34926;34927; 35759;35760;  
 34928;34929; 35761;35762;  
 34930;34931; 35763;35764  
 34932;34933;  
 34934;34935;  
 34936;34937;  
 34938;34939;  
 34940;34941;  
 34942;34943  
 34944;34945; 35765;35766;  
 34946;34947; 35767;35768;  
 34948;34949; 35769  
 34950;34951;  
 34952;34953;  
 34954;34955;  
 34956;34957;  
 34958

MVNDQ LMYLE R	11	1410.664	FIRD57;Q7ZU D9	naalad2		2	0.000255	132.91	34992000	1115	343	34959;34960; 34961;34962; 34963;34964; 34965	35770;35771
MVSSY EVAMG PLGSIT R	17	1796.88	A7MC71;F1QU S3;Q9PWC8;Q5 02R0;A8E4Y9; Q98SS3;Q98SS 0;A8KBT7;A1L 138;A0A140LG 74;Q98SS2;Q56 7L3;Q05AP6;F1 R003;F1QMZ0; F1QJ26;A8E58 4;A0JMC4;Q98 SS1;F1QNI8;Q4 QRF1	zp2.3;zp2 .5;zp2.1;z p2.6;zp2. 2;si:zfos- 1505d6.3	2	0.001779	65.395	13199000	1116	146	1187	35772;35773; 35774	
MWYFG PGEYR	10	1304.565	F1Q6V5;A7E2 M9;A7E2M6;A 7E2K8;A0A0R4 IM55;Q6DGX6; Q6DH12;E7FF X3;Q6IQK6;B0 V191;A7MC89; A8WGI8	zgc:1734 52;zgc:17 3645;cry gm2d1;cr ygm2d14 ;crygm2d 8;crygm2 d13;cryg m2d18;cr ygm2d16 crybb112; crybb111	2	5.99E-12	146.81	2.37E+08	1117	144; 398; 272; 147; 162	1188;1189	35775;35776; 35777;35778; 35779;35780; 35781;35782; 35783;35784; 35785;35786; 35787;35788; 35789	
MYVFD QENFQ GR	12	1532.672	A7E2K5;E7F4V 5;E7F8M1;Q50 2C7	2;3	0	286.03	2.07E+10	1118	141; 257; 250	1190;1191; 1192;1193	35790;35791; 35792;35793; 35794;35795; 35796;35797; 35798;35799; 35800;35801; 35802;35803; 35804;35805; 35806;35807; 35808;35809; 35810;35811; 35812;35813; 35814;35815; 35816;35817; 35818;35819; 35820;35821; 35822;35823; 35824;35825; 35826;35827; 35828;35829; 35830;35831; 35832;35833; 35834;35835; 35836;35837; 35838;35839; 35840;35841;		

35842;35843;  
35844;35845;  
35846;35847;  
35848;35849;  
35850;35851;  
35852;35853;  
35854;35855;  
35856;35857;  
35858;35859;  
35860;35861;  
35862;35863;  
35864;35865;  
35866;35867;  
35868;35869;  
35870;35871;  
35872;35873;  
35874;35875;  
35876;35877;  
35878;35879;  
35880;35881;  
35882;35883;  
35884;35885;  
35886;35887;  
35888;35889;  
35890;35891;  
35892;35893;  
35894;35895;  
35896;35897;  
35898;35899;  
35900;35901;  
35902;35903;  
35904;35905;  
35906;35907;  
35908;35909;  
35910;35911;  
35912;35913;  
35914;35915;  
35916;35917;  
35918;35919;  
35920;35921;  
35922;35923;  
35924;35925;  
35926;35927;  
35928;35929;  
35930;35931;  
35932;35933;  
35934;35935;  
35936;35937;  
35938;35939;  
35940;35941;  
35942;35943;  
35944;35945;  
35946;35947;

35948;35949;  
35950;35951;  
35952;35953;  
35954;35955;  
35956;35957;  
35958;35959;  
35960;35961;  
35962;35963;  
35964;35965;  
35966;35967;  
35968;35969;  
35970;35971;  
35972;35973;  
35974;35975;  
35976;35977;  
35978;35979;  
35980;35981;  
35982;35983;  
35984;35985;  
35986;35987;  
35988;35989;  
35990;35991;  
35992;35993;  
35994;35995;  
35996;35997;  
35998;35999;  
36000;36001;  
36002;36003;  
36004;36005;  
36006;36007;  
36008;36009;  
36010;36011;  
36012;36013;  
36014;36015;  
36016;36017;  
36018;36019;  
36020;36021;  
36022;36023;  
36024;36025;  
36026;36027;  
36028;36029;  
36030;36031;  
36032;36033;  
36034;36035;  
36036;36037;  
36038;36039;  
36040;36041;  
36042;36043;  
36044;36045;  
36046;36047;  
36048;36049;  
36050;36051;  
36052;36053;



36054;36055;  
36056;36057;  
36058;36059;  
36060;36061;  
36062;36063;  
36064;36065;  
36066;36067;  
36068;36069;  
36070;36071;  
36072;36073;  
36074;36075;  
36076;36077;  
36078;36079;  
36080;36081;  
36082;36083;  
36084;36085;  
36086;36087;  
36088;36089;  
36090;36091;  
36092;36093;  
36094;36095;  
36096;36097;  
36098;36099;  
36100;36101;  
36102;36103;  
36104;36105;  
36106;36107;  
36108;36109;  
36110;36111;  
36112;36113;  
36114;36115;  
36116;36117;  
36118;36119;  
36120;36121;  
36122;36123;  
36124;36125;  
36126;36127;  
36128;36129;  
36130;36131;  
36132;36133;  
36134;36135;  
36136;36137;  
36138;36139;  
36140;36141;  
36142;36143;  
36144;36145;  
36146;36147;  
36148;36149;  
36150;36151;  
36152;36153;  
36154;36155;  
36156;36157;  
36158;36159;

36160;36161;  
36162;36163;  
36164;36165;  
36166;36167;  
36168;36169;  
36170;36171;  
36172;36173;  
36174;36175;  
36176;36177;  
36178;36179;  
36180;36181;  
36182;36183;  
36184;36185;  
36186;36187;  
36188;36189;  
36190;36191;  
36192;36193;  
36194;36195;  
36196;36197;  
36198;36199;  
36200;36201;  
36202;36203;  
36204;36205;  
36206;36207;  
36208;36209;  
36210;36211;  
36212;36213;  
36214;36215;  
36216;36217;  
36218;36219;  
36220;36221;  
36222;36223;  
36224;36225;  
36226;36227;  
36228;36229;  
36230;36231;  
36232;36233;  
36234;36235;  
36236;36237;  
36238;36239;  
36240;36241;  
36242;36243;  
36244;36245;  
36246;36247;  
36248;36249;  
36250;36251;  
36252;36253;  
36254;36255;  
36256;36257;  
36258;36259;  
36260;36261;  
36262;36263;  
36264;36265;

36266;36267;  
36268;36269;  
36270;36271;  
36272;36273;  
36274;36275;  
36276;36277;  
36278;36279;  
36280;36281;  
36282;36283;  
36284;36285;  
36286;36287;  
36288;36289;  
36290;36291;  
36292;36293;  
36294;36295;  
36296;36297;  
36298;36299;  
36300;36301;  
36302;36303;  
36304;36305;  
36306;36307;  
36308;36309;  
36310;36311;  
36312;36313;  
36314;36315;  
36316;36317;  
36318;36319;  
36320;36321;  
36322;36323;  
36324;36325;  
36326;36327;  
36328;36329;  
36330;36331;  
36332;36333;  
36334;36335;  
36336;36337;  
36338;36339;  
36340;36341;  
36342;36343;  
36344;36345;  
36346;36347;  
36348;36349;  
36350;36351;  
36352;36353;  
36354;36355;  
36356;36357;  
36358;36359;  
36360;36361;  
36362;36363;  
36364;36365;  
36366;36367;  
36368;36369;  
36370;36371;

NAGNL NEIVGS FK	13	1361.694	F1QSL2;A0A0 G2KE28;E7FF D4	2	1.12E-09	133.89	1.22E+08	1119	9	1194	35470;3547 1;35472;35 473;35474; 35475;3547 6;35477;35 478;35479; 35480;3548 1;35482;35 483;35484; 35485;3548 6;35487;35 488;35489	36372;36373; 36374;36375; 36376;36377; 36378;36379; 36380;36381; 36382;36383; 36384;36385; 36386;36387; 36388;36389; 36390;36391; 36392;36393; 36394;36395; 36396;36397; 36398;36399; 36400;36401; 36402;36403; 36404;36405; 36406;36407; 36408;36409; 36410;36411; 36412;36413; 36414;36415; 36416;36417; 36418;36419; 36420;36421; 36422;36423; 36424;36425; 36426;36427; 36428;36429; 36430;36431; 36432;36433; 36434;36435; 36436;36437; 36438;36439; 36440;36441; 36442;36443; 36444;36445; 36446
NALAQ MFVNE VASIK	15	1633.85	F1R6R2	si:ch211- 270n8.1	2	0.002554	72.29	10985000	1120	331	1195	36460;36461; 36462;36463

NALEGF ANPETG LAVTG R	18	1815.912	F1QDZ4;Q8AY A1	tyr		2	7.18E-46	148.41	1.88E+08	1121	301	35497;35498; 35499;35500; 35501;35502; 35503;35504; 35505;35506; 35507;35508; 35509;35510; 35511;35512; 35513;35514; 35515;35516; 35517;35518; 35519;35520; 35521;35522; 35523;35524; 35525;35526; 35527;35528; 35529;35530; 35531;35532; 35533	36464;36465; 36466;36467; 36468;36469; 36470;36471; 36472;36473; 36474;36475; 36476;36477; 36478;36479; 36480;36481; 36482;36483; 36484;36485; 36486;36487; 36488;36489; 36490;36491; 36492;36493; 36494;36495; 36496;36497; 36498;36499; 36500;36501; 36502;36503 36504
NALLFL R	7	845.5123	Q7ZVF1	chia.1		2	0.046952	79.454	0	1122	444	35534	36505;36506
NDNDT FTVK	9	1052.478	F1R9P5;E9QI62 ;F1QL44;F1QP 68;A0A0R4IUS 4;E7F1L7	flna;flncb ;flnca	2	0.005485	100.02	1.04E+08	1123	335; 311; 96	1198	35534	36505;36506
NDNMF QIGK	9	1065.491	Q504B1	sub1a		1;2	2.51E-96	185.47	8.79E+08	1124	374	35546;35547; 35548;35549; 35550;35551; 35552;35553; 35554;35555; 35556;35557; 35558;35559; 35560;35561; 35562;35563; 35564;35565; 35566;35567; 35568;35569; 35570;35571; 35572;35573; 35574;35575; 35576;35577; 35578;35579; 35580;35581; 35582;35583; 35584;35585; 35586;35587; 35588;35589; 35590;35591; 35592;35593; 35594;35595; 35596;35597; 35598;35599;	36507;36508; 36509;36510; 36511;36512; 36513;36514; 36515;36516; 36517;36518; 36519;36520; 36521;36522; 36523;36524; 36525;36526; 36527;36528; 36529;36530; 36531;36532; 36533;36534; 36535;36536; 36537;36538; 36539;36540; 36541;36542; 36543;36544; 36545;36546; 36547;36548; 36549;36550; 36551;36552; 36553;36554

NDPIGE VSIPLN K	13	1394.741	D4P8S0;E7F57 8;X1WDZ6;F6 NJ65	syt7b;syt 7a	2	0.001654	74.53	91368000	1125	236	1201	35600;35601; 35602;35603; 35604;35605 36555;36556; 36557;36558; 36559;36560; 36561;36562; 36563;36564; 36565;36566	
NDSPCG TTIGPIL AAR	16	1628.819	Q803B5;A0A0 R4IAH2;F1QRP 8	dnpep		2	0.002487	67.456	16394000	1126	35	35631;35632; 35633;35634; 35635	36567;36568
NDYLLS FR	8	1026.513	A7E2K5;E7F8 M1;Q502C7	crybb112; crybb111	2	4.92E-13	169.57	1.34E+08	1127	141; 257	1203	36569;36570; 36571;36572; 36573;36574; 36575;36576 35648	36577
NDYLLS FRPIR	11	1392.751	A7E2K5	crybb112		3	0.004931	70.488	6827300	1128	141		
NDYLLS FRPVR	11	1378.736	E7F8M1;Q502C 7	crybb111		3	0.000112	101.93	36402000	1129	257	35649;35650; 35651;35652; 35653	36578;36579; 36580
NEDIQL SPFMAE IMPAPG K	19	2087.007	F1R9P5;E9QI62	flna		2	1.57E-05	78.486	17691000	1130	335	35654;35655; 35656;35657; 35658;35659; 35660;35661; 35662;35663	36581;36582; 36583;36584; 36585;36586; 36587;36588; 36589
NFAPLD QQYSSV VLEDSQ DNR	21	2424.119	X1WBT0	si:dkey- 105h12.2	2;3	1.22E-05	64.394	41749000	1131	466	1207	36590;36591; 36592;36593; 36594;36595; 36596;36597; 36598;36599; 36600;36601; 36602;36603; 36604	
NFNMM GGMK	9	1011.427	Q6DH12;E7FF X3	crygm2d 13	2	0.000438	114.78	1.62E+08	1132	272	1208	36605;36606; 36607;36608	
NFSNFG GMR	9	1028.45	Q6IQK6;B0V19 1;A7MC89;Q6 DGY0;B0V190; A8WG18	crygm2d 18;crygm 2d16;cry gm2d15;z gc:17345 2	2	1.13E-83	219.16	2.23E+09	1133	147; 162	1209;1210	36609;36610; 36611;36612; 36613;36614; 36615;36616; 36617;36618; 36619;36620; 36621;36622; 36623;36624; 36625;36626; 36627;36628; 36629;36630; 36631;36632; 36633;36634; 36635;36636; 36637;36638; 36639;36640; 36641;36642;	

NFSNYG GMR	9	1044.445	F1Q6V5;A7E2 M9;Q504G5;Q5 02C3;B0S6M3; A7E2M6;A7E2 K8;A0A0R4IM 55;Q61QI4;B0S 6N4;Q6DGX6; Q15I87	zgc:1734 52;zgc:17 3645;cry gm2d1;cr ygm2d14 ;crygm2d 6;crygm2 d8	2	7.64E-43	189.53	4.66E+09	1134	144; 398	1211;1212	36643;36644; 36645;36646; 36647;36648; 36649;36650; 36651;36652; 36653;36654 36655;36656; 36657;36658; 36659;36660; 36661;36662; 36663;36664; 36665;36666; 36667;36668; 36669;36670; 36671;36672; 36673;36674; 36675;36676; 36677;36678; 36679;36680; 36681;36682; 36683;36684; 36685;36686; 36687;36688; 36689;36690; 36691;36692; 36693;36694; 36695;36696; 36697;36698; 36699;36700; 36701;36702; 36703;36704; 36705;36706; 36707;36708; 36709;36710; 36711;36712; 36713;36714; 36715;36716; 36717;36718; 36719;36720; 36721;36722; 36723;36724; 36725;36726; 36727;36728; 36729;36730; 36731;36732; 36733;36734; 36735;36736; 36737;36738; 36739;36740; 36741;36742; 36743;36744; 36745;36746; 36747;36748;
---------------	---	----------	---	--	---	----------	--------	----------	------	-------------	-----------	---

NFVINTI NR	9	1089.593	E7FCV8	col6a2		2	0.032362	86.833	44985000	1135	267	36749;36750; 36751;36752; 36753;36754 35802;35803; 35804;35805; 35806;35807; 35808;35809; 35810;35811	36755
NFVPGQ AVAK	10	1029.561	A2RV19	zgc:1586 19	2	0.006437	89.296	5.28E+08	1136	121	1214	36756;36757; 36758;36759; 36760;36761; 36762;36763; 36764;36765; 36766;36767; 36768;36769; 36770;36771; 36772;36773; 36774;36775; 36776;36777; 36778;36779; 36780;36781; 36782;36783; 36784;36785; 36786;36787; 36788;36789; 36790;36791; 36792;36793; 36794;36795; 36796;36797	
NFVSEV QYDK	10	1227.577	Q6NY70	epcam		2	1.14E-30	180.44	1.56E+09	1137	411	35852;35853; 35854;35855; 35856;35857; 35858;35859; 35860;35861; 35862;35863; 35864;35865; 35866;35867; 35868;35869; 35870;35871; 35872;35873; 35874;35875; 35876;35877; 35878;35879; 35880;35881; 35882;35883	36798;36799; 36800;36801; 36802;36803; 36804;36805; 36806;36807; 36808;36809; 36810;36811; 36812;36813; 36814;36815; 36816;36817; 36818;36819; 36820;36821; 36822;36823; 36824;36825; 36826;36827; 36828;36829; 36830;36831; 36832;36833; 36834;36835; 36836;36837; 36838;36839; 36840;36841; 36842;36843;



NFVSEV QYDKD AR	13	1569.742	Q6NY70	epcam	2,3	4.42E-05	147.24	67980000	1138	411	35884;35885; 35886;35887; 35888;35889; 35890;35891	36844;36845; 36846;36847 36848;36849; 36850;36851
NGDGYI DLDELK	12	1350.63	Q6IQ64	tnnc1b	2	1.1E-109	218.11	7.22E+09	1139	404	35892;35893; 35894;35895; 35896;35897; 35898;35899; 35900;35901; 35902;35903; 35904;35905; 35906;35907; 35908;35909; 35910;35911; 35912;35913; 35914;35915; 35916;35917; 35918;35919; 35920;35921; 35922;35923; 35924;35925; 35926;35927; 35928;35929; 35930;35931; 35932;35933; 35934;35935; 35936;35937; 35938;35939; 35940;35941; 35942;35943; 35944;35945; 35946;35947; 35948;35949; 35950;35951; 35952;35953; 35954;35955; 35956;35957; 35958;35959; 35960;35961; 35962;35963; 35964;35965; 35966;35967; 35968;35969; 35970;35971; 35972;35973; 35974;35975; 35976;35977; 35978;35979; 35980;35981; 35982;35983; 35984;35985;	36852;36853; 36854;36855; 36856;36857; 36858;36859; 36860;36861; 36862;36863; 36864;36865; 36866;36867; 36868;36869; 36870;36871; 36872;36873; 36874;36875; 36876;36877; 36878;36879; 36880;36881; 36882;36883; 36884;36885; 36886;36887; 36888;36889; 36890;36891; 36892;36893; 36894;36895; 36896;36897; 36898;36899; 36900;36901; 36902;36903; 36904;36905; 36906;36907; 36908;36909; 36910;36911; 36912;36913; 36914;36915; 36916;36917; 36918;36919; 36920;36921; 36922;36923; 36924;36925; 36926;36927; 36928;36929; 36930;36931; 36932;36933; 36934;36935; 36936;36937; 36938;36939; 36940;36941; 36942;36943; 36944;36945;

NGDGYI 16 1881.886 E9QBF1;Q9I8U tnc2 2;3 0 340.39 9.54E+09 1140 279  
DRDEFA  
EIIR

35986;35987; 36946;36947;  
35988;35989; 36948;36949;  
35990;35991; 36950;36951;  
35992;35993; 36952;36953;  
35994;35995; 36954;36955;  
35996;35997; 36956;36957;  
35998;35999; 36958;36959;  
36000;36001; 36960;36961;  
36002;36003; 36962;36963;  
36004;36005; 36964;36965;  
36006 36966;36967;  
36968;36969;  
36970;36971;  
36972;36973;  
36974;36975;  
36976;36977;  
36978;36979;  
36980;36981;  
36982;36983;  
36984;36985;  
36986;36987;  
36988;36989;  
36990;36991;  
36992;36993;  
36994;36995;  
36996;36997;  
36998;36999;  
37000;37001;  
37002;37003;  
37004;37005;  
37006;37007;  
37008;37009  
36007;36008; 37010;37011;  
36009;36010; 37012;37013;  
36011;36012; 37014;37015;  
36013;36014; 37016;37017;  
36015;36016; 37018;37019;  
36017;36018; 37020;37021;  
36019;36020; 37022;37023;  
36021;36022; 37024;37025;  
36023;36024; 37026;37027;  
36025;36026; 37028;37029;  
36027;36028; 37030;37031;  
36029;36030; 37032;37033;  
36031;36032; 37034;37035;  
36033;36034; 37036;37037;  
36035;36036; 37038;37039;  
36037;36038; 37040;37041;  
36039;36040; 37042;37043;  
36041;36042; 37044;37045;  
36043;36044; 37046;37047;  
36045;36046; 37048;37049;  
36047;36048; 37050;37051;

36049;36050; 37052;37053;  
36051;36052; 37054;37055;  
36053;36054; 37056;37057;  
36055;36056; 37058;37059;  
36057;36058; 37060;37061;  
36059;36060; 37062;37063;  
36061;36062; 37064;37065;  
36063;36064; 37066;37067;  
36065;36066; 37068;37069;  
36067;36068; 37070;37071;  
36069;36070; 37072;37073;  
36071;36072; 37074;37075;  
36073;36074; 37076;37077;  
36075;36076; 37078;37079;  
36077;36078; 37080;37081;  
36079;36080; 37082;37083;  
36081;36082; 37084;37085;  
36083;36084; 37086;37087;  
36085;36086; 37088;37089;  
36087;36088; 37090;37091;  
36089;36090; 37092;37093;  
36091;36092; 37094;37095;  
36093;36094; 37096;37097;  
36095;36096; 37098;37099;  
36097;36098; 37100;37101;  
36099;36100; 37102;37103;  
36101;36102; 37104;37105;  
36103;36104; 37106;37107;  
36105;36106; 37108;37109;  
36107;36108; 37110;37111;  
36109;36110; 37112;37113;  
36111;36112; 37114;37115;  
36113;36114; 37116;37117;  
36115;36116; 37118;37119;  
36117;36118; 37120;37121;  
36119;36120; 37122;37123;  
36121;36122; 37124;37125;  
36123;36124; 37126;37127;  
36125;36126; 37128;37129;  
36127;36128; 37130;37131;  
36129;36130; 37132;37133;  
36131;36132; 37134;37135;  
36133;36134; 37136;37137;  
36135;36136; 37138;37139;  
36137;36138; 37140;37141;  
36139;36140; 37142;37143;  
36141;36142; 37144;37145;  
36143;36144; 37146;37147;  
36145;36146; 37148;37149;  
36147;36148; 37150;37151;  
36149;36150; 37152;37153;  
36151;36152; 37154;37155;  
36153;36154; 37156;37157;

36155;36156; 37158;37159;  
36157;36158; 37160;37161;  
36159;36160; 37162;37163;  
36161;36162; 37164;37165;  
36163;36164; 37166;37167;  
36165;36166; 37168;37169;  
36167;36168; 37170;37171;  
36169;36170; 37172;37173;  
36171;36172; 37174;37175;  
36173;36174; 37176;37177;  
36175;36176; 37178;37179;  
36177;36178; 37180;37181;  
36179;36180; 37182;37183;  
36181;36182; 37184;37185;  
36183;36184; 37186;37187;  
36185;36186; 37188;37189;  
36187;36188; 37190;37191;  
36189;36190; 37192;37193;  
36191;36192; 37194;37195;  
36193;36194; 37196;37197;  
36195;36196; 37198;37199;  
36197;36198; 37200;37201;  
36199;36200; 37202;37203;  
36201;36202; 37204;37205;  
36203;36204; 37206;37207;  
36205;36206; 37208;37209;  
36207;36208; 37210;37211;  
36209;36210; 37212;37213;  
36211;36212; 37214;37215;  
36213;36214; 37216;37217;  
36215;36216; 37218;37219;  
36217;36218; 37220;37221;  
36219;36220; 37222;37223;  
36221;36222; 37224;37225;  
36223;36224; 37226;37227;  
36225;36226; 37228;37229;  
36227 37230;37231;  
37232;37233;  
37234;37235;  
37236;37237;  
37238;37239;  
37240;37241;  
37242;37243;  
37244;37245;  
37246;37247;  
37248;37249;  
37250;37251;  
37252;37253;  
37254;37255;  
37256;37257;  
37258;37259;  
37260;37261;  
37262;37263;

												37264;37265; 37266;37267; 37268;37269; 37270;37271; 37272;37273; 37274;37275; 37276;37277; 37278;37279; 37280;37281; 37282;37283; 37284;37285; 37286;37287; 37288;37289; 37290;37291; 37292;37293; 37294;37295; 37296;37297; 37298;37299; 37300;37301; 37302
NGDPV MFTYD EYNK	14	1691.714	F1QXD5;A2RQ R3	col10a1a	2	4.2E-239	251.24	2.62E+08	1141	120	36228;36229; 36230;36231; 36232;36233; 36234;36235; 36236;36237; 36238;36239; 36240;36241; 36242;36243; 36244;36245; 36246;36247; 36248;36249; 36250;36251; 36252;36253; 36254;36255; 36256;36257; 36258;36259; 36260;36261; 36262;36263; 36264;36265; 36266	37303;37304; 37305;37306; 37307;37308; 37309;37310; 37311;37312; 37313;37314; 37315;37316; 37317;37318; 37319;37320; 37321;37322; 37323;37324; 37325;37326
NGISAY MDTSY NHNLNI PR	19	2179.012	E7FBD3	apoba	3	0.020447	27.714	3604400	1142	264	36266	37327
NGLPT MIPIP NNAAL GTSTEM SQNDII R	29	3081.522	F1RBT4;Q5BK W6	c6ast3 Metalloendopeptid ase	3	1.27E-10	45.125	36673000	1143	340	36267;36268; 36269;36270; 36271;36272; 36273;36274; 36275;36276; 36277;36278; 36279;36280; 36281	37328;37329; 37330;37331; 37332;37333

NGPDG NSPTLS GR	13	1270.59	X1WG04;A0A0 R4IIW6	cubn		2	1.37E-28	157.38	1.48E+08	1144	63	36282;36283; 36284;36285; 36286;36287; 36288;36289; 36290;36291; 36292;36293; 36294;36295; 36296;36297; 36298;36299; 36300;36301; 36302;36303; 36304;36305; 36306;36307; 36308;36309	37334;37335; 37336;37337; 37338;37339; 37340;37341; 37342;37343; 37344;37345; 37346;37347; 37348;37349; 37350;37351; 37352;37353; 37354;37355; 37356;37357; 37358;37359; 37360;37361; 37362;37363; 37364;37365; 37366;37367; 37368;37369; 37370	
NGVEIE MSEK	10	1134.523	A5X6X5;B0S75 8;F1R7N8;A5X 6X6;G1K2X0;Q 7ZZ48	ttna;ttnb; dZ249N2 1.1-003	2	0.023155	71.451	13498000	1145	332; 139; 140	1224	37371		
NGVEIE PSDK	10	1086.519	A5X6X5;B0S75 8;F1R7N8	ttna		2	4.45E-07	128.86	1.18E+08	1146	332;139		36312;36313; 36314;36315; 36316;36317; 36318;36319; 36320;36321; 36322;36323; 36324;36325; 36326;36327; 36328;36329; 36330;36331; 36332;36333; 36334;36335	37372;37373; 37374;37375; 37376;37377; 37378;37379; 37380;37381; 37382;37383; 37384;37385; 37386
NGYPT MIPIP NNAEL GK	18	1941.962	F1QJH7;Q4QR C8;F1Q845	c6ast4 Metalloendopeptid ase		2;3	3.9E-124	195.94	2.19E+09	1147	294		36336;36337; 36338;36339; 36340;36341; 36342;36343; 36344;36345; 36346;36347; 36348;36349; 36350;36351; 36352;36353; 36354;36355; 36356;36357; 36358;36359; 36360;36361; 36362;36363; 36364;36365; 36366;36367; 36368;36369; 36370;36371;	37387;37388; 37389;37390; 37391;37392; 37393;37394; 37395;37396; 37397;37398; 37399;37400; 37401;37402; 37403;37404; 37405;37406; 37407;37408; 37409;37410; 37411;37412; 37413;37414; 37415;37416; 37417;37418; 37419;37420; 37421;37422;

36372;36373; 37423;37424;  
36374;36375; 37425;37426;  
36376;36377; 37427;37428;  
36378;36379; 37429;37430;  
36380;36381; 37431;37432;  
36382;36383; 37433;37434;  
36384;36385; 37435;37436;  
36386;36387; 37437;37438;  
36388;36389; 37439;37440;  
36390;36391; 37441;37442;  
36392;36393; 37443;37444;  
36394;36395; 37445;37446;  
36396;36397; 37447;37448;  
36398;36399; 37449;37450;  
36400;36401; 37451;37452;  
36402;36403; 37453;37454;  
36404;36405; 37455;37456;  
36406;36407; 37457;37458;  
36408;36409; 37459;37460;  
36410;36411; 37461;37462;  
36412;36413; 37463;37464;  
36414;36415; 37465;37466;  
36416;36417; 37467;37468;  
36418;36419; 37469;37470;  
36420;36421; 37471;37472;  
36422;36423; 37473;37474;  
36424;36425; 37475;37476;  
36426;36427; 37477;37478;  
36428;36429; 37479;37480;  
36430;36431; 37481;37482;  
36432;36433; 37483;37484;  
36434;36435; 37485;37486;  
36436;36437; 37487;37488;  
36438;36439; 37489;37490;  
36440;36441; 37491;37492;  
36442;36443; 37493;37494;  
36444;36445; 37495;37496;  
36446;36447; 37497;37498;  
36448;36449; 37499;37500;  
36450;36451; 37501;37502;  
36452;36453; 37503;37504;  
36454;36455; 37505;37506;  
36456;36457 37507;37508;  
37509;37510;  
37511;37512;  
37513;37514;  
37515;37516;  
37517;37518;  
37519;37520;  
37521;37522;  
37523;37524;  
37525;37526;  
37527;37528;

37529;37530;  
 37531;37532;  
 37533;37534;  
 37535;37536;  
 37537;37538;  
 37539;37540;  
 37541;37542;  
 37543;37544;  
 37545;37546;  
 37547;37548;  
 37549;37550;  
 37551;37552;  
 37553;37554;  
 37555;37556;  
 37557;37558;  
 37559;37560;  
 37561;37562;  
 37563;37564;  
 37565;37566;  
 37567;37568;  
 37569;37570;  
 37571;37572;  
 37573;37574;  
 37575;37576;  
 37577;37578;  
 37579;37580;  
 37581;37582;  
 37583;37584;  
 37585;37586;  
 37587;37588;  
 37589;37590;  
 37591;37592;  
 37593

NGYSDP NNLK	10	1120.515	A0A0G2L1N0	2	0.000132	114.89	2.23E+08	1148	19	1228	37594;37595; 37596;37597; 37598;37599; 37600;37601; 37602;37603; 37604;37605; 37606;37607; 37608;37609; 37610;37611; 37612;37613; 37614
NHEEE MLALR	10	1240.587	CON__P08779; CON__Q9Z2K1 ;CON__Q3ZA W8	2	0.040729	57.108	18369000	1149	225	1229	36478;36479; 36480
NHEEE MNALR	10	1241.546	CON__P02533; CON__Q04695	2;3	8.81E-05	117.81	44697000	1150	218;232	1230	36481;36482; 36483;36484; 36485; 36486;36487; 36488



NHNSID EQDQEP TAFSPA AR	20	2225.994	E7FCP7	LOC1003 32784	2;3	1.15E-14	72.417	57388000	1151	266	1231	37622;37623; 37624;37625	
NIFFSPV GISMAL SLLAVG AK	21	2134.186	Q5SPJ1;Q24JW 6;Q6P5I9;Q502 P5;Q5SPJ4;X1 WF94	serpina11; serpina1	2	8.49E-05	54.524	10710000	1152	367; 418	1232	37626;37627	
NIFQLS TTER	10	1207.62	F1QDZ4;Q8AY A1;Q504L5;A0 A140H9G1;Q9P U56	tyr		2	0.024476	68.735	7989100	1153	301	36500;36501	37628
NIMEYV R	7	923.4535	Q6GMH9;F1Q RY2	cpa4		2	0.042471	90.986	1.77E+08	1154	314	36502;36503; 36504;36505; 36506;36507; 36508;36509; 36510 37633	37629;37630; 37631;37632
NIMFM ATVVQ QR	12	1436.727	A0A0B5JS86;A 2CEY7	Si:dkey- 251i10.2; si:dkey- 251i10.2	2	0.001054	78.655	30492000	1155	6	1235		
NIPQMS FDDTSR EPEQAF R	19	2267.028	A0A0G2L159		3	6.06E-13	91.475	60869000	1156	18	1236	37634;37635; 37636;37637; 37638;37639; 37640;37641	
NIVAVD FDSVTE R	13	1463.726	A0A0R4IVL1; A0A0R4IVD8; E0AE56;A0A0 R4IAG0;A0A0 R4IYF9	lrp2a		2	0.002259	72.652	31087000	1157	33	36520;36521; 36522;36523; 36524;36525; 36526;36527; 36528;36529; 36530;36531; 36532	37642;37643; 37644;37645; 37646;37647; 37648;37649
NLADY LR	7	863.4501	A0A0R4IWP3; Q6DHI9	psmb2	Proteasome subunit beta type	2	0.033912	100.74	1.1E+08	1158	99	36533;36534; 36535;36536; 36537;36538; 36539;36540; 36541;36542; 36543;36544; 36545;36546; 36547;36548; 36549;36550; 36551;36552; 36553;36554	37650;37651; 37652;37653; 37654
NLANFI R	7	846.4712	Q6NWD1;F1QJ N9;A0A0R4IL M4;A8KBB2	cpb1		2	1.22E-09	137.44	2.12E+09	1159	308	36555;36556; 36557;36558; 36559;36560; 36561;36562; 36563;36564; 36565;36566; 36567;36568; 36569;36570; 36571;36572; 36573;36574;	37655;37656; 37657;37658; 37659;37660; 37661;37662; 37663;37664; 37665;37666; 37667;37668; 37669;37670; 37671;37672; 37673;37674;

36575;36576; 37675;37676;  
 36577;36578; 37677;37678;  
 36579;36580; 37679;37680;  
 36581;36582; 37681;37682;  
 36583;36584; 37683;37684;  
 36585;36586; 37685;37686;  
 36587;36588; 37687;37688;  
 36589;36590; 37689;37690;  
 36591;36592; 37691;37692;  
 36593;36594; 37693;37694;  
 36595;36596; 37695;37696;  
 36597;36598; 37697;37698;  
 36599;36600; 37699;37700;  
 36601;36602; 37701;37702;  
 36603;36604; 37703;37704;  
 36605;36606; 37705;37706;  
 36607;36608; 37707;37708;  
 36609;36610; 37709;37710;  
 36611;36612; 37711;37712;  
 36613;36614; 37713;37714;  
 36615;36616; 37715;37716;  
 36617;36618; 37717;37718;  
 36619;36620; 37719;37720;  
 36621;36622; 37721;37722;  
 36623;36624; 37723;37724;  
 36625;36626; 37725;37726;  
 36627;36628 37727;37728;  
 37729;37730;  
 37731;37732;  
 37733;37734;  
 37735;37736;  
 37737;37738;  
 37739;37740;  
 37741;37742;  
 37743;37744;  
 37745;37746;  
 37747;37748;  
 37749;37750;  
 37751;37752;  
 37753;37754;  
 37755  
 36629;36630; 37756;37757;  
 36631;36632; 37758;37759  
 36633;36634;  
 36635;36636;  
 36637;36638;  
 36639;36640;  
 36641;36642;  
 36643

NLANV EGTETD SIK	14	1489.726	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46	ttnb		2	0.010908	61.577	65726000	1160	140	36629;36630; 36631;36632; 36633;36634; 36635;36636; 36637;36638; 36639;36640; 36641;36642; 36643
NLDLDS IIAEVK	12	1328.719	CON__P13647; CON__P02538; CON__Q8VED 5;CON__P0425	2	2.49E-38	170.52	6E+09	1161	219;222; 231;228; 216	1241	36644;3664 5;36646;36 647;36648; 36649;3665	

9;CON\_P3590  
8;CON\_Q5XK  
E5;CON\_O956  
78

0;36651;36  
652;36653;  
36654;3665  
5;36656;36  
657;36658;  
36659;3666  
0;36661;36  
662;36663;  
36664;3666  
5;36666;36  
667;36668;  
36669;3667  
0;36671;36  
672;36673;  
36674;3667  
5;36676;36  
677;36678;  
36679;3668  
0;36681;36  
682;36683;  
36684;3668  
5;36686;36  
687;36688;  
36689;3669  
0;36691;36  
692;36693;  
36694;3669  
5;36696;36  
697;36698;  
36699;3670  
0;36701;36  
702;36703;  
36704;3670  
5;36706;36  
707;36708;  
36709;3671  
0;36711;36  
712;36713;  
36714;3671  
5;36716;36  
717;36718;  
36719;3672  
0;36721;36  
722;36723;  
36724;3672  
5;36726;36  
727;36728;  
36729;3673  
0;36731;36  
732;36733;  
36734;3673  
5;36736;36  
737;36738;

36739;3674  
0;36741;36  
742;36743;  
36744;3674  
5;36746;36  
747;36748;  
36749;3675  
0;36751;36  
752;36753;  
36754;3675  
5;36756;36  
757;36758;  
36759;3676  
0;36761;36  
762;36763;  
36764;3676  
5;36766;36  
767;36768;  
36769;3677  
0;36771;36  
772;36773;  
36774;3677  
5;36776;36  
777;36778;  
36779;3678  
0;36781;36  
782;36783;  
36784;3678  
5;36786;36  
787;36788;  
36789;3679  
0;36791;36  
792;36793;  
36794;3679  
5;36796;36  
797;36798;  
36799;3680  
0;36801;36  
802;36803;  
36804;3680  
5;36806;36  
807;36808;  
36809;3681  
0;36811;36  
812;36813;  
36814;3681  
5;36816;36  
817;36818;  
36819;3682  
0;36821;36  
822;36823;  
36824;3682  
5;36826;36

827;36828;  
 36829;3683  
 0;36831;36  
 832;36833;  
 36834;3683  
 5;36836;36  
 837;36838;  
 36839;3684  
 0;36841;36  
 842;36843;  
 36844;3684  
 5;36846;36  
 847;36848;  
 36849;3685  
 0;36851;36  
 852;36853;  
 36854;3685  
 5;36856;36  
 857;36858;  
 36859;3686  
 0;36861;36  
 862;36863;  
 36864;3686  
 5;36866;36  
 867;36868;  
 36869;3687  
 0;36871;36  
 872;36873;  
 36874;3687  
 5;36876;36  
 877;36878;  
 36879;3688  
 0;36881;36  
 882;36883;  
 36884;3688  
 5;36886;36  
 887;36888;  
 36889;3689  
 0

NLEEET SVLK	10	1160.593	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46;Q7 ZZ47	ttnb	2	1.45E-28	155.07	1.63E+09	1162	140	36891;36892; 36893;36894; 36895;36896; 36897;36898; 36899;36900; 36901;36902; 36903;36904; 36905;36906; 36907;36908; 36909;36910; 36911;36912; 36913;36914; 36915;36916; 36917;36918;	38001;38002; 38003;38004; 38005;38006; 38007;38008; 38009;38010; 38011;38012; 38013;38014; 38015;38016; 38017;38018; 38019;38020; 38021;38022; 38023;38024; 38025;38026; 38027;38028;
----------------	----	----------	-------------------------------------	------	---	----------	--------	----------	------	-----	--	--

NLIPMD	16	1771.882	F1R444;A0A0J9YJ54;Q6AXM3;A0A0R4IUK0;A0A0R4IPY3	prka	Protein kinase C	2	1.25E-14	125.54	6.39E+08	1163	328	36919;36920;36921;36922;36923;36924;36925;36926;36927;36928;36929;36930;36931;36932	38029;38030;38031;38032;38033;38034;38035;38036;38037;38038;38039;38040;38041;38042;38043;38044;38045;38046;38047;38048;38049;38050;38051;38052;38053;38054;38055;38056;38057;38058;38059;38060;38061;38062;38063;38064;38065
PNGLS												36933;36934;36935;36936;36937;36938;36939;36940;36941;36942;36943;36944;36945;36946;36947;36948;36949;36950;36951;36952;36953;36954;36955;36956;36957;36958;36959;36960;36961;36962;36963;36964;36965;36966;36967;36968;36969;36970;36971;36972;36973;36974;36975;36976;36977;36978;36979;36980;36981;36982;36983;36984;36985;36986;36987;36988;36989;36990;36991;36992;36993;36994;36995;36996;36997;36998;36999;37000;	38066;38067;38068;38069;38070;38071;38072;38073;38074;38075;38076;38077;38078;38079;38080;38081;38082;38083;38084;38085;38086;38087;38088;38089;38090;38091;38092;38093;38094;38095;38096;38097;38098;38099;38100;38101;38102;38103;38104;38105;38106;38107;38108;38109;38110;38111;38112;38113;38114;38115;38116;38117;38118;38119;38120;38121;38122;38123;38124;38125;38126;38127;38128;38129;38130;38131;38132;38133;
PYVK													

											37001;37002;	38134;38135;	
											37003;37004;	38136;38137;	
											37005;37006;	38138;38139;	
											37007;37008;	38140;38141;	
											37009;37010;	38142;38143;	
											37011;37012;	38144;38145;	
											37013;37014;	38146;38147;	
											37015;37016;	38148;38149;	
											37017;37018;	38150;38151;	
											37019;37020;	38152;38153;	
											37021;37022;	38154;38155;	
											37023;37024;	38156;38157;	
											37025;37026;	38158;38159;	
											37027;37028;	38160;38161;	
											37029;37030;	38162;38163;	
											37031	38164;38165;	
												38166;38167;	
												38168;38169;	
												38170;38171;	
												38172;38173;	
												38174;38175;	
												38176;38177;	
												38178	
NLLFTD	9	1007.529	B8JL43;F1R858	tfa	Serotransferrin	2	1.45E-05	126.41	4.87E+09	1164	211	37032;37033;	38179;38180;
GTK			;Q6IMF9;Q6P3									37034;37035;	38181;38182;
			G0;Q567C8;Q7									37036;37037;	38183;38184;
			SYA7;A8WGJ5									37038;37039;	38185;38186;
			;Q8AX64;E7FB									37040;37041;	38187;38188;
			J1									37042;37043;	38189;38190;
												37044;37045;	38191;38192;
												37046;37047;	38193;38194;
												37048;37049;	38195;38196;
												37050;37051;	38197;38198;
												37052;37053;	38199;38200;
												37054;37055;	38201;38202;
												37056;37057;	38203;38204;
												37058;37059;	38205;38206;
												37060;37061;	38207;38208;
												37062;37063;	38209;38210;
												37064;37065;	38211;38212;
												37066;37067	38213;38214;
													38215;38216;
													38217;38218;
													38219;38220;
													38221;38222;
													38223;38224;
													38225;38226;
													38227;38228;
													38229;38230;
													38231;38232;
													38233;38234;
													38235;38236;
													38237;38238;

NLLSDT VYTVT VVPVYP EGEGLR	23	2520.311	E7FG81;I3IT32	col12a1b		3	0.030542	18.251	6970800	1165	274	37068;37069; 37070;37071	38239;38240; 38241;38242; 38243;38244 38245;38246
NLQVT DPTTSS LK	13	1402.73	E7FG81	col12a1b		2	7.55E-71	161.17	7.26E+08	1166	274	37072;37073; 37074;37075; 37076;37077; 37078;37079; 37080;37081; 37082;37083; 37084;37085; 37086;37087; 37088;37089; 37090;37091; 37092;37093; 37094;37095; 37096;37097	38247;38248; 38249;38250; 38251;38252; 38253;38254; 38255;38256; 38257;38258; 38259;38260; 38261;38262; 38263;38264; 38265;38266; 38267;38268; 38269;38270; 38271;38272; 38273;38274; 38275;38276; 38277;38278; 38279;38280
NLQVT DPTVNS LR	13	1455.768	E7FG81	col12a1b		2	7.6E-38	162.36	2.07E+08	1167	274	37098;37099; 37100;37101; 37102;37103; 37104;37105; 37106;37107; 37108;37109; 37110;37111; 37112	38281;38282; 38283;38284; 38285;38286; 38287;38288; 38289;38290; 38291;38292; 38293;38294; 38295;38296; 38297;38298; 38299;38300 38301;38302
NLQVT DPTVST LNVR	15	1655.884	X1WF98	col12a1a		2	0.003767	69.01	8544600	1168	468	37113;37114; 37115	
NLTEE MAAQD ESIGK	15	1634.746	B8A568;B8A56 1;B3DJM6;B8A 569	myhz1.1; myhz1.2; myhz1.3	2	0.047678	47.288	2854400	1169	200	1250	38303	
NLVGE WIDR	9	1100.562	Q7ZTV9;E7F9 U9;K4KG66;F1 Q5B5;Q8AXY4	alpl	Alkaline phosphatase	2	1.62E-05	126.24	51068000	1170	262	37118;37119; 37120;37121; 37122	38304
NLVPM DPNGLS DPYVK	16	1757.866	Q801L4	prkcbb		2	7.08E-05	98.105	2.08E+08	1171	447	37123;37124; 37125;37126; 37127;37128; 37129;37130; 37131;37132; 37133;37134; 37135;37136; 37137;37138; 37139;37140; 37141;37142;	38305;38306; 38307;38308; 38309;38310; 38311;38312; 38313;38314; 38315;38316; 38317;38318; 38319;38320; 38321;38322; 38323;38324;



												37143;37144; 37145;37146; 37147;37148; 37149;37150; 37151;37152; 37153;37154; 37155;37156; 37157;37158; 37159;37160; 37161;37162; 37163;37164; 37165	38325;38326; 38327;38328; 38329;38330
NLVPM DPSGLS DPYVK	16	1730.855	Q7T2C5	prkca	Protein kinase C	2	0.000165	83.182	2.41E+08	1172	432	37166;37167; 37168;37169; 37170;37171; 37172;37173; 37174;37175; 37176;37177; 37178;37179; 37180;37181; 37182;37183; 37184;37185; 37186;37187; 37188;37189; 37190;37191; 37192;37193; 37194;37195; 37196;37197; 37198;37199; 37200;37201; 37202;37203; 37204;37205; 37206;37207; 37208;37209; 37210;37211; 37212;37213; 37214;37215; 37216;37217; 37218;37219; 37220;37221; 37222;37223; 37224	38331;38332; 38333;38334; 38335;38336; 38337;38338; 38339;38340; 38341;38342; 38343;38344; 38345;38346; 38347;38348; 38349;38350; 38351;38352; 38353;38354; 38355;38356; 38357;38358; 38359;38360; 38361;38362; 38363;38364; 38365;38366; 38367;38368; 38369;38370; 38371;38372; 38373;38374; 38375;38376; 38377;38378; 38379;38380; 38381;38382; 38383
NMEAS LTNLAK	11	1190.597	E7FBD3	apoba		2	0.007538	80.688	77774000	1173	264	37225;37226; 37227;37228; 37229;37230; 37231;37232; 37233;37234; 37235;37236	38384;38385; 38386;38387; 38388;38389; 38390
NMENV EHVPLT QEK	14	1666.799	Q6DRF3	psmb1	Proteasome subunit beta type	2	0.001305	84.365	8856200	1174	402	37237;37238	38391

NMLDF	13	1488.703	Q6DHR6;E7EZ	thop1	2;3	0.002019	50.155	16972000	1175	244	37239;37240; 37241	38392;38393
PQHVSS			90;X1WHL0;X									
SK			1WF90									
NMLEST	20	2267.019	Q6IQ64	tnnc1b	2;3	0	343.62	4.36E+09	1176	404	37242;37243; 37244;37245; 37246;37247; 37248;37249; 37250;37251; 37252;37253; 37254;37255; 37256;37257; 37258;37259; 37260;37261; 37262;37263; 37264;37265; 37266;37267; 37268;37269; 37270;37271; 37272;37273; 37274;37275; 37276;37277; 37278;37279; 37280;37281; 37282;37283; 37284;37285; 37286;37287; 37288;37289; 37290;37291; 37292;37293; 37294;37295; 37296;37297; 37298;37299; 37300;37301; 37302;37303; 37304;37305; 37306;37307; 37308;37309; 37310;37311; 37312;37313; 37314;37315; 37316;37317; 37318;37319; 37320;37321; 37322;37323; 37324;37325; 37326;37327; 37328;37329; 37330;37331; 37332;37333; 37334;37335; 37336;37337; 37338;37339; 37340;37341;	38394;38395; 38396;38397; 38398;38399; 38400;38401; 38402;38403; 38404;38405; 38406;38407; 38408;38409; 38410;38411; 38412;38413; 38414;38415; 38416;38417; 38418;38419; 38420;38421; 38422;38423; 38424;38425; 38426;38427; 38428;38429; 38430;38431; 38432;38433; 38434;38435; 38436;38437; 38438;38439; 38440;38441; 38442;38443; 38444;38445; 38446;38447; 38448;38449; 38450;38451; 38452;38453; 38454;38455; 38456;38457; 38458;38459; 38460;38461; 38462;38463; 38464;38465; 38466;38467; 38468;38469; 38470;38471; 38472;38473; 38474;38475; 38476;38477; 38478;38479; 38480;38481; 38482;38483; 38484;38485; 38486;38487; 38488;38489; 38490;38491; 38492;38493;

37342;37343; 38494;38495;  
37344;37345; 38496;38497;  
37346;37347; 38498;38499;  
37348;37349; 38500;38501;  
37350;37351; 38502;38503;  
37352;37353; 38504;38505;  
37354;37355; 38506;38507;  
37356;37357; 38508;38509;  
37358;37359; 38510;38511;  
37360;37361; 38512;38513;  
37362;37363; 38514;38515;  
37364;37365; 38516;38517;  
37366;37367; 38518;38519;  
37368;37369; 38520;38521;  
37370;37371; 38522;38523;  
37372;37373; 38524;38525;  
37374;37375; 38526;38527;  
37376;37377; 38528;38529;  
37378;37379; 38530;38531;  
37380;37381; 38532;38533;  
37382;37383; 38534;38535;  
37384;37385; 38536;38537;  
37386;37387; 38538;38539;  
37388;37389; 38540;38541;  
37390;37391; 38542;38543;  
37392;37393; 38544;38545;  
37394;37395; 38546;38547;  
37396;37397; 38548;38549;  
37398;37399; 38550;38551;  
37400;37401; 38552;38553;  
37402;37403; 38554;38555;  
37404;37405; 38556;38557;  
37406;37407; 38558;38559;  
37408;37409; 38560;38561;  
37410;37411; 38562;38563;  
37412;37413; 38564;38565;  
37414;37415; 38566;38567;  
37416;37417; 38568;38569;  
37418;37419; 38570;38571;  
37420;37421; 38572;38573;  
37422;37423; 38574;38575;  
37424;37425; 38576;38577;  
37426;37427; 38578;38579;  
37428;37429; 38580;38581;  
37430;37431; 38582;38583;  
37432;37433; 38584;38585;  
37434;37435; 38586;38587;  
37436;37437; 38588;38589;  
37438;37439; 38590;38591;  
37440;37441; 38592;38593;  
37442;37443; 38594;38595;  
37444;37445; 38596;38597;  
37446;37447; 38598;38599;

37448;37449; 38600;38601;  
37450;37451; 38602;38603;  
37452;37453; 38604;38605;  
37454;37455; 38606;38607;  
37456;37457; 38608;38609;  
37458;37459; 38610;38611;  
37460;37461; 38612;38613;  
37462;37463; 38614;38615;  
37464;37465; 38616;38617;  
37466;37467; 38618;38619;  
37468;37469; 38620;38621;  
37470;37471; 38622;38623;  
37472;37473; 38624;38625;  
37474;37475; 38626;38627;  
37476;37477; 38628;38629;  
37478;37479; 38630;38631;  
37480;37481; 38632;38633;  
37482;37483; 38634;38635;  
37484;37485; 38636;38637;  
37486;37487; 38638;38639;  
37488;37489; 38640;38641;  
37490;37491; 38642;38643;  
37492;37493; 38644;38645;  
37494;37495; 38646;38647;  
37496;37497; 38648;38649;  
37498;37499; 38650;38651;  
37500;37501; 38652;38653;  
37502;37503; 38654;38655;  
37504;37505; 38656;38657;  
37506;37507; 38658;38659;  
37508;37509; 38660;38661;  
37510;37511; 38662;38663;  
37512;37513; 38664;38665;  
37514;37515; 38666;38667;  
37516;37517; 38668;38669;  
37518;37519; 38670;38671;  
37520;37521; 38672;38673;  
37522;37523; 38674;38675;  
37524;37525; 38676;38677;  
37526;37527; 38678;38679;  
37528;37529; 38680;38681;  
37530;37531; 38682;38683;  
37532;37533; 38684;38685;  
37534;37535; 38686;38687;  
37536;37537; 38688;38689;  
37538;37539; 38690;38691;  
37540;37541; 38692;38693;  
37542;37543; 38694;38695;  
37544;37545; 38696;38697;  
37546;37547; 38698;38699;  
37548;37549; 38700;38701;  
37550;37551; 38702;38703;  
37552;37553; 38704;38705;

NMLEST GEAITE DDIEEL MKDGD K	24	2682.189	Q6IQ64	tnnc1b	3	5.16E-21	84.942	66552000	1177	404	37554;37555; 37556;37557; 37558;37559; 37560;37561; 37562;37563; 37564;37565; 37566;37567; 37568;37569; 37570;37571 37572;37573; 37574;37575; 37576;37577; 37578;37579; 37580;37581; 37582;37583; 37584;37585; 37586;37587; 37588;37589; 37590;37591; 38706;38707; 38708;38709; 38710;38711; 38712;38713; 38714;38715; 38716;38717; 38718;38719; 38720;38721; 38722;38723 38724;38725; 38726;38727; 38728;38729; 38730;38731; 38732;38733; 38734;38735; 38736;38737; 38738;38739; 38740;38741; 38742
NMLEST GEAITE DDIEEL MKDGD KNNDG K	29	3210.418	Q6IQ64	tnnc1b	3;4	3.44E-40	86.131	56535000	1178	404	37592 37593;37594; 37595;37596; 37597;37598; 37599;37600; 37601;37602; 37603;37604; 37605;37606 38743;38744; 38745;38746; 38747;38748; 38749;38750; 38751;38752; 38753
NMQDL VEDFK	10	1237.565	CON__P13647	2	2.39E-37	149.72	3.69E+08	1179	228	1263	38754;38755; 38756;38757; 38758;38759; 38760;38761; 38762;38763; 38764;38765; 38766;38767; 38768;38769; 38770;38771; 38772;38773; 38774;38775; 38776;38777; 38778;38779; 38780;38781; 38782;38783; 38784;38785; 38786;38787; 38788;38789; 38790;38791; 38792
NMQDL VEDLK	10	1203.581	CON__P04259	2	3.86E-38	157.96	2.08E+09	1180	222	1264;1265	38793;38794; 38795;38796; 38797;38798; 38799;38800; 38801;38802; 38803;38804;

NMQDM VEDYR	10	1299.522	CON_P04264	2	1.21E-75	207.68	6.65E+09	1181	223	1266;1267; 1268	38805;38806; 38807;38808; 38809;38810; 38811;38812; 38813;38814; 38815;38816; 38817;38818; 38819;38820; 38821;38822; 38823;38824; 38825;38826; 38827;38828; 38829;38830 38831;38832; 38833;38834; 38835;38836; 38837;38838; 38839;38840; 38841;38842; 38843;38844; 38845;38846; 38847;38848; 38849;38850; 38851;38852; 38853;38854; 38855;38856; 38857;38858; 38859;38860; 38861;38862; 38863;38864; 38865;38866; 38867;38868; 38869;38870; 38871;38872; 38873;38874; 38875;38876; 38877;38878; 38879;38880; 38881;38882; 38883;38884; 38885;38886; 38887;38888; 38889;38890; 38891;38892; 38893;38894; 38895;38896; 38897;38898; 38899;38900; 38901;38902; 38903;38904; 38905;38906; 38907;38908; 38909;38910;
----------------	----	----------	------------	---	----------	--------	----------	------	-----	--------------------	---

38911;38912;  
38913;38914;  
38915;38916;  
38917;38918;  
38919;38920;  
38921;38922;  
38923;38924;  
38925;38926;  
38927;38928;  
38929;38930;  
38931;38932;  
38933;38934;  
38935;38936;  
38937;38938;  
38939;38940;  
38941;38942;  
38943;38944;  
38945;38946;  
38947;38948;  
38949;38950;  
38951;38952;  
38953;38954;  
38955;38956;  
38957;38958;  
38959;38960;  
38961;38962;  
38963;38964;  
38965;38966;  
38967;38968;  
38969;38970;  
38971;38972;  
38973;38974;  
38975;38976;  
38977;38978;  
38979;38980;  
38981;38982;  
38983;38984;  
38985;38986;  
38987;38988;  
38989;38990;  
38991;38992;  
38993;38994;  
38995;38996;  
38997;38998;  
38999;39000;  
39001;39002;  
39003;39004;  
39005;39006;  
39007;39008;  
39009;39010;  
39011;39012;  
39013;39014;  
39015;39016;

NMQGL VEDFK	10	1179.559	Q6NY60;F1QK 60;A9JRS6;Q9P V92;F1RDG4	krt4;si:dk ey- 222f2.1	2	4.48E-05	121.5	1.51E+08	1182	167	1269	39017;39018; 39019;39020; 39021;39022; 39023;39024; 39025;39026; 39027;39028; 39029;39030; 39031;39032; 39033;39034; 39035;39036; 39037;39038; 39039;39040; 39041;39042; 39043;39044; 39045;39046; 39047;39048; 39049;39050; 39051;39052; 39053;39054; 39055;39056; 39057;39058; 39059;39060; 39061;39062; 39063;39064; 39065;39066; 39067;39068; 39069;39070 39071;39072; 39073;39074; 39075;39076; 39077;39078; 39079	
NMQNL VEDFK	10	1236.581	Q6P3K5;Q9PU B5;F1R5A5;F1 QV31;E9QBD7	krt5		2	0.030164	84.615	27795000	1183	321	37937;37938; 37939;37940; 37941;37942; 37943;37944; 37945	39080;39081; 39082;39083
NMYWT DSVLDR	11	1398.624	A0A140LFY0; A0A0G2L836		2	0.02884	72.643	44626000	1184	20	1271 ;127 2	37946;3794 7;37948;37 949;37950; 37951;3795 2;37953;37 954;37955	
NNDGM LDFDEF LK	13	1556.682	E9QBF1;Q9I8U 8	tnnc2		2	1.2E-153	221.32	1.68E+10	1185	279	37956;37957; 37958;37959; 37960;37961; 37962;37963; 37964;37965; 37966;37967; 37968;37969; 37970;37971; 37972;37973; 37974;37975;	39088;39089; 39090;39091; 39092;39093; 39094;39095; 39096;39097; 39098;39099; 39100;39101; 39102;39103; 39104;39105; 39106;39107;



37976;37977; 39108;39109;  
37978;37979; 39110;39111;  
37980;37981; 39112;39113;  
37982;37983; 39114;39115;  
37984;37985; 39116;39117;  
37986;37987; 39118;39119;  
37988;37989; 39120;39121;  
37990;37991; 39122;39123;  
37992;37993; 39124;39125;  
37994;37995; 39126;39127;  
37996;37997; 39128;39129;  
37998;37999; 39130;39131;  
38000;38001; 39132;39133;  
38002;38003; 39134;39135;  
38004;38005; 39136;39137;  
38006;38007; 39138;39139;  
38008;38009; 39140;39141;  
38010;38011; 39142;39143;  
38012;38013; 39144;39145;  
38014;38015; 39146;39147;  
38016;38017; 39148;39149;  
38018;38019; 39150;39151;  
38020;38021; 39152;39153;  
38022;38023; 39154;39155;  
38024;38025; 39156;39157;  
38026;38027; 39158;39159;  
38028;38029; 39160;39161;  
38030;38031; 39162;39163;  
38032;38033; 39164;39165;  
38034;38035; 39166;39167;  
38036;38037; 39168;39169;  
38038;38039; 39170;39171;  
38040;38041; 39172;39173;  
38042;38043; 39174;39175;  
38044;38045; 39176;39177;  
38046;38047; 39178;39179;  
38048;38049; 39180;39181;  
38050;38051; 39182;39183;  
38052;38053; 39184;39185;  
38054;38055; 39186;39187;  
38056;38057; 39188;39189;  
38058;38059; 39190;39191;  
38060;38061; 39192;39193;  
38062;38063; 39194;39195;  
38064;38065; 39196;39197;  
38066;38067; 39198;39199;  
38068;38069; 39200;39201;  
38070;38071; 39202;39203;  
38072;38073; 39204;39205;  
38074;38075; 39206;39207;  
38076;38077; 39208;39209;  
38078;38079; 39210;39211;  
38080;38081; 39212;39213;

38082;38083; 39214;39215;  
38084;38085; 39216;39217;  
38086;38087; 39218;39219;  
38088;38089; 39220;39221;  
38090;38091; 39222;39223;  
38092;38093; 39224;39225;  
38094;38095; 39226;39227;  
38096;38097; 39228;39229;  
38098;38099; 39230;39231;  
38100;38101; 39232;39233;  
38102;38103; 39234;39235;  
38104;38105; 39236;39237;  
38106;38107; 39238;39239;  
38108;38109; 39240;39241;  
38110;38111; 39242;39243;  
38112;38113; 39244;39245;  
38114;38115; 39246;39247;  
38116;38117; 39248;39249;  
38118;38119; 39250;39251;  
38120;38121; 39252;39253;  
38122;38123; 39254;39255;  
38124;38125; 39256;39257;  
38126;38127; 39258;39259;  
38128;38129; 39260;39261;  
38130;38131; 39262;39263;  
38132;38133; 39264;39265;  
38134;38135; 39266;39267;  
38136;38137; 39268;39269;  
38138;38139; 39270;39271;  
38140;38141; 39272;39273;  
38142;38143; 39274;39275;  
38144;38145; 39276;39277;  
38146;38147; 39278;39279;  
38148;38149; 39280;39281;  
38150;38151; 39282;39283;  
38152;38153; 39284;39285;  
38154;38155; 39286;39287;  
38156;38157; 39288;39289;  
38158;38159; 39290;39291;  
38160;38161; 39292;39293;  
38162;38163; 39294;39295;  
38164;38165; 39296;39297;  
38166;38167; 39298;39299;  
38168;38169; 39300;39301;  
38170;38171; 39302;39303;  
38172;38173; 39304;39305;  
38174;38175; 39306;39307;  
38176;38177; 39308;39309;  
38178;38179; 39310;39311;  
38180;38181; 39312;39313;  
38182;38183; 39314;39315;  
38184;38185; 39316;39317;  
38186;38187; 39318;39319;

38188;38189; 39320;39321;  
38190;38191; 39322;39323;  
38192;38193; 39324;39325;  
38194;38195; 39326;39327;  
38196;38197; 39328;39329;  
38198;38199; 39330;39331;  
38200;38201; 39332;39333;  
38202;38203; 39334;39335;  
38204;38205; 39336;39337;  
38206;38207; 39338;39339;  
38208;38209; 39340;39341;  
38210;38211; 39342;39343;  
38212;38213; 39344;39345;  
38214;38215; 39346;39347;  
38216;38217; 39348;39349;  
38218;38219; 39350;39351;  
38220;38221; 39352;39353;  
38222;38223; 39354;39355;  
38224;38225; 39356;39357;  
38226;38227; 39358;39359;  
38228;38229; 39360;39361;  
38230;38231; 39362;39363;  
38232;38233; 39364;39365;  
38234;38235; 39366;39367;  
38236;38237; 39368;39369;  
38238;38239; 39370;39371;  
38240;38241; 39372;39373;  
38242;38243; 39374;39375;  
38244;38245; 39376;39377;  
38246;38247; 39378;39379;  
38248;38249; 39380;39381;  
38250;38251; 39382;39383;  
38252;38253; 39384;39385;  
38254;38255; 39386;39387;  
38256;38257; 39388;39389;  
38258;38259; 39390;39391;  
38260;38261; 39392;39393;  
38262;38263; 39394;39395;  
38264;38265; 39396;39397;  
38266;38267; 39398;39399;  
38268;38269; 39400;39401;  
38270;38271; 39402;39403;  
38272;38273; 39404;39405;  
38274;38275; 39406;39407;  
38276;38277; 39408;39409;  
38278;38279; 39410;39411;  
38280;38281; 39412;39413;  
38282;38283; 39414;39415;  
38284;38285; 39416;39417;  
38286;38287; 39418;39419;  
38288;38289; 39420;39421;  
38290;38291; 39422;39423;  
38292;38293; 39424;39425;

38294;38295; 39426;39427;  
38296;38297; 39428;39429;  
38298;38299; 39430;39431;  
38300;38301; 39432;39433;  
38302;38303; 39434;39435;  
38304;38305; 39436;39437;  
38306;38307; 39438;39439;  
38308;38309; 39440;39441;  
38310;38311; 39442;39443;  
38312;38313; 39444;39445;  
38314;38315; 39446;39447;  
38316;38317; 39448;39449;  
38318;38319; 39450;39451;  
38320;38321; 39452;39453;  
38322;38323; 39454;39455;  
38324;38325; 39456;39457;  
38326;38327; 39458;39459;  
38328;38329; 39460;39461;  
38330;38331; 39462;39463;  
38332;38333; 39464;39465;  
38334;38335; 39466;39467;  
38336;38337; 39468;39469;  
38338;38339; 39470;39471;  
38340;38341; 39472;39473;  
38342;38343; 39474;39475;  
38344;38345; 39476;39477;  
38346;38347; 39478;39479;  
38348;38349; 39480;39481;  
38350;38351; 39482;39483;  
38352;38353; 39484;39485;  
38354;38355; 39486;39487;  
38356;38357; 39488;39489;  
38358;38359; 39490;39491;  
38360;38361; 39492;39493;  
38362;38363; 39494;39495;  
38364;38365; 39496;39497;  
38366;38367; 39498;39499;  
38368;38369; 39500;39501;  
38370;38371; 39502;39503;  
38372;38373; 39504;39505;  
38374;38375; 39506;39507;  
38376;38377; 39508;39509;  
38378;38379; 39510;39511;  
38380;38381; 39512;39513;  
38382;38383; 39514;39515;  
38384;38385; 39516;39517;  
38386;38387; 39518;39519;  
38388;38389; 39520;39521;  
38390;38391; 39522;39523;  
38392;38393; 39524;39525;  
38394;38395; 39526;39527;  
38396;38397; 39528;39529;  
38398;38399; 39530;39531;

38400;38401; 39532;39533;  
38402;38403; 39534;39535;  
38404;38405; 39536;39537;  
38406;38407; 39538;39539;  
38408;38409; 39540;39541;  
38410;38411; 39542;39543;  
38412;38413; 39544;39545;  
38414;38415; 39546;39547;  
38416;38417; 39548;39549;  
38418;38419; 39550;39551;  
38420;38421; 39552;39553;  
38422;38423; 39554;39555;  
38424;38425; 39556;39557;  
38426;38427; 39558;39559;  
38428;38429; 39560;39561;  
38430;38431; 39562;39563;  
38432;38433; 39564;39565;  
38434;38435; 39566;39567;  
38436;38437; 39568;39569;  
38438;38439; 39570;39571;  
38440;38441; 39572;39573;  
38442;38443; 39574;39575;  
38444;38445; 39576;39577;  
38446;38447; 39578;39579;  
38448;38449; 39580;39581;  
38450;38451; 39582;39583;  
38452;38453; 39584;39585;  
38454;38455; 39586;39587;  
38456;38457; 39588;39589;  
38458;38459; 39590;39591;  
38460;38461; 39592;39593;  
38462;38463; 39594;39595;  
38464;38465; 39596;39597;  
38466;38467; 39598;39599;  
38468;38469; 39600;39601;  
38470;38471; 39602;39603;  
38472;38473; 39604;39605;  
38474;38475; 39606;39607;  
38476;38477; 39608;39609;  
38478;38479; 39610;39611;  
38480;38481; 39612;39613;  
38482;38483; 39614;39615;  
38484;38485; 39616;39617;  
38486;38487; 39618;39619;  
38488;38489; 39620;39621;  
38490;38491; 39622;39623;  
38492;38493; 39624;39625;  
38494;38495; 39626;39627;  
38496;38497; 39628;39629;  
38498;38499; 39630;39631;  
38500;38501; 39632;39633;  
38502;38503; 39634;39635;  
38504;38505; 39636;39637;

38506;38507; 39638;39639;  
38508;38509; 39640;39641;  
38510;38511; 39642;39643;  
38512;38513; 39644;39645;  
38514;38515; 39646;39647;  
38516;38517; 39648;39649;  
38518;38519; 39650;39651;  
38520;38521; 39652;39653;  
38522;38523; 39654;39655;  
38524;38525; 39656;39657;  
38526;38527; 39658;39659;  
38528;38529; 39660;39661;  
38530;38531; 39662;39663;  
38532;38533; 39664;39665;  
38534;38535; 39666;39667;  
38536;38537; 39668;39669;  
38538;38539; 39670;39671;  
38540;38541; 39672;39673;  
38542;38543; 39674;39675;  
38544;38545; 39676;39677;  
38546;38547; 39678;39679;  
38548;38549; 39680;39681;  
38550;38551; 39682;39683;  
38552;38553; 39684;39685;  
38554;38555; 39686;39687;  
38556;38557; 39688;39689;  
38558;38559 39690;39691;  
39692;39693;  
39694;39695;  
39696;39697;  
39698;39699;  
39700;39701;  
39702;39703;  
39704;39705;  
39706;39707;  
39708;39709;  
39710;39711;  
39712;39713;  
39714;39715;  
39716;39717;  
39718;39719;  
39720;39721;  
39722;39723;  
39724;39725;  
39726;39727;  
39728;39729;  
39730;39731;  
39732;39733;  
39734;39735;  
39736;39737;  
39738;39739;  
39740;39741;  
39742;39743;



39849;39850;  
39851;39852;  
39853;39854;  
39855;39856;  
39857;39858;  
39859;39860;  
39861;39862;  
39863;39864;  
39865;39866;  
39867;39868;  
39869;39870;  
39871;39872;  
39873;39874;  
39875;39876;  
39877;39878;  
39879;39880;  
39881;39882;  
39883;39884;  
39885;39886;  
39887;39888;  
39889;39890;  
39891;39892;  
39893;39894;  
39895;39896;  
39897;39898;  
39899;39900;  
39901;39902;  
39903;39904;  
39905;39906;  
39907;39908;  
39909;39910;  
39911;39912;  
39913;39914;  
39915;39916;  
39917;39918;  
39919;39920;  
39921;39922;  
39923;39924;  
39925;39926;  
39927

NNGDG 19 1866.798 A1XF92 crtac1a 2 4.64E-07 84.566 54811000 1187 108

SFSDVA  
SAAGV  
EDR

38594;38595;  
38596;38597;  
38598;38599;  
38600;38601;  
38602;38603;  
38604;38605;  
38606;38607;  
38608;38609;  
38610;38611;  
38612;38613;  
38614;38615  
39928;39929;  
39930;39931;  
39932;39933;  
39934;39935;  
39936;39937;  
39938;39939;  
39940;39941



NNMDT QTDIIV HLPR	15	1765.878	Q6DG30	serpinb1		2;3	7.68E-30	150.06	69114000	1188	394	38616;38617; 38618;38619; 38620;38621; 38622;38623; 38624;38625; 38626;38627; 38628	39942;39943; 39944;39945; 39946;39947; 39948;39949; 39950;39951; 39952;39953; 39954
NNVAA GYDIAL LR	13	1388.741	Q6AZC0	zgc:9204 1		2	7.32E-20	146.11	4.86E+08	1189	393	38629;38630; 38631;38632; 38633;38634; 38635;38636; 38637;38638; 38639;38640; 38641;38642; 38643;38644; 38645;38646; 38647;38648; 38649;38650; 38651;38652; 38653;38654; 38655;38656; 38657;38658; 38659;38660; 38661;38662; 38663;38664; 38665;38666; 38667;38668; 38669;38670; 38671;38672; 38673;38674; 38675;38676; 38677;38678; 38679;38680; 38681;38682; 38683;38684; 38685	39955;39956; 39957;39958; 39959;39960; 39961;39962; 39963;39964; 39965;39966; 39967;39968; 39969;39970; 39971;39972; 39973;39974; 39975;39976; 39977;39978; 39979;39980; 39981;39982; 39983;39984; 39985;39986; 39987;39988; 39989;39990; 39991;39992; 39993;39994; 39995;39996; 39997;39998; 39999;40000; 40001;40002
NNVAIE PLSAPG K	13	1308.704	E7EYE1;A0A0 R4IER4;A0AOR 4INP3;A0AOR4 IJB9	CR84797 3.1	2	0.025144	71.221	16412000	1190	48	1279	40003;40004	
NPDEIQ PNKEPE NIPVGT NPR	21	2357.161	Q8AYE3	serpincl		3	0.000557	47.32	35156000	1191	454	38690;38691; 38692;38693; 38694;38695; 38696	40005;40006; 40007
NPFDDP DAPEKP EIK	15	1692.836	A5X6X5;Q801 W8;F1R7N8;F1 QZQ0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2;3	0.000121	97.904	90591000	1192	332; 139	1281	40008;40009; 40010;40011	
NPNGD EGLEH WDLTE NGGNQ WR	22	2537.096	B0BLX4	zgc:1750 88	3	0.000297	40.81	12348000	1193	174	1282	40012;40013	

NPNYDS	17	2037.935	Q7SX90;F1R89	prss59.1	2;3	0	379.44	3.33E+09	1194	333	38713;38714;	40014;40015;
WDLDS			4;F8W3C3								38715;38716;	40016;40017;
DIMLIK											38717;38718;	40018;40019;
											38719;38720;	40020;40021;
											38721;38722;	40022;40023;
											38723;38724;	40024;40025;
											38725;38726;	40026;40027;
											38727;38728;	40028;40029;
											38729;38730;	40030;40031;
											38731;38732;	40032;40033;
											38733;38734;	40034;40035;
											38735;38736;	40036;40037;
											38737;38738;	40038;40039;
											38739;38740;	40040;40041;
											38741;38742;	40042;40043;
											38743;38744;	40044;40045;
											38745;38746;	40046;40047;
											38747;38748;	40048;40049;
											38749;38750;	40050;40051;
											38751;38752;	40052;40053;
											38753;38754;	40054;40055;
											38755;38756;	40056;40057;
											38757;38758;	40058;40059;
											38759;38760;	40060;40061;
											38761;38762;	40062;40063;
											38763;38764;	40064;40065;
											38765;38766;	40066;40067;
											38767;38768;	40068;40069;
											38769;38770;	40070;40071;
											38771;38772;	40072;40073;
											38773;38774;	40074;40075;
											38775;38776;	40076;40077;
											38777;38778;	40078;40079;
											38779;38780;	40080;40081;
											38781;38782;	40082;40083;
											38783;38784;	40084;40085;
											38785;38786;	40086;40087;
											38787;38788;	40088;40089;
											38789;38790;	40090;40091;
											38791;38792;	40092;40093;
											38793;38794;	40094;40095;
											38795;38796;	40096;40097;
											38797;38798;	40098;40099;
											38799;38800;	40100;40101;
											38801;38802;	40102;40103;
											38803;38804;	40104;40105;
											38805;38806;	40106;40107;
											38807;38808;	40108;40109;
											38809;38810;	40110;40111;
											38811;38812;	40112;40113;
											38813;38814;	40114;40115;
											38815;38816;	40116;40117;
											38817;38818;	40118;40119;

38819;38820; 40120;40121;  
38821;38822; 40122;40123;  
38823;38824; 40124;40125;  
38825;38826; 40126;40127;  
38827;38828; 40128;40129;  
38829;38830; 40130;40131;  
38831;38832; 40132;40133;  
38833;38834; 40134;40135;  
38835;38836; 40136;40137;  
38837;38838; 40138;40139;  
38839;38840; 40140;40141;  
38841;38842; 40142;40143;  
38843;38844; 40144;40145;  
38845;38846; 40146;40147;  
38847;38848; 40148;40149;  
38849;38850; 40150;40151;  
38851;38852; 40152;40153;  
38853;38854; 40154;40155;  
38855;38856; 40156;40157;  
38857;38858; 40158;40159;  
38859;38860; 40160;40161;  
38861;38862; 40162;40163;  
38863;38864; 40164;40165;  
38865;38866; 40166;40167;  
38867;38868; 40168;40169;  
38869;38870; 40170;40171;  
38871;38872; 40172;40173;  
38873;38874; 40174;40175;  
38875;38876; 40176;40177;  
38877;38878; 40178;40179;  
38879;38880; 40180;40181;  
38881;38882; 40182;40183;  
38883;38884; 40184;40185;  
38885;38886; 40186;40187;  
38887;38888; 40188;40189;  
38889;38890; 40190;40191;  
38891;38892; 40192;40193;  
38893;38894; 40194;40195;  
38895;38896; 40196;40197;  
38897;38898; 40198;40199;  
38899;38900; 40200;40201;  
38901;38902; 40202;40203;  
38903;38904; 40204;40205;  
38905;38906; 40206;40207;  
38907;38908; 40208;40209;  
38909;38910; 40210;40211;  
38911;38912; 40212;40213;  
38913;38914; 40214;40215;  
38915;38916; 40216;40217;  
38917;38918; 40218;40219;  
38919;38920; 40220;40221;  
38921;38922; 40222;40223;  
38923;38924; 40224;40225;

38925;38926; 40226;40227;  
38927;38928; 40228;40229;  
38929;38930; 40230;40231;  
38931;38932; 40232;40233;  
38933;38934; 40234;40235;  
38935;38936; 40236;40237;  
38937;38938; 40238;40239;  
38939;38940; 40240;40241;  
38941;38942; 40242;40243;  
38943;38944; 40244;40245;  
38945;38946; 40246;40247;  
38947;38948; 40248;40249;  
38949;38950; 40250;40251;  
38951;38952; 40252;40253;  
38953;38954; 40254;40255;  
38955;38956; 40256;40257;  
38957;38958; 40258;40259;  
38959;38960; 40260;40261;  
38961;38962; 40262;40263;  
38963;38964; 40264;40265;  
38965;38966; 40266;40267;  
38967;38968; 40268;40269;  
38969;38970; 40270;40271;  
38971;38972; 40272;40273;  
38973;38974; 40274;40275;  
38975;38976; 40276;40277;  
38977;38978; 40278;40279;  
38979;38980; 40280;40281;  
38981;38982; 40282;40283;  
38983;38984; 40284;40285;  
38985;38986; 40286;40287;  
38987;38988; 40288;40289;  
38989;38990; 40290;40291;  
38991;38992; 40292;40293;  
38993;38994; 40294;40295;  
38995;38996; 40296;40297;  
38997;38998; 40298;40299;  
38999;39000; 40300;40301;  
39001;39002; 40302;40303;  
39003;39004; 40304;40305;  
39005;39006; 40306;40307;  
39007;39008; 40308;40309;  
39009;39010; 40310;40311;  
39011;39012; 40312;40313;  
39013;39014; 40314;40315;  
39015;39016; 40316;40317;  
39017;39018; 40318;40319;  
39019;39020; 40320;40321;  
39021;39022; 40322;40323;  
39023;39024; 40324;40325;  
39025;39026; 40326;40327;  
39027;39028; 40328;40329;

NPNYDS 17 2023.956 E7FBA9;F8W4J prss59.2 2;3 0 318.49 1.59E+09 1195 263  
WTIDSD  
IMLIK

39029;39030; 40330;40331;  
39031;39032 40332  
39033;39034; 40333;40334;  
39035;39036; 40335;40336;  
39037;39038; 40337;40338;  
39039;39040; 40339;40340;  
39041;39042; 40341;40342;  
39043;39044; 40343;40344;  
39045;39046; 40345;40346;  
39047;39048; 40347;40348;  
39049;39050; 40349;40350;  
39051;39052; 40351;40352;  
39053;39054; 40353;40354;  
39055;39056; 40355;40356;  
39057;39058; 40357;40358;  
39059;39060; 40359;40360;  
39061;39062; 40361;40362;  
39063;39064; 40363;40364;  
39065;39066; 40365;40366;  
39067;39068; 40367;40368;  
39069;39070; 40369;40370;  
39071;39072; 40371;40372;  
39073;39074; 40373;40374;  
39075;39076; 40375;40376;  
39077;39078; 40377;40378;  
39079;39080; 40379;40380;  
39081;39082; 40381;40382;  
39083;39084; 40383;40384;  
39085;39086; 40385;40386;  
39087;39088; 40387;40388;  
39089;39090; 40389;40390;  
39091;39092; 40391;40392;  
39093;39094; 40393;40394;  
39095;39096; 40395;40396;  
39097;39098; 40397;40398;  
39099;39100; 40399;40400;  
39101;39102; 40401;40402;  
39103;39104; 40403;40404;  
39105;39106; 40405;40406;  
39107;39108; 40407;40408;  
39109;39110; 40409;40410;  
39111;39112; 40411;40412;  
39113;39114; 40413;40414;  
39115;39116; 40415;40416;  
39117;39118; 40417;40418;  
39119;39120; 40419;40420;  
39121;39122; 40421;40422;  
39123;39124; 40423;40424;  
39125;39126; 40425;40426;  
39127;39128; 40427;40428;  
39129;39130; 40429;40430;  
39131;39132; 40431;40432;  
39133;39134; 40433;40434;

39135;39136; 40435;40436;  
39137;39138; 40437;40438;  
39139;39140; 40439;40440;  
39141;39142; 40441;40442;  
39143;39144; 40443;40444;  
39145;39146; 40445;40446;  
39147;39148; 40447;40448;  
39149;39150; 40449;40450;  
39151;39152; 40451;40452;  
39153;39154; 40453;40454;  
39155;39156; 40455;40456;  
39157;39158; 40457;40458;  
39159;39160; 40459;40460;  
39161;39162; 40461;40462;  
39163;39164; 40463;40464;  
39165;39166; 40465;40466;  
39167;39168; 40467;40468;  
39169;39170; 40469;40470;  
39171;39172; 40471;40472;  
39173;39174; 40473;40474;  
39175;39176; 40475;40476;  
39177;39178; 40477;40478;  
39179;39180; 40479;40480;  
39181;39182; 40481;40482;  
39183;39184; 40483;40484;  
39185;39186; 40485;40486;  
39187;39188; 40487;40488;  
39189;39190; 40489;40490;  
39191;39192; 40491;40492;  
39193;39194; 40493;40494;  
39195;39196; 40495;40496;  
39197;39198; 40497;40498;  
39199;39200; 40499;40500;  
39201;39202; 40501;40502;  
39203;39204; 40503;40504;  
39205;39206; 40505;40506;  
39207;39208; 40507;40508;  
39209;39210; 40509;40510;  
39211;39212; 40511;40512;  
39213;39214; 40513;40514;  
39215;39216; 40515;40516;  
39217;39218; 40517;40518;  
39219;39220; 40519;40520;  
39221;39222; 40521;40522;  
39223;39224; 40523;40524;  
39225;39226; 40525;40526;  
39227;39228; 40527;40528;  
39229;39230; 40529;40530;  
39231;39232; 40531;40532;  
39233;39234; 40533;40534;  
39235;39236; 40535;40536;  
39237;39238; 40537;40538;  
39239;39240; 40539;40540;

NPPDIT GQSSPT K	13	1340.657	E9QC94;E7F7T 2	mpzll1	2	6.72E-05	109.6	2.28E+08	1196	254
-----------------------	----	----------	-------------------	--------	---	----------	-------	----------	------	-----

39241;39242; 40541;40542;  
 39243;39244; 40543;40544;  
 39245;39246; 40545;40546;  
 39247;39248; 40547;40548;  
 39249;39250; 40549;40550;  
 39251;39252; 40551;40552;  
 39253;39254; 40553;40554;  
 39255;39256; 40555;40556;  
 39257;39258; 40557;40558;  
 39259;39260; 40559;40560;  
 39261;39262; 40561;40562;  
 39263;39264; 40563;40564;  
 39265;39266; 40565;40566;  
 39267;39268; 40567;40568;  
 39269;39270; 40569;40570;  
 39271;39272; 40571;40572;  
 39273;39274; 40573;40574;  
 39275;39276; 40575;40576;  
 39277;39278; 40577;40578;  
 39279;39280; 40579;40580;  
 39281;39282; 40581;40582;  
 39283;39284;  
 39285;39286;  
 39287;39288;  
 39289;39290;  
 39291;39292;  
 39293;39294;  
 39295;39296;  
 39297;39298;  
 39299;39300;  
 39301;39302;  
 39303;39304;  
 39305;39306;  
 39307;39308;  
 39309;39310;  
 39311;39312;  
 39313;39314;  
 39315;39316;  
 39317;39318;  
 39319;39320  
 39321;39322; 40583;40584;  
 39323;39324; 40585;40586;  
 39325;39326; 40587;40588;  
 39327;39328; 40589;40590;  
 39329;39330; 40591;40592;  
 39331;39332; 40593;40594;  
 39333;39334; 40595;40596;  
 39335;39336; 40597;40598;  
 39337;39338; 40599  
 39339;39340;  
 39341;39342;  
 39343;39344;  
 39345

NQFEPP DAPNVP R	13	1479.711	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46	ttnb		2	0.028541	49.35	0	1197	140	39346	40600
NQIISD DILAQP NAIR	16	1779.948	A0A0R4IVL1; A0A0R4IVD8; E0AE56;A0A0 R4IAG0;A0A0 R4IYF9	lrp2a		2	6.73E-05	124.1	64344000	1198	33	39347;39348; 39349;39350; 39351;39352; 39353;39354; 39355;39356; 39357;39358; 39359;39360; 39361;39362; 39363;39364; 39365;39366; 39367;39368; 39369;39370	40601;40602; 40603;40604; 40605;40606; 40607;40608; 40609;40610; 40611;40612; 40613;40614; 40615;40616; 40617;40618; 40619;40620; 40621;40622; 40623
NQILNL TTDNA NILLQI DNAR NQYDN DVTWV SPQGR NSEWV GFDTK	21	2366.255	CON__P13645		3	0.001641	35.992	17437000	1199	227	1290	40624;40625; 40626	
NQYDN DVTWV SPQGR NSEWV GFDTK	15	1777.802	Q6DGX8	psma1	Proteasome subunit alpha type	2	0.001466	79.82	4279500	1200	399	39378;39379	40627;40628
NSEWV GFDTK	10	1181.535	Q803B7;Q6P00 6;B5DDE1;Q6N ZZ8	chia.2;chi a.3	2	6.66E-18	165.15	92395000	1201	414	1292	40629;40630; 40631	
NSGSSC IGTDPN R	13	1350.583	Q6NWD1;F1QJ N9;A0A0R4IL M4;A8KBB2	cpb1		2	1.13E-56	214.82	1.84E+08	1202	308	39389;39390; 39391;39392; 39393;39394; 39395;39396; 39397;39398; 39399;39400; 39401;39402; 39403;39404; 39405;39406; 39407;39408; 39409;39410; 39411;39412	40632;40633; 40634;40635; 40636;40637; 40638;40639; 40640;40641; 40642;40643; 40644;40645; 40646;40647; 40648;40649; 40650;40651; 40652;40653; 40654;40655; 40656;40657; 40658;40659; 40660;40661; 40662;40663; 40664;40665; 40666;40667; 40668
NSIEGY SAPEGP YDPVV R	18	1948.917	F1QEC9;A9JSV 0	tyrp1a		2	1.6E-09	93.494	71757000	1203	168	39413;39414; 39415;39416; 39417;39418; 39419;39420; 39421	40669;40670; 40671;40672; 40673
NSWGS GWGEN GFFR	14	1599.686	Q6P2V1;A0A0 R4IK18;A0A0R 4IBK4	ctsc		2	0.002141	73.632	8357400	1204	40	39422;39423; 39424	40674



NSYPG MITDT MFCAG YLEGG K	21	2298.001	E7FBA9;F8W4J 1	prss59.2		2;3	4.63E-14	89.541	25316000	1205	263	39425;39426; 39427;39428; 39429;39430; 39431;39432; 39433;39434; 39435;39436; 39437;39438	40675;40676; 40677;40678; 40679;40680; 40681;40682; 40683;40684; 40685;40686; 40687;40688; 40689;40690
NTENDP SLTEMV DVAIK	17	1874.893	Q7ZTV9;E7F9 U9;K4KG66;F1 Q5B5	alpl	Alkaline phosphatase	2	0.012898	73.219	8580600	1206	262	39439;39440; 39441;39442; 39443	40691
NTGMV MNLTD LK	12	1335.653	A5PKS5;Q6B32 4	pts	6-pyruvoyl tetrahydrobiopteri n synthase	2	5.41E-46	175.33	4.87E+08	1207	133	39444;39445; 39446;39447; 39448;39449; 39450;39451; 39452;39453; 39454;39455; 39456;39457; 39458;39459; 39460;39461; 39462;39463; 39464;39465; 39466;39467; 39468;39469; 39470;39471; 39472;39473; 39474;39475	40692;40693; 40694;40695; 40696;40697; 40698;40699; 40700;40701; 40702;40703; 40704;40705; 40706;40707; 40708;40709
NTPDVE YPGDK	11	1233.551	Q7ZTV9;E7F9 U9;K4KG66;F1 Q5B5	alpl	Alkaline phosphatase	2	0.006989	82.261	5.96E+08	1208	262	39476;39477; 39478;39479; 39480;39481; 39482;39483; 39484;39485; 39486;39487; 39488;39489; 39490;39491; 39492;39493; 39494;39495; 39496;39497; 39498;39499; 39500;39501; 39502;39503; 39504;39505	40710;40711; 40712;40713; 40714;40715; 40716;40717; 40718;40719; 40720;40721; 40722;40723; 40724;40725; 40726;40727; 40728;40729
NVDMP SDSQR	10	1147.493	F1RBR6;Z4YJ5 8	pter		2	0.000616	107.57	1.85E+08	1209	338	39506;39507; 39508;39509; 39510;39511; 39512;39513; 39514;39515; 39516;39517; 39518;39519; 39520	40730;40731; 40732;40733; 40734;40735; 40736;40737; 40738;40739; 40740;40741
NVNGV NFVSPV R	12	1300.689	Q6P2V1;A0A0 R4IK18;A0A0R 4IBK4	ctsc		2	4.77E-09	111.06	4.35E+08	1210	40	39521;39522; 39523;39524; 39525;39526;	40742;40743; 40744;40745; 40746;40747;

NVNQA LLDLHK	11	1263.694	Q6DHT8;E7FG K8;Q504E2;F1 R225;F1R0Z1;E 7FGI6;A8KKBK3 ;A7YYB6;E7E XI4;F1R872;B7 ZVS7;A8WGK 2;A7MCB0	zgc:9206 6;zgc:109 934;zgc:1 73594;L OC55881 6;BX511 021.4;zgc :173593; wu:fj24c 01	Ferritin	2;3	4.12E-05	140.88	1.42E+09	1211	277	39527;39528; 39529;39530; 39531;39532; 39533;39534; 39535;39536; 39537;39538; 39539;39540; 39541;39542; 39543;39544; 39545;39546; 39547;39548; 39549 39550;39551; 39552;39553; 39554;39555; 39556;39557; 39558;39559; 39560;39561; 39562;39563; 39564;39565; 39566;39567; 39568;39569; 39570;39571; 39572;39573; 39574;39575; 39576;39577; 39578;39579; 39580;39581; 39582;39583; 39584;39585; 39586;39587; 39588;39589; 39590;39591; 39592;39593; 39594;39595; 39596;39597; 39598;39599; 39600;39601; 39602;39603; 39604;39605; 39606 40748;40749; 40750;40751; 40752;40753; 40754;40755; 40756;40757; 40758;40759; 40760;40761; 40762 40763;40764; 40765;40766; 40767;40768; 40769;40770; 40771;40772; 40773;40774; 40775;40776; 40777;40778; 40779;40780; 40781;40782; 40783;40784; 40785;40786; 40787;40788; 40789;40790; 40791;40792; 40793;40794; 40795;40796; 40797;40798; 40799;40800; 40801;40802; 40803;40804; 40805;40806; 40807;40808; 40809
NVNYV NAYAE FVEPHK NVQDAI ADAEQ R	16	1892.906	Q7T2C8;A8WG N7;Q800Q8	txnrd1;tx nrd3	2;3	0.000276	74.141	12362000	1212	164	1304	40810;40811
NVSHTF TDYGP GLR	12	1328.632	CON__P35908		2	0.001993	83.081	27082000	1213	231	1305	40812;40813
NVSTG DVNVE	14	1562.748	B0BLX4;A3KP 76	zgc:1750 88	2;3	2.85E-17	140.78	72584000	1214	174	1306	40814;40815; 40816;40817; 40818;40819; 40820;40821 40822;40823; 40824;40825;
	27	2871.386	CON__P13645		2;3	7.32E-58	99.387	79786000	1215	227	1307;1308	

MNAAP GVDLT QLLNN MR												40826;40827; 40828;40829; 40830;40831; 40832;40833; 40834;40835	
NVVDLI K	7	799.4804	Q6GMH9;F1Q RY2	cpa4		2	0.039648	84.244	3.78E+08	1216	314	39642;39643; 39644;39645; 39646;39647; 39648;39649; 39650;39651; 39652;39653; 39654;39655; 39656;39657; 39658;39659; 39660;39661; 39662	40836;40837; 40838;40839; 40840;40841; 40842;40843; 40844;40845
NVVHA SDSVEG AQR	14	1467.707	E9QH32;Q7ZUI 5;A8E5L8;F1R2 F7	nme4	Nucleoside diphosphate kinase	2;3	1.23E-67	145.71	46966000	1217	158	39663;39664; 39665;39666; 39667;39668; 39669;39670; 39671;39672; 39673;39674; 39675;39676; 39677;39678; 39679;39680; 39681;39682; 39683;39684	40846;40847; 40848;40849; 40850;40851; 40852
NVVTMI DAPSQV DVR	15	1642.835	A2BDW2;F1R5 T0;Q4FAI8;E9 QHI1;F1QYE2; B3DJP3	tnc		2	8.69E-29	144.1	2.64E+08	1218	109	39685;39686; 39687;39688; 39689;39690; 39691;39692; 39693;39694; 39695;39696; 39697;39698; 39699;39700; 39701;39702; 39703;39704; 39705;39706; 39707;39708; 39709;39710; 39711;39712; 39713;39714; 39715;39716; 39717;39718; 39719;39720; 39721;39722	40853;40854; 40855;40856; 40857;40858; 40859;40860; 40861;40862; 40863;40864; 40865;40866; 40867;40868; 40869;40870; 40871;40872; 40873;40874; 40875;40876; 40877;40878; 40879;40880; 40881;40882; 40883;40884; 40885;40886; 40887;40888; 40889;40890; 40891;40892
NWDAG FGGGGS SNNPCT ETYR	21	2232.913	Q6NZS0;Q6PH V5;Q90WI2	cpa5		2	1.81E-09	81.311	29873000	1219	413	39723;39724; 39725;39726; 39727;39728; 39729;39730; 39731;39732; 39733	40893;40894; 40895;40896

NWDAG FGGPGA SK	13	1262.568	Q6GMH9;F1Q RY2	cpa4		1;2	3.64E-48	167.18	1.34E+09	1220	314	39734;39735; 39736;39737; 39738;39739; 39740;39741; 39742;39743; 39744;39745; 39746;39747; 39748;39749; 39750;39751; 39752;39753; 39754;39755; 39756;39757; 39758;39759; 39760;39761; 39762;39763; 39764;39765; 39766;39767; 39768;39769; 39770;39771; 39772;39773; 39774;39775; 39776;39777; 39778;39779; 39780;39781; 39782;39783; 39784;39785; 39786;39787	40897;40898; 40899;40900; 40901;40902; 40903;40904; 40905;40906; 40907;40908; 40909;40910; 40911;40912; 40913;40914; 40915;40916; 40917;40918; 40919;40920; 40921;40922; 40923;40924; 40925;40926; 40927;40928; 40929;40930; 40931;40932; 40933;40934; 40935;40936; 40937;40938; 40939;40940; 40941;40942; 40943;40944; 40945;40946; 40947;40948; 40949;40950; 40951;40952; 40953;40954; 40955;40956; 40957;40958; 40959;40960
NWGSB SQTPQI QSIR	15	1737.855	Q567D9;Q52J16	cryba111		2;3	5.18E-60	187.97	4.37E+08	1221	376	39788;39789; 39790;39791; 39792;39793; 39794;39795; 39796;39797; 39798;39799; 39800;39801; 39802;39803; 39804;39805; 39806;39807; 39808;39809; 39810	40961;40962; 40963;40964; 40965;40966; 40967;40968; 40969;40970; 40971;40972; 40973;40974; 40975;40976; 40977;40978
NYGIPQ DVQWN DIDYM DR	18	2240.98	E7FCP7	LOC1003 32784	2	2.47E-09	89.629	49592000	1222	266	1315	40979;40980; 40981;40982	
NYSPPY NTIDDL K	13	1604.736	CON__P35527		2	4.98E-57	179.57	5.74E+08	1223	230	1316	40983;40984; 40985;40986; 40987;40988; 40989;40990; 40991;40992;	

												40993;40994; 40995;40996; 40997;40998; 40999;41000; 41001;41002; 41003;41004; 41005;41006; 41007;41008; 41009;41010; 41011;41012; 41013;41014; 41015;41016; 41017;41018; 41019;41020; 41021;41022; 41023;41024; 41025;41026; 41027;41028; 41029;41030; 41031;41032; 41033;41034; 41035;41036; 41037;41038 41039;41040; 41041;41042
NYSPYY NTIDDL KDQIVD LTVGN NK	25	2901.403	CON__P35527		3	0.001327	35.179	17065000	1224	230	1317	
NYTDE AIASDN DAIK	15	1638.737	Q6P0I2	psma8	Proteasome subunit alpha type	2;3	6.2E-187	299.09	1.3E+09	1225	416	39875;39876; 39877;39878; 39879;39880; 39881;39882; 39883;39884; 39885;39886; 39887;39888; 39889;39890; 39891;39892; 39893;39894; 39895;39896; 39897;39898; 39899;39900; 39901;39902; 39903;39904; 39905;39906; 39907;39908; 39909;39910; 39911;39912; 39913;39914; 39915;39916; 39917;39918; 39919;39920; 39921;39922; 41043;41044; 41045;41046; 41047;41048; 41049;41050; 41051;41052; 41053;41054; 41055;41056; 41057;41058; 41059;41060; 41061;41062; 41063;41064; 41065;41066; 41067;41068; 41069;41070; 41071;41072; 41073;41074; 41075;41076; 41077;41078; 41079

PAEFTV DAK	9	976.4866	F1R9P5;E9QI62	flna		2	1.85E-06	130.56	51232000	1226	335	39923;39924; 39925 39926;39927; 39928;39929; 39930;39931; 39932;39933; 39934	41080
PAPHW EGTAVI NGEFK	16	1751.863	A3KP44;F1QSP 8	prdx4		3	1.1E-15	109.55	77424000	1227	125	39935;39936; 39937;39938; 39939;39940; 39941;39942; 39943;39944; 39945;39946; 39947;39948	41081;41082; 41083;41084; 41085;41086
PEIAAA EINK	10	1054.566	Q5SPJ1;Q24JW 6;Q6P5I9;Q502 P5;Q5SPJ4;X1 WF94	serpina11; serpina1	2	2.11E-22	166.09	4.6E+08	1228	367; 418	1321	41087;41088; 41089;41090; 41091;41092; 41093;41094; 41095;41096; 41097;41098; 41099;41100; 41101;41102; 41103;41104; 41105	
PGFALA PNGR	10	998.5298	B6CS38	fbn2b		2	0.000291	111.04	3.25E+08	1229	204	39977;39978; 39979;39980; 39981;39982; 39983;39984; 39985;39986; 39987;39988; 39989;39990; 39991;39992; 39993;39994; 39995;39996; 39997;39998; 39999;40000; 40001;40002; 40003;40004	41106;41107; 41108;41109; 41110;41111; 41112;41113; 41114;41115; 41116;41117; 41118;41119; 41120;41121; 41122;41123; 41124;41125; 41126;41127; 41128;41129; 41130;41131; 41132;41133; 41134;41135; 41136;41137; 41138;41139; 41140;41141; 41142;41143; 41144 41145
PGFFGD PSR	9	978.4559	F1R5K7;B2RZI 0;F1RCP6;A0A 0R4IZA6;A0A0 R4IMY4;A0A0 R4IVZ2	hspg2		2	0.007778	96.492	95146000	1230	71	40005;40006; 40007;40008; 40009;40010; 40011;40012	
PIEEIVE K	8	955.5226	Q5BLA2;A9JR F7	si:ch211- 93f2.1	Carboxylic ester hydrolase	2	0.05191	84.743	1.22E+08	1231	379	40013;40014; 40015;40016; 40017;40018; 40019;40020;	41146

PIAEPV YGR	10	1113.618	A0A140LFY0; A0A0G2L836	2	1.34E-37	150.4	2.97E+08	1232	20	1325	40031;40032; 40033;40034; 40035;40036; 40037; 40038;40039; 40040; 40041;40042; 40043;40044; 40045; 40046;40047; 40048;40049; 40050; 40051;40052; 40053;40054; 40055	40021;40022; 40023;40024; 40025;40026; 40027;40028; 40029;40030	
PIYSAM HSDSR	11	1262.571	A7YYE8;Q6DG Y4	cryba1b	3	0.011217	42.809	13307000	1233	149;400	40056;40057; 40058;40059	41171;41172	
PLVCGG TSEAK	11	1104.549	Q7ZUH6	cst14a.2	2	0.001853	99.688	33537000	1234	439	40060;40061; 40062;40063; 40064;40065; 40066;40067; 40068;40069; 40070	41173;41174; 41175;41176; 41177;41178; 41179	
PMFVV NTNVA K	11	1218.643	Q0ZBR7	mif	2	4E-175	244.8	1.35E+09	1235	360	40071;40072; 40073;40074; 40075;40076; 40077;40078; 40079;40080; 40081;40082; 40083;40084; 40085;40086; 40087;40088; 40089;40090; 40091;40092; 40093;40094; 40095;40096; 40097;40098; 40099;40100; 40101;40102; 40103;40104; 40105;40106; 40107;40108; 40109;40110; 40111;40112; 40113;40114; 40115;40116; 40117;40118; 40119;40120;	41180;41181; 41182;41183; 41184;41185; 41186;41187; 41188;41189; 41190;41191; 41192;41193; 41194;41195; 41196;41197; 41198;41199; 41200;41201; 41202;41203; 41204;41205; 41206;41207; 41208;41209; 41210;41211; 41212;41213; 41214;41215; 41216;41217; 41218;41219; 41220;41221; 41222;41223; 41224;41225; 41226;41227; 41228;41229;	

PQSLTV SEGESV K	13	1359.688	F1R7N8;A5X6 X6;G1K2X0;Q7 ZZ46	ttna;ttnb		2	7.8E-38	162.26	3.81E+08	1236	332;140	40121;40122; 40123;40124; 40125;40126; 40127;40128; 40129;40130; 40131;40132; 40133;40134; 40135;40136; 40137;40138; 40139;40140; 40141;40142; 40143;40144; 40145;40146 40147;40148; 40149;40150; 40151;40152; 40153;40154; 40155;40156; 40157;40158; 40159;40160; 40161;40162; 40163;40164; 40165;40166; 40167;40168; 40169;40170; 40171;40172; 40173 40174;40175; 40176;40177; 40178;40179; 40180;40181; 40182;40183; 40184;40185; 40186;40187; 40188;40189; 40190;40191; 40192;40193; 40194;40195; 40196;40197; 40198	41230;41231; 41232;41233; 41234;41235; 41236;41237; 41238;41239; 41240;41241; 41242;41243; 41244;41245; 41246;41247; 41248;41249; 41250 41251;41252; 41253;41254; 41255;41256; 41257;41258; 41259;41260; 41261;41262; 41263;41264; 41265;41266; 41267;41268; 41269;41270; 41271;41272; 41273;41274; 41275
PSAEEQ YYGYD GAFR	15	1751.743	B8JL43;F1R858 ;Q6P3G0;Q567 C8;Q7SYA7;A8 WGJ5;E7FBJ1	tfa	Serotransferrin	2	6.7E-283	259.23	1.18E+08	1237	211	41276;41277; 41278;41279; 41280;41281; 41282;41283; 41284;41285; 41286;41287; 41288;41289; 41290;41291; 41292;41293; 41294;41295; 41296;41297; 41298;41299; 41300;41301; 41302;41303; 41304	
PTFIGTE PSLGVS R	14	1459.767	E9QFU8;E9QC Q6;F1QLF8;Q6 DG83	bcat2	Branched-chain- amino-acid aminotransferase	2	2.74E-05	105.86	1.2E+08	1238	283	40199;40200; 40201;40202; 40203;40204; 40205;40206; 40207;40208; 40209;40210; 40211;40212; 40213;40214; 40215;40216; 40217;40218; 40219;40220;	41305;41306; 41307;41308; 41309;41310; 41311;41312; 41313;41314; 41315;41316; 41317;41318; 41319;41320; 41321;41322; 41323;41324; 41325;41326;



PVLDTV LPQGN	11	1151.619	B3DFP9	apoa2		2	0.00285	94.114	18093000	1239	193	40221;40222; 40223 40224;40225; 40226	41327;41328; 41329 41330;41331
QALIAN DLGK	11	1155.625	Q568L9;A0A0R 4IPV1	alad	Delta- aminolevulinic acid dehydratase	2	0.013254	68.847	92895000	1240	78	40227;40228; 40229;40230; 40231;40232; 40233;40234; 40235;40236; 40237	41332;41333; 41334;41335; 41336;41337; 41338
QALINI GEILK	11	1210.729	Q6AXL2;Q6DG X0;Q3B7E4	hrsp12		2	0.000159	116.52	1.39E+09	1241	392	40238;40239; 40240;40241; 40242;40243; 40244;40245; 40246;40247; 40248;40249; 40250;40251; 40252;40253; 40254;40255; 40256;40257; 40258;40259; 40260;40261; 40262;40263; 40264;40265; 40266;40267; 40268;40269; 40270;40271; 40272;40273; 40274;40275; 40276;40277; 40278;40279; 40280;40281; 40282;40283; 40284;40285; 40286;40287; 40288;40289; 40290;40291; 40292;40293; 40294;40295; 40296;40297; 40298;40299; 40300;40301; 40302;40303; 40304;40305; 40306;40307; 40308;40309; 40310;40311; 40312;40313; 40314;40315; 40316;40317; 40318;40319; 40320;40321; 40322;40323;	41339;41340; 41341;41342; 41343;41344; 41345;41346; 41347;41348; 41349;41350; 41351;41352; 41353;41354; 41355;41356; 41357;41358; 41359;41360; 41361;41362; 41363;41364; 41365;41366; 41367;41368; 41369;41370; 41371;41372; 41373;41374; 41375;41376; 41377;41378; 41379;41380; 41381;41382; 41383;41384; 41385;41386; 41387;41388; 41389;41390; 41391;41392; 41393;41394; 41395;41396; 41397;41398; 41399;41400; 41401;41402; 41403;41404; 41405;41406; 41407;41408; 41409;41410; 41411;41412; 41413;41414; 41415;41416; 41417;41418; 41419;41420; 41421;41422; 41423;41424;

40324;40325; 41425;41426;  
40326;40327; 41427;41428;  
40328;40329; 41429;41430;  
40330;40331; 41431;41432;  
40332;40333; 41433;41434;  
40334;40335; 41435;41436;  
40336;40337; 41437;41438;  
40338;40339; 41439;41440;  
40340;40341; 41441;41442;  
40342;40343; 41443;41444;  
40344;40345; 41445;41446  
40346;40347;  
40348;40349;  
40350;40351;  
40352;40353;  
40354;40355;  
40356;40357;  
40358;40359;  
40360;40361;  
40362;40363;  
40364;40365;  
40366;40367;  
40368;40369;  
40370;40371;  
40372;40373;  
40374;40375;  
40376;40377;  
40378;40379;  
40380;40381;  
40382;40383;  
40384;40385;  
40386;40387;  
40388;40389;  
40390;40391;  
40392;40393;  
40394;40395;  
40396;40397;  
40398;40399;  
40400;40401;  
40402;40403;  
40404;40405;  
40406;40407;  
40408;40409;  
40410;40411;  
40412;40413;  
40414;40415;  
40416;40417;  
40418;40419;  
40420;40421;  
40422;40423;  
40424;40425;  
40426;40427;  
40428;40429;

QATIVV MDQDP DIR	14	1599.793	Q5RKM1;Q5R HM1	mep1a.1	Metalloendopeptid ase	2	1.9E-05	107.85	64017000	1242	382	40430;40431; 40432;40433; 40434;40435; 40436 40437;40438; 40439;40440; 40441;40442; 40443;40444; 40445;40446; 40447;40448; 40449;40450; 40451;40452 40453;40454; 40455;40456; 40457;40458; 40459;40460; 40461;40462; 40463;40464; 40465;40466; 40467;40468; 40469;40470; 40471;40472; 40473;40474; 40475;40476; 40477;40478; 40479;40480; 40481	41447;41448; 41449;41450; 41451;41452; 41453;41454; 41455;41456; 41457;41458; 41459;41460 41461;41462; 41463;41464; 41465;41466; 41467;41468; 41469;41470; 41471;41472; 41473;41474; 41475;41476; 41477;41478; 41479;41480; 41481;41482; 41483;41484; 41485;41486; 41487;41488; 41489;41490; 41491
QAYLP VVDYN TCSR	14	1671.793	Q6AZC0	zgc:9204 1		2	1.32E-05	109.24	2.6E+08	1243	393		
QCANL QAAIAD AEQR QDGQFS VLFTK QDIGLT QLMYS NK QDLENL FK	15 11 13 8	1644.789 1268.64 1509.75 1005.513	CON__P02538; CON__P04259 CON__P12763 X1WHB9	2  zgc:1141 81 ace	2.41E-07  2 2	84.718 9.3E-58 0.047065	0 191.48 46.706	1244 49315000 8718100	219;222	1339 226 469	40482 1340 1341	40487;40488; 40489;40490; 40491;40492	41493;41494 41495 41496;41497
QEIAEI NR	8	971.5036	CON__P02538; CON__P04259	2	3.1E-110	234.63	1.13E+09	1248	219;222	1343	40493;4049 4;40495;40 496;40497; 40498;4049 9;40500;40 501;40502; 40503;4050 4;40505;40 506;40507; 40508		
QEYEQL IAK	9	1120.576	CON__P35527	2		1.9E-156	247.07	2.29E+09	1249	230	1344	41519;41520; 41521;41522; 41523;41524; 41525;41526;	

QFGVVP IGEEK	11	1201.634	Q8UUT4	gpm6aa	2	0.014863	66.595	15036000	1250	455	41527;41528; 41529;41530; 41531;41532; 41533;41534; 41535;41536; 41537;41538; 41539;41540; 41541;41542; 41543;41544; 41545;41546; 41547;41548; 41549;41550; 41551;41552; 41553;41554; 41555;41556; 41557;41558; 41559;41560; 41561;41562; 41563;41564; 41565;41566; 41567;41568; 41569;41570; 41571;41572; 41573;41574	40540	41575
QFIDMG FIDK	10	1212.585	B5DDZ4	acta1	2	0.006713	90.15	1.31E+08	1251	203	40541;40542; 40543;40544; 40545;40546; 40547;40548; 40549;40550; 40551;40552; 40553;40554; 40555;40556; 40557;40558; 40559;40560; 40561;40562; 40563;40564; 40565;40566; 40567;40568; 40569;40570	41576;41577; 41578;41579; 41580;41581; 41582;41583; 41584;41585; 41586;41587; 41588;41589; 41590;41591	
QFSSSY LSR	9	1073.514	CON__P35527		2	0.006493	97.431	1.07E+08	1252	230	1347	41592	
QFTSSS SIK	9	983.4924	CON__Q04695		2	0.048401	82.426	38022000	1253	232	1348	41593	
QFVANF DQEK	10	1224.578	Q5TZ29	apobb.1	2	3.15E-07	130.75	34741000	1254	385		40576;40577; 40578;40579; 40580;40581	41594;41595
QFVNQ VVDQL DVSAK	15	1688.873	B3DKJ1;Q6PY X2;Q5NJJ5;Q5 NJJ4;A0A0B5J F83;Q5NJJ1;Q5	matn4	2	0.000326	93.011	14998000	1255	201		40582	41596;41597

QGEDIP EPK	9	1011.487	NJJ2;Q5CZQ6; Q5NJJ3;Q5NJJ0 E7EYE1;A0A0 R4IER4;A0A0R 4INP3	CR84797 3.1	2	0.001222	110.79	4.17E+08	1256	48	1351	41598;41599; 41600;41601; 41602;41603; 41604;41605; 41606;41607; 41608;41609; 41610 40602	41611	
QGLDL AVQYA K	11	1204.645	F1QNK8;A0A0 R4IB72;X1WC 35	hyi		Hydroxypyruvate isomerase	2	0.005429	85.862	7460700	1257	39	40603;40604; 40605;40606; 40607;40608; 40609;40610; 40611;40612; 40613;40614; 40615;40616; 40617;40618; 40619;40620; 40621;40622; 40623;40624; 40625;40626	41612;41613; 41614;41615; 41616;41617; 41618;41619; 41620;41621; 41622;41623; 41624;41625; 41626;41627; 41628;41629; 41630;41631; 41632;41633; 41634;41635; 41636;41637; 41638;41639; 41640;41641; 41642;41643
QGNVQ TVSLAR	11	1171.631	F1QJH7;Q4QR C8;F1Q845	c6ast4		Metalloendopeptid ase	2	8.28E-30	169.92	9.47E+08	1258	294		
QGVDA DINGLR	11	1156.584	CON_P35527		2	0	323.56	5.79E+09	1259	230	1354	41644;41645; 41646;41647; 41648;41649; 41650;41651; 41652;41653; 41654;41655; 41656;41657; 41658;41659; 41660;41661; 41662;41663; 41664;41665; 41666;41667; 41668;41669; 41670;41671; 41672;41673; 41674;41675; 41676;41677; 41678;41679; 41680;41681; 41682;41683; 41684;41685; 41686;41687; 41688;41689; 41690;41691; 41692;41693;		

QGVVA	11	1157.604	B2GQG8	krt18		2	0.001331	103.7	58698000	1260	186	41694;41695; 41696;41697; 41698;41699; 41700;41701; 41702;41703; 41704;41705
DITGLR												40673;40674;
QGVISD	10	1196.583	Q7ZVY7;Q6NZ	manba		2	0.034857	59.153	76125000	1261	316	40675 40676;40677; 40678;40679; 40680;40681; 40682;40683; 40684;40685; 40686;40687; 40688;40689; 40690;40691
PYYR			S3;F1QSS4									40692;40693; 40694;40695; 40696;40697; 40698;40699; 40700;40701; 40702;40703; 40704;40705; 40706;40707; 40708;40709; 40710;40711; 40712;40713
QGYAQ	11	1192.62	F1RBT4;Q5BK	c6ast3	Metalloendopeptid	2	0.008594	77.192	1.11E+08	1262	340	41712;41713; 41714
TVSLAR			W6		ase							41715;41716; 41717;41718; 41719;41720; 41721;41722; 41723;41724; 41725;41726; 41727;41728; 41729;41730; 41731;41732; 41733;41734; 41735;41736; 41737;41738; 41739;41740; 41741;41742
QIDAGS	31	3259.611	Q1RMB1;A8E5	zgc:1362	3	9.14E-46	91.086	1.08E+08	1263	153	1358	41743;41744; 41745;41746; 41747;41748; 41749;41750; 41751;41752; 41753;41754; 41755;41756; 41757;41758; 41759;41760; 41761;41762; 41763;41764; 41765;41766;
GSVVG			B4;Q0V976;Q4	54;zgc:17								
VNDLN			99C3;F1QNU7;	4237;LO								
QAFVL			A0A0R4IB20	C561528;								
QDDVF				zgc:1097								
NPVSR				53;si:ch2								
				11-								
				251f6.6								
QIDAGS	31	3204.594	A0A0N4SU14;	si:ch211-	3	1.6E-185	187.55	1.75E+08	1264	26	1359	
GSVVG			F1QID9;A0A0	251f6.7								
VNDLN			N4SU62;F1QV									
QAFVL			16									
QDDVFS												
PVSK												

QIESPD VVLK	10	1126.623	Q5TZ29;A8E4Z 5	apobb.1		2	0.017303	80.165	12078000	1265	385	41767;41768; 41769;41770; 41771;41772; 41773 40781;40782; 40783	41774	
QIIEQM VIDEEL LGDGH SYTPK QINEVY EIPR	22	2514.231	Q568F3;A8E7N 8	psmb4	Proteasome subunit beta type	3	0.038711	17.749	7226000	1266	159	40784;40785; 40786	41775;41776	
	10	1259.651	E7FBD3	apoba		2	1.6E-11	146.23	2.2E+08	1267	264	40787;40788; 40789;40790; 40791;40792; 40793;40794; 40795;40796; 40797;40798; 40799;40800; 40801;40802	41777;41778; 41779;41780; 41781;41782; 41783;41784; 41785;41786; 41787;41788; 41789;41790; 41791;41792; 41793;41794; 41795;41796	
QIPASD LFSSQA FGGK	16	1651.821	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;A8 WGJ5	tfa	Serotransferrin	2;3	7.44E-10	114.72	2.15E+08	1268	211	40803;40804; 40805;40806; 40807;40808; 40809;40810; 40811;40812; 40813;40814; 40815;40816; 40817;40818; 40819;40820; 40821;40822; 40823;40824; 40825;40826; 40827;40828; 40829;40830; 40831;40832; 40833;40834; 40835	41797;41798; 41799;41800; 41801;41802; 41803;41804; 41805;41806; 41807;41808; 41809;41810; 41811;41812; 41813;41814; 41815;41816; 41817;41818; 41819;41820; 41821;41822; 41823;41824; 41825;41826; 41827;41828	
QISNLQ QSISDA EQR	15	1715.844	CON_P04264			2;3	0	349.81	6.77E+09	1269	223	1364	41829;41830; 41831;41832; 41833;41834; 41835;41836; 41837;41838; 41839;41840; 41841;41842; 41843;41844; 41845;41846; 41847;41848; 41849;41850; 41851;41852; 41853;41854; 41855;41856; 41857;41858; 41859;41860;	

41861;41862;  
41863;41864;  
41865;41866;  
41867;41868;  
41869;41870;  
41871;41872;  
41873;41874;  
41875;41876;  
41877;41878;  
41879;41880;  
41881;41882;  
41883;41884;  
41885;41886;  
41887;41888;  
41889;41890;  
41891;41892;  
41893;41894;  
41895;41896;  
41897;41898;  
41899;41900;  
41901;41902;  
41903;41904;  
41905;41906;  
41907;41908;  
41909;41910;  
41911;41912;  
41913;41914;  
41915;41916;  
41917;41918;  
41919;41920;  
41921;41922;  
41923;41924;  
41925;41926;  
41927;41928;  
41929;41930;  
41931;41932;  
41933;41934;  
41935;41936;  
41937;41938;  
41939;41940;  
41941;41942;  
41943;41944;  
41945;41946;  
41947;41948;  
41949;41950;  
41951;41952;  
41953;41954;  
41955;41956;  
41957;41958;  
41959;41960;  
41961;41962;  
41963;41964;  
41965;41966;



QITIND 11 1224.683 Q6DGJ6 prdx2 2 0.003075 93.111 1.68E+08 1270 396  
LPVGR

41967;41968;  
41969;41970;  
41971;41972;  
41973;41974;  
41975;41976;  
41977;41978;  
41979;41980;  
41981;41982;  
41983;41984;  
41985;41986;  
41987;41988;  
41989;41990;  
41991;41992;  
41993;41994;  
41995;41996;  
41997;41998;  
41999;42000;  
42001;42002;  
42003;42004;  
42005;42006;  
42007;42008;  
42009;42010;  
42011;42012;  
42013;42014;  
42015;42016;  
42017;42018;  
42019;42020;  
42021;42022;  
42023;42024;  
42025;42026;  
42027;42028;  
42029;42030;  
42031;42032;  
42033;42034;  
42035;42036;  
42037;42038;  
42039;42040;  
42041;42042;  
42043;42044;  
42045;42046;  
42047;42048;  
42049;42050;  
42051;42052;  
42053;42054;  
42055;42056;  
42057  
40980;40981; 42058;42059;  
40982;40983; 42060;42061;  
40984;40985; 42062;42063;  
40986;40987; 42064;42065;  
40988;40989; 42066;42067;  
40990;40991; 42068;42069;  
40992;40993; 42070;42071;

QITMND	11	1242.639	A3KP44;F1QSP	prdx4	2	1.47E-58	195.79	3.02E+09	1271	125
LPVGR			8							

40994;40995; 42072;42073;  
40996;40997; 42074  
40998;40999;  
41000;41001;  
41002;41003;  
41004;41005;  
41006;41007;  
41008  
41009;41010; 42075;42076;  
41011;41012; 42077;42078;  
41013;41014; 42079;42080;  
41015;41016; 42081;42082;  
41017;41018; 42083;42084;  
41019;41020; 42085;42086;  
41021;41022; 42087;42088;  
41023;41024; 42089;42090;  
41025;41026; 42091;42092;  
41027;41028; 42093;42094;  
41029;41030; 42095;42096;  
41031;41032; 42097;42098;  
41033;41034; 42099;42100;  
41035;41036; 42101;42102;  
41037;41038; 42103;42104;  
41039;41040; 42105;42106;  
41041;41042; 42107;42108;  
41043;41044; 42109;42110;  
41045;41046; 42111;42112;  
41047;41048; 42113;42114;  
41049;41050; 42115;42116;  
41051;41052; 42117;42118;  
41053;41054; 42119;42120;  
41055;41056; 42121;42122;  
41057;41058; 42123;42124;  
41059;41060; 42125;42126;  
41061;41062; 42127;42128;  
41063;41064; 42129;42130;  
41065;41066; 42131;42132;  
41067;41068; 42133;42134;  
41069;41070; 42135;42136;  
41071;41072; 42137;42138;  
41073;41074; 42139;42140;  
41075 42141;42142;  
42143;42144;  
42145;42146;  
42147;42148;  
42149;42150;  
42151;42152;  
42153;42154;  
42155;42156;  
42157;42158;  
42159;42160;  
42161;42162;  
42163;42164;

QLDGL GNEK	9	972.4876	Q6NY60;F1QK 60;A9JRS6;Q9P V92;Q6P3K5;Q 9PUB5;F1R5A5 ;F1QV31;E9QB D7	krt4;krt5	2	4.72E-24	177.97	2.58E+09	1272	167;321	41076;41077; 41078;41079; 41080;41081; 41082;41083; 41084;41085; 41086;41087; 41088;41089; 41090;41091; 41092;41093; 41094;41095; 41096;41097; 41098;41099; 41100;41101; 41102;41103; 41104;41105; 41106;41107; 41108;41109; 41110	42165;42166; 42167;42168; 42169;42170; 42171;42172; 42173;42174; 42175;42176; 42177;42178; 42179;42180; 42181;42182; 42183;42184; 42185;42186; 42187;42188; 42189;42190; 42191;42192; 42193;42194; 42195;42196; 42197 42198;42199; 42200;42201; 42202;42203; 42204;42205; 42206;42207; 42208;42209; 42210;42211; 42212;42213; 42214;42215; 42216;42217; 42218;42219; 42220;42221; 42222;42223; 42224;42225; 42226;42227; 42228;42229; 42230;42231; 42232;42233; 42234;42235; 42236;42237; 42238;42239; 42240;42241; 42242;42243; 42244;42245; 42246;42247; 42248;42249; 42250;42251; 42252
QLDSIV GER	9	1015.53	CON_P13647; CON_P02538; CON_P04259	2	0.000496	113.94	1.15E+09	1273	219;222; 228	1369	41111;4111 2;41113;41 114;41115; 41116;4111 7;41118;41 119;41120; 41121;4112 2;41123;41	

QLDSLGN NDK	9	988.4825	A8WGN0	krt8		2	0.000811	111.82	40930000	1274	163	124;41125; 41126;41127; 41128;41129; 41130; 41131	41132;41133; 41134;41135; 41136;41137; 41138	42257;42258
QLFENI PDINVI MGGGR	17	1871.956	Q7ZTV9;E7F9 U9;K4KG66;F1 Q5B5;Q8AXY4 ;E9QCQ8	alpl	Alkaline phosphatase	2	8.85E-97	182.35	1.25E+08	1275	262		41139;41140; 41141;41142; 41143;41144; 41145;41146; 41147;41148; 41149;41150; 41151;41152; 41153;41154; 41155;41156; 41157;41158; 41159;41160; 41161;41162; 41163;41164; 41165;41166; 41167;41168; 41169;41170; 41171;41172	42259;42260; 42261;42262; 42263;42264; 42265;42266; 42267;42268; 42269;42270; 42271;42272; 42273;42274; 42275;42276; 42277;42278; 42279;42280; 42281;42282; 42283;42284; 42285;42286; 42287
QLLNLL GNR	9	1039.614	Q5TZ29	apobb.1		2	2.62E-15	143.85	1.45E+09	1276	385		41173;41174; 41175;41176; 41177;41178; 41179;41180; 41181;41182; 41183;41184; 41185;41186; 41187;41188; 41189;41190; 41191;41192; 41193;41194; 41195;41196; 41197;41198; 41199;41200; 41201;41202; 41203;41204; 41205;41206; 41207;41208; 41209;41210; 41211;41212; 41213;41214; 41215;41216; 41217;41218; 41219;41220; 41221;41222; 41223;41224; 41225;41226;	42288;42289; 42290;42291; 42292;42293; 42294;42295; 42296;42297; 42298;42299; 42300;42301; 42302;42303; 42304;42305; 42306;42307; 42308;42309; 42310;42311; 42312;42313; 42314;42315; 42316;42317; 42318;42319; 42320;42321; 42322;42323; 42324;42325; 42326;42327; 42328;42329; 42330;42331; 42332;42333; 42334;42335; 42336;42337; 42338;42339; 42340;42341;

QLMEA PANHV TPTVFA NTIEQK QLSSSV TGLSNV EDEYSQ R	22	2438.226	A2BIC6	lap3		3	0.000458	38.583	11282000	1277	116	41227;41228; 41229;41230; 41231;41232; 41233;41234; 41235;41236; 41237;41238; 41239;41240; 41241;41242; 41243;41244; 41245;41246; 41247;41248; 41249;41250; 41251;41252; 41253;41254; 41255;41256; 41257 41258;41259	42342;42343; 42344;42345; 42346;42347; 42348;42349; 42350;42351; 42352;42353; 42354;42355; 42356;42357; 42358;42359; 42360;42361; 42362;42363; 42364
QLVESD INSLR QMDFT LDK QMFEA DADR	19	2097.982	E7FBD5;A0A0 F7C9F3	iqgap1		2	0.00964	68.283	9153700	1278	7	41260;41261; 41262	42366
QNFEEA CEAAV NR	11	1272.667	CON__Q14525		2	0.019736	66.299	0	1279	234	1375	42367	
	8	996.4586	A0A0G2L1N0		2	0.007589	110.67	1.87E+08	1280	19	1376	42368;42369	
	9	1081.45	Q8QFU2;Q7ZU 30;Q5XJ09;F1Q ZL6	gpia	Glucose-6- phosphate isomerase	2	0.048781	49.418	7874900	1281	387	41276;41277; 41278;41279; 41280;41281; 41282;41283	42370
	13	1523.668	Q9DDT0	fth1a	Ferritin	2	8.8E-201	247.22	1.15E+09	1282	457	41284;41285; 41286;41287; 41288;41289; 41290;41291; 41292;41293; 41294;41295; 41296;41297; 41298;41299; 41300;41301; 41302;41303; 41304;41305; 41306;41307; 41308;41309; 41310	42371;42372; 42373;42374; 42375;42376; 42377;42378; 42379;42380; 42381;42382; 42383;42384; 42385;42386; 42387;42388; 42389;42390; 42391;42392; 42393;42394; 42395;42396; 42397;42398; 42399;42400; 42401;42402; 42403;42404; 42405;42406; 42407;42408; 42409;42410; 42411;42412;

42413;42414;  
 42415;42416;  
 42417;42418;  
 42419;42420;  
 42421;42422;  
 42423;42424;  
 42425;42426;  
 42427;42428

QNLEPL	15	1889.964	CON__P13647;	2;3	1.5E-188	283.52	8.74E+08	1283	219;222; 228	1379	41311;4131 2;41313;41 314;41315; 41316;4131 7;41318;41 319;41320; 41321;4132 2;41323;41 324;41325; 41326;4132 7;41328;41 329;41330; 41331;4133 2;41333;41 334;41335; 41336;4133 7;41338;41 339;41340; 41341;4134 2;41343;41 344;41345; 41346;4134 7;41348;41 349;41350; 41351;4135 2;41353;41 354;41355; 41356;4135 7;41358;41 359;41360; 41361;4136 2;41363;41 364;41365; 41366;4136 7;41368;41 369;41370; 41371;4137 2;41373;41 374;41375; 41376;4137 7;41378;41 379;41380; 41381;4138 2;41383;41 384;41385;
FEQYIN			CON__P02538;								
NLR			CON__P04259								

41386;4138  
7;41388;41  
389;41390;  
41391;4139  
2;41393;41  
394;41395;  
41396;4139  
7;41398;41  
399;41400;  
41401;4140  
2;41403;41  
404;41405;  
41406;4140  
7;41408;41  
409;41410;  
41411;4141  
2;41413;41  
414;41415;  
41416;4141  
7;41418;41  
419;41420;  
41421;4142  
2;41423;41  
424;41425;  
41426;4142  
7;41428;41  
429;41430;  
41431;4143  
2;41433;41  
434;41435;  
41436;4143  
7;41438;41  
439;41440;  
41441;4144  
2;41443;41  
444;41445;  
41446;4144  
7;41448;41  
449;41450;  
41451;4145  
2;41453;41  
454;41455;  
41456;4145  
7;41458;41  
459;41460;  
41461;4146  
2;41463;41  
464;41465;  
41466;4146  
7;41468;41  
469;41470

QNLEPL FEQYIN NLRR	16	2046.065	CON_P13647; CON_P02538; CON_P04259	3	0.043232	29.733	3456600	1284	219;222; 228	1380	41471;4147 2		
QNNYN TGEEVK	11	1294.579	B8JKW4;Q7SX K0	c3a.1		2	0.009418	74.464	9087700	1285	210	41473;41474; 41475	42565
QQEVQ VSLPK	10	1154.63	F8W412;E7EX C4;F8W475	serpinb11 4	2	3.59E-12	149.72	5.25E+08	1286	238; 353	1382	42566;42567; 42568;42569; 42570;42571; 42572;42573; 42574;42575; 42576;42577; 42578;42579; 42580	
QQFDA VNEDK	10	1192.536	Q4QRJ9;E7F8 M7;F1QNK5	alpi.2		2	0.001591	99.815	1.7E+08	1287	258	41495;41496; 41497;41498; 41499;41500; 41501;41502; 41503;41504; 41505;41506; 41507;41508; 41509;41510; 41511;41512; 41513;41514; 41515;41516; 41517;41518; 41519	42581;42582; 42583;42584; 42585;42586; 42587;42588; 42589;42590; 42591;42592; 42593;42594; 42595;42596; 42597
QQIQEI VFLK	10	1244.713	A0A0G2KDJ5		2	0.000162	112.84	1.74E+08	1288	8	1384	42598;42599; 42600;42601; 42602;42603; 42604;42605; 42606;42607; 42608;42609; 42610;42611; 42612;42613; 42614;42615; 42616;42617; 42618	
QSIGNT YEGR	10	1123.526	Q6NWD1;F1QJ N9	cpb1		2	4.2E-125	234.26	2.27E+09	1289	308	41547;41548; 41549;41550; 41551;41552; 41553;41554; 41555;41556; 41557;41558; 41559;41560; 41561;41562; 41563;41564; 41565;41566; 41567;41568; 41569;41570; 41571;41572; 41573;41574; 41575;41576; 41577;41578;	42619;42620; 42621;42622; 42623;42624; 42625;42626; 42627;42628; 42629;42630; 42631;42632; 42633;42634; 42635;42636; 42637;42638; 42639;42640; 42641;42642; 42643;42644; 42645;42646; 42647;42648; 42649;42650;



41579;41580;  
 41581;41582;  
 41583;41584  
 42651;42652;  
 42653;42654;  
 42655;42656;  
 42657;42658;  
 42659;42660;  
 42661;42662;  
 42663;42664;  
 42665;42666;  
 42667;42668;  
 42669;42670;  
 42671;42672;  
 42673;42674;  
 42675;42676;  
 42677;42678;  
 42679;42680;  
 42681;42682;  
 42683;42684;  
 42685;42686;  
 42687;42688;  
 42689;42690;  
 42691;42692;  
 42693;42694

QSLEAS 13 1389.674 CON\_P13645; 2 1.9E-178 240.85 1.21E+09 1290 227 1386 41585;4158  
 LAETEG CON\_P02535-  
 R 1

6;41587;41  
 588;41589;  
 41590;4159  
 1;41592;41  
 593;41594;  
 41595;4159  
 6;41597;41  
 598;41599;  
 41600;4160  
 1;41602;41  
 603;41604;  
 41605;4160  
 6;41607;41  
 608;41609;  
 41610;4161  
 1;41612;41  
 613;41614;  
 41615;4161  
 6;41617;41  
 618;41619;  
 41620;4162  
 1;41622;41  
 623;41624  
 385

QSLILLP 13 1524.928 Q5TZ29 apobb.1 3 6.35E-05 80.905 32840000 1291  
 FKPELK QSPINIV 10 1112.619 Q6DBS1;F1QG ca4b 2 0.003904 93.667 2.07E+08 1292 304  
 TNK 32;Q32LW3

41625;41626;  
 41627;41628  
 41629;41630;  
 41631;41632;  
 41633;41634;  
 41635;41636;  
 41637;41638;  
 42750  
 42751;42752;  
 42753;42754;  
 42755;42756;  
 42757;42758;

QSTAGP SCSLLE NAFR	16	1723.82	A2BHD8;F1QU U0;A0A0R4IQ N2;A3KNW3	hexb	Beta- hexosaminidase	2	0.000522	80.522	24677000	1293	115	41639;41640; 41641;41642; 41643;41644; 41645;41646; 41647 41648;41649; 41650;41651; 41652;41653; 41654;41655	42759;42760; 42761;42762  42763;42764; 42765;42766; 42767;42768; 42769;42770	
QSVEA DINGLR	11	1200.61	CON__P13645; CON__P02535- 1;CON__Q2M2 I5	2	6.56E-30	170.69	9.45E+08	1294	227	1390	41656;4165 7;41658;41 659;41660; 41661;4166 2;41663;41 664;41665; 41666;4166 7;41668;41 669;41670; 41671;4167 2;41673;41 674;41675; 41676;4167 7;41678;41 679;41680; 41681;4168 2			
QSVEA DINGLR R	12	1356.711	CON__P13645; CON__P02535- 1	3	4.52E-05	113.22	1.32E+08	1295	227	1391	41683;4168 4;41685;41 686;41687; 41688;4168 9;41690;41 691;41692; 41693;4169 4			
QSVEA DIVGLR	11	1185.635	E7FCX7;Q6P0E 4;Q9PWD8;Q1 LXJ7;A0A0R4I V49;A0A0R4II 96;A0A0R4IXF 3;E9QDY3	cyt11;cyt1		2	0.00014	120.99	98097000	1296	61	41695;41696; 41697;41698; 41699;41700; 41701;41702; 41703;41704; 41705;41706; 41707;41708; 41709;41710 42795	42791;42792; 42793;42794	
QTALVE LLK	9	1013.612	CON__P02769			2	0.030634	87.308	55598000	1297	221	1393		
QTEATS FLEK	10	1152.566	F1R2U4;Q90ZS 4;Q7SXN6;Q6D GY8;A0A0R4IS C7	psma6a;p sma6b	Proteasome subunit alpha type	2	0.018508	78.556	46894000	1298	87	41712;41713; 41714;41715; 41716;41717; 41718;41719	42796;42797	
QTEPIA GNYYPI NSR	15	1721.837	Q58EM3;F1QT T0;A0A0R4IU1 4	man2b1	Alpha- mannosidase	2	0.000318	96.64	1.03E+08	1299	91	41720;41721; 41722;41723; 41724;41725; 41726;41727; 41728;41729;	42798;42799; 42800;42801; 42802;42803; 42804;42805; 42806;42807;	

QTFIQS SIK	9	1050.571	Q803B7;Q6P00 6	chia.2		2	0.001114	111.06	2.98E+08	1300	414	41730;41731; 41732;41733; 41734;41735; 41736;41737; 41738;41739; 41740;41741; 41742 41743;41744; 41745;41746; 41747;41748; 41749;41750; 41751;41752; 41753;41754; 41755;41756; 41757 41758;41759	42808;42809; 42810;42811; 42812;42813; 42814;42815; 42816;42817; 42818 42819;42820; 42821;42822; 42823;42824
QTLEQI DVIHR	11	1350.726	F1QFU9;Q08B Q0	dpep1	Dipeptidase	3	0.033715	31.597	9736900	1301	302	41758;41759	42825
QTTSSL ELPSPT K	13	1387.72	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ48	ttnb;dZ24 9N21.1- 003	2	6.44E-67	186.74	1.18E+09	1302	140	1398	42826;42827; 42828;42829; 42830;42831; 42832;42833; 42834;42835; 42836;42837; 42838;42839; 42840;42841; 42842;42843; 42844;42845; 42846;42847; 42848;42849; 42850;42851; 42852;42853; 42854;42855; 42856;42857; 42858;42859; 42860;42861; 42862;42863; 42864;42865; 42866;42867; 42868;42869; 42870;42871; 42872;42873; 42874;42875; 42876;42877; 42878;42879; 42880;42881	42826;42827; 42828;42829; 42830;42831; 42832;42833; 42834;42835; 42836;42837; 42838;42839; 42840;42841; 42842;42843; 42844;42845; 42846;42847; 42848;42849; 42850;42851; 42852;42853; 42854;42855; 42856;42857; 42858;42859; 42860;42861; 42862;42863; 42864;42865; 42866;42867; 42868;42869; 42870;42871; 42872;42873; 42874;42875; 42876;42877; 42878;42879; 42880;42881
QTVEA DVNGL R	11	1200.61	CON_P08779		2	9.84E-38	179.51	1.25E+09	1303	225	1399	42882;42883; 42884;42885; 42886;42887; 42888;42889; 42890;42891; 42892;42893; 42894;42895; 42896;42897;	42882;42883; 42884;42885; 42886;42887; 42888;42889; 42890;42891; 42892;42893; 42894;42895; 42896;42897;

QTVEA DVNGL RR	12	1356.711	CON__P08779		2;3	4.33E-11	134.23	1.59E+08	1304	225	1400	42898;42899; 42900;42901; 42902;42903; 42904;42905; 42906;42907; 42908 42909;42910; 42911;42912; 42913;42914 42915
QVDAP GTTMS VYDNW IR	17	1951.91	A2BGQ8	si:ch211- 214j8.1	2	0.051136	42.095	6849400	1305	113	1401	42915
QVGEV TVEAD GLK	13	1343.693	F1QBC0;E3P7J 3;C5H5I1;A0A0 R4IB44	plxnb2a	2	1.67E-05	114.86	2.6E+08	1306	38		41844;41845; 41846;41847; 41848;41849; 41850;41851; 41852;41853; 41854;41855; 41856;41857; 41858;41859; 41860;41861; 41862;41863; 41864;41865; 41866;41867; 41868;41869; 41870;41871; 41872;41873; 41874 42916;42917; 42918;42919; 42920;42921; 42922;42923; 42924;42925; 42926;42927; 42928;42929; 42930;42931; 42932;42933; 42934;42935; 42936;42937; 42938;42939; 42940;42941; 42942;42943; 42944
QVLDN LTMEK	10	1189.601	CON__P35527		2	2.4E-163	228.05	5.46E+09	1307	230	1403;1404	42945;42946; 42947;42948; 42949;42950; 42951;42952; 42953;42954; 42955;42956; 42957;42958; 42959;42960; 42961;42962; 42963;42964; 42965;42966; 42967;42968; 42969;42970; 42971;42972; 42973;42974; 42975;42976; 42977;42978; 42979;42980; 42981;42982; 42983;42984; 42985;42986; 42987;42988; 42989;42990; 42991;42992;

QVPDM  
DPAVV  
EK

12

1326.649

X1WHB9

zgc:1141 2  
81

0.001788

85.355

3.61E+08

1308

469

1405;1406

42993;42994;  
42995;42996;  
42997;42998;  
42999;43000;  
43001;43002;  
43003;43004;  
43005;43006;  
43007;43008;  
43009;43010;  
43011;43012;  
43013;43014;  
43015;43016;  
43017;43018;  
43019;43020;  
43021;43022;  
43023;43024;  
43025;43026;  
43027;43028;  
43029;43030;  
43031;43032;  
43033;43034;  
43035;43036;  
43037;43038;  
43039;43040;  
43041;43042;  
43043;43044;  
43045;43046;  
43047;43048;  
43049;43050;  
43051;43052;  
43053;43054;  
43055;43056;  
43057;43058;  
43059;43060;  
43061;43062;  
43063;43064;  
43065;43066;  
43067;43068;  
43069;43070;  
43071;43072;  
43073;43074;  
43075;43076;  
43077;43078;  
43079;43080;  
43081;43082  
43083;43084;  
43085;43086;  
43087;43088;  
43089;43090;  
43091;43092;  
43093;43094;  
43095;43096;  
43097;43098;

QVTDA	8	890.4345	Q6TNV6;Q5XJ	bub3	1;2	3.67E-40	180.34	5.44E+09	1309	388
ETK			U0;U3JAH9							

43099;43100;  
 43101;43102;  
 43103;43104;  
 43105;43106;  
 43107;43108;  
 43109;43110;  
 43111;43112;  
 43113;43114;  
 43115;43116;  
 43117;43118;  
 43119;43120;  
 43121;43122;  
 43123;43124;  
 43125;43126;  
 43127;43128;  
 43129;43130;  
 43131;43132  
 41992;41993; 43133;43134;  
 41994;41995; 43135;43136;  
 41996;41997; 43137;43138;  
 41998;41999; 43139;43140;  
 42000;42001; 43141;43142;  
 42002;42003; 43143;43144;  
 42004;42005; 43145;43146;  
 42006;42007; 43147;43148;  
 42008;42009; 43149;43150;  
 42010;42011; 43151;43152;  
 42012;42013; 43153;43154;  
 42014;42015; 43155;43156;  
 42016;42017; 43157;43158;  
 42018;42019; 43159;43160;  
 42020;42021; 43161;43162;  
 42022;42023; 43163;43164;  
 42024;42025; 43165;43166;  
 42026;42027; 43167;43168;  
 42028;42029; 43169;43170;  
 42030;42031; 43171;43172;  
 42032;42033; 43173;43174;  
 42034;42035; 43175;43176;  
 42036;42037; 43177;43178;  
 42038;42039; 43179;43180;  
 42040;42041; 43181;43182;  
 42042;42043; 43183;43184;  
 42044 43185;43186;  
 43187;43188;  
 43189;43190;  
 43191;43192;  
 43193;43194;  
 43195;43196;  
 43197;43198;  
 43199;43200;  
 43201;43202;  
 43203;43204;

QVTDS ALADL NNVGK	15	1543.784	A2BIC6	lap3		2;3	6.7E-283	259.18	8.33E+08	1310	116	42045;42046; 42047;42048; 42049;42050; 42051;42052; 42053;42054; 42055;42056; 42057;42058; 42059;42060; 42061;42062; 42063;42064; 42065;42066; 42067;42068; 42069;42070; 42071;42072; 42073;42074; 42075;42076; 42077;42078; 42079;42080; 42081;42082; 42083;42084; 42085;42086; 42087;42088; 42089;42090; 42091;42092; 42093;42094; 42095;42096; 42097	43205;43206; 43207;43208 43209;43210; 43211;43212; 43213;43214; 43215;43216; 43217;43218; 43219;43220; 43221;43222; 43223;43224; 43225;43226; 43227;43228; 43229;43230; 43231;43232; 43233;43234; 43235;43236; 43237;43238; 43239;43240; 43241;43242; 43243;43244; 43245;43246; 43247;43248; 43249;43250; 43251;43252; 43253;43254; 43255;43256; 43257;43258; 43259;43260; 43261;43262; 43263;43264; 43265;43266; 43267;43268; 43269;43270; 43271
QVVSL NR	7	814.4661	Q75NR9;Q1LW 01;Q1LW00;Q4 G0A2;F1QCK9; E7EXQ9;E7FB C5	he1b;he1 a	Metalloendopeptid ase	2	0.030482	118.01	36653000	1311	362	42098;42099; 42100;42101; 42102;42103; 42104	43272;43273; 43274
QWIAV ESDSSD VTK	14	1563.742	X1WHB9;Q4V 8S1;F1Q8B1;A 0A0R4IUC6	zgc:1141 81	2	1.69E-05	108.35	1.59E+08	1312	469	1410	43275;43276; 43277;43278; 43279;43280; 43281;43282; 43283;43284; 43285;43286; 43287;43288; 43289;43290; 43291	
QWIDQI VASN	10	1172.583	Q66HW9	ctrl		2	5.34E-90	214.29	1.13E+08	1313	390	42121;42122; 42123;42124; 42125;42126; 42127;42128; 42129;42130;	43292;43293; 43294;43295; 43296;43297; 43298;43299;

QWTGL LK	7	844.4807	Q6NY24	plscr3b		2	0.041197	91.906	3.67E+08	1314	410	42131;42132; 42133;42134; 42135;42136; 42137;42138; 42139;42140 42141;42142; 42143;42144; 42145;42146; 42147;42148; 42149;42150; 42151;42152; 42153;42154; 42155;42156; 42157;42158; 42159;42160	43300;43301; 43302 43303;43304; 43305
QYIMEC ER	8	1114.479	Q567D9;Q52J16	cryba111		2	0.0338	89.296	4.73E+08	1315	376	42161;42162; 42163;42164; 42165;42166; 42167;42168; 42169;42170; 42171;42172; 42173;42174; 42175 42176;42177	43306;43307; 43308
QYTFAS GSPDNI K	13	1426.673	Q6TNR7;F1QS Z2;Q6DRE2;Q5 U3B5	plrg1		2	0.001896	73.499	8076600	1316	317	42178	43309
RISGLIY EETR	11	1335.715	Q0D294;A4VA K6;A3KPR4;X1 WGM1;Q0D27 2;A4QN89	zgc:1534 09;hist1h 4l;si:dkey - 108k21.2 3;si:dkey- 108k21.1 2;zgc:154 164;zgc:1 63040	Histone H4	3	0.027728	34.264	5384100	1317	127		43310
RLESGQ SIDDLM PEQK	16	1844.894	Q8AY63;Q7ZU 04;R4GE87	ckbb		3	0.000289	61.821	33256000	1318	437	42179;42180; 42181;42182; 42183;42184; 42185;42186 42187;42188; 42189;42190	43311;43312; 43313;43314; 43315
RLVNA WEK	8	1014.561	B3DFP9	apoa2		2	0.00495	145.16	1.7E+08	1319	193	42187;42188; 42189;42190	43316;43317
RTNAE NEFVTI K	12	1420.731	CON__P04264		2;3	0.000117	100.88	1.88E+08	1320	223	1418	43318;43319; 43320;43321; 43322;43323; 43324;43325; 43326;43327 43328	
RYEVPI DVPVV HK	13	1549.862	E7FCP7	LOC1003 32784	3	0.015805	42.209	7062200	1321	266	1419		
SAGYG GLGLSI EGPSK	16	1491.757	F1QL44;F1QP6 8	flncb		2	0.05188	42.789	4700000	1322	311	42205;42206	43329



SAIN VIENK	11	1214.651	A5X6X5;F1R7 N8;F1QZQ0	ttna		2	0.001544	102.06	77608000	1323	332;139	42207;42208; 42209;42210; 42211;42212; 42213;42214; 42215;42216; 42217;42218; 42219	43330;43331; 43332;43333; 43334;43335
SASGEL FWDDG DSR	14	1540.643	A0A0G2L1N0		2	0.000659	88.187	33643000	1324	19	1422	43336;43337; 43338;43339; 43340;43341; 43342	
SASGQI ESYNDI YQVR	16	1828.859	Q6DHR7;F1QT T5	zgc:9213 7	Alpha-amylase	2;3	0	322.77	1.09E+09	1325	319	42229;42230; 42231;42232; 42233;42234; 42235;42236; 42237;42238; 42239;42240; 42241;42242; 42243;42244; 42245;42246; 42247;42248; 42249;42250; 42251;42252; 42253;42254; 42255;42256; 42257;42258; 42259;42260; 42261;42262; 42263;42264; 42265;42266; 42267;42268; 42269;42270; 42271;42272; 42273;42274; 42275;42276; 42277;42278; 42279;42280; 42281;42282; 42283;42284; 42285;42286; 42287;42288; 42289;42290	43343;43344; 43345;43346; 43347;43348; 43349;43350; 43351;43352; 43353;43354; 43355;43356; 43357;43358; 43359;43360; 43361;43362; 43363;43364; 43365;43366; 43367;43368; 43369;43370; 43371;43372; 43373;43374; 43375;43376; 43377;43378; 43379;43380; 43381;43382; 43383;43384; 43385;43386; 43387;43388; 43389;43390; 43391;43392; 43393;43394; 43395;43396; 43397;43398; 43399;43400; 43401;43402; 43403;43404; 43405;43406; 43407;43408; 43409;43410; 43411;43412; 43413;43414; 43415;43416; 43417;43418; 43419;43420; 43421;43422; 43423;43424; 43425;43426;

SAVGTL TSDSNN VIK	15	1504.773	A0A0R4IR57;Q 3YAA0;B3DHB 6	itgb1b	Integrin beta	2	0.000471	88.187	91323000	1326	82	42291;42292; 42293;42294; 42295;42296; 42297;42298; 42299;42300; 42301;42302; 42303	43427;43428; 43429;43430; 43431;43432; 43433;43434; 43435;43436; 43437;43438; 43439;43440; 43441;43442; 43443;43444; 43445;43446; 43447;43448; 43449;43450; 43451;43452; 43453;43454; 43455;43456; 43457;43458; 43459;43460; 43461;43462; 43463;43464; 43465;43466; 43467;43468; 43469;43470
SDDDD DYYTD SEEIVS R	17	2022.781	B8JKW4	c3a.1		2	8.55E-70	172.99	1.73E+08	1327	210	42304;42305; 42306;42307; 42308;42309; 42310;42311; 42312;42313; 42314;42315; 42316;42317; 42318;42319; 42320;42321; 42322;42323; 42324;42325; 42326;42327; 42328	43471;43472; 43473;43474; 43475;43476; 43477;43478; 43479;43480; 43481;43482; 43483;43484; 43485;43486; 43487;43488; 43489;43490; 43491
SDFME DSQK	9	1085.434	A1A5Y8;F1RA P6	serpinf2b		2	1.91E-06	128.69	2.82E+08	1328	107	42329;42330; 42331;42332; 42333;42334; 42335;42336; 42337;42338; 42339;42340; 42341;42342; 42343;42344; 42345;42346; 42347;42348; 42349;42350; 42351;42352; 42353;42354; 42355;42356;	43492;43493; 43494

SDIGSP EGIAID HLGR SDLELQ IEGLK	16	1635.822	F1R998;F1RAG 3	mid1a		3	0.000395	59.728	14745000	1329	334	42357;42358; 42359;42360 42361;42362; 42363;42364	43495;43496; 43497
	11	1243.666	E7FCX7;Q6P0E 4;Q9PWD8;Q1 LXJ7;A0A0R4I V49;A0A0R4II 96;A0A0R4IXF 3;E9QDY3	cyt1l;cyt1		2	0.012948	69.275	6973500	1330	61	42365;42366; 42367;42368	43498
SDLEM QYETLQ EELMA LK	18	2170.017	CON__P35527		2,3	1.6E-161	256.95	1.3E+09	1331	230	1429;1430; 1431	43499;43500; 43501;43502; 43503;43504; 43505;43506; 43507;43508; 43509;43510; 43511;43512; 43513;43514; 43515;43516; 43517;43518; 43519;43520; 43521;43522; 43523;43524; 43525;43526; 43527;43528; 43529;43530; 43531;43532; 43533;43534; 43535;43536; 43537;43538; 43539;43540; 43541;43542; 43543;43544; 43545;43546; 43547;43548; 43549;43550; 43551;43552; 43553;43554; 43555;43556; 43557;43558; 43559;43560; 43561;43562; 43563;43564; 43565;43566; 43567;43568; 43569;43570; 43571;43572; 43573;43574; 43575;43576; 43577;43578; 43579;43580; 43581;43582;	

SDLEM QYETLQ EELMA LKK	19	2298.112	CON__P35527		3	2.66E-17	115.98	1.1E+08	1332	230	1432	43583;43584; 43585;43586; 43587;43588; 43589;43590; 43591;43592; 43593;43594 43595;43596; 43597;43598; 43599;43600; 43601;43602; 43603;43604; 43605;43606; 43607;43608
SDTEDV GVVEEK PK	14	1560.716	Q6P0T7	tnnt3b		2	1.21E-12	134.13	2.31E+08	1333	417	42551;42552; 42553;42554; 42555;42556; 42557;42558; 42559;42560; 42561;42562; 42563;42564; 42565;42566; 42567;42568; 42569;42570; 42571;42572; 42573 43609;43610; 43611;43612; 43613;43614; 43615;43616; 43617;43618; 43619;43620; 43621;43622; 43623;43624; 43625;43626; 43627;43628; 43629;43630; 43631;43632; 43633;43634
SEDFELI CPNTPD TTMK	17	1983.881	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;Q8AX64;E7FB J1	tfa	Serotransferrin	2;3	7.6E-167	272.1	1.74E+09	1334	211	42574;42575; 42576;42577; 42578;42579; 42580;42581; 42582;42583; 42584;42585; 42586;42587; 42588;42589; 42590;42591; 42592;42593; 42594;42595; 42596;42597; 42598;42599; 42600;42601; 42602;42603; 42604;42605; 42606;42607; 42608;42609; 42610;42611; 42612;42613; 42614;42615; 42616;42617; 42618;42619; 42620;42621; 42622;42623; 42624;42625; 42626;42627; 43635;43636; 43637;43638; 43639;43640; 43641;43642; 43643;43644; 43645;43646; 43647;43648; 43649;43650; 43651;43652; 43653;43654; 43655;43656; 43657;43658; 43659;43660; 43661;43662; 43663;43664; 43665;43666; 43667;43668; 43669;43670; 43671;43672; 43673;43674; 43675;43676; 43677;43678; 43679;43680; 43681;43682; 43683;43684; 43685;43686; 43687;43688;

42628;42629; 43689;43690;  
42630;42631; 43691;43692;  
42632;42633; 43693;43694;  
42634;42635; 43695;43696;  
42636;42637; 43697;43698;  
42638;42639; 43699;43700;  
42640;42641; 43701;43702;  
42642;42643; 43703;43704;  
42644;42645; 43705;43706;  
42646;42647; 43707;43708;  
42648;42649; 43709;43710;  
42650;42651; 43711;43712;  
42652;42653; 43713;43714;  
42654;42655; 43715;43716;  
42656;42657; 43717;43718;  
42658;42659; 43719;43720;  
42660;42661; 43721;43722;  
42662;42663; 43723;43724;  
42664;42665; 43725;43726;  
42666;42667; 43727;43728;  
42668;42669; 43729;43730;  
42670;42671; 43731;43732;  
42672;42673; 43733;43734;  
42674 43735;43736;  
43737;43738;  
43739;43740;  
43741;43742;  
43743;43744;  
43745;43746;  
43747;43748;  
43749;43750;  
43751;43752;  
43753;43754;  
43755;43756;  
43757;43758;  
43759;43760;  
43761;43762;  
43763;43764;  
43765;43766;  
43767;43768;  
43769;43770;  
43771;43772;  
43773;43774;  
43775;43776;  
43777;43778;  
43779;43780;  
43781;43782;  
43783;43784;  
43785;43786;  
43787;43788;  
43789;43790;  
43791;43792;  
43793;43794;

SEEELA ECFR	10	1255.539	E9QBF1;Q9I8U 8	tnnc2	2	5.2E-126	234.82	1.44E+09	1335	279	42675;42676; 42677;42678; 42679;42680; 42681;42682; 42683;42684; 42685;42686; 42687;42688; 42689;42690; 42691;42692; 42693;42694; 42695;42696; 42697;42698; 42699;42700; 42701;42702; 42703;42704; 42705;42706; 42707;42708; 42709;42710; 42711;42712; 42713;42714; 42715;42716; 42717;42718; 42719;42720; 42721;42722; 42723;42724; 42725;42726	43795;43796; 43797;43798; 43799;43800; 43801;43802; 43803;43804; 43805;43806; 43807;43808; 43809;43810; 43811;43812; 43813;43814; 43815;43816; 43817;43818; 43819;43820; 43821;43822; 43823;43824; 43825;43826; 43827;43828; 43829;43830; 43831;43832; 43833;43834; 43835;43836; 43837;43838; 43839;43840; 43841;43842; 43843;43844; 43845;43846; 43847;43848; 43849;43850; 43851;43852; 43853;43854; 43855;43856; 43857;43858; 43859;43860; 43861;43862; 43863;43864; 43865;43866; 43867;43868; 43869;43870; 43871;43872; 43873;43874; 43875;43876; 43877;43878; 43879;43880; 43881;43882; 43883
SEEELA EVFR	10	1207.572	Q6IQ64	tnnc1b	2	1.1E-186	239.66	3.97E+09	1336	404	42727;42728; 42729;42730; 42731;42732; 42733;42734; 42735;42736; 42737;42738; 42739;42740; 42741;42742;	43884;43885; 43886;43887; 43888;43889; 43890;43891; 43892;43893; 43894;43895; 43896;43897; 43898;43899;

42743;42744; 43900;43901;  
42745;42746; 43902;43903;  
42747;42748; 43904;43905;  
42749;42750; 43906;43907;  
42751;42752; 43908;43909;  
42753;42754; 43910;43911;  
42755;42756; 43912;43913;  
42757;42758; 43914;43915;  
42759;42760; 43916;43917;  
42761;42762; 43918;43919;  
42763;42764; 43920;43921;  
42765;42766; 43922;43923;  
42767;42768; 43924;43925;  
42769;42770; 43926;43927;  
42771;42772; 43928;43929;  
42773;42774; 43930;43931;  
42775;42776; 43932;43933;  
42777;42778; 43934;43935;  
42779;42780; 43936;43937;  
42781;42782; 43938;43939;  
42783;42784; 43940;43941;  
42785;42786; 43942;43943;  
42787;42788; 43944;43945;  
42789;42790; 43946;43947;  
42791;42792; 43948;43949;  
42793;42794; 43950;43951;  
42795;42796; 43952;43953;  
42797;42798; 43954;43955;  
42799;42800; 43956;43957;  
42801;42802; 43958;43959;  
42803;42804; 43960;43961;  
42805;42806; 43962;43963;  
42807;42808; 43964;43965;  
42809;42810; 43966;43967;  
42811;42812; 43968;43969;  
42813;42814; 43970;43971;  
42815;42816; 43972;43973;  
42817;42818; 43974;43975;  
42819;42820; 43976;43977;  
42821;42822; 43978;43979;  
42823;42824; 43980;43981;  
42825;42826; 43982;43983;  
42827;42828; 43984;43985;  
42829;42830; 43986;43987;  
42831 43988;43989;  
43990;43991;  
43992;43993;  
43994;43995;  
43996;43997;  
43998;43999;  
44000;44001;  
44002;44003;  
44004;44005;

SEISELR	7	832.4291	CON_P02533; CON_Q04695	2	3.55E-06	158.38	4.01E+08	1337	218;232	1438	42832;42833; 42834;42835; 42836; 42837;42838; 42839;42840; 42841; 42842;42843; 42844;42845; 42846	44006;44007; 44008		
SESAQL TSIEDV NR	14	1547.743	E7F3Z2;F6NQ58	serpinf2a		2	0.019475	71.085	28270000	1338	249	42847;42848; 42849;42850; 42851;42852; 42853;42854; 42855	44023;44024	
SEVDLE TIK	9	1032.534	Q804G2;Q98SH7; Q6PHG3;F1REH8; A8E7L1;Q4VBH6; A8E7L0	anxa13;a nxa13l	Annexin	2	0.048401	82.426	93352000	1339	348	42856;42857; 42858;42859; 42860;42861; 42862;42863; 42864;42865; 42866;42867	44025	
SEVTELR	7	832.4291	CON_P08779			2	2.25E-10	166.34	3.68E+08	1340	225	1441	44026;44027; 44028;44029; 44030;44031; 44032;44033; 44034;44035; 44036;44037; 44038;44039; 44040;44041; 44042;44043; 44044;44045; 44046;44047; 44048;44049	
SEYEDI LQANN LPSSAT PR	19	2104.007	Q08CQ0;Q6NWE8; Q32LS3;F1QPJ6; F1QPX6	alas2;sb:c b283;LO C100535 398;zgc:1 52830	2;3	0	357.57	4.43E+09	1341	359	1442	44050;44051; 44052;44053; 44054;44055; 44056;44057; 44058;44059; 44060;44061; 44062;44063; 44064;44065; 44066;44067; 44068;44069; 44070;44071; 44072;44073; 44074;44075; 44076;44077; 44078;44079; 44080;44081; 44082;44083; 44084;44085; 44086;44087;		



44088;44089;  
44090;44091;  
44092;44093;  
44094;44095;  
44096;44097;  
44098;44099;  
44100;44101;  
44102;44103;  
44104;44105;  
44106;44107;  
44108;44109;  
44110;44111;  
44112;44113;  
44114;44115;  
44116;44117;  
44118;44119;  
44120;44121;  
44122;44123;  
44124;44125;  
44126;44127;  
44128;44129;  
44130;44131;  
44132;44133;  
44134;44135;  
44136;44137;  
44138;44139;  
44140;44141;  
44142;44143;  
44144;44145;  
44146;44147;  
44148;44149;  
44150;44151;  
44152;44153;  
44154;44155;  
44156;44157;  
44158;44159;  
44160;44161;  
44162;44163;  
44164;44165;  
44166;44167;  
44168;44169;  
44170;44171;  
44172;44173;  
44174;44175;  
44176;44177;  
44178;44179;  
44180;44181;  
44182;44183;  
44184;44185;  
44186;44187;  
44188;44189;  
44190;44191;  
44192;44193;

44194;44195;  
44196;44197;  
44198;44199;  
44200;44201;  
44202;44203;  
44204;44205;  
44206;44207;  
44208;44209;  
44210;44211;  
44212;44213;  
44214;44215;  
44216;44217;  
44218;44219;  
44220;44221;  
44222;44223;  
44224;44225;  
44226;44227;  
44228;44229;  
44230;44231;  
44232;44233;  
44234;44235;  
44236;44237;  
44238;44239;  
44240;44241;  
44242;44243;  
44244;44245;  
44246;44247;  
44248;44249;  
44250;44251;  
44252;44253;  
44254;44255;  
44256;44257;  
44258;44259;  
44260;44261;  
44262;44263;  
44264;44265;  
44266;44267;  
44268;44269;  
44270;44271;  
44272;44273;  
44274;44275;  
44276;44277;  
44278;44279;  
44280;44281;  
44282;44283;  
44284;44285;  
44286;44287;  
44288;44289;  
44290;44291;  
44292;44293;  
44294;44295;  
44296;44297;  
44298;44299;

SEYYDE NGVLK	11	1315.593	A4FUN4;A0A0 R4IZV6	anpepb	2	5.52E-11	135.79	4.16E+08	1342	130	44300;44301; 44302;44303; 44304;44305; 44306 43041;43042; 43043;43044; 43045;43046; 43047;43048; 43049;43050; 43051;43052; 43053;43054; 43055;43056; 43057;43058; 43059;43060; 43061;43062; 43063;43064; 43065;43066	44307;44308; 44309;44310; 44311;44312; 44313;44314; 44315;44316; 44317;44318; 44319;44320; 44321;44322; 44323;44324; 44325;44326; 44327;44328; 44329;44330; 44331;44332; 44333;44334; 44335;44336; 44337;44338; 44339;44340 44341;44342
SFAPGP GFGIQQ	12	1204.624	A0A0R4ILK8; A0A0R4IH25;Q 1LWP9	neu1	2	0.005227	68.735	42842000	1343	57	43067;43068; 43069;43070; 43071;43072; 43073;43074; 43075;43076; 43077;43078 43079;43080; 43081;43082; 43083;43084; 43085;43086; 43087;43088; 43089;43090; 43091	
SFDYNA FVDEA NQK	14	1646.721	Q5TZ29	apobb.1	2;3	0	286.03	1.54E+08	1344	385	44343;44344; 44345;44346; 44347;44348; 44349;44350; 44351;44352; 44353;44354; 44355;44356; 44357	
SFGGVS SGPPEK	12	1147.551	Q7T2C2;F1Q8J 4;A9JT52	acadvl	2	6.66E-08	132.78	5.59E+08	1345	171	43092;43093; 43094;43095; 43096;43097; 43098;43099; 43100;43101; 43102;43103; 43104;43105; 43106;43107; 43108;43109; 43110;43111; 43112;43113; 43114;43115; 43116;43117; 43118;43119; 43120	44358;44359; 44360;44361; 44362;44363; 44364;44365; 44366;44367; 44368;44369; 44370;44371; 44372;44373; 44374;44375; 44376;44377; 44378;44379; 44380;44381; 44382;44383; 44384;44385; 44386;44387; 44388;44389; 44390;44391; 44392;44393;

SFGGVS SGPPEK K	13	1275.646	Q7T2C2;F1Q8J 4;A9JT52	acadvl		3	0.001531	69.602	51610000	1346	171	43121;43122; 43123;43124; 43125;43126; 43127;43128; 43129;43130; 43131;43132; 43133;43134; 43135;43136	44394;44395; 44396;44397; 44398;44399; 44400;44401; 44402;44403; 44404;44405; 44406 44407;44408; 44409;44410
SFGSDE GQYK	10	1116.472	A5X6X5;B0S75 8;F1R7N8	ttna		2	0.022776	72.23	38009000	1347	332;139	43137;43138; 43139	44411
SFSNFG GMR	9	1001.439	A7E2K7	crygm2d 12	2	5.24E-11	129.47	4.62E+08	1348	142	1449	44412;44413; 44414;44415; 44416;44417; 44418;44419; 44420;44421; 44422;44423; 44424;44425; 44426;44427; 44428;44429; 44430;44431; 44432;44433; 44434;44435; 44436	
SFSTAS AITPSV SR	14	1409.715	CON__P13647		2	2.39E-24	150.04	2.05E+08	1349	228	1450	44437;44438; 44439;44440; 44441;44442; 44443;44444; 44445;44446; 44447;44448; 44449;44450; 44451;44452; 44453;44454; 44455;44456; 44457;44458; 44459	
SFTAGD GNTYK	11	1159.515	Q7ZVL5	serpine2		2	0.029337	70.028	19751000	1350	445	43199;43200; 43201;43202; 43203;43204	44460
SFVAFP DFFK	10	1203.596	A0A0G2L1N0		2	0.008978	87.308	2.36E+08	1351	19	1452	44461;44462; 44463;44464; 44465;44466; 44467;44468; 44469;44470; 44471;44472; 44473;44474; 44475;44476;	

SFVEDE ASDSVV DSR	15	1640.717	Q5BLA5;A0A0 R4IGM1	npm3	2	2.04E-27	142.07	1.42E+08	1352	380	44477;44478; 44479;44480; 44481;44482; 44483;44484; 44485;44486; 44487;44488; 44489;44490; 44491;44492; 44493;44494; 44495;44496; 44497;44498; 44499;44500; 44501;44502; 44503;44504; 44505;44506; 44507;44508; 44509;44510; 44511;44512; 44513;44514; 44515;44516; 44517;44518; 44519;44520; 44521;44522; 44523;44524; 44525;44526; 44527;44528; 44529;44530; 44531;44532; 44533;44534; 44535;44536; 44537;44538; 44539;44540 43288;43289; 43290;43291; 43292;43293; 43294;43295; 43296;43297; 43298;43299; 43300;43301; 43302;43303; 43304;43305; 43306;43307; 43308;43309; 43310;43311; 43312;43313; 43314;43315; 43316 44541;44542; 44543;44544; 44545;44546; 44547;44548; 44549;44550; 44551;44552; 44553;44554; 44555;44556; 44557;44558; 44559;44560; 44561	
SGDECI PVK	9	990.4692	A0A0R4IR12;F 1RDU8	si:dkey- 65b12.6	2	0.009398	95.741	2.47E+08	1353	347; 84	1454	44562
SGEGEP VGAGD VTQK	15	1429.669	Q568F8;B8A5I 7	ssbp1	2	4.04E-60	168.05	8.63E+08	1354	207	43336;43337; 43338;43339; 43340;43341; 43342;43343;	44563;44564; 44565;44566; 44567;44568; 44569;44570;

SGFIEE 10 1165.55 Q7ZT36 pvalb3 1;2 5.38E-63 204.07 1.53E+11 1355 435  
DELK

43344;43345; 44571;44572;  
43346;43347; 44573;44574;  
43348;43349; 44575;44576;  
43350;43351; 44577;44578;  
43352;43353; 44579;44580;  
43354;43355; 44581;44582;  
43356;43357; 44583;44584;  
43358;43359; 44585;44586;  
43360;43361; 44587;44588;  
43362;43363; 44589;44590;  
43364;43365 44591;44592;  
44593;44594;  
44595;44596;  
44597;44598;  
44599;44600;  
44601;44602;  
44603;44604;  
44605;44606;  
44607;44608;  
44609  
43366;43367; 44610;44611;  
43368;43369; 44612;44613;  
43370;43371; 44614;44615;  
43372;43373; 44616;44617;  
43374;43375; 44618;44619;  
43376;43377; 44620;44621;  
43378;43379; 44622;44623;  
43380;43381; 44624;44625;  
43382;43383; 44626;44627;  
43384;43385; 44628;44629;  
43386;43387; 44630;44631;  
43388;43389; 44632;44633;  
43390;43391; 44634;44635;  
43392;43393; 44636;44637;  
43394;43395; 44638;44639;  
43396;43397; 44640;44641;  
43398;43399; 44642;44643;  
43400;43401; 44644;44645;  
43402;43403; 44646;44647;  
43404;43405; 44648;44649;  
43406;43407; 44650;44651;  
43408;43409; 44652;44653;  
43410;43411; 44654;44655;  
43412;43413; 44656;44657;  
43414;43415; 44658;44659;  
43416;43417; 44660;44661;  
43418;43419; 44662;44663;  
43420;43421; 44664;44665;  
43422;43423; 44666;44667;  
43424;43425; 44668;44669;  
43426;43427; 44670;44671;  
43428;43429; 44672;44673;  
43430;43431; 44674;44675;

43432;43433; 44676;44677;  
43434;43435; 44678;44679;  
43436;43437; 44680;44681;  
43438;43439; 44682;44683;  
43440;43441; 44684;44685;  
43442;43443; 44686;44687;  
43444;43445; 44688;44689;  
43446;43447; 44690;44691;  
43448;43449; 44692;44693;  
43450;43451; 44694;44695;  
43452;43453; 44696;44697;  
43454;43455; 44698;44699;  
43456;43457; 44700;44701;  
43458;43459; 44702;44703;  
43460;43461; 44704;44705;  
43462;43463; 44706;44707;  
43464;43465; 44708;44709;  
43466;43467; 44710;44711;  
43468;43469; 44712;44713;  
43470;43471; 44714;44715;  
43472;43473; 44716;44717;  
43474;43475; 44718;44719;  
43476;43477; 44720;44721;  
43478;43479; 44722;44723;  
43480;43481; 44724;44725;  
43482;43483; 44726;44727;  
43484;43485; 44728;44729;  
43486;43487; 44730;44731;  
43488;43489; 44732;44733;  
43490;43491; 44734;44735;  
43492;43493; 44736;44737;  
43494;43495; 44738;44739;  
43496;43497; 44740;44741;  
43498;43499; 44742;44743;  
43500;43501; 44744;44745;  
43502;43503; 44746;44747;  
43504;43505; 44748;44749;  
43506;43507; 44750;44751;  
43508;43509; 44752;44753;  
43510;43511; 44754;44755;  
43512;43513; 44756;44757;  
43514;43515; 44758;44759;  
43516;43517; 44760;44761;  
43518;43519; 44762;44763;  
43520;43521; 44764;44765;  
43522;43523; 44766;44767;  
43524;43525; 44768;44769;  
43526;43527; 44770;44771;  
43528;43529; 44772;44773;  
43530;43531; 44774;44775;  
43532;43533; 44776;44777;  
43534;43535; 44778;44779;  
43536;43537; 44780;44781;

43538;43539; 44782;44783;  
43540;43541; 44784;44785;  
43542;43543; 44786;44787;  
43544;43545; 44788;44789;  
43546;43547; 44790;44791;  
43548;43549; 44792;44793;  
43550;43551; 44794;44795;  
43552;43553; 44796;44797;  
43554;43555; 44798;44799;  
43556;43557; 44800;44801;  
43558;43559; 44802;44803;  
43560;43561; 44804;44805;  
43562;43563; 44806;44807;  
43564;43565; 44808;44809;  
43566;43567; 44810;44811;  
43568;43569; 44812;44813;  
43570;43571; 44814;44815;  
43572;43573; 44816;44817;  
43574;43575; 44818;44819;  
43576;43577; 44820;44821;  
43578;43579; 44822;44823;  
43580;43581; 44824;44825;  
43582;43583; 44826;44827;  
43584;43585; 44828;44829;  
43586;43587; 44830;44831;  
43588;43589; 44832;44833;  
43590;43591; 44834;44835;  
43592;43593; 44836;44837;  
43594;43595; 44838;44839;  
43596;43597; 44840;44841;  
43598;43599; 44842;44843;  
43600;43601; 44844;44845;  
43602;43603; 44846;44847;  
43604;43605; 44848;44849;  
43606;43607; 44850;44851;  
43608;43609; 44852;44853;  
43610;43611; 44854;44855;  
43612;43613; 44856;44857;  
43614;43615; 44858;44859;  
43616;43617; 44860;44861;  
43618;43619; 44862;44863;  
43620;43621; 44864;44865;  
43622;43623; 44866;44867;  
43624;43625; 44868;44869;  
43626;43627; 44870;44871;  
43628;43629; 44872;44873;  
43630;43631; 44874;44875;  
43632;43633; 44876;44877;  
43634;43635; 44878;44879;  
43636;43637; 44880;44881;  
43638;43639; 44882;44883;  
43640;43641; 44884;44885;  
43642;43643; 44886;44887;



43644;43645; 44888;44889;  
43646;43647; 44890;44891;  
43648;43649; 44892;44893;  
43650;43651; 44894;44895;  
43652;43653; 44896;44897;  
43654;43655; 44898;44899;  
43656;43657; 44900;44901;  
43658;43659; 44902;44903;  
43660;43661; 44904;44905;  
43662;43663; 44906;44907;  
43664;43665; 44908;44909;  
43666;43667; 44910;44911;  
43668;43669; 44912;44913;  
43670;43671; 44914;44915;  
43672;43673; 44916;44917;  
43674;43675; 44918;44919;  
43676;43677; 44920;44921;  
43678;43679; 44922;44923;  
43680;43681; 44924;44925;  
43682;43683; 44926;44927;  
43684;43685; 44928;44929;  
43686;43687; 44930;44931;  
43688;43689; 44932;44933;  
43690;43691; 44934;44935;  
43692;43693; 44936;44937;  
43694;43695; 44938;44939;  
43696;43697; 44940;44941;  
43698;43699; 44942;44943;  
43700;43701; 44944;44945;  
43702;43703; 44946;44947;  
43704;43705; 44948;44949;  
43706;43707; 44950;44951;  
43708;43709; 44952;44953;  
43710;43711; 44954;44955;  
43712;43713; 44956;44957;  
43714;43715; 44958;44959;  
43716;43717; 44960;44961;  
43718;43719; 44962;44963;  
43720;43721; 44964;44965;  
43722;43723; 44966;44967;  
43724;43725; 44968;44969;  
43726;43727; 44970;44971;  
43728;43729; 44972;44973;  
44974;44975;  
44976;44977;  
44978;44979;  
44980;44981;  
44982;44983;  
44984;44985;  
44986;44987;  
44988;44989;  
44990;44991;  
44992;44993;

44994;44995;  
44996;44997;  
44998;44999;  
45000;45001;  
45002;45003;  
45004;45005;  
45006;45007;  
45008;45009;  
45010;45011;  
45012;45013;  
45014;45015;  
45016;45017;  
45018;45019;  
45020;45021;  
45022;45023;  
45024;45025;  
45026;45027;  
45028;45029;  
45030;45031;  
45032;45033;  
45034;45035;  
45036;45037;  
45038;45039;  
45040;45041;  
45042;45043;  
45044;45045;  
45046;45047;  
45048;45049;  
45050;45051;  
45052;45053;  
45054;45055;  
45056;45057;  
45058;45059;  
45060;45061;  
45062;45063;  
45064;45065;  
45066;45067;  
45068;45069;  
45070;45071;  
45072;45073;  
45074;45075;  
45076;45077;  
45078;45079;  
45080;45081;  
45082;45083;  
45084;45085;  
45086;45087;  
45088;45089;  
45090;45091;  
45092;45093;  
45094;45095;  
45096;45097;  
45098;45099;

45100;45101;  
45102;45103;  
45104;45105;  
45106;45107;  
45108;45109;  
45110;45111;  
45112;45113;  
45114;45115;  
45116;45117;  
45118;45119;  
45120;45121;  
45122;45123;  
45124;45125;  
45126;45127;  
45128;45129;  
45130;45131;  
45132;45133;  
45134;45135;  
45136;45137;  
45138;45139;  
45140;45141;  
45142;45143;  
45144;45145;  
45146;45147;  
45148;45149;  
45150;45151;  
45152;45153;  
45154;45155;  
45156;45157;  
45158;45159;  
45160;45161;  
45162;45163;  
45164;45165;  
45166;45167;  
45168;45169;  
45170;45171;  
45172;45173;  
45174;45175;  
45176;45177;  
45178;45179;  
45180;45181;  
45182;45183;  
45184;45185;  
45186;45187;  
45188;45189;  
45190;45191;  
45192;45193;  
45194;45195;  
45196;45197;  
45198;45199;  
45200;45201;  
45202;45203;  
45204;45205;

45206;45207;  
45208;45209;  
45210;45211;  
45212;45213;  
45214;45215;  
45216;45217;  
45218;45219;  
45220;45221;  
45222;45223;  
45224;45225;  
45226;45227;  
45228;45229;  
45230;45231;  
45232;45233;  
45234;45235;  
45236;45237;  
45238;45239;  
45240;45241;  
45242;45243;  
45244;45245;  
45246;45247;  
45248;45249;  
45250;45251;  
45252;45253;  
45254;45255;  
45256;45257;  
45258;45259;  
45260;45261;  
45262;45263;  
45264;45265;  
45266;45267;  
45268;45269;  
45270;45271;  
45272

SGFIEEE 10 1179.566 Q61MW7;Q804 pvalb4 1;2 6.24E-75 206.78 7.55E+09 1356 403

ELK

V8

43730;43731; 45273;45274;  
43732;43733; 45275;45276;  
43734;43735; 45277;45278;  
43736;43737; 45279;45280;  
43738;43739; 45281;45282;  
43740;43741; 45283;45284;  
43742;43743; 45285;45286;  
43744;43745; 45287;45288;  
43746;43747; 45289;45290;  
43748;43749; 45291;45292;  
43750;43751; 45293;45294;  
43752;43753; 45295;45296;  
43754;43755; 45297;45298;  
43756;43757; 45299;45300;  
43758;43759; 45301;45302;  
43760;43761; 45303;45304;  
43762;43763; 45305;45306;  
43764;43765; 45307;45308;  
43766;43767; 45309;45310;

											43768;43769; 43770;43771; 43772;43773; 43774;43775; 43776;43777; 43778;43779; 43780;43781; 43782;43783; 43784;43785; 43786;43787; 43788;43789; 43790;43791; 43792;43793; 43794;43795; 43796;43797; 43798;43799	45311;45312; 45313;45314; 45315;45316; 45317;45318; 45319;45320; 45321;45322; 45323;45324; 45325;45326; 45327;45328; 45329;45330; 45331;45332; 45333;45334; 45335;45336; 45337;45338; 45339;45340; 45341;45342; 45343;45344; 45345;45346; 45347;45348; 45349;45350; 45351;45352; 45353;45354; 45355;45356; 45357;45358; 45359;45360; 45361;45362; 45363;45364; 45365;45366; 45367;45368; 45369;45370; 45371;45372; 45373;45374; 45375;45376; 45377;45378; 45379
SGFSSIS VSR	10	1025.514	CON__P04259	2	3.35E-11	142.56	4.7E+08	1357	222	1458	45380;45381; 45382;45383; 45384;45385; 45386;45387; 45388;45389; 45390;45391; 45392;45393; 45394;45395; 45396;45397; 45398	
SGFSSV SVSR	10	1011.499	CON__P02538	2	2.65E-48	158.76	3.81E+08	1358	219	1459	45399;45400; 45401;45402; 45403;45404; 45405;45406	
SGGGFS SGSAGII NYQR	17	1656.786	CON__P04264	2	0	286.93	7.74E+08	1359	223	1460	45407;45408; 45409;45410; 45411;45412; 45413;45414;	

SGGGG	16	1231.591	CON_P35527	2	0	270.85	2.43E+09	1360	230	1461
GGGLG										
SGGSIR										

45415;45416;  
 45417;45418;  
 45419;45420;  
 45421;45422;  
 45423;45424;  
 45425;45426;  
 45427;45428;  
 45429;45430;  
 45431;45432;  
 45433;45434;  
 45435;45436;  
 45437;45438;  
 45439;45440;  
 45441;45442;  
 45443;45444;  
 45445;45446;  
 45447;45448;  
 45449;45450;  
 45451;45452;  
 45453;45454;  
 45455;45456;  
 45457;45458;  
 45459;45460;  
 45461;45462;  
 45463;45464;  
 45465  
 45466;45467;  
 45468;45469;  
 45470;45471;  
 45472;45473;  
 45474;45475;  
 45476;45477;  
 45478;45479;  
 45480;45481;  
 45482;45483;  
 45484;45485;  
 45486;45487;  
 45488;45489;  
 45490;45491;  
 45492;45493;  
 45494;45495;  
 45496;45497;  
 45498;45499;  
 45500;45501;  
 45502;45503;  
 45504;45505;  
 45506;45507;  
 45508;45509;  
 45510;45511;  
 45512;45513;  
 45514;45515;  
 45516;45517;  
 45518;45519;

SGGWN TPIGK	10	1015.509	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;B8Q6 85;A0A0R4IHQ 0;X1WE71	tfa	Serotransferrin	1;2	5E-163	228.05	1.98E+09	1361	211	45520;45521; 45522;45523; 45524;45525; 45526;45527; 45528;45529; 45530;45531; 45532;45533; 45534;45535; 45536;45537; 45538;45539; 45540;45541; 45542;45543; 45544;45545; 45546;45547; 45548;45549; 45550;45551; 45552;45553; 45554;45555; 45556;45557; 45558;45559; 45560;45561; 45562;45563; 45564;45565 43915;43916; 43917;43918; 43919;43920; 43921;43922; 43923;43924; 43925;43926; 43927;43928; 43929;43930; 43931;43932; 43933;43934; 43935;43936; 43937;43938; 43939;43940; 43941;43942; 43943;43944; 43945;43946; 43947;43948; 43949;43950; 43951;43952; 43953;43954; 43955;43956; 43957;43958; 43959;43960; 43961;43962; 43963;43964; 43965;43966 43967;43968; 43969;43970; 43971;43972; 43973;43974;	45566;45567; 45568;45569; 45570;45571; 45572;45573; 45574;45575; 45576;45577; 45578;45579; 45580;45581; 45582;45583; 45584;45585; 45586;45587; 45588;45589; 45590;45591; 45592;45593; 45594;45595; 45596;45597; 45598;45599; 45600;45601; 45602;45603; 45604;45605; 45606;45607; 45608;45609; 45610 45611;45612; 45613;45614; 45615;45616; 45617;45618;
SGIYPG VLYPGS R	13	1364.709	Q5BL32;Q1LX A0;A5WV48	arsa		2	0.007025	64.439	1.53E+08	1362	135		

SGSDTT	19	1947.9	A0A0B5JS86;A	Si:dkey-	2	6.6E-184	215.09	7.74E+08	1363	6	1464;1465	43975;43976; 43977;43978; 43979;43980; 43981;43982; 43983;43984; 43985;43986; 43987;43988; 43989;43990; 43991	45619;45620; 45621;45622; 45623;45624; 45625;45626; 45627;45628; 45629;45630; 45631;45632	
ALGSW			2CEY7	251i10.2;								45633;45634; 45635;45636; 45637;45638; 45639;45640; 45641;45642; 45643;45644; 45645;45646; 45647;45648; 45649;45650; 45651;45652; 45653;45654; 45655;45656; 45657;45658; 45659;45660; 45661;45662; 45663;45664; 45665;45666; 45667;45668; 45669;45670; 45671;45672; 45673;45674; 45675;45676; 45677;45678; 45679;45680; 45681;45682; 45683;45684; 45685;45686; 45687;45688; 45689;45690; 45691;45692; 45693;45694; 45695;45696; 45697;45698; 45699;45700; 45701;45702; 45703;45704; 45705;45706; 45707;45708; 45709;45710; 45711;45712; 45713;45714; 45715;45716; 45717;45718; 45719;45720;		
QMPPA				si:dkey-										
NTK				251i10.2										



SIAVDN VQR	9	1000.53	Q642H0;B0VE Q2	tspan7b	Tetraspanin	2	5.16E-05	122.74	1.73E+08	1364	181	45721;45722; 45723;45724; 45725;45726; 45727;45728; 45729;45730; 45731;45732; 45733;45734; 45735;45736; 45737;45738 44101;44102; 44103;44104; 44105;44106; 44107;44108; 44109;44110; 44111	45739
SIAVEP GNQWF VTGSA DR	18	1932.933	Q6TNR7;F1QS Z2;Q6DRE2;Q5 U3B5;E7F399; B5DDG5	plrg1		2	2.46E-09	107.65	15797000	1365	317	44112;44113; 44114;44115	45740;45741; 45742
SIEELA NTLNSA K	13	1388.715	A0A0R4IGG3; A0A0R4I9C4;E 9QBF0	tpi1b	Triosephosphate isomerase	2;3	1.4E-200	245.4	9.92E+08	1366	29	44116;44117; 44118;44119; 44120;44121; 44122;44123; 44124;44125; 44126;44127; 44128;44129; 44130;44131; 44132;44133; 44134;44135; 44136;44137; 44138;44139; 44140;44141; 44142;44143; 44144;44145; 44146;44147; 44148;44149; 44150;44151; 44152;44153; 44154;44155; 44156;44157; 44158;44159; 44160;44161; 44162;44163; 44164;44165	45743;45744; 45745;45746; 45747;45748; 45749;45750; 45751;45752; 45753;45754; 45755;45756; 45757;45758; 45759;45760; 45761;45762; 45763;45764; 45765;45766; 45767;45768; 45769;45770; 45771;45772; 45773;45774; 45775;45776; 45777;45778; 45779;45780; 45781;45782; 45783;45784; 45785;45786; 45787;45788; 45789;45790; 45791;45792; 45793;45794; 45795;45796; 45797;45798; 45799;45800; 45801;45802; 45803;45804; 45805;45806; 45807;45808; 45809;45810

SIESAM NELFR	11	1295.618	F1R074;A0A0R 4IJ40;B3GQ71; B3GQ72;A0A0 R4IPG9	agrn		2	0.020572	64.04	7696700	1367	65	44166;44167; 44168;44169; 44170;44171	45811;45812
SIGVPIK	7	712.4483	Q7ZVB5	snrpd31		1	0.018428	56.122	59026000	1368	443	44172;44173; 44174;44175; 44176;44177	45813;45814
SIIMLPI GGFDD GLHSQ NEK	20	2170.073	X1WHB9	zgc:1141 81	3	3.16E-23	97.32	2.17E+08	1369	469	1471;1472	45815;45816; 45817;45818; 45819;45820; 45821;45822; 45823;45824; 45825;45826; 45827;45828; 45829;45830; 45831;45832; 45833;45834; 45835;45836; 45837;45838; 45839;45840 45841	
SILFYG R	7	854.465	F8W412;E7EX C4;Q6TGU1;F1 R9A9	serpinb11 4;serpinb 111	2	0.044725	87.582	46013000	1370	238	1473		
SILTPVT ELVDK	12	1313.744	Q5TZ29	apobb.1		2	1.26E-51	162.36	8.26E+09	1371	385	44254;44255; 44256;44257; 44258;44259; 44260;44261; 44262;44263; 44264;44265; 44266;44267; 44268;44269; 44270;44271; 44272;44273; 44274;44275; 44276;44277; 44278;44279; 44280;44281; 44282;44283; 44284;44285; 44286;44287; 44288;44289; 44290;44291; 44292;44293; 44294;44295; 44296;44297; 44298;44299; 44300;44301; 44302;44303; 44304;44305; 44306;44307; 44308;44309; 44310;44311; 44312;44313;	45842;45843; 45844;45845; 45846;45847; 45848;45849; 45850;45851; 45852;45853; 45854;45855; 45856;45857; 45858;45859; 45860;45861; 45862;45863; 45864;45865; 45866;45867; 45868;45869; 45870;45871; 45872;45873; 45874;45875; 45876;45877; 45878;45879; 45880;45881; 45882;45883; 45884;45885; 45886;45887; 45888;45889; 45890;45891; 45892;45893; 45894;45895; 45896;45897; 45898;45899; 45900;45901;

44314;44315; 45902;45903;  
44316;44317; 45904;45905;  
44318;44319; 45906;45907;  
44320;44321; 45908;45909;  
44322;44323; 45910;45911;  
44324;44325; 45912;45913;  
44326;44327; 45914;45915;  
44328;44329; 45916;45917;  
44330;44331; 45918;45919;  
44332;44333; 45920;45921;  
44334;44335; 45922;45923;  
44336;44337; 45924;45925;  
44338;44339; 45926;45927;  
44340;44341; 45928;45929;  
44342;44343; 45930;45931;  
44344;44345; 45932;45933;  
44346;44347; 45934;45935;  
44348;44349; 45936;45937;  
44350;44351; 45938;45939;  
44352;44353; 45940;45941;  
44354;44355; 45942;45943;  
44356;44357; 45944;45945;  
44358;44359; 45946;45947;  
44360;44361; 45948;45949;  
44362;44363; 45950;45951;  
44364;44365; 45952;45953;  
44366;44367; 45954;45955;  
44368;44369; 45956;45957;  
44370;44371; 45958;45959;  
44372;44373; 45960;45961;  
44374;44375; 45962;45963;  
44376;44377; 45964;45965;  
44378;44379; 45966;45967;  
44380;44381; 45968;45969;  
44382;44383; 45970;45971;  
44384;44385; 45972;45973;  
44386;44387; 45974;45975;  
44388;44389; 45976;45977;  
44390;44391; 45978;45979;  
44392;44393; 45980;45981;  
44394;44395; 45982;45983;  
44396;44397; 45984;45985;  
44398;44399; 45986;45987;  
44400;44401; 45988;45989;  
44402;44403; 45990;45991;  
44404;44405; 45992;45993;  
44406;44407; 45994;45995;  
44408;44409; 45996;45997;  
44410;44411; 45998;45999;  
44412;44413; 46000;46001;  
44414;44415; 46002;46003;  
44416;44417; 46004;46005;  
44418;44419; 46006;46007;

44420;44421; 46008;46009;  
44422;44423; 46010;46011;  
44424;44425; 46012;46013;  
44426;44427; 46014;46015;  
44428;44429; 46016;46017;  
44430;44431; 46018;46019;  
44432;44433; 46020;46021;  
44434;44435; 46022;46023;  
44436;44437; 46024;46025;  
44438;44439; 46026;46027;  
44440;44441; 46028;46029;  
44442;44443; 46030;46031;  
44444;44445; 46032;46033;  
44446;44447; 46034;46035;  
44448;44449; 46036;46037;  
44450;44451; 46038;46039;  
44452;44453; 46040;46041;  
44454;44455; 46042;46043;  
44456;44457; 46044;46045;  
44458;44459; 46046;46047;  
44460;44461; 46048;46049;  
44462;44463; 46050;46051;  
44464;44465; 46052;46053;  
44466;44467; 46054;46055;  
44468;44469; 46056;46057;  
44470;44471; 46058;46059;  
44472;44473; 46060;46061;  
44474;44475; 46062;46063;  
44476;44477; 46064;46065;  
44478;44479; 46066;46067;  
44480;44481; 46068;46069;  
44482;44483; 46070;46071;  
44484;44485; 46072;46073;  
44486;44487; 46074;46075;  
44488;44489; 46076;46077;  
44490;44491; 46078;46079;  
44492;44493; 46080;46081;  
44494;44495; 46082;46083;  
44496;44497; 46084;46085;  
44498;44499; 46086;46087;  
44500;44501; 46088;46089;  
44502;44503; 46090;46091;  
44504;44505; 46092;46093;  
44506;44507; 46094;46095;  
44508;44509; 46096;46097;  
44510;44511; 46098;46099;  
44512;44513; 46100;46101;  
44514;44515; 46102;46103;  
44516;44517; 46104;46105;  
44518;44519; 46106;46107;  
44520;44521; 46108;46109;  
44522;44523; 46110;46111;  
44524;44525; 46112;46113;

												44526;44527; 44528;44529; 44530	46114;46115; 46116;46117; 46118;46119; 46120;46121; 46122;46123; 46124;46125; 46126;46127; 46128;46129; 46130;46131; 46132;46133; 46134;46135; 46136;46137; 46138;46139; 46140;46141; 46142;46143; 46144;46145; 46146;46147; 46148
SILYDE QSVHK	11	1317.657	Q1LWX4;Q6PB Y5;Q4VBR8;B3 DG31;X1WE08	si:rp71- 45k5.4;ps ma2	Proteasome subunit alpha type	2;3	1.37E-07	108.7	3.62E+08	1372	194	44531;44532; 44533;44534; 44535;44536; 44537;44538; 44539;44540; 44541;44542; 44543;44544; 44545;44546; 44547;44548; 44549;44550; 44551;44552; 44553;44554; 44555;44556; 44557;44558; 44559;44560; 44561;44562; 44563;44564; 44565	46149;46150; 46151;46152; 46153;46154; 46155;46156; 46157;46158; 46159;46160; 46161;46162; 46163;46164; 46165
SIQADY LSIENK	12	1379.693	Q75NR9;Q1LW 01;Q1LW00;Q4 G0A2;F1QCK9; E7EXQ9;E7FB C5	he1b;he1 a	Metalloendopeptid ase	2	2.46E-25	179.57	81532000	1373	362	44566;44567; 44568;44569; 44570;44571; 44572;44573; 44574;44575; 44576;44577	46166;46167; 46168;46169; 46170;46171; 46172
SIQFEYI SDK	10	1228.598	E7FBD3	apoba		2	0.003319	94.692	1.31E+08	1374	264	44578;44579; 44580;44581; 44582;44583; 44584;44585; 44586;44587; 44588;44589; 44590;44591; 44592;44593; 44594;44595; 44596;44597; 44598;44599;	46173;46174; 46175;46176; 46177;46178; 46179;46180; 46181;46182; 46183;46184; 46185;46186; 46187;46188; 46189;46190; 46191;46192; 46193;46194;

SISISVA R	8	831.4814	CON_P04264		2	0.001426	139.28	2.26E+09	1375	223	1478	44600;44601; 44602;44603; 44604;44605; 44606;44607	46195;46196; 46197;46198; 46199;46200; 46201;46202; 46203
SITVQTI SGTGSL R	14	1418.773	Q7SYK7	got2a	Aspartate aminotransferase	2	0.000476	93.258	1.73E+08	1376	431	46204;46205; 46206;46207; 46208;46209; 46210;46211; 46212;46213; 46214;46215; 46216;46217; 46218;46219; 46220;46221; 46222;46223; 46224 44631;44632; 44633;44634; 44635;44636; 44637;44638; 44639;44640; 44641;44642; 44643;44644; 44645;44646; 44647;44648; 44649;44650	46225;46226; 46227;46228; 46229;46230; 46231;46232; 46233;46234; 46235;46236; 46237;46238; 46239;46240; 46241;46242; 46243;46244; 46245
SIYDHG ELLEFA R	13	1548.757	F1RBR6;Z4YJ5 8	pter		2;3	0.000617	91.937	22832000	1377	338	44651;44652; 44653;44654	46246;46247; 46248
SLAEVA TLVAR	11	1128.65	Q5XLR3;B3DG T7	ncstn		2	0.023184	71.349	11929000	1378	195	44655;44656; 44657;44658	46249;46250
SLDFTY DPSGFS TLPDLV K	19	2101.026	E7FCP7	LOC1003 32784	2	2.06E-16	150.26	3.15E+08	1379	266	1482	46251;46252; 46253;46254; 46255;46256; 46257;46258; 46259;46260; 46261;46262; 46263;46264; 46265;46266; 46267;46268; 46269;46270; 46271;46272; 46273;46274; 46275;46276; 46277;46278; 46279;46280; 46281;46282; 46283;46284; 46285;46286; 46287;46288; 46289;46290; 46291;46292;	

SLDFYTR	7	900.4341	Q6P696	glol	Lactoylglutathione lyase	2	0.013288	132.09	4.28E+08	1380	421	46293;46294; 46295;46296; 46297;46298; 46299;46300; 46301;46302; 46303;46304; 46305;46306; 46307 44710;44711; 44712;44713; 44714;44715; 44716;44717; 44718;44719; 44720;44721; 44722;44723; 44724;44725; 44726;44727; 44728;44729; 44730;44731; 44732;44733; 44734;44735; 44736;44737; 44738;44739; 44740;44741; 44742;44743; 44744;44745; 44746 44747;44748; 44749;44750; 44751;44752; 44753;44754; 44755;44756; 44757;44758; 44759;44760; 44761;44762; 44763;44764; 44765;44766; 44767 46308;46309; 46310;46311; 46312;46313; 46314;46315; 46316;46317; 46318;46319; 46320;46321; 46322;46323; 46324;46325; 46326;46327; 46328;46329; 46330;46331; 46332;46333; 46334;46335; 46336;46337	
SLDGSDMNGDSIPDVAVGGFGK	23	2193.985	F1QFF4;F1QC06	itga2.2		2	0.000161	66.285	67789000	1381	297	44747;44748; 44749;44750; 44751;44752; 44753;44754; 44755;44756; 44757;44758; 44759;44760; 44761;44762; 44763;44764; 44765;44766; 44767 46338;46339; 46340;46341; 46342;46343; 46344;46345; 46346;46347; 46348	
SLDLDSIIAEVK	12	1301.708	CON__P04264		2;3		9.6E-123	199.11	1.45E+10	1382	223	1485	46349;46350; 46351;46352; 46353;46354; 46355;46356; 46357;46358; 46359;46360; 46361;46362; 46363;46364; 46365;46366; 46367;46368; 46369;46370; 46371;46372; 46373;46374; 46375;46376; 46377;46378;

46379;46380;  
46381;46382;  
46383;46384;  
46385;46386;  
46387;46388;  
46389;46390;  
46391;46392;  
46393;46394;  
46395;46396;  
46397;46398;  
46399;46400;  
46401;46402;  
46403;46404;  
46405;46406;  
46407;46408;  
46409;46410;  
46411;46412;  
46413;46414;  
46415;46416;  
46417;46418;  
46419;46420;  
46421;46422;  
46423;46424;  
46425;46426;  
46427;46428;  
46429;46430;  
46431;46432;  
46433;46434;  
46435;46436;  
46437;46438;  
46439;46440;  
46441;46442;  
46443;46444;  
46445;46446;  
46447;46448;  
46449;46450;  
46451;46452;  
46453;46454;  
46455;46456;  
46457;46458;  
46459;46460;  
46461;46462;  
46463;46464;  
46465;46466;  
46467;46468;  
46469;46470;  
46471;46472;  
46473;46474;  
46475;46476;  
46477;46478;  
46479;46480;  
46481;46482;  
46483;46484;



46485;46486;  
46487;46488;  
46489;46490;  
46491;46492;  
46493;46494;  
46495;46496;  
46497;46498;  
46499;46500;  
46501;46502;  
46503;46504;  
46505;46506;  
46507;46508;  
46509;46510;  
46511;46512;  
46513;46514;  
46515;46516;  
46517;46518;  
46519;46520;  
46521;46522;  
46523;46524;  
46525;46526;  
46527;46528;  
46529;46530;  
46531;46532;  
46533;46534;  
46535;46536;  
46537;46538;  
46539;46540;  
46541;46542;  
46543;46544;  
46545;46546;  
46547;46548;  
46549;46550;  
46551;46552;  
46553;46554;  
46555;46556;  
46557;46558;  
46559;46560;  
46561;46562;  
46563;46564;  
46565;46566;  
46567;46568;  
46569;46570;  
46571;46572;  
46573;46574;  
46575;46576;  
46577;46578;  
46579;46580;  
46581;46582;  
46583;46584;  
46585;46586;  
46587;46588;  
46589;46590;

46591;46592;  
46593;46594;  
46595;46596;  
46597;46598;  
46599;46600;  
46601;46602;  
46603;46604;  
46605;46606;  
46607;46608;  
46609;46610;  
46611;46612;  
46613;46614;  
46615;46616;  
46617;46618;  
46619;46620;  
46621;46622;  
46623;46624;  
46625;46626;  
46627;46628;  
46629;46630;  
46631;46632;  
46633;46634;  
46635;46636;  
46637;46638;  
46639;46640;  
46641;46642;  
46643;46644;  
46645;46646;  
46647;46648;  
46649;46650;  
46651;46652;  
46653;46654;  
46655;46656;  
46657;46658;  
46659;46660;  
46661;46662;  
46663;46664;  
46665;46666;  
46667;46668;  
46669;46670;  
46671;46672;  
46673;46674;  
46675;46676;  
46677;46678;  
46679;46680;  
46681;46682;  
46683;46684;  
46685;46686;  
46687;46688;  
46689;46690;  
46691;46692;  
46693;46694;  
46695;46696;

SLDQAF QILNQK	12	1403.741	B2GSM4;F1QV T8	enpp6	2	0.025868	56.729	8959400	1383	191	46697;46698; 46699;46700; 46701;46702; 46703;46704; 46705;46706; 46707;46708; 46709;46710; 46711;46712; 46713;46714; 46715;46716; 46717;46718; 46719 45196;45197; 45198;45199; 45200	46720
SLEENN QLR	9	1101.542	F1QU32;F1QT6 5;A0A0G2KIM 0;B0JZL8;Q502 P2	homer2	2	1.06E-23	173.88	2.51E+08	1384	10	45201;45202; 45203;45204; 45205;45206; 45207;45208; 45209;45210; 45211;45212; 45213;45214; 45215;45216; 45217;45218; 45219;45220; 45221;45222	46721;46722; 46723;46724; 46725;46726
SLLEGE GSSGGG GR	14	1261.59	CON__P13645	2	8.3E-39	157.78	1.48E+09	1385	227	1488	46727;46728; 46729;46730; 46731;46732; 46733;46734; 46735;46736; 46737;46738; 46739;46740; 46741;46742; 46743;46744; 46745;46746; 46747;46748; 46749;46750; 46751;46752; 46753;46754; 46755;46756; 46757;46758; 46759;46760; 46761;46762; 46763;46764; 46765;46766; 46767;46768; 46769;46770; 46771;46772; 46773;46774; 46775;46776; 46777;46778; 46779;46780;	

SLLEVR	7	852.4818	F1QS22;Q7ZV D6;Q6IQF1	zgc:5609 5	Ferritin	2	0.033885	101.21	1.6E+08	1386	315	46781;46782; 46783;46784; 46785;46786; 46787;46788; 46789;46790; 46791;46792; 46793;46794; 46795;46796; 46797;46798; 46799;46800; 46801;46802; 46803;46804; 46805;46806; 46807;46808; 46809;46810; 46811;46812; 46813;46814; 46815;46816; 46817;46818; 46819;46820; 46821;46822; 46823;46824; 46825;46826; 46827;46828; 46829;46830; 46831;46832; 46833;46834; 46835;46836; 46837;46838; 46839;46840; 46841 45274;45275; 45276;45277; 45278;45279; 45280;45281; 45282;45283; 45284;45285; 45286;45287; 45288;45289; 45290;45291; 45292;45293; 45294;45295; 45296;45297; 45298;45299; 45300;45301; 45302 46842;46843; 46844;46845
SLLVQAE EGIEK	11	1185.661	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9;X1W C44	a2ml;si:c h211- 212c13.8	2	4.6E-30	171.56	2.25E+09	1387	106; 467	1490	46846;46847; 46848;46849; 46850;46851; 46852;46853; 46854;46855; 46856;46857; 46858;46859;



SLLVTP VLDAG R	12	1239.719	E7FCP7	LOC1003 32784	2	1.28E-29	153.97	7.75E+08	1389	266	1492	46965;46966; 46967;46968; 46969;46970; 46971;46972; 46973;46974; 46975 46976;46977; 46978;46979; 46980;46981; 46982;46983; 46984;46985; 46986;46987; 46988;46989; 46990;46991; 46992;46993; 46994;46995; 46996;46997; 46998;46999; 47000;47001; 47002;47003; 47004;47005; 47006;47007; 47008;47009; 47010;47011; 47012;47013; 47014;47015; 47016;47017; 47018;47019; 47020
SLNNQF ASFIDK	12	1382.683	CON__P04264		2	1.2E-106	189.72	4.39E+09	1390	223	1493	47021;47022; 47023;47024; 47025;47026; 47027;47028; 47029;47030; 47031;47032; 47033;47034; 47035;47036; 47037;47038; 47039;47040; 47041;47042; 47043;47044; 47045;47046; 47047;47048; 47049;47050; 47051;47052; 47053;47054; 47055;47056; 47057;47058; 47059;47060; 47061;47062; 47063;47064; 47065;47066; 47067;47068;

47069;47070;  
47071;47072;  
47073;47074;  
47075;47076;  
47077;47078;  
47079;47080;  
47081;47082;  
47083;47084;  
47085;47086;  
47087;47088;  
47089;47090;  
47091;47092;  
47093;47094;  
47095;47096;  
47097;47098;  
47099;47100;  
47101;47102;  
47103;47104;  
47105;47106;  
47107;47108;  
47109;47110;  
47111;47112;  
47113;47114;  
47115;47116;  
47117;47118;  
47119;47120;  
47121;47122;  
47123;47124;  
47125;47126;  
47127;47128;  
47129;47130;  
47131;47132;  
47133;47134;  
47135;47136;  
47137;47138;  
47139;47140;  
47141;47142;  
47143;47144;  
47145;47146;  
47147;47148;  
47149;47150;  
47151;47152;  
47153;47154;  
47155;47156;  
47157;47158;  
47159;47160;  
47161;47162;  
47163;47164;  
47165;47166;  
47167;47168;  
47169;47170

SLPATA DFTTDV DAPR	16	1675.805	E7EZJ2	CABZ01 048373.1	2	0.001217	75.479	3623100	1391	245	1494	47171;47172	
SLVFAD LTPEEY K	13	1510.756	F1R2V0	aoc2		2	9.1E-06	117.67	11940000	1392	326	45627;45628; 45629;45630	47173;47174; 47175;47176
SLVNLG GSK	9	873.492	CON__P04264		2	1.45E-06	141.52	6.27E+09	1393	223	1496	47177;47178; 47179;47180; 47181;47182; 47183;47184; 47185;47186; 47187;47188; 47189;47190; 47191;47192; 47193;47194; 47195;47196; 47197;47198; 47199;47200; 47201;47202; 47203;47204; 47205;47206; 47207;47208; 47209;47210; 47211;47212; 47213;47214; 47215;47216; 47217;47218; 47219;47220; 47221;47222; 47223;47224; 47225;47226; 47227;47228; 47229;47230; 47231;47232; 47233;47234; 47235;47236; 47237;47238; 47239;47240; 47241;47242; 47243;47244; 47245;47246; 47247;47248; 47249;47250; 47251;47252; 47253;47254; 47255;47256	
SLYGLG GSK	9	880.4654	CON__P02538; CON__P04259		2	0.006413	97.635	3.2E+08	1394	219;222	1497	45701;4570 2;45703;45 704;45705; 45706;4570 7;45708;45 709;45710; 45711;4571	



SMPTV NLSGLD LHPPVT FR	19	2080.078	Q0P4A5;B2CQ D3	npm2b	2,3	7.63E-11	89.846	95737000	1395	2;45713;45714;45715 184	45716;45717; 45718;45719; 45720;45721; 45722;45723; 45724;45725; 45726;45727; 45728	47260;47261; 47262;47263; 47264;47265; 47266;47267; 47268;47269
SMTEAE TDIDAP TNLMT R	18	1994.893	F1QSR3;O5758 7;B0S6K5;A0A 0B5JFC8;A0A0 R4ITL5	tnw	2	0	335.2	6.21E+08	1396	90;2	45729;45730; 45731;45732; 45733;45734; 45735;45736; 45737;45738; 45739;45740; 45741;45742; 45743;45744; 45745;45746; 45747;45748; 45749;45750; 45751;45752; 45753;45754; 45755;45756; 45757;45758; 45759;45760; 45761;45762; 45763;45764; 45765;45766; 45767;45768; 45769;45770; 45771;45772; 45773;45774; 45775;45776; 45777;45778; 45779;45780; 45781;45782; 45783;45784; 45785;45786; 45787	47270;47271; 47272;47273; 47274;47275; 47276;47277; 47278;47279; 47280;47281; 47282;47283; 47284;47285; 47286;47287; 47288;47289; 47290;47291; 47292;47293; 47294;47295; 47296;47297; 47298;47299; 47300;47301; 47302;47303; 47304;47305; 47306;47307; 47308;47309; 47310;47311; 47312;47313; 47314;47315; 47316;47317; 47318;47319; 47320;47321; 47322;47323; 47324;47325; 47326;47327; 47328;47329; 47330;47331; 47332;47333; 47334;47335; 47336;47337; 47338;47339; 47340;47341; 47342;47343; 47344;47345; 47346;47347
SMTEAE TEIDAP K	13	1420.639	B0S6K6	tnw	2	6.07E-28	154.24	1.18E+09	1397	179	45788;45789; 45790;45791; 45792;45793; 45794;45795; 45796;45797;	47348;47349; 47350;47351; 47352;47353; 47354;47355; 47356;47357;

SNIDGT 10 1136.546 Q5TZ29 apobb.1 2 1.26E-63 204.07 2.75E+09 1398 385  
FLDR

45798;45799; 47358;47359;  
45800;45801; 47360;47361;  
45802;45803; 47362;47363;  
45804;45805; 47364;47365;  
45806;45807; 47366;47367;  
45808;45809; 47368;47369;  
45810;45811; 47370;47371;  
45812;45813; 47372;47373;  
45814;45815; 47374;47375;  
45816;45817; 47376;47377;  
45818;45819; 47378;47379;  
45820;45821; 47380;47381;  
45822;45823; 47382;47383;  
45824;45825; 47384;47385;  
45826;45827; 47386;47387;  
45828;45829; 47388;47389;  
45830;45831; 47390;47391;  
45832;45833; 47392;47393;  
45834;45835; 47394;47395;  
45836;45837; 47396;47397;  
45838;45839; 47398  
45840;45841;  
45842;45843  
45844;45845; 47399;47400;  
45846;45847; 47401;47402;  
45848;45849; 47403;47404;  
45850;45851; 47405;47406;  
45852;45853; 47407;47408;  
45854;45855; 47409;47410;  
45856;45857; 47411;47412;  
45858;45859; 47413;47414;  
45860;45861; 47415;47416;  
45862;45863; 47417;47418;  
45864;45865; 47419;47420;  
45866;45867; 47421;47422;  
45868;45869; 47423;47424;  
45870;45871; 47425;47426;  
45872;45873; 47427;47428;  
45874;45875; 47429;47430;  
45876;45877; 47431;47432;  
45878;45879; 47433;47434;  
45880;45881; 47435;47436;  
45882;45883; 47437;47438;  
45884;45885; 47439;47440;  
45886;45887; 47441;47442;  
45888;45889; 47443;47444;  
45890 47445;47446;  
47447;47448;  
47449;47450;  
47451;47452;  
47453;47454;  
47455;47456;  
47457;47458;

SNTPIM VDGK	10	1060.522	Q8QFU2;Q7ZU 30;Q5XJ09	gpia	Glucose-6- phosphate isomerase	2	0.039599	46.819	30249000	1399	387	45891;45892; 45893;45894; 45895;45896; 45897;45898; 45899;45900; 45901;45902 47484;47485; 47486;47487; 47488;47489; 47490;47491; 47492;47493; 47494;47495; 47496;47497; 47498;47499; 47500;47501; 47502;47503; 47504;47505; 47506;47507; 47508;47509; 47510;47511; 47512;47513; 47514;47515; 47516;47517; 47518;47519; 47520;47521; 47522;47523; 47524;47525; 47526;47527; 47528;47529; 47530;47531; 47532;47533; 47534;47535; 47536;47537; 47538;47539; 47540;47541; 47542;47543; 47544;47545; 47546;47547; 47548;47549; 47550;47551; 47552;47553;
SNTQED IQTMK	11	1293.587	Q6DHD9;Q561 U4	zgc:1121 60	2	8.2E-132	225.91	5.63E+09	1400	378	1507;1508	47459;47460; 47461;47462; 47463;47464; 47465;47466; 47467;47468; 47469;47470; 47471;47472; 47473;47474; 47475;47476; 47477;47478; 47479;47480; 47481;47482 47483

47554;47555;  
47556;47557;  
47558;47559;  
47560;47561;  
47562;47563;  
47564;47565;  
47566;47567;  
47568;47569;  
47570;47571;  
47572;47573;  
47574;47575;  
47576;47577;  
47578;47579;  
47580;47581;  
47582;47583;  
47584;47585;  
47586;47587;  
47588;47589;  
47590;47591;  
47592;47593;  
47594;47595;  
47596;47597;  
47598;47599;  
47600;47601;  
47602;47603;  
47604;47605;  
47606;47607;  
47608;47609;  
47610;47611;  
47612;47613;  
47614;47615;  
47616;47617;  
47618;47619;  
47620;47621;  
47622;47623;  
47624;47625;  
47626;47627;  
47628;47629;  
47630;47631;  
47632;47633;  
47634;47635;  
47636;47637;  
47638;47639;  
47640;47641;  
47642;47643;  
47644;47645;  
47646;47647;  
47648;47649;  
47650;47651;  
47652;47653;  
47654;47655;  
47656;47657;  
47658;47659;

47660;47661;  
47662;47663;  
47664;47665;  
47666;47667;  
47668;47669;  
47670;47671;  
47672;47673;  
47674;47675;  
47676;47677;  
47678;47679;  
47680;47681;  
47682;47683;  
47684;47685;  
47686;47687;  
47688;47689;  
47690;47691;  
47692;47693;  
47694;47695;  
47696;47697;  
47698;47699;  
47700;47701;  
47702;47703;  
47704;47705;  
47706;47707;  
47708;47709;  
47710;47711;  
47712;47713;  
47714;47715;  
47716;47717;  
47718;47719;  
47720;47721;  
47722;47723;  
47724;47725;  
47726;47727;  
47728;47729;  
47730;47731;  
47732;47733;  
47734;47735;  
47736;47737;  
47738;47739;  
47740;47741;  
47742;47743;  
47744;47745;  
47746;47747;  
47748;47749;  
47750;47751;  
47752;47753;  
47754;47755;  
47756;47757;  
47758;47759;  
47760;47761;  
47762;47763;

SNVAEE ANGPV YAFDK	16	1709.79	Q5BLC3;F1Q77 5	cilp		2	0.000882	77.912	6406500	1401	293	47764;47765; 47766;47767 46074;46075; 46076	47768
SNYGH DIPLK	10	1142.572	Q4V918	psma3	Proteasome subunit alpha type	2	0.042303	56.632	13075000	1402	371	46077;46078; 46079;46080	47769
SPDDPD RYISPD ELADLY K	19	2208.022	Q6PC89	eno1b		3	2.92E-05	49.865	5471600	1403	426	46081;46082	47770
SPDTNY LFMGD YVDR	15	1791.777	Q803G3;Q7ZV E7;Q567Y8;F1 Q6Z7;A0A0R4I V29	ppp2cb;z gc:56064; ppp2ca	Serine/threonine- protein phosphatase	2	4.4E-29	147.33	30433000	1404	292	46083;46084; 46085;46086; 46087;46088; 46089;46090; 46091;46092; 46093	47771;47772; 47773;47774; 47775;47776
SPEEYP VYGQC K	12	1442.639	E7FE90	fetub		2	0.000144	103.55	81672000	1405	269	46094;46095; 46096;46097; 46098;46099; 46100;46101; 46102;46103; 46104;46105; 46106;46107; 46108;46109; 46110;46111; 46112;46113; 46114	47777;47778; 47779;47780; 47781;47782; 47783;47784; 47785;47786; 47787;47788; 47789;47790; 47791;47792
SPFEVD VGMAQ GDSSK	16	1652.735	F1R9P5;E9Q162	flna		2	1.88E-89	188.48	1.09E+08	1406	335	46115;46116; 46117;46118; 46119;46120; 46121;46122; 46123;46124; 46125;46126; 46127;46128; 46129;46130; 46131;46132; 46133;46134; 46135;46136; 46137;46138; 46139;46140	47793;47794; 47795;47796; 47797;47798; 47799;47800; 47801;47802; 47803;47804; 47805;47806; 47807;47808; 47809;47810; 47811;47812; 47813;47814; 47815;47816; 47817
SPFEVE VSK	9	1020.513	A0A0R4IUS4;E 7F1L7	flnca		2	1.67E-06	136.21	4.64E+08	1407	96	46141;46142; 46143;46144; 46145;46146; 46147;46148; 46149;46150; 46151;46152; 46153;46154; 46155;46156; 46157;46158; 46159;46160; 46161;46162; 46163;46164;	47818;47819; 47820;47821; 47822;47823; 47824;47825; 47826;47827; 47828;47829; 47830;47831; 47832;47833; 47834;47835; 47836;47837; 47838;47839; 47840;47841;

SPFEVII SEDAGP QK	15	1615.809	F1QL44;F1QP6 8	flncb	2	0.005794	65.395	5036000	1408	311	46165;46166; 46167;46168; 46169;46170; 46171;46172; 46173 46174;46175	47842;47843; 47844;47845; 47846;47847; 47848;47849; 47850 47851;47852
SPVSAF TVATVT PYPPSG TPIK	22	2216.173	F1QXD5;A2RQ R3;A1KXD7	col10a1a	2;3	3.31E-78	193.16	86171000	1409	120	46176;46177; 46178;46179; 46180;46181; 46182;46183; 46184;46185; 46186;46187; 46188;46189 46190;46191	47853;47854; 47855;47856; 47857;47858; 47859;47860; 47861;47862
SQDDIQ EWAK	10	1218.552	B3DKJ1;Q6PY X2;Q5NJJ5;Q5 NJJ4;A0A0B5J F83;Q5NJJ1;Q5 NJJ2;Q5CZQ6	matn4	2	9.34E-30	174.41	42098000	1410	201	46192;46193; 46194;46195; 46196;46197; 46198;46199; 46200;46201; 46202;46203; 46204;46205; 46206;46207; 46208;46209; 46210;46211; 46212;46213; 46214;46215; 46216;46217; 46218;46219; 46220	47863;47864; 47865 47866;47867; 47868;47869; 47870;47871; 47872;47873; 47874;47875; 47876;47877; 47878;47879; 47880;47881; 47882;47883; 47884;47885; 47886;47887; 47888;47889; 47890;47891; 47892;47893; 47894
SQEVV QLGDP NIK	13	1425.746	F1Q6P3	col6a1	2	7.72E-05	134.3	2.85E+08	1411	291	46221;46222; 46223;46224; 46225;46226; 46227;46228; 46229;46230; 46231;46232; 46233;46234; 46235;46236; 46237;46238; 46239;46240; 46241;46242; 46243;46244; 46245;46246; 46247;46248; 46249;46250; 46251;46252; 46253;46254	47895;47896; 47897;47898; 47899;47900; 47901;47902; 47903;47904; 47905;47906; 47907;47908; 47909;47910; 47911;47912; 47913;47914; 47915;47916; 47917;47918; 47919;47920; 47921;47922
SQFIAA LDANG LDVK	15	1560.815	Q5TZ29	apobb.1	2	1.43E-37	153.75	2.77E+08	1412	385		

SQTEYD VAVTP VYDEG SGNPM LGTAIT DVVPAP K	34	3520.692	E7FG81;I3IT32	col12a1b	3	1.9E-51	87.357	3.3E+08	1413	274	46255;46256; 46257;46258; 46259;46260; 46261;46262; 46263;46264; 46265;46266; 46267;46268; 46269;46270; 46271;46272; 46273;46274; 46275;46276; 46277;46278; 46279;46280; 46281;46282; 46283;46284; 46285;46286; 46287;46288; 46289;46290; 46291;46292; 46293;46294; 46295;46296; 46297;46298; 46299;46300; 46301;46302; 46303;46304; 46305;46306; 46307;46308; 46309;46310; 46311;46312; 46313;46314; 46315;46316; 46317;46318; 46319;46320; 46321;46322; 46323;46324	47923;47924; 47925;47926; 47927;47928; 47929;47930; 47931;47932; 47933;47934; 47935;47936; 47937;47938; 47939;47940; 47941;47942; 47943;47944; 47945;47946; 47947;47948; 47949;47950; 47951;47952; 47953;47954; 47955;47956; 47957;47958; 47959;47960; 47961;47962; 47963;47964; 47965;47966; 47967;47968; 47969;47970; 47971;47972; 47973;47974; 47975;47976; 47977;47978; 47979;47980; 47981;47982; 47983;47984; 47985;47986; 47987;47988; 47989;47990
SQYEQ AEQNR	11	1364.632	CON_P13645	2	7.1E-100	218.94	5.53E+08	1414	227	1522	47991;47992; 47993;47994; 47995;47996; 47997;47998; 47999;48000; 48001;48002; 48003;48004; 48005;48006; 48007;48008; 48009;48010; 48011;48012; 48013;48014; 48015;48016; 48017;48018; 48019	
SQYEQ AEQNR K	12	1492.727	CON_P13645	2;3	1.83E-12	116.77	4.63E+08	1415	227	1523	48020;48021; 48022;48023; 48024;48025;	



SSDNMF QIGK	10	1125.513	Q6DGP6	sub1b		2	5.29E-17	159.58	1.53E+08	1416	397	48026;48027; 48028;48029; 48030;48031; 48032;48033; 48034;48035; 48036 46376;46377; 46378;46379; 46380;46381; 46382;46383; 46384;46385; 46386;46387; 46388;46389; 46390;46391; 46392;46393; 46394;46395; 46396;46397; 46398;46399; 46400;46401; 46402;46403; 46404;46405	48037;48038; 48039;48040; 48041;48042; 48043;48044	
SSGPPQ PGPPGP MGPR	16	1514.73	Q6PEI9;F1QDL 1	coll1a1b		2	1.77E-30	149.33	3.83E+08	1417	299	46406;46407; 46408;46409; 46410;46411; 46412;46413; 46414;46415; 46416;46417; 46418;46419; 46420;46421; 46422;46423; 46424;46425; 46426;46427; 46428;46429; 46430;46431; 46432;46433; 46434;46435; 46436 48045;48046; 48047;48048; 48049;48050; 48051;48052; 48053;48054; 48055;48056; 48057;48058; 48059;48060; 48061;48062; 48063;48064; 48065		
SSIFDA GAGIAL NDHFV K	18	1860.937	A0A0R4IG11		2,3		3.49E-05	61.102	37613000	1418	54	1527	48066;48067; 48068;48069	
SSIGTG YDLSAS TFSPDG R	19	1916.875	Q4V918	psma3	Proteasome subunit alpha type	2	3.33E-10	116.84	8849400	1419	371		46445;46446; 46447;46448; 46449	48070;48071; 48072;48073; 48074
SSLEDA VGLPK	11	1114.587	FIRD57;Q7ZU D9	naalad2		2	0.034145	58.433	1.46E+08	1420	343		46450;46451; 46452;46453; 46454;46455; 46456;46457; 46458;46459; 46460;46461; 46462;46463; 46464;46465;	48075;48076; 48077;48078; 48079;48080; 48081

SSNAEA IQTIAV GK	14	1387.731	Q7SX97;F1QF X9	ctrbl		2;3	0	287.57	2.02E+09	1421	303	46466;46467; 46468 46469;46470; 46471;46472; 46473;46474; 46475;46476; 46477;46478; 46479;46480; 46481;46482; 46483;46484; 46485;46486; 46487;46488; 46489;46490; 46491;46492; 46493;46494; 46495;46496; 46497;46498; 46499;46500; 46501;46502; 46503;46504; 46505	48082;48083; 48084;48085; 48086;48087; 48088;48089; 48090;48091; 48092;48093; 48094;48095; 48096;48097; 48098;48099; 48100;48101; 48102;48103; 48104;48105; 48106;48107; 48108;48109; 48110;48111; 48112;48113; 48114;48115; 48116;48117; 48118;48119; 48120;48121; 48122;48123; 48124;48125; 48126;48127; 48128;48129; 48130
SSNAEP IQTMTV GK	14	1461.713	Q6AZC2;A2VD 37	LOC5621 39	2	4.15E-33	158.05	3.07E+08	1422	122	1531;1532	48131;48132; 48133;48134; 48135;48136; 48137;48138; 48139;48140; 48141;48142; 48143;48144; 48145;48146; 48147;48148; 48149;48150; 48151;48152; 48153	
SSSVAT FPGLAD AVEK	16	1577.794	A2BGQ8	si:ch211- 214j8.1	2	0.000774	78.692	1.07E+08	1423	113	1533	48154;48155; 48156;48157; 48158;48159; 48160;48161	
SSTEAE TEIDAP K	13	1376.631	F1QSR3;O5758 7;B0S6K5;A0A 0B5JFC8	tnw		2	4.71E-67	187.33	3.88E+09	1424	2	46548;46549; 46550;46551; 46552;46553; 46554;46555; 46556;46557; 46558;46559; 46560;46561; 46562;46563; 46564;46565; 46566;46567;	48162;48163; 48164;48165; 48166;48167; 48168;48169; 48170;48171; 48172;48173; 48174;48175; 48176;48177; 48178;48179; 48180;48181;

											46568;46569; 46570;46571; 46572;46573; 46574;46575; 46576	48182;48183; 48184;48185; 48186;48187; 48188;48189; 48190;48191; 48192;48193; 48194;48195; 48196;48197; 48198;48199; 48200;48201; 48202;48203; 48204;48205; 48206;48207; 48208;48209; 48210;48211; 48212;48213; 48214;48215; 48216;48217; 48218;48219; 48220;48221; 48222;48223; 48224;48225; 48226;48227; 48228;48229; 48230;48231; 48232;48233; 48234;48235; 48236;48237; 48238;48239; 48240;48241; 48242
SSVDLF MPK	9	1022.511	Q5SPJ1;Q24JW 6;Q6P519;Q502 P5;Q5SPJ4;X1 WF94	serpinal1; serpinal	1;2	2.71E-11	153.71	1.85E+10	1425	367; 418	1535;1536	48243;48244; 48245;48246; 48247;48248; 48249;48250; 48251;48252; 48253;48254; 48255;48256; 48257;48258; 48259;48260; 48261;48262; 48263;48264; 48265;48266; 48267;48268; 48269;48270; 48271;48272; 48273;48274; 48275;48276; 48277;48278; 48279;48280; 48281;48282; 48283;48284; 48285;48286;

48287;48288;  
48289;48290;  
48291;48292;  
48293;48294;  
48295;48296;  
48297;48298;  
48299;48300;  
48301;48302;  
48303;48304;  
48305;48306;  
48307;48308;  
48309;48310;  
48311;48312;  
48313;48314;  
48315;48316;  
48317;48318;  
48319;48320;  
48321;48322;  
48323;48324;  
48325;48326;  
48327;48328;  
48329;48330;  
48331;48332;  
48333;48334;  
48335;48336;  
48337;48338;  
48339;48340;  
48341;48342;  
48343;48344;  
48345;48346;  
48347;48348;  
48349;48350;  
48351;48352;  
48353;48354;  
48355;48356;  
48357;48358;  
48359;48360;  
48361;48362;  
48363;48364;  
48365;48366;  
48367;48368;  
48369;48370;  
48371;48372;  
48373;48374;  
48375;48376;  
48377;48378;  
48379;48380;  
48381;48382;  
48383;48384;  
48385;48386;  
48387;48388;  
48389;48390;  
48391;48392;

SSVSVL GDILGR	12	1201.667	X1WH59;F1QZ N3	si:ch211- 212c13.1 0	2	3.44E-18	148.91	1.25E+08	1426	325	1537	48393;48394; 48395;48396; 48397;48398; 48399;48400; 48401;48402; 48403;48404; 48405;48406; 48407;48408; 48409;48410; 48411;48412; 48413;48414; 48415;48416; 48417;48418; 48419;48420; 48421;48422; 48423;48424; 48425;48426; 48427;48428; 48429;48430; 48431;48432; 48433;48434; 48435;48436; 48437;48438; 48439;48440; 48441;48442; 48443;48444; 48445;48446; 48447;48448; 48449;48450; 48451;48452; 48453;48454 48455;48456; 48457;48458; 48459;48460; 48461;48462; 48463;48464; 48465;48466; 48467	
STAFQD NLIHVA ELAYK	17	1918.979	Q5TZ29	apobb.1		3	3.98E-07	85.619	21285000	1427	385	46786;46787; 46788	48468;48469; 48470
STAGDT HLGGE DFDNR	16	1690.718	A0A0R4IVB0; A0A0R4IMF8; Q7ZVJ1;Q6TE Q5;Q6NYR4;F1 R9V3;P79984;O 42359;Q6PGX4	hspace8;si: dkey- 4p15.3;hs p70;hsc7 0	2;3	8.09E-05	93.766	1.74E+08	1428	70	1539	48471;48472; 48473;48474; 48475;48476	
STALES YIHR	10	1175.594	E7EZ02	lsm8		2	0.001684	95.358	11500000	1429	243	46806;46807	48477
STFEIN K	7	837.4232	F1R7N8;A5X6 X6;G1K2X0;Q7 ZZ46	ttna;ttnb		2	0.029714	110.9	7.84E+08	1430	332;140	46808;46809; 46810;46811; 46812;46813; 46814;46815;	48478;48479; 48480;48481; 48482;48483; 48484;48485;

											46816;46817; 46818;46819; 46820;46821; 46822;46823; 46824;46825; 46826;46827; 46828;46829; 46830;46831; 46832;46833; 46834;46835 46836;46837	48486;48487; 48488
STFTEL VITPSV R	13	1448.788	A5X6X5;F1R7 N8;F1QZQ0	ttna	2	0.037447	49.5	5085700	1431	332;139		48489;48490
STGESIS EEEIDE LLK	16	1777.847	E9QBF1;Q9I8U 8	tnnc2	2;3	0	352.34	6.44E+10	1432	279	46838;46839; 46840;46841; 46842;46843; 46844;46845; 46846;46847; 46848;46849; 46850;46851; 46852;46853; 46854;46855; 46856;46857; 46858;46859; 46860;46861; 46862;46863; 46864;46865; 46866;46867; 46868;46869; 46870;46871; 46872;46873; 46874;46875; 46876;46877; 46878;46879; 46880;46881; 46882;46883; 46884;46885; 46886;46887; 46888;46889; 46890;46891; 46892;46893; 46894;46895; 46896;46897; 46898;46899; 46900;46901; 46902;46903; 46904;46905; 46906;46907; 46908;46909; 46910;46911; 46912;46913; 46914;46915; 46916;46917;	48491;48492; 48493;48494; 48495;48496; 48497;48498; 48499;48500; 48501;48502; 48503;48504; 48505;48506; 48507;48508; 48509;48510; 48511;48512; 48513;48514; 48515;48516; 48517;48518; 48519;48520; 48521;48522; 48523;48524; 48525;48526; 48527;48528; 48529;48530; 48531;48532; 48533;48534; 48535;48536; 48537;48538; 48539;48540; 48541;48542; 48543;48544; 48545;48546; 48547;48548; 48549;48550; 48551;48552; 48553;48554; 48555;48556; 48557;48558; 48559;48560; 48561;48562; 48563;48564; 48565;48566; 48567;48568; 48569;48570;

46918;46919; 48571;48572;  
46920;46921; 48573;48574;  
46922;46923; 48575;48576;  
46924;46925; 48577;48578;  
46926;46927; 48579;48580;  
46928;46929; 48581;48582;  
46930;46931; 48583;48584;  
46932;46933; 48585;48586;  
46934;46935; 48587;48588;  
46936;46937; 48589;48590;  
46938;46939; 48591;48592;  
46940;46941; 48593;48594;  
46942;46943; 48595;48596;  
46944;46945; 48597;48598;  
46946;46947; 48599;48600;  
46948;46949; 48601;48602;  
46950;46951; 48603;48604;  
46952;46953; 48605;48606;  
46954;46955; 48607;48608;  
46956;46957; 48609;48610;  
46958;46959; 48611;48612;  
46960;46961; 48613;48614;  
46962;46963; 48615;48616;  
46964;46965; 48617;48618;  
46966;46967; 48619;48620;  
46968;46969; 48621;48622;  
46970;46971; 48623;48624;  
46972;46973; 48625;48626;  
46974;46975; 48627;48628;  
46976;46977; 48629;48630;  
46978;46979; 48631;48632;  
46980;46981; 48633;48634;  
46982;46983; 48635;48636;  
46984;46985; 48637;48638;  
46986;46987; 48639;48640;  
46988;46989; 48641;48642;  
46990;46991; 48643;48644;  
46992;46993; 48645;48646;  
46994;46995; 48647;48648;  
46996;46997; 48649;48650;  
46998;46999; 48651;48652;  
47000;47001; 48653;48654;  
47002;47003; 48655;48656;  
47004;47005; 48657;48658;  
47006;47007; 48659;48660;  
47008;47009; 48661;48662;  
47010;47011; 48663;48664;  
47012;47013; 48665;48666;  
47014;47015; 48667;48668;  
47016;47017; 48669;48670;  
47018;47019; 48671;48672;  
47020;47021; 48673;48674;  
47022;47023; 48675;48676;

47024;47025; 48677;48678;  
47026;47027; 48679;48680;  
47028;47029; 48681;48682;  
47030;47031; 48683;48684;  
47032;47033; 48685;48686;  
47034;47035; 48687;48688;  
47036;47037; 48689;48690;  
47038;47039; 48691;48692;  
47040;47041; 48693;48694;  
47042;47043; 48695;48696;  
47044;47045; 48697;48698;  
47046;47047; 48699;48700;  
47048;47049; 48701;48702;  
47050;47051; 48703;48704;  
47052;47053; 48705;48706;  
47054;47055; 48707;48708;  
47056;47057; 48709;48710;  
47058;47059; 48711;48712;  
47060;47061; 48713;48714;  
47062;47063; 48715;48716;  
47064;47065; 48717;48718;  
47066;47067; 48719;48720;  
47068;47069; 48721;48722;  
47070;47071; 48723;48724;  
47072;47073; 48725;48726;  
47074;47075; 48727;48728;  
47076;47077; 48729;48730;  
47078;47079; 48731;48732;  
47080;47081; 48733;48734;  
47082;47083; 48735;48736;  
47084;47085; 48737;48738;  
47086;47087; 48739;48740;  
47088;47089; 48741;48742;  
47090;47091; 48743;48744;  
47092;47093; 48745;48746;  
47094;47095; 48747;48748;  
47096;47097; 48749;48750;  
47098;47099; 48751;48752;  
47100;47101; 48753;48754;  
47102;47103; 48755;48756;  
47104;47105; 48757;48758;  
47106;47107; 48759;48760;  
47108;47109; 48761;48762;  
47110;47111; 48763;48764;  
47112;47113; 48765;48766;  
47114;47115; 48767;48768;  
47116;47117; 48769;48770;  
47118;47119; 48771;48772;  
47120;47121; 48773;48774;  
47122;47123; 48775;48776;  
47124;47125; 48777;48778;  
47126;47127; 48779;48780;  
47128;47129; 48781;48782;



47130;47131; 48783;48784;  
47132;47133; 48785;48786;  
47134;47135; 48787;48788;  
47136;47137; 48789;48790;  
47138;47139; 48791;48792;  
47140;47141; 48793;48794;  
47142;47143; 48795;48796;  
47144;47145; 48797;48798;  
47146;47147; 48799;48800;  
47148;47149; 48801;48802;  
47150;47151; 48803;48804;  
47152;47153; 48805;48806;  
47154;47155; 48807;48808;  
47156;47157; 48809;48810;  
47158;47159; 48811;48812;  
47160;47161; 48813;48814;  
47162;47163; 48815;48816;  
47164;47165; 48817;48818;  
47166;47167; 48819;48820;  
47168;47169; 48821;48822;  
47170;47171; 48823;48824;  
47172;47173; 48825;48826;  
47174;47175; 48827;48828;  
47176;47177; 48829;48830;  
47178;47179; 48831;48832;  
47180;47181; 48833;48834;  
47182;47183; 48835;48836;  
47184;47185; 48837;48838;  
47186;47187; 48839;48840;  
47188;47189; 48841;48842;  
47190;47191; 48843;48844;  
47192;47193; 48845;48846;  
47194;47195; 48847;48848;  
47196;47197; 48849;48850;  
47198;47199; 48851;48852;  
47200;47201; 48853;48854;  
47202;47203; 48855;48856;  
47204;47205; 48857;48858;  
47206;47207; 48859;48860;  
47208;47209; 48861;48862;  
47210;47211; 48863;48864;  
47212;47213; 48865;48866;  
47214;47215; 48867;48868;  
47216;47217; 48869;48870;  
47218;47219; 48871;48872;  
47220;47221; 48873;48874;  
47222;47223; 48875;48876;  
47224;47225; 48877;48878;  
47226;47227; 48879;48880;  
47228;47229; 48881;48882;  
47230;47231; 48883;48884;  
47232;47233; 48885;48886;  
47234;47235; 48887;48888;

47236;47237; 48889;48890;  
47238;47239; 48891;48892;  
47240;47241; 48893;48894;  
47242;47243; 48895;48896;  
47244;47245; 48897;48898;  
47246;47247; 48899;48900;  
47248;47249; 48901;48902;  
47250;47251; 48903;48904;  
47252;47253; 48905;48906;  
47254;47255; 48907;48908;  
47256;47257; 48909;48910;  
47258;47259; 48911;48912;  
47260;47261; 48913;48914;  
47262;47263; 48915;48916;  
47264;47265; 48917;48918;  
47266;47267; 48919;48920;  
47268;47269; 48921;48922;  
47270;47271; 48923;48924;  
47272;47273; 48925;48926;  
47274;47275; 48927;48928;  
47276;47277; 48929;48930;  
47278;47279; 48931;48932;  
47280;47281; 48933;48934;  
47282;47283; 48935;48936;  
47284;47285; 48937;48938;  
47286;47287; 48939;48940;  
47288;47289; 48941;48942;  
47290;47291; 48943;48944;  
47292;47293; 48945;48946;  
47294;47295; 48947;48948;  
47296;47297; 48949;48950;  
47298;47299; 48951;48952;  
47300;47301; 48953;48954;  
47302;47303; 48955;48956;  
47304;47305; 48957;48958;  
47306;47307; 48959;48960;  
47308;47309; 48961;48962;  
47310;47311; 48963;48964;  
47312;47313; 48965;48966;  
47314;47315; 48967;48968;  
47316;47317; 48969;48970;  
47318;47319; 48971;48972;  
47320;47321; 48973;48974;  
47322;47323; 48975;48976;  
47324;47325; 48977;48978;  
47326;47327; 48979;48980;  
47328;47329; 48981;48982;  
47330;47331; 48983;48984;  
47332;47333; 48985;48986;  
47334;47335; 48987;48988;  
47336;47337; 48989;48990;  
47338;47339; 48991;48992;  
47340;47341; 48993;48994;

47342;47343; 48995;48996;  
47344;47345; 48997;48998;  
47346;47347; 48999;49000;  
47348;47349; 49001;49002;  
47350;47351; 49003;49004;  
47352;47353; 49005;49006;  
47354;47355; 49007;49008;  
47356;47357; 49009;49010;  
47358;47359; 49011;49012;  
47360;47361; 49013;49014;  
47362;47363; 49015;49016;  
47364;47365; 49017;49018;  
47366;47367; 49019;49020;  
47368;47369; 49021;49022;  
47370;47371; 49023;49024;  
47372;47373; 49025;49026;  
47374;47375; 49027;49028;  
47376;47377; 49029;49030;  
47378;47379; 49031;49032;  
47380;47381; 49033;49034;  
47382;47383; 49035;49036;  
47384;47385; 49037;49038;  
47386;47387; 49039;49040;  
47388;47389; 49041;49042;  
47390;47391; 49043;49044;  
47392;47393; 49045;49046;  
47394;47395; 49047;49048;  
47396;47397; 49049;49050;  
47398;47399; 49051;49052;  
47400;47401; 49053;49054;  
47402;47403; 49055;49056;  
47404;47405; 49057;49058;  
47406;47407; 49059;49060;  
47408;47409; 49061;49062;  
47410;47411; 49063;49064;  
47412;47413; 49065;49066;  
47414;47415; 49067;49068;  
47416;47417; 49069;49070;  
47418;47419; 49071;49072;  
47420;47421; 49073;49074;  
47422;47423; 49075;49076;  
47424;47425; 49077;49078;  
47426;47427; 49079;49080;  
47428;47429; 49081;49082;  
47430;47431; 49083;49084;  
47432;47433; 49085;49086;  
47434;47435; 49087;49088;  
47436;47437; 49089;49090;  
47438;47439; 49091;49092;  
47440;47441; 49093;49094;  
47442;47443; 49095;49096;  
47444;47445; 49097;49098;  
47446;47447; 49099;49100;

47448;47449; 49101;49102;  
47450;47451; 49103;49104;  
47452;47453; 49105;49106;  
47454;47455; 49107;49108;  
47456;47457; 49109;49110;  
47458;47459; 49111;49112;  
47460;47461; 49113;49114;  
47462;47463; 49115;49116;  
47464;47465; 49117;49118;  
47466;47467; 49119;49120;  
47468;47469; 49121;49122;  
47470;47471; 49123;49124;  
47472;47473; 49125;49126;  
47474;47475; 49127;49128;  
47476;47477; 49129;49130;  
47478;47479; 49131;49132;  
47480;47481; 49133;49134;  
47482;47483; 49135;49136;  
47484;47485; 49137;49138;  
47486;47487; 49139;49140;  
47488;47489; 49141;49142;  
47490;47491; 49143;49144;  
47492;47493; 49145;49146;  
47494;47495; 49147;49148;  
47496;47497; 49149;49150;  
47498;47499; 49151;49152;  
47500;47501; 49153;49154;  
47502;47503; 49155;49156;  
47504;47505; 49157;49158;  
47506;47507; 49159;49160;  
47508;47509; 49161;49162;  
47510;47511; 49163;49164;  
47512;47513; 49165;49166;  
47514;47515; 49167;49168;  
47516;47517; 49169;49170;  
47518;47519; 49171;49172;  
47520;47521; 49173;49174;  
47522;47523; 49175;49176;  
47524;47525; 49177;49178;  
47526;47527; 49179;49180;  
47528;47529; 49181;49182;  
47530;47531; 49183;49184;  
47532;47533; 49185;49186;  
47534;47535; 49187;49188;  
47536;47537; 49189;49190;  
47538;47539; 49191;49192;  
47540;47541; 49193;49194;  
47542;47543; 49195;49196;  
47544;47545; 49197;49198;  
47546;47547; 49199;49200;  
47548;47549; 49201;49202;  
47550;47551; 49203;49204;  
47552;47553; 49205;49206;

47554;47555; 49207;49208;  
47556;47557; 49209;49210;  
47558;47559; 49211;49212;  
47560;47561; 49213;49214;  
47562;47563; 49215;49216;  
47564;47565; 49217;49218;  
47566;47567; 49219;49220;  
47568;47569; 49221;49222;  
47570;47571; 49223;49224;  
47572;47573; 49225;49226;  
47574;47575; 49227;49228;  
47576;47577; 49229;49230;  
47578;47579; 49231;49232;  
47580;47581; 49233;49234;  
47582;47583; 49235;49236;  
47584;47585; 49237;49238;  
47586;47587; 49239;49240;  
47588;47589; 49241;49242;  
47590;47591; 49243;49244;  
47592;47593; 49245;49246;  
47594;47595; 49247;49248;  
47596;47597; 49249;49250;  
47598;47599; 49251;49252;  
47600;47601; 49253;49254;  
47602;47603; 49255;49256;  
47604;47605; 49257;49258;  
47606;47607; 49259;49260;  
47608;47609; 49261;49262;  
47610;47611; 49263;49264;  
47612;47613; 49265;49266;  
47614;47615; 49267;49268;  
47616;47617; 49269;49270;  
47618;47619; 49271;49272;  
47620;47621; 49273;49274;  
47622;47623; 49275;49276;  
47624;47625; 49277;49278;  
47626;47627; 49279;49280;  
47628;47629; 49281;49282;  
47630;47631; 49283;49284;  
47632;47633; 49285;49286;  
47634;47635; 49287;49288;  
47636;47637; 49289;49290;  
47638;47639; 49291;49292;  
47640;47641; 49293;49294;  
47642;47643; 49295;49296;  
47644;47645; 49297;49298;  
47646;47647; 49299;49300;  
47648;47649; 49301;49302;  
47650;47651; 49303;49304;  
47652;47653; 49305;49306;  
47654;47655; 49307;49308;  
47656;47657; 49309;49310;  
47658;47659; 49311;49312;

47660;47661; 49313;49314;  
 47662;47663; 49315;49316;  
 47664;47665; 49317;49318;  
 47666;47667; 49319;49320;  
 47668;47669; 49321;49322;  
 47670;47671; 49323;49324;  
 47672;47673; 49325;49326;  
 47674;47675; 49327;49328;  
 47676;47677; 49329;49330;  
 47678;47679; 49331;49332;  
 47680;47681; 49333;49334;  
 47682;47683; 49335;49336;  
 47684;47685; 49337;49338;  
 47686;47687; 49339;49340;  
 47688;47689; 49341;49342;  
 47690;47691; 49343;49344;  
 47692;47693; 49345;49346;  
 47694;47695; 49347;49348;  
 47696;47697; 49349;49350;  
 47698;47699; 49351;49352;  
 47700;47701; 49353;49354;  
 47702;47703; 49355;49356;  
 47704;47705; 49357;49358;  
 47706;47707; 49359;49360;  
 47708;47709; 49361;49362;  
 47710;47711; 49363;49364;  
 47712;47713; 49365;49366;  
 47714;47715; 49367;49368;  
 47716;47717; 49369;49370;  
 47718;47719; 49371;49372;  
 47720 49373;49374;  
 49375;49376;  
 49377;49378;  
 49379;49380;  
 49381;49382;  
 49383;49384;  
 49385;49386;  
 49387;49388;  
 49389;49390;  
 49391;49392;  
 49393;49394;  
 49395;49396;  
 49397;49398;  
 49399;49400;  
 49401;49402;  
 49403;49404;  
 49405;49406  
 47721;47722; 49407;49408;  
 47723;47724; 49409;49410;  
 47725;47726; 49411;49412;  
 47727;47728; 49413;49414;  
 47729;47730; 49415;49416;  
 47731;47732; 49417;49418;

STGESIS 20 2193.017 E9QBF1;Q9I8U tnc2 2;3 0 294 2.63E+09 1433 279  
 EEEIDE  
 LLKDG  
 DK

47733;47734; 49419;49420;  
47735;47736; 49421;49422;  
47737;47738; 49423;49424;  
47739;47740; 49425;49426;  
47741;47742; 49427;49428;  
47743;47744; 49429;49430;  
47745;47746; 49431;49432;  
47747;47748; 49433;49434;  
47749;47750; 49435;49436;  
47751;47752; 49437;49438;  
47753;47754; 49439;49440;  
47755;47756; 49441;49442;  
47757;47758; 49443;49444;  
47759;47760; 49445;49446;  
47761;47762; 49447;49448;  
47763;47764; 49449;49450;  
47765;47766; 49451;49452;  
47767;47768; 49453;49454;  
47769;47770; 49455;49456;  
47771;47772; 49457;49458;  
47773;47774; 49459;49460;  
47775;47776; 49461;49462;  
47777;47778; 49463;49464;  
47779;47780; 49465;49466;  
47781;47782; 49467;49468;  
47783;47784; 49469;49470;  
47785;47786; 49471;49472;  
47787;47788; 49473;49474;  
47789;47790; 49475;49476;  
47791;47792; 49477;49478;  
47793;47794; 49479;49480;  
47795;47796; 49481;49482;  
47797;47798; 49483;49484;  
47799;47800; 49485;49486;  
47801;47802; 49487;49488;  
47803;47804; 49489;49490;  
47805;47806; 49491;49492;  
47807;47808; 49493;49494;  
47809;47810; 49495;49496;  
47811;47812; 49497;49498;  
47813;47814; 49499;49500;  
47815;47816; 49501;49502;  
47817;47818; 49503;49504;  
47819;47820; 49505;49506;  
47821;47822; 49507;49508;  
47823;47824; 49509;49510;  
47825;47826; 49511;49512;  
47827;47828; 49513;49514;  
47829;47830; 49515;49516;  
47831;47832; 49517;49518;  
47833;47834; 49519;49520;  
47835;47836; 49521;49522;  
47837;47838; 49523;49524;

47839;47840; 49525;49526;  
47841;47842; 49527;49528;  
47843;47844; 49529;49530;  
47845;47846; 49531;49532;  
47847;47848; 49533;49534;  
47849;47850; 49535;49536;  
47851;47852; 49537;49538;  
47853;47854; 49539;49540;  
47855;47856; 49541;49542;  
47857;47858; 49543;49544;  
47859;47860; 49545;49546;  
47861;47862; 49547;49548;  
47863;47864; 49549;49550;  
47865;47866; 49551;49552;  
47867;47868; 49553;49554;  
47869;47870; 49555;49556;  
47871;47872; 49557;49558;  
47873;47874; 49559;49560;  
47875;47876; 49561;49562;  
47877;47878; 49563;49564;  
47879;47880; 49565;49566;  
47881;47882; 49567;49568;  
47883;47884; 49569;49570;  
47885;47886; 49571;49572;  
47887;47888; 49573;49574;  
47889;47890; 49575;49576;  
47891;47892; 49577;49578;  
47893;47894; 49579;49580;  
47895;47896; 49581;49582;  
47897;47898; 49583;49584;  
47899;47900; 49585;49586;  
47901;47902; 49587;49588;  
47903;47904; 49589;49590;  
47905;47906; 49591;49592;  
47907;47908; 49593;49594;  
47909;47910; 49595;49596;  
47911;47912; 49597;49598;  
47913;47914; 49599;49600;  
47915;47916; 49601;49602;  
47917;47918; 49603;49604;  
47919;47920; 49605;49606;  
47921;47922; 49607;49608;  
47923;47924; 49609;49610;  
47925;47926; 49611;49612;  
47927;47928; 49613;49614;  
47929;47930; 49615;49616;  
47931;47932; 49617;49618;  
47933;47934; 49619;49620;  
47935;47936; 49621;49622;  
47937;47938; 49623;49624;  
47939;47940; 49625;49626;  
47941;47942; 49627;49628;  
47943;47944; 49629;49630;



STGESIS 33 3731.688 E9QBF1;Q9I8U tunc2 3;4 3.8E-147 160.53 3.91E+08 1434 279  
 EEEIDE 8  
 LLKDG  
 DKNND  
 GMLDF  
 DEFLK

47945;47946; 49631;49632;  
 47947;47948; 49633;49634;  
 47949;47950; 49635;49636;  
 47951;47952; 49637;49638;  
 47953;47954; 49639;49640;  
 47955;47956; 49641;49642;  
 47957;47958; 49643;49644;  
 47959;47960; 49645;49646;  
 47961;47962; 49647;49648;  
 47963;47964; 49649;49650;  
 47965;47966; 49651;49652;  
 47967;47968; 49653;49654;  
 47969;47970; 49655;49656;  
 47971;47972; 49657;49658;  
 47973;47974; 49659;49660;  
 47975;47976; 49661;49662;  
 47977;47978; 49663;49664;  
 47979;47980; 49665;49666;  
 47981;47982; 49667;49668;  
 47983;47984; 49669;49670;  
 47985;47986; 49671;49672;  
 47987;47988; 49673;49674;  
 47989;47990; 49675;49676;  
 47991;47992; 49677;49678;  
 47993;47994; 49679;49680;  
 47995;47996; 49681;49682;  
 47997;47998; 49683;49684;  
 47999;48000; 49685;49686;  
 48001;48002; 49687;49688;  
 48003;48004; 49689;49690;  
 48005;48006 49691;49692;  
 49693;49694;  
 49695;49696  
 48007;48008; 49697;49698;  
 48009;48010; 49699;49700;  
 48011;48012; 49701;49702;  
 48013;48014; 49703;49704;  
 48015;48016; 49705;49706;  
 48017;48018; 49707;49708;  
 48019;48020; 49709;49710;  
 48021;48022; 49711;49712;  
 48023;48024; 49713;49714;  
 48025;48026; 49715;49716;  
 48027;48028; 49717;49718;  
 48029;48030; 49719;49720;  
 48031;48032; 49721  
 48033;48034;  
 48035;48036;  
 48037;48038;  
 48039;48040;  
 48041;48042;  
 48043;48044;  
 48045;48046;

STMQEL	9	1064.492	CON_P35527	2	8.23E-43	188.98	2.23E+09	1435	230	1547;1548	48047;48048; 48049;48050; 48051;48052; 48053;48054; 48055 49722;49723; 49724;49725; 49726;49727; 49728;49729; 49730;49731; 49732;49733; 49734;49735; 49736;49737; 49738;49739; 49740;49741; 49742;49743; 49744;49745; 49746;49747; 49748;49749; 49750;49751; 49752;49753; 49754;49755; 49756;49757; 49758;49759; 49760;49761; 49762;49763; 49764;49765; 49766;49767; 49768;49769; 49770;49771; 49772;49773; 49774;49775; 49776;49777; 49778;49779; 49780;49781; 49782;49783; 49784;49785; 49786;49787; 49788;49789; 49790;49791; 49792;49793; 49794;49795; 49796;49797; 49798;49799; 49800;49801; 49802;49803; 49804;49805; 49806;49807; 49808;49809; 49810;49811; 49812;49813; 49814;49815; 49816;49817;
NSR											

STQMS QNDITR	11	1279.583	F1QJH7;Q4QR C8;F1Q845	cbast4	Metalloendopeptid ase	2	1.3E-115	224.02	3.57E+09	1436	294
-----------------	----	----------	--------------------------	--------	--------------------------	---	----------	--------	----------	------	-----

49818;49819;  
 49820;49821;  
 49822;49823;  
 49824;49825;  
 49826;49827;  
 49828;49829;  
 49830;49831;  
 49832;49833;  
 49834;49835;  
 49836;49837;  
 49838;49839;  
 49840;49841;  
 49842;49843;  
 49844;49845;  
 49846;49847;  
 49848;49849;  
 49850;49851;  
 49852;49853;  
 49854;49855;  
 49856;49857;  
 49858;49859;  
 49860;49861;  
 49862;49863;  
 49864;49865;  
 49866;49867;  
 49868;49869;  
 49870;49871  
 48161;48162; 49872;49873;  
 48163;48164; 49874;49875;  
 48165;48166; 49876;49877;  
 48167;48168; 49878;49879;  
 48169;48170; 49880;49881;  
 48171;48172; 49882;49883;  
 48173;48174; 49884;49885;  
 48175;48176; 49886;49887;  
 48177;48178; 49888;49889;  
 48179;48180; 49890;49891;  
 48181;48182; 49892;49893;  
 48183;48184; 49894;49895;  
 48185;48186; 49896;49897;  
 48187;48188; 49898;49899;  
 48189;48190; 49900;49901;  
 48191;48192; 49902;49903;  
 48193;48194; 49904;49905;  
 48195;48196; 49906;49907;  
 48197;48198; 49908;49909;  
 48199;48200; 49910;49911;  
 48201;48202; 49912;49913;  
 48203;48204; 49914;49915;  
 48205;48206; 49916;49917;  
 48207;48208; 49918;49919;  
 48209;48210; 49920;49921;  
 48211;48212; 49922;49923;

48213;48214; 49924;49925;  
48215;48216; 49926;49927;  
48217;48218; 49928;49929;  
48219;48220; 49930;49931;  
48221;48222; 49932;49933;  
48223;48224; 49934;49935;  
48225;48226; 49936;49937;  
48227;48228; 49938;49939;  
48229;48230; 49940;49941;  
48231;48232; 49942;49943;  
48233;48234; 49944;49945;  
48235;48236; 49946;49947;  
48237;48238; 49948;49949;  
48239;48240; 49950;49951;  
48241;48242; 49952;49953;  
48243;48244; 49954;49955;  
48245;48246; 49956;49957;  
48247;48248; 49958;49959;  
48249;48250; 49960;49961;  
48251;48252; 49962;49963;  
48253;48254; 49964;49965;  
48255;48256; 49966;49967;  
48257;48258; 49968;49969;  
48259;48260; 49970;49971;  
48261;48262; 49972;49973;  
48263;48264; 49974;49975;  
48265;48266; 49976;49977;  
48267;48268; 49978;49979;  
48269;48270; 49980;49981;  
48271;48272; 49982;49983;  
48273;48274; 49984;49985;  
48275;48276; 49986;49987;  
48277;48278; 49988;49989;  
48279;48280; 49990;49991;  
48281 49992;49993;  
49994;49995;  
49996;49997;  
49998;49999;  
50000;50001;  
50002;50003;  
50004;50005;  
50006;50007;  
50008;50009;  
50010;50011;  
50012;50013;  
50014;50015;  
50016;50017;  
50018;50019;  
50020;50021;  
50022;50023;  
50024;50025;  
50026;50027;  
50028;50029;

STVIVR PDEK	10	1142.63	A0JMP5	aoc1	Amine oxidase	2	0.024572	105.52	40167000	1437	105	48282;48283; 48284;48285; 48286;48287; 48288	50030;50031; 50032;50033; 50034;50035; 50036;50037; 50038;50039; 50040;50041; 50042;50043; 50044;50045 50046
STVSLE GDNLV QVQR	15	1643.848	Q90ZG6;F8W4 L9;F8W3N3;Q9 I8N9	fabp7a		2	0.000327	93.345	8541600	1438	352	48289;48290; 48291	50047;50048
SVDELL QSQEFS K	13	1508.736	A8WGC0;A0A 0R4IU19	si:ch211- 93f2.1	Carboxylic ester hydrolase	2	7.47E-06	118.28	54771000	1439	92	48292;48293; 48294;48295; 48296;48297; 48298;48299; 48300;48301; 48302;48303; 48304;48305; 48306	50049;50050; 50051;50052; 50053;50054; 50055;50056; 50057;50058; 50059
SVDETL R	7	818.4134	A3KP44;F1QSP 8;Q6DGJ6	prdx4;prd x2		2	0.031412	121.29	55670000	1440	125; 396	1554	50060;50061
SVDLG DDDFL GGFEGT LGQIVS SR	24	2483.182	Q1RM49;Q7Z W12;Q6TEN9;F 1QNY5;A7MB S0;A0A0R4IRD 7	LOC1000 00238;cp ne1		2;3	1.53E-21	75.463	1.63E+08	1441	83	1555	50062;50063; 50064;50065; 50066;50067; 50068;50069; 50070;50071; 50072;50073; 50074;50075; 50076;50077
SVDVPI DATK	10	1043.55	Q568H0;B8JM1 1	epcam		1;2	3.78E-08	134.77	2.48E+09	1442	213	48359;48360; 48361;48362; 48363;48364; 48365;48366; 48367;48368; 48369;48370; 48371;48372; 48373;48374; 48375;48376; 48377;48378; 48379;48380; 48381;48382; 48383;48384; 48385;48386; 48387;48388; 48389;48390; 48391;48392; 48393;48394; 48395;48396; 48397;48398;	50078;50079; 50080;50081; 50082;50083; 50084;50085; 50086;50087; 50088;50089; 50090;50091; 50092;50093; 50094;50095; 50096;50097; 50098;50099; 50100;50101; 50102;50103; 50104;50105; 50106;50107; 50108;50109; 50110;50111; 50112;50113; 50114;50115

SVDVPI DVANL R	12	1296.704	Q6NY70;Q6DR J5	epcam		2	1.85E-07	128.27	8.44E+08	1443	411	48399;48400; 48401;48402; 48403;48404; 48405;48406; 48407;48408; 48409 48410;48411; 48412;48413; 48414;48415; 48416;48417; 48418;48419; 48420;48421; 48422;48423; 48424;48425; 48426;48427; 48428;48429; 48430;48431; 48432;48433; 48434;48435; 48436;48437; 48438;48439; 48440;48441; 48442;48443; 48444;48445; 48446;48447; 48448;48449; 48450;48451; 48452;48453; 48454;48455; 48456;48457; 48458;48459; 48460 50116;50117; 50118;50119; 50120;50121; 50122;50123; 50124;50125; 50126;50127; 50128;50129; 50130;50131; 50132;50133; 50134;50135; 50136;50137; 50138;50139; 50140;50141; 50142;50143; 50144;50145; 50146;50147; 50148;50149; 50150;50151
SVDWV TAER	9	1061.514	A7MC71;A4FV G0	zp2.3;si:d key- 24117.6	2		5.3E-32	168.23	1.03E+09	1444	146	1558 50152;50153; 50154;50155; 50156;50157; 50158;50159; 50160;50161; 50162;50163; 50164;50165; 50166;50167; 50168;50169; 50170;50171; 50172;50173; 50174;50175; 50176;50177; 50178;50179; 50180;50181; 50182;50183; 50184;50185; 50186;50187; 50188;50189; 50190;50191; 50192;50193;

SVFIDPI NDLVIQ VQPGD K	19	2096.115	A0A0R4IH07;B 6IDE7;D7PS92	frem2b		2	0.024878	42.209	2920600	1445	56	50194;50195; 50196 48495;48496	50197
SVGIVT TTR	9	932.5291	Q7ZTV9;E7F9 U9;K4KG66;F1 Q5B5;Q8AXY4 ;E9QCQ8;F8W 379;Q58EF1;K4 KE24;F8W307; F1QAR9;H9GX 67	alpl;alpi.1 ;alp3	Alkaline phosphatase	2	0.000543	113.26	3.4E+08	1446	262	48497;48498; 48499;48500; 48501;48502; 48503;48504; 48505;48506; 48507;48508; 48509;48510; 48511;48512; 48513;48514; 48515;48516; 48517;48518; 48519;48520; 48521;48522; 48523;48524; 48525 50209;50210	50198;50199; 50200;50201; 50202;50203; 50204;50205; 50206;50207; 50208
SVLGD VGITEV FSDR	15	1592.805	CON__P34955		2	4.4E-09	112.51	14070000	1447	229	1561	50209;50210	
SVLTDN TYETLK	12	1382.693	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9	a2ml		2	1.61E-93	197.27	1.53E+09	1448	106	48531;48532; 48533;48534; 48535;48536; 48537;48538; 48539;48540; 48541;48542; 48543;48544; 48545;48546; 48547;48548; 48549;48550; 48551;48552; 48553;48554; 48555;48556; 48557;48558; 48559;48560; 48561;48562; 48563;48564; 48565;48566; 48567;48568; 48569	50211;50212; 50213;50214; 50215;50216; 50217;50218; 50219;50220; 50221;50222; 50223;50224; 50225;50226; 50227;50228; 50229;50230; 50231;50232; 50233;50234; 50235;50236; 50237;50238; 50239;50240; 50241;50242; 50243;50244; 50245;50246; 50247;50248; 50249;50250; 50251;50252; 50253;50254; 50255;50256; 50257;50258; 50259;50260; 50261;50262; 50263;50264; 50265;50266; 50267;50268;

50269;50270;  
50271;50272;  
50273;50274;  
50275;50276;  
50277;50278;  
50279;50280;  
50281;50282;  
50283;50284;  
50285;50286;  
50287;50288

SVLTDN VYNLSL K	12	1351.698	X1WC44	si:ch211- 212c13.8	2	0.001312	91.855	77605000	1449	467	1563	50289;50290; 50291;50292; 50293;50294; 50295;50296; 50297;50298; 50299;50300; 50301	
SVMQY ER	7	911.4171	F1QJH7;Q4QR C8;F1Q845	c6ast4	Metalloendopeptid ase	2	0.031411	108.24	5.69E+08	1450	294	48589;48590; 48591;48592; 48593;48594; 48595;48596; 48597;48598; 48599;48600; 48601;48602; 48603;48604; 48605;48606; 48607;48608; 48609;48610; 48611;48612; 48613	50302;50303; 50304;50305; 50306;50307; 50308;50309; 50310;50311; 50312;50313; 50314;50315; 50316;50317; 50318;50319; 50320;50321; 50322;50323; 50324;50325; 50326;50327; 50328;50329; 50330;50331
SVNHSL LELHK	11	1275.694	Q9DDT0	fth1a	Ferritin	2;3	5.36E-06	109.83	78211000	1451	457	48614;48615; 48616;48617	50332;50333; 50334;50335
SVNLSL LELHK	11	1251.719	Q66HX7	fth1b	Ferritin	3	0.004819	62.408	73321000	1452	391	48618;48619; 48620;48621; 48622;48623; 48624	50336;50337; 50338;50339
SVNWV TAER	9	1060.53	A8KB82;B0BL V4;Q5RG14;X1 WFn2;Q5RG16 ;Q5RG15;Q5R G08;A8E592;A 7E2J4;A0A140 LFS0;Q0H0S0	zgc:1718 18;arid1a a;si:dkey- 24117.6;si :dkey- 24117.4;si :dkey- 24117.5;si :dkey- 24117.3;z gc:17167 0;si:dkey- 24117.2	2	1.79E-06	132.76	7.63E+08	1453	103	1567	50340;50341; 50342;50343; 50344;50345; 50346;50347; 50348;50349; 50350;50351; 50352;50353; 50354;50355; 50356;50357; 50358;50359; 50360;50361; 50362	
SVRPQN FELVK	11	1315.725	B3DKJ1;Q6PY X2;Q5NJJ5;Q5	matn4		3	0.017077	50.786	6414000	1454	201	48643	50363



SVSEIEE NGNQF K	13	1479.684	NJJ4;A0A0B5J F83;Q5NJJ1;Q5 NJJ2;Q5CZQ6; Q5NJJ3;Q5NJJ0 F8W2A9	fabp1b.1		2	0.00065	94.692	10418000	1455	350	48644	50364
SVTIQYI EAIR	11	1291.714	Q7ZVV2;Q6NY R6;F1QZ04;A0 A0R4IW78;E7E XK9;F1QXZ4	acy1;CU 896698.1	Aminoacylase-1	2	0.001021	107.15	40752000	1456	97	48645;48646; 48647;48648; 48649;48650; 48651;48652; 48653	50365;50366
SYELNP ECR	9	1153.507	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9;X1W BT0	a2ml;si:d key- 105h12.2		2	0.033655	86.833	85889000	1457	106; 466	1571	50367;50368
SYELPD GQVITI GNER	16	1789.885	E9QD59;B2GS 08;A8WG05;Q3 B727;Q9PTR4; Q9I8V1;Q7ZU2 3;Q6XNL8;Q6T H51;Q6IQR3;Q 6IQL9;Q6IQK4; Q6DHS1;Q567 E8;Q4KMI7;F1 RCB6;F1QUN8 ;A2BG19;A0A0 R4IBT5;C5IG3 7;F8W3L1	actb1;act b2;zgc:12 3289;actc 1a;actc1b ;acta1b;a cta2;zgc: 86725;act a1a;DKE YP- 69D2.1		2	0.006358	62.14	15230000	1458	41	1572	50369;50370; 50371;50372; 50373;50374
SYVAFT PDTGPP R	13	1406.683	F1RDU8	si:dkey- 65b12.6		2	0.001429	81.865	1.32E+08	1459	347	1573	50375;50376; 50377;50378; 50379;50380; 50381;50382; 50383;50384; 50385;50386; 50387;50388; 50389;50390; 50391;50392; 50393;50394; 50395;50396 50397;50398; 50399;50400; 50401;50402; 50403;50404; 50405;50406; 50407;50408; 50409;50410; 50411;50412; 50413;50414; 50415;50416; 50417;50418; 50419;50420; 50421;50422; 50423;50424;
TAAEN DFVTLK	11	1207.609	CON__P35908			2	0.00012	121.93	6.81E+08	1460	231	1574	

TAAENE FVALK	11	1191.614	CON__O95678		2	0.000406	116.05	28813000	1461	216	1575	50425;50426; 50427;50428 50429;50430	
TAAENE FVTLK	11	1221.624	CON__P02538; CON__P04259	2	1.01E-19	179.1	1.37E+09	1462	219;222	1576	48736;48737; 48738;48739; 48740;48741; 48742;48743; 48744;48745; 48746;48747; 48748;48749; 48750;48751; 48752;48753; 48754;48755; 48756;48757; 48758;48759; 48760;48761; 48762;48763; 48764;48765; 48766;48767; 48768;48769; 48770;48771; 48772;48773; 48774;48775; 48776;48777; 48778;48779; 48780;48781; 48782;48783; 48784;48785; 48786;48787; 48788		
TADGE QVINTK	11	1174.583	Q803L1;Q6TN U6	dldh	Dihydropyruvate dehydrogenase	2	0	280.96	1.02E+09	1463	449	48789;48790; 48791;48792; 48793;48794; 48795;48796; 48797;48798; 48799;48800; 48801;48802; 48803;48804; 48805;48806; 48807;48808; 48809;48810; 48811;48812; 48813;48814; 48815;48816; 48817;48818; 48819;48820; 48821	50490;50491; 50492;50493; 50494;50495; 50496;50497; 50498;50499; 50500;50501; 50502;50503; 50504;50505; 50506;50507; 50508;50509; 50510;50511; 50512;50513; 50514;50515; 50516;50517; 50518;50519; 50520;50521; 50522;50523;

TAFAIQ PGLLETI TPIPDE NVQIGQ R	25	2707.418	Q75NR9;Q1LW01;Q1LW00	he1b;he1a	Metalloendopeptidase	3	8.62E-07	48.867	25659000	1464	362	48822;48823; 48824;48825; 48826;48827; 48828;48829; 48830;48831; 48832;48833 48834;48835; 48836;48837; 48838;48839; 48840;48841; 48842;48843; 48844;48845; 48846;48847; 48848;48849; 48850;48851; 48852;48853; 48854;48855; 48856 48857;48858; 48859;48860; 48861;48862; 48863;48864; 48865;48866; 48867;48868; 48869;48870; 48871;48872; 48873;48874; 48875;48876; 48877;48878; 48879	50524;50525; 50526;50527; 50528;50529; 50530;50531; 50532;50533; 50534;50535; 50536;50537; 50538;50539; 50540;50541; 50542;50543; 50544;50545; 50546;50547; 50548;50549; 50550;50551; 50552;50553; 50554;50555; 50556;50557; 50558;50559; 50560;50561; 50562;50563; 50564 50565;50566; 50567;50568; 50569;50570
TAFQNI EQSELG TK	14	1564.773	E9QFX0;E9QDI	apoc11		2	2.16E-12	132.56	1.33E+08	1465	280	48832;48833 48834;48835; 48836;48837; 48838;48839; 48840;48841; 48842;48843; 48844;48845; 48846;48847; 48848;48849; 48850;48851; 48852;48853; 48854;48855; 48856 48857;48858; 48859;48860; 48861;48862; 48863;48864; 48865;48866; 48867;48868; 48869;48870; 48871;48872; 48873;48874; 48875;48876; 48877;48878; 48879	50571;50572; 50573;50574; 50575;50576; 50577;50578
TAPGVS NTVVNI VR	14	1425.794	Q9DFT9;F1QQ3;F1QPC0;Q0P421	vtg3		2	4.7E-104	197.21	2.12E+08	1466	313	48857;48858; 48859;48860; 48861;48862; 48863;48864; 48865;48866; 48867;48868; 48869;48870; 48871;48872; 48873;48874; 48875;48876; 48877;48878; 48879	50579;50580; 50581;50582; 50583;50584; 50585;50586; 50587

TAQAPI MPPGPP IPR	15	1541.839	A5X6X5;F1R7 N8	ttna		2;3	1.7E-73	174.4	1.87E+08	1467	332;139	48880;48881; 48882;48883; 48884;48885; 48886;48887; 48888;48889; 48890	50588;50589; 50590;50591; 50592;50593; 50594;50595; 50596;50597
TASLIG VEGGH SIDSSL GTLR	21	2069.075	F1QFU9;Q08B Q0	dpep1	Dipeptidase	2;3	1.04E-22	113.35	16974000	1468	302	48891;48892; 48893;48894; 48895	50598;50599
TAVEPA LEGSPT AGSLK	17	1626.847	B3DFP9	apoa2		2;3	1.9E-205	219.89	3.92E+10	1469	193	48896;48897; 48898;48899; 48900;48901; 48902;48903; 48904;48905; 48906;48907; 48908;48909; 48910;48911; 48912;48913; 48914;48915; 48916;48917; 48918;48919; 48920;48921; 48922;48923; 48924;48925; 48926;48927; 48928;48929; 48930;48931; 48932;48933; 48934;48935; 48936;48937; 48938;48939; 48940;48941; 48942;48943; 48944;48945; 48946;48947; 48948;48949; 48950;48951; 48952;48953; 48954;48955; 48956;48957; 48958;48959; 48960;48961; 48962;48963; 48964;48965; 48966;48967; 48968;48969; 48970;48971; 48972;48973; 48974;48975; 48976;48977; 48978;48979; 48980;48981;	50600;50601; 50602;50603; 50604;50605; 50606;50607; 50608;50609; 50610;50611; 50612;50613; 50614;50615; 50616;50617; 50618;50619; 50620;50621; 50622;50623; 50624;50625; 50626;50627; 50628;50629; 50630;50631; 50632;50633; 50634;50635; 50636;50637; 50638;50639; 50640;50641; 50642;50643; 50644;50645; 50646;50647; 50648;50649; 50650;50651; 50652;50653; 50654;50655; 50656;50657; 50658;50659; 50660;50661; 50662;50663; 50664;50665; 50666;50667; 50668;50669; 50670;50671; 50672;50673; 50674;50675; 50676;50677; 50678;50679; 50680;50681; 50682;50683; 50684;50685;

48982;48983; 50686;50687;  
48984;48985; 50688;50689;  
48986;48987; 50690;50691;  
48988;48989; 50692;50693;  
48990;48991; 50694;50695;  
48992;48993; 50696;50697;  
48994;48995; 50698;50699;  
48996;48997; 50700;50701;  
48998;48999; 50702;50703;  
49000;49001; 50704;50705;  
49002;49003; 50706;50707;  
49004;49005; 50708;50709;  
49006;49007; 50710;50711;  
49008;49009; 50712;50713;  
49010;49011; 50714;50715;  
49012;49013; 50716;50717;  
49014;49015; 50718;50719;  
49016;49017; 50720;50721;  
49018;49019; 50722;50723;  
49020;49021; 50724;50725;  
49022;49023; 50726;50727;  
49024;49025; 50728;50729;  
49026;49027; 50730;50731;  
49028;49029; 50732;50733;  
49030;49031; 50734;50735;  
49032;49033; 50736;50737;  
49034;49035; 50738;50739;  
49036;49037; 50740;50741;  
49038;49039; 50742;50743;  
49040;49041; 50744;50745;  
49042;49043; 50746;50747;  
49044;49045; 50748;50749;  
49046;49047; 50750;50751;  
49048;49049; 50752;50753;  
49050;49051; 50754;50755;  
49052;49053; 50756;50757;  
49054;49055; 50758;50759;  
49056;49057; 50760;50761;  
49058;49059; 50762;50763;  
49060;49061; 50764;50765;  
49062;49063; 50766;50767;  
49064;49065; 50768;50769;  
49066;49067; 50770;50771;  
49068 50772;50773;  
50774;50775;  
50776;50777;  
50778;50779;  
50780;50781;  
50782;50783;  
50784;50785;  
50786;50787;  
50788;50789;  
50790;50791;

50792;50793;  
50794;50795;  
50796;50797;  
50798;50799;  
50800;50801;  
50802;50803;  
50804;50805;  
50806;50807;  
50808;50809;  
50810;50811;  
50812;50813;  
50814;50815;  
50816;50817;  
50818;50819;  
50820;50821;  
50822;50823;  
50824;50825;  
50826;50827;  
50828;50829;  
50830;50831;  
50832;50833;  
50834;50835;  
50836;50837;  
50838;50839;  
50840;50841;  
50842;50843;  
50844;50845;  
50846;50847;  
50848;50849;  
50850;50851;  
50852;50853;  
50854;50855;  
50856;50857;  
50858;50859;  
50860;50861;  
50862;50863;  
50864;50865;  
50866;50867;  
50868;50869;  
50870;50871;  
50872;50873;  
50874;50875;  
50876;50877;  
50878;50879;  
50880;50881;  
50882;50883;  
50884;50885;  
50886;50887;  
50888;50889;  
50890;50891;  
50892;50893;  
50894;50895;  
50896;50897;

TAVEPA LEGSPT AGSLK DVVEEL K	24	2439.275	B3DFP9	apoa2		3	4.83E-26	95.926	47901000	1470	193	49069;49070; 49071;49072; 49073;49074; 49075;49076; 49077;49078; 49079;49080; 49081;49082; 49083;49084; 49085 49086	50898;50899; 50900;50901; 50902;50903; 50904;50905; 50906;50907; 50908;50909; 50910;50911; 50912;50913 50914;50915; 50916;50917; 50918;50919; 50920;50921; 50922;50923
TAVME AMTAF R	11	1226.579	Q568L9;A0A0R 4IPV1	alad	Delta- aminolevulinic acid dehydratase	2	0.027904	61.65	0	1471	78	49086	50924
TAVNN YIGSLN WGYR	15	1726.843	Q7T2C8;A8WG N7;Q800Q8	txnrd1;tx nrd3		2	6.85E-06	106.67	12570000	1472	164	1586	50925
TDDSG NWNM IGEVVR	16	1748.779	A0A0B5JF18;B 8JLR6	si:ch211- 251b21.1; si:ch211- 251b21.1		2	7.6E-61	169.23	1.66E+08	1473	3	1587;1588	50926;50927; 50928;50929; 50930;50931; 50932;50933; 50934;50935; 50936;50937; 50938;50939; 50940;50941; 50942;50943; 50944;50945; 50946;50947; 50948;50949; 50950;50951; 50952;50953
TDEGDI LLDYSK	12	1367.646	Q0IJ39;A8DZE 4	gpib	Glucose-6- phosphate isomerase	2	0.047279	50.95	13521000	1474	151	49119;49120; 49121;49122; 49123	50954
TDESYS LSVDET SAVLK	17	1842.874	A2BHD8;F1QU U0;A0A0R4IQ N2	hexb	Beta- hexosaminidase	2	5.12E-22	145.31	2.45E+08	1475	115	49124;49125; 49126;49127; 49128;49129; 49130;49131; 49132;49133; 49134;49135; 49136;49137; 49138;49139; 49140;49141; 49142;49143; 49144;49145; 49146;49147; 49148;49149;	50955;50956; 50957;50958; 50959;50960; 50961;50962; 50963;50964; 50965;50966; 50967;50968; 50969;50970; 50971;50972; 50973;50974; 50975;50976; 50977;50978;

												49150;49151; 49152;49153; 49154;49155; 49156;49157; 49158;49159; 49160;49161; 49162;49163; 49164	50979;50980; 50981;50982	
TDISDF PR	8	949.4505	A2BHD8;F1QU U0;A0A0R4IQ N2;A3KNW3	hexb	Beta- hexosaminidase	2	1.4E-108	196.98	1.73E+09	1476	115	49165;49166; 49167;49168; 49169;49170; 49171;49172; 49173;49174; 49175;49176; 49177;49178; 49179;49180; 49181;49182; 49183;49184; 49185;49186; 49187;49188; 49189;49190; 49191;49192; 49193;49194; 49195;49196; 49197;49198; 49199;49200; 49201;49202; 49203	50983;50984; 50985;50986; 50987;50988; 50989;50990; 50991;50992; 50993;50994; 50995;50996; 50997;50998; 50999;51000; 51001;51002; 51003;51004; 51005;51006; 51007;51008; 51009;51010; 51011;51012; 51013;51014; 51015;51016; 51017;51018; 51019;51020; 51021;51022; 51023;51024; 51025;51026; 51027;51028; 51029;51030; 51031;51032; 51033;51034	
TDLEM QIEGLK	11	1275.638	CON__P08779			2	1.95E-20	157.24	1.32E+09	1477	225	1592;1593	51035;51036; 51037;51038; 51039;51040; 51041;51042; 51043;51044; 51045;51046; 51047;51048; 51049;51050; 51051;51052; 51053;51054; 51055;51056; 51057;51058; 51059;51060; 51061;51062; 51063;51064; 51065;51066; 51067;51068; 51069;51070; 51071;51072;	



TDLNFE NLK	9	1092.545	Q90X19;A2BH A3;Q9PV91	ckma		2	0.000233	117.76	59189000	1478	114	51073;51074; 51075;51076; 51077;51078; 51079;51080; 51081;51082; 51083;51084; 51085;51086 49296;49297; 49298;49299; 49300;49301; 49302	51087;51088; 51089;51090
TDLNPD NLK	9	1028.514	Q8AY63;Q7ZU 04;R4GEP9;F6 NIF4	ckbb		2	9.65E-24	174.52	9.83E+08	1479	437	49303;49304; 49305;49306; 49307;49308; 49309;49310; 49311;49312; 49313;49314; 49315;49316; 49317;49318; 49319;49320; 49321;49322; 49323;49324; 49325;49326; 49327;49328; 49329;49330; 49331;49332; 49333	51091;51092; 51093;51094; 51095;51096; 51097;51098; 51099;51100; 51101;51102; 51103;51104; 51105;51106; 51107;51108; 51109;51110; 51111;51112; 51113
TDSNPC ISANAK	12	1263.577	Q3YA99;B3DI V2;F8W3S8	itgb1b.1	Integrin beta	2	0.005159	68.893	14621000	1480	196	49334;49335; 49336;49337; 49338;49339; 49340;49341; 49342;49343; 49344;49345	51114
TDTDQ YVYDV LK	13	1571.772	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;B8Q685; A0A0R4IHQ0	tfa	Serotransferrin	2	1.9E-121	218.18	1.47E+09	1481	211	49346;49347; 49348;49349; 49350;49351; 49352;49353; 49354;49355; 49356;49357; 49358;49359; 49360;49361; 49362;49363; 49364;49365; 49366;49367; 49368;49369; 49370;49371; 49372;49373; 49374;49375; 49376;49377; 49378;49379; 49380;49381; 49382;49383; 49384;49385;	51115;51116; 51117;51118; 51119;51120; 51121;51122; 51123;51124; 51125;51126; 51127;51128; 51129;51130; 51131;51132; 51133;51134; 51135;51136; 51137;51138; 51139;51140; 51141;51142; 51143;51144; 51145;51146; 51147;51148; 51149;51150; 51151;51152; 51153;51154;

49386;49387; 51155;51156;  
49388;49389; 51157;51158;  
49390;49391; 51159;51160;  
49392;49393; 51161;51162;  
49394;49395; 51163;51164;  
49396;49397; 51165;51166;  
49398;49399; 51167;51168;  
49400;49401; 51169;51170;  
49402;49403; 51171;51172;  
49404;49405; 51173;51174;  
49406;49407; 51175;51176;  
49408;49409; 51177;51178;  
49410;49411; 51179;51180;  
49412;49413; 51181;51182;  
49414;49415; 51183;51184;  
49416;49417; 51185;51186;  
49418;49419; 51187;51188;  
49420;49421; 51189;51190;  
49422;49423; 51191;51192;  
49424;49425; 51193;51194;  
49426;49427; 51195;51196;  
49428;49429; 51197;51198;  
49430;49431; 51199;51200;  
49432;49433; 51201;51202;  
49434;49435; 51203;51204;  
49436;49437; 51205;51206;  
49438;49439; 51207;51208;  
49440;49441; 51209;51210;  
49442;49443; 51211;51212;  
49444;49445; 51213;51214;  
49446;49447; 51215;51216;  
49448;49449; 51217;51218;  
49450;49451; 51219;51220;  
49452;49453; 51221;51222;  
49454;49455; 51223;51224;  
49456;49457; 51225;51226;  
49458;49459; 51227;51228;  
49460;49461; 51229;51230;  
49462;49463; 51231;51232;  
49464;49465; 51233;51234;  
49466;49467; 51235;51236;  
49468;49469; 51237;51238;  
49470;49471; 51239;51240;  
49472;49473; 51241;51242;  
49474;49475; 51243;51244;  
49476;49477; 51245;51246;  
49478;49479; 51247;51248;  
49480;49481; 51249;51250;  
49482;49483; 51251;51252;  
49484;49485; 51253;51254;  
49486;49487; 51255;51256;  
49488;49489; 51257;51258;  
49490;49491; 51259;51260;

												49492;49493; 49494;49495; 49496;49497; 49498;49499; 49500;49501; 49502;49503; 49504;49505; 49506;49507; 49508;49509; 49510;49511; 49512;49513; 49514;49515	51261;51262; 51263;51264; 51265;51266; 51267;51268; 51269;51270; 51271;51272; 51273;51274; 51275;51276; 51277;51278; 51279;51280; 51281;51282; 51283;51284; 51285;51286; 51287;51288; 51289;51290; 51291;51292; 51293
TDVQF QAEAR	10	1163.557	A4VCF4;Q8JH 37;Q1MTC6;F1 R2T3;A3KMS4; A0A0R4IUA0; Q90YN8;Q1LW N2;A0A0R4IY4 9;E9QFD8;F1Q V15;Q3T7B0;A 8WGJ7;F1QHH 9;A2VCZ6;F1R BA0;Q4QRF3;F 1R2S5;F1Q7L0 CON__P13647	vtg1;vtg7 ;vtg4;vtg 6;vtg5	2	2.55E-07	131.62	1.87E+08	1482	94	1598	51294;51295; 51296;51297; 51298;51299; 51300;51301; 51302;51303	
TEAES WYQTK	10	1241.556			2	0.005561	90.761	41133000	1483	228	1599	51304	
TEALSN NAGED FDTVLS SNK	20	2110.966	I3IS79;B8LF84	neu3.4;ne u3.3	2	6.75E-05	82.55	88893000	1484	214	1600	51305;51306; 51307;51308; 51309;51310; 51311;51312; 51313;51314; 51315;51316; 51317;51318; 51319;51320	
TEDGTA NAGSD YEFTEG TVVFKP GETQK TEELNK EVASNS ELVQSS R TEQMT VR	28	2977.347	B2CZC2;Q32S G7	slc8a1b		3	1.27E-45	109.26	35630000	1485	185	49562;49563; 49564;49565; 49566;49567; 49568;49569	51321;51322; 51323;51324; 51325
	19	2119.039	CON__P08779		2;3	7.17E-06	78.088	61767000	1486	225	1602	51326;51327; 51328;51329; 51330;51331; 51332;51333	
	7	863.4171	A7E2L4	gnb21l		1;2	0.008973	128.57	6.6E+08	1487	143	49578;49579; 49580;49581; 49582;49583; 49584;49585; 49586;49587;	51334;51335; 51336;51337; 51338;51339; 51340;51341; 51342;51343;

TETA LN PVF GK	15	1615.857	Q1LX40;Q1LX 41	cpne2		2	5.2E-48	161.63	1.63E+08	1488	363	49588;49589; 49590;49591; 49592;49593; 49594;49595; 49596;49597; 49598;49599; 49600;49601; 49602;49603; 49604;49605; 49606;49607; 49608;49609; 49610;49611; 49612;49613; 49614;49615; 49616;49617; 49618;49619; 49620;49621; 49622;49623; 49624;49625; 49626;49627; 49628;49629; 49630;49631; 49632;49633; 49634;49635; 49636;49637; 49638;49639; 49640;49641; 49642;49643; 49644;49645; 49646;49647; 49648;49649; 49650	51344;51345; 51346;51347; 51348;51349; 51350;51351; 51352;51353; 51354;51355; 51356;51357; 51358;51359; 51360;51361; 51362;51363; 51364;51365; 51366;51367; 51368;51369; 51370;51371; 51372;51373; 51374 51375;51376; 51377;51378; 51379;51380; 51381;51382; 51383;51384; 51385;51386; 51387;51388; 51389;51390; 51391;51392; 51393;51394; 51395;51396; 51397;51398; 51399;51400; 51401;51402
TEVIDN TLNPDF VR	14	1631.816	Q1RM72;A0A0 H2UK55;A0A0 H2UJT1;A0A0 H2UJJ9;Q7T29 6;B0R0N3;A0A 140UHX5	im:71439 23;cpne5; si:ch211- 180j19.1	2	3.8E-118	205.13	5.25E+08	1489	21	1605	51403;51404; 51405;51406; 51407;51408; 51409;51410; 51411;51412; 51413;51414; 51415;51416; 51417;51418; 51419;51420; 51421;51422; 51423;51424; 51425;51426; 51427;51428; 51429;51430; 51431;51432; 51433;51434; 51435;51436; 51437;51438; 51439;51440; 51441;51442; 51443;51444;	

TFDTC	19	2069.039	A0A140LG92; Q6NWI6;A0A0 R4IWE1	fahd2a		2	0.019967	43.382	2780200	1490	98	51445;51446; 51447;51448; 51449;51450; 51451;51452; 51453;51454; 51455;51456; 51457;51458; 51459;51460; 51461;51462; 51463;51464; 51465;51466; 51467;51468; 51469;51470; 51471;51472; 51473;51474; 51475;51476; 51477 49699;49700	51478	
PLGPAL VTDSL K														
TFDYNT YIDEVN R	13	1648.737	E7FBD3	apoba		2	2.15E-06	121.9	14750000	1491	264	49701;49702	51479;51480	
TFEDLA NQNVE YGTIK	17	1953.968	A0A0B5JF18;B 8JLR6	Si:ch211- 251b21.1; si:ch211- 251b21.1	2	2.77E-56	159.5	1.83E+08	1492	3	1608	51481;51482; 51483;51484; 51485;51486; 51487;51488; 51489;51490; 51491;51492; 51493;51494; 51495;51496; 51497;51498; 51499;51500; 51501;51502; 51503;51504; 51505;51506; 51507;51508; 51509;51510; 51511;51512; 51513;51514; 51515;51516; 51517;51518; 51519;51520; 51521;51522; 51523;51524; 51525;51526; 51527;51528; 51529;51530; 51531;51532; 51533;51534; 51535;51536; 51537;51538;		

TFEPAE FIIDTR	12	1437.714	F1R9P5;E9QI62	f1na		2	7.99E-05	107.83	2.2E+08	1493	335	51539;51540; 51541;51542; 51543 49753;49754; 49755;49756; 49757;49758; 49759;49760; 49761;49762; 49763;49764; 49765;49766; 49767;49768; 49769;49770; 49771;49772; 49773;49774; 49775;49776; 49777;49778; 49779;49780; 49781;49782; 49783;49784; 49785;49786; 49787;49788; 49789;49790; 49791;49792; 49793;49794; 49795;49796; 49797;49798; 49799;49800; 49801;49802; 49803;49804; 49805;49806; 49807;49808; 49809;49810; 49811;49812; 49813;49814; 49815;49816; 49817;49818; 49819;49820; 49821 51544;51545; 51546;51547; 51548;51549; 51550;51551; 51552;51553; 51554;51555; 51556;51557; 51558;51559; 51560;51561; 51562;51563; 51564;51565; 51566;51567; 51568;51569; 51570;51571; 51572;51573; 51574;51575; 51576;51577; 51578;51579; 51580;51581; 51582;51583; 51584;51585; 51586;51587; 51588;51589; 51590;51591; 51592;51593; 51594;51595; 51596;51597; 51598;51599; 51600;51601; 51602;51603; 51604;51605; 51606;51607; 51608;51609; 51610;51611; 51612;51613; 51614;51615; 51616;51617; 51618;51619; 51620;51621; 51622;51623; 51624;51625; 51626
TFIAIKP DGVQR	12	1343.756	Q6PC37;A0A0 G2L2L7	nme2a	Nucleoside diphosphate kinase	2;3	0.000413	86.624	69859000	1494	424	49822;49823; 49824;49825; 49826;49827; 49828;49829; 49830;49831; 49832;49833 51627;51628; 51629;51630
TFISAET LIK	10	1121.633	Q5TZ29	apobb.1		2	0.003914	93.649	2.12E+08	1495	385	49834;49835; 49836;49837; 51631;51632; 51633;51634;

												49838;49839; 49840;49841; 49842;49843; 49844;49845; 49846;49847; 49848;49849; 49850;49851; 49852;49853; 49854	51635;51636; 51637;51638; 51639;51640; 51641;51642
TFLAVK PDGVQ R	12	1329.741	Q9PTF3;A0A0 R4IS05	nme3	Nucleoside diphosphate kinase	2,3	3.46E-06	130.98	6.42E+08	1496	85	49855;49856; 49857;49858; 49859;49860; 49861;49862; 49863;49864; 49865;49866; 49867;49868; 49869;49870; 49871;49872; 49873;49874; 49875;49876; 49877;49878; 49879;49880; 49881;49882; 49883;49884; 49885;49886; 49887	51643;51644; 51645;51646; 51647;51648; 51649;51650; 51651;51652; 51653;51654; 51655;51656
TFMLST SQTGLG APANGP ADAGP YTR	26	2580.228	Q7ZVF1	chia.1		2,3	7.36E-15	47.745	33358000	1497	444	49888;49889; 49890;49891; 49892;49893; 49894;49895; 49896;49897; 49898;49899; 49900	51657;51658; 51659;51660; 51661;51662; 51663;51664; 51665;51666; 51667;51668
TFQIGN DLDFG AIYK	15	1700.841	A8E4Z6;A0A0 N4STQ7;A0A0 N4SU18;Q3B7 G2;Q05AP8;Q6 DGW1	zgc:1231 03;26- 29kD- proteinase	2	3.21E-10	108.56	1.84E+08	1498	25	1614	51669;51670; 51671;51672; 51673;51674; 51675;51676; 51677;51678; 51679;51680; 51681;51682; 51683;51684; 51685;51686; 51687;51688; 51689;51690; 51691;51692; 51693;51694; 51695;51696; 51697;51698; 51699;51700; 51701;51702; 51703;51704; 51705;51706; 51707;51708;	

TFTTQE TITNAE SAK	15	1640.789	Q0IJ39;A8DZE 4;Q8QFU1	gpib	Glucose-6- phosphate isomerase	2	5.87E-14	125.28	70516000	1499	151	51709;51710; 51711;51712; 51713;51714; 51715;51716; 51717 49973;49974; 49975;49976; 49977;49978; 49979;49980; 49981;49982; 49983;49984; 49985;49986; 49987;49988; 49989;49990 49991;49992; 49993;49994; 49995;49996; 49997;49998; 49999;50000; 50001;50002; 50003;50004; 50005;50006; 50007;50008; 50009;50010; 50011;50012; 50013;50014; 50015;50016; 50017;50018; 50019;50020; 50021;50022; 50023;50024; 50025;50026; 50027;50028; 50029;50030; 50031;50032; 50033;50034; 50035;50036; 50037;50038	51718;51719; 51720;51721; 51722;51723; 51724;51725; 51726;51727; 51728;51729
TFTTQE TITNAE TAR	15	1682.811	Q8QFU2;Q7ZU 30;Q5XJ09;F1Q ZL6	gpia	Glucose-6- phosphate isomerase	2;3	0	270.74	8E+08	1500	387	51730;51731; 51732;51733; 51734;51735; 51736;51737; 51738;51739; 51740;51741; 51742;51743; 51744;51745; 51746;51747; 51748;51749; 51750;51751; 51752;51753; 51754;51755; 51756;51757; 51758;51759; 51760;51761; 51762;51763; 51764;51765; 51766;51767; 51768;51769; 51770;51771; 51772;51773; 51774;51775; 51776;51777; 51778;51779; 51780;51781; 51782;51783; 51784;51785; 51786;51787; 51788;51789; 51790;51791; 51792;51793	
TGDPGF MGNYK	11	1185.513	Q90WT1;Q6DG Z8;F1QT01	crybb1		2	3.91E-05	125.82	8.57E+08	1501	318	50039;50040; 50041;50042; 50043;50044; 50045;50046; 50047;50048; 50049;50050; 50051;50052;	51794;51795; 51796;51797; 51798;51799; 51800;51801; 51802;51803; 51804;51805; 51806;51807;





											50152;50153; 50154;50155; 50156;50157; 50158;50159; 50160;50161; 50162;50163; 50164;50165; 50166;50167; 50168;50169; 50170	51873;51874; 51875;51876; 51877;51878; 51879;51880; 51881;51882; 51883;51884; 51885;51886; 51887;51888; 51889;51890; 51891;51892; 51893;51894; 51895;51896; 51897;51898; 51899;51900; 51901;51902; 51903;51904; 51905;51906; 51907;51908; 51909;51910; 51911;51912; 51913;51914; 51915;51916; 51917
TGITGS LQK	9	903.5026	B8JKW4;Q7SX K0	c3a.1	2	1.6E-06	137.9	3.63E+08	1506	210	50171;50172; 50173;50174; 50175;50176; 50177;50178; 50179;50180; 50181;50182; 50183;50184; 50185;50186; 50187;50188; 50189;50190; 50191;50192; 50193;50194; 50195;50196	51918;51919; 51920;51921; 51922;51923; 51924;51925; 51926;51927; 51928;51929; 51930;51931; 51932;51933; 51934;51935; 51936;51937; 51938;51939; 51940;51941; 51942;51943; 51944;51945
TGLDPA EEYAR	11	1220.567	Q6DHR6;E7EZ 90	thop1	2	3.03E-24	163.94	8.57E+08	1507	244	50197;50198; 50199;50200; 50201;50202; 50203;50204; 50205;50206; 50207;50208; 50209;50210; 50211;50212; 50213;50214; 50215;50216; 50217;50218; 50219;50220; 50221	51946;51947; 51948;51949; 51950;51951; 51952;51953; 51954;51955; 51956;51957; 51958;51959; 51960;51961; 51962;51963; 51964;51965; 51966;51967; 51968;51969; 51970;51971; 51972;51973; 51974;51975; 51976;51977;

TGNPIP EELLDK	12	1324.687	Q6DHR6;E7EZ 90	thop1	2	1.4E-07	130.01	9.88E+08	1508	244	50222;50223; 50224;50225; 50226;50227; 50228;50229; 50230;50231; 50232;50233; 50234;50235; 50236;50237; 50238;50239; 50240;50241; 50242;50243; 50244;50245; 50246;50247; 50248;50249; 50250;50251; 50252;50253; 50254;50255; 50256;50257; 50258;50259; 50260;50261; 50262;50263; 50264;50265; 50266;50267; 50268;50269; 50270;50271; 50272	51978;51979; 51980;51981; 51982;51983; 51984;51985; 51986;51987; 51988;51989; 51990;51991; 51992;51993; 51994;51995; 51996;51997; 51998;51999; 52000 52001;52002; 52003;52004; 52005;52006; 52007;52008; 52009;52010; 52011;52012; 52013;52014; 52015;52016; 52017;52018; 52019;52020; 52021;52022; 52023;52024; 52025;52026; 52027;52028; 52029;52030; 52031;52032; 52033;52034; 52035;52036; 52037;52038; 52039;52040; 52041;52042; 52043;52044; 52045;52046; 52047;52048; 52049;52050; 52051;52052; 52053;52054; 52055;52056; 52057;52058; 52059;52060; 52061;52062; 52063;52064; 52065;52066; 52067;52068; 52069 52070;52071
TGPVGP QGPPGK	12	1090.577	D6MUD3;A0A 0R4ISK1	col11a1b	2	0.015327	60.717	24520000	1509	88	50273;50274; 50275;50276; 50277;50278; 50279;50280; 50281;50282; 50283	

TGSPNP APVPW PVYDQS NK	19	2052.991	Q1LYL6;Q1LU Z9;F1R9X5;Q5 BJI3;Q6GMJ1; Q08BF1	ces2;ces3	Carboxylic ester hydrolase	2	2.33E-22	153.09	20583000	1510	364	50284	52072;52073; 52074
THNLEP YFESFI NNLR	16	1992.969	CON__P04264			3	0.000598	65.943	21031000	1511	223	1628	52075;52076; 52077;52078; 52079;52080
TIAIHPT SSEELV TLR	16	1765.957	Q503Y5;F1QS9 9;E7FGA5;A0A 140LH37	gsr		2,3	0.034789	46.352	11786000	1512	275	50294;50295; 50296	52081;52082
TIEELQ NK	8	973.508	CON__Q04695			2	0.009608	107.59	1.04E+08	1513	232	1630	52083;52084; 52085;52086; 52087;52088
TIEELQ QK	8	987.5237	CON__Q14525; CON__O76014; CON__Q9UE12 ;CON__Q15323 ;CON__Q6NTB 9;CON__O7600 9;CON__A2A5 Y0;CON__REF SEQ:XP_98663 0;CON__Q9D6 46	2	0.005173	117.93	39021000	1514	234;235	1631	50310;5031 1;50312;50 313;50314; 50315;5031 6		
TIELAG ATVQAI R	13	1341.762	A9JRE6	dmgdh		2	0.005885	65.5	11415000	1515	166	50317;50318; 50319;50320; 50321;50322; 50323;50324 52097	52092;52093; 52094;52095; 52096
TIINAD KDGDG R	12	1273.626	Q66HZ0;E9QG 20;A0A0R4IZF 7	ppp3r1b; ppp3r1a		3	0.000773	75.479	30483000	1516	101	1633	
TIQIDN TDAEG R	12	1331.632	A2BIC6	lap3		2	4.57E-94	207.34	1.35E+09	1517	116	50333;50334; 50335;50336; 50337;50338; 50339;50340; 50341;50342; 50343;50344; 50345;50346; 50347;50348; 50349;50350; 50351;50352; 50353;50354; 50355;50356; 50357;50358; 50359;50360	52098;52099; 52100;52101; 52102;52103; 52104;52105; 52106;52107; 52108;52109; 52110;52111; 52112;52113; 52114;52115; 52116;52117; 52118;52119; 52120;52121; 52122;52123; 52124;52125; 52126;52127; 52128;52129; 52130;52131; 52132;52133; 52134;52135; 52136;52137; 52138;52139; 52140;52141;

TITLEV  
EPSDTIE  
NVK

16

1786.92

B0R193;Q3B7P  
7;Q7SXA3;Q7Z  
U62;Q6TLG3;F  
1Q8K7;B3DLH  
2;B0R189;Q7Z  
U63;F1QHN6;A  
0JPF1;A0A0N4  
SUD2;Q6IS68

ubb;uba5 2;3  
2;rps27a;  
si:ch211-  
202a12.4;  
ubc

0

329.73

2E+11

1518

28

1635

52171;52172;  
52173;52174;  
52175;52176;  
52177;52178;  
52179;52180;  
52181;52182;  
52183;52184;  
52185;52186;  
52187;52188;  
52189;52190;  
52191;52192;  
52193;52194;  
52195;52196;  
52197;52198;  
52199;52200;  
52201;52202;  
52203;52204;  
52205;52206;  
52207;52208;  
52209;52210;  
52211;52212;  
52213;52214;  
52215;52216;  
52217;52218;  
52219;52220;  
52221;52222;  
52223;52224;  
52225;52226;  
52227;52228;  
52229;52230;  
52231;52232;  
52233;52234;  
52235;52236;  
52237;52238;  
52239;52240;  
52241;52242;  
52243;52244;  
52245;52246;

52142;52143;  
52144;52145;  
52146;52147;  
52148;52149;  
52150;52151;  
52152;52153;  
52154;52155;  
52156;52157;  
52158;52159;  
52160;52161;  
52162;52163;  
52164;52165;  
52166;52167;  
52168;52169;  
52170

52247;52248;  
52249;52250;  
52251;52252;  
52253;52254;  
52255;52256;  
52257;52258;  
52259;52260;  
52261;52262;  
52263;52264;  
52265;52266;  
52267;52268;  
52269;52270;  
52271;52272;  
52273;52274;  
52275;52276;  
52277;52278;  
52279;52280;  
52281;52282;  
52283;52284;  
52285;52286;  
52287;52288;  
52289;52290;  
52291;52292;  
52293;52294;  
52295;52296;  
52297;52298;  
52299;52300;  
52301;52302;  
52303;52304;  
52305;52306;  
52307;52308;  
52309;52310;  
52311;52312;  
52313;52314;  
52315;52316;  
52317;52318;  
52319;52320;  
52321;52322;  
52323;52324;  
52325;52326;  
52327;52328;  
52329;52330;  
52331;52332;  
52333;52334;  
52335;52336;  
52337;52338;  
52339;52340;  
52341;52342;  
52343;52344;  
52345;52346;  
52347;52348;  
52349;52350;  
52351;52352;

52353;52354;  
52355;52356;  
52357;52358;  
52359;52360;  
52361;52362;  
52363;52364;  
52365;52366;  
52367;52368;  
52369;52370;  
52371;52372;  
52373;52374;  
52375;52376;  
52377;52378;  
52379;52380;  
52381;52382;  
52383;52384;  
52385;52386;  
52387;52388;  
52389;52390;  
52391;52392;  
52393;52394;  
52395;52396;  
52397;52398;  
52399;52400;  
52401;52402;  
52403;52404;  
52405;52406;  
52407;52408;  
52409;52410;  
52411;52412;  
52413;52414;  
52415;52416;  
52417;52418;  
52419;52420;  
52421;52422;  
52423;52424;  
52425;52426;  
52427;52428;  
52429;52430;  
52431;52432;  
52433;52434;  
52435;52436;  
52437;52438;  
52439;52440;  
52441;52442;  
52443;52444;  
52445;52446;  
52447;52448;  
52449;52450;  
52451;52452;  
52453;52454;  
52455;52456;  
52457;52458;

52459;52460;  
52461;52462;  
52463;52464;  
52465;52466;  
52467;52468;  
52469;52470;  
52471;52472;  
52473;52474;  
52475;52476;  
52477;52478;  
52479;52480;  
52481;52482;  
52483;52484;  
52485;52486;  
52487;52488;  
52489;52490;  
52491;52492;  
52493;52494;  
52495;52496;  
52497;52498;  
52499;52500;  
52501;52502;  
52503;52504;  
52505;52506;  
52507;52508;  
52509;52510;  
52511;52512;  
52513;52514;  
52515;52516;  
52517;52518;  
52519;52520;  
52521;52522;  
52523;52524;  
52525;52526;  
52527;52528;  
52529;52530;  
52531;52532;  
52533;52534;  
52535;52536;  
52537;52538;  
52539;52540;  
52541;52542;  
52543;52544;  
52545;52546;  
52547;52548;  
52549;52550;  
52551;52552;  
52553;52554;  
52555;52556;  
52557;52558;  
52559;52560;  
52561;52562;  
52563;52564;



52565;52566;  
52567;52568;  
52569;52570;  
52571;52572;  
52573;52574;  
52575;52576;  
52577;52578;  
52579;52580;  
52581;52582;  
52583;52584;  
52585;52586;  
52587;52588;  
52589;52590;  
52591;52592;  
52593;52594;  
52595;52596;  
52597;52598;  
52599;52600;  
52601;52602;  
52603;52604;  
52605;52606;  
52607;52608;  
52609;52610;  
52611;52612;  
52613;52614;  
52615;52616;  
52617;52618;  
52619;52620;  
52621;52622;  
52623;52624;  
52625;52626;  
52627;52628;  
52629;52630;  
52631;52632;  
52633;52634;  
52635;52636;  
52637;52638;  
52639;52640;  
52641;52642;  
52643;52644;  
52645;52646;  
52647;52648;  
52649;52650;  
52651;52652;  
52653;52654;  
52655;52656;  
52657;52658;  
52659;52660;  
52661;52662;  
52663;52664;  
52665;52666;  
52667;52668;  
52669;52670;

52671;52672;  
52673;52674;  
52675;52676;  
52677;52678;  
52679;52680;  
52681;52682;  
52683;52684;  
52685;52686;  
52687;52688;  
52689;52690;  
52691;52692;  
52693;52694;  
52695;52696;  
52697;52698;  
52699;52700;  
52701;52702;  
52703;52704;  
52705;52706;  
52707;52708;  
52709;52710;  
52711;52712;  
52713;52714;  
52715;52716;  
52717;52718;  
52719;52720;  
52721;52722;  
52723;52724;  
52725;52726;  
52727;52728;  
52729;52730;  
52731;52732;  
52733;52734;  
52735;52736;  
52737;52738;  
52739;52740;  
52741;52742;  
52743;52744;  
52745;52746;  
52747;52748;  
52749;52750;  
52751;52752;  
52753;52754;  
52755;52756;  
52757;52758;  
52759;52760;  
52761;52762;  
52763;52764;  
52765;52766;  
52767;52768;  
52769;52770;  
52771;52772;  
52773;52774;  
52775;52776;

52777;52778;  
52779;52780;  
52781;52782;  
52783;52784;  
52785;52786;  
52787;52788;  
52789;52790;  
52791;52792;  
52793;52794;  
52795;52796;  
52797;52798;  
52799;52800;  
52801;52802;  
52803;52804;  
52805;52806;  
52807;52808;  
52809;52810;  
52811;52812;  
52813;52814;  
52815;52816;  
52817;52818;  
52819;52820;  
52821;52822;  
52823;52824;  
52825;52826;  
52827;52828;  
52829;52830;  
52831;52832;  
52833;52834;  
52835;52836;  
52837;52838;  
52839;52840;  
52841;52842;  
52843;52844;  
52845;52846;  
52847;52848;  
52849;52850;  
52851;52852;  
52853;52854;  
52855;52856;  
52857;52858;  
52859;52860;  
52861;52862;  
52863;52864;  
52865;52866;  
52867;52868;  
52869;52870;  
52871;52872;  
52873;52874;  
52875;52876;  
52877;52878;  
52879;52880;  
52881;52882;

52883;52884;  
52885;52886;  
52887;52888;  
52889;52890;  
52891;52892;  
52893;52894;  
52895;52896;  
52897;52898;  
52899;52900;  
52901;52902;  
52903;52904;  
52905;52906;  
52907;52908;  
52909;52910;  
52911;52912;  
52913;52914;  
52915;52916;  
52917;52918;  
52919;52920;  
52921;52922;  
52923;52924;  
52925;52926;  
52927;52928;  
52929;52930;  
52931;52932;  
52933;52934;  
52935;52936;  
52937;52938;  
52939;52940;  
52941;52942;  
52943;52944;  
52945;52946;  
52947;52948;  
52949;52950;  
52951;52952;  
52953;52954;  
52955;52956;  
52957;52958;  
52959;52960;  
52961;52962;  
52963;52964;  
52965;52966;  
52967;52968;  
52969;52970;  
52971;52972;  
52973;52974;  
52975;52976;  
52977;52978;  
52979;52980;  
52981;52982;  
52983;52984;  
52985;52986;  
52987;52988;

52989;52990;  
52991;52992;  
52993;52994;  
52995;52996;  
52997;52998;  
52999;53000;  
53001;53002;  
53003;53004;  
53005;53006;  
53007;53008;  
53009;53010;  
53011;53012;  
53013;53014;  
53015;53016;  
53017;53018;  
53019;53020;  
53021;53022;  
53023;53024;  
53025;53026;  
53027;53028;  
53029;53030;  
53031;53032;  
53033;53034;  
53035;53036;  
53037;53038;  
53039;53040;  
53041;53042;  
53043;53044;  
53045;53046;  
53047;53048;  
53049;53050;  
53051;53052;  
53053;53054;  
53055;53056;  
53057;53058;  
53059;53060;  
53061;53062;  
53063;53064;  
53065;53066;  
53067;53068;  
53069;53070;  
53071;53072;  
53073;53074;  
53075;53076;  
53077;53078;  
53079;53080;  
53081;53082;  
53083;53084;  
53085;53086;  
53087;53088;  
53089;53090;  
53091;53092;  
53093;53094;

53095;53096;  
53097;53098;  
53099;53100;  
53101;53102;  
53103;53104;  
53105;53106;  
53107;53108;  
53109;53110;  
53111;53112;  
53113;53114;  
53115;53116;  
53117;53118;  
53119;53120;  
53121;53122;  
53123;53124;  
53125;53126;  
53127;53128;  
53129;53130;  
53131;53132;  
53133;53134;  
53135;53136;  
53137;53138;  
53139;53140;  
53141;53142;  
53143;53144;  
53145;53146;  
53147;53148;  
53149;53150;  
53151;53152;  
53153;53154;  
53155;53156;  
53157;53158;  
53159;53160;  
53161;53162;  
53163;53164;  
53165;53166;  
53167;53168;  
53169;53170;  
53171;53172;  
53173;53174;  
53175;53176;  
53177;53178;  
53179;53180;  
53181;53182;  
53183;53184;  
53185;53186;  
53187;53188;  
53189;53190;  
53191;53192;  
53193;53194;  
53195;53196;  
53197;53198;  
53199;53200;

53201;53202;  
53203;53204;  
53205;53206;  
53207;53208;  
53209;53210;  
53211;53212;  
53213;53214;  
53215;53216;  
53217;53218;  
53219;53220;  
53221;53222;  
53223;53224;  
53225;53226;  
53227;53228;  
53229;53230;  
53231;53232;  
53233;53234;  
53235;53236;  
53237;53238;  
53239;53240;  
53241;53242;  
53243;53244;  
53245;53246;  
53247;53248;  
53249;53250;  
53251;53252;  
53253;53254;  
53255;53256;  
53257;53258;  
53259;53260;  
53261;53262;  
53263;53264;  
53265;53266;  
53267;53268;  
53269;53270;  
53271;53272;  
53273;53274;  
53275;53276;  
53277;53278;  
53279;53280;  
53281;53282;  
53283;53284;  
53285;53286;  
53287;53288;  
53289;53290;  
53291;53292;  
53293;53294;  
53295;53296;  
53297;53298;  
53299;53300;  
53301;53302;  
53303;53304;  
53305;53306;

53307;53308;  
53309;53310;  
53311;53312;  
53313;53314;  
53315;53316;  
53317;53318;  
53319;53320;  
53321;53322;  
53323;53324;  
53325;53326;  
53327;53328;  
53329;53330;  
53331;53332;  
53333;53334;  
53335;53336;  
53337;53338;  
53339;53340;  
53341;53342;  
53343;53344;  
53345;53346;  
53347;53348;  
53349;53350;  
53351;53352;  
53353;53354;  
53355;53356;  
53357;53358;  
53359;53360;  
53361;53362;  
53363;53364;  
53365;53366;  
53367;53368;  
53369;53370;  
53371;53372;  
53373;53374;  
53375;53376;  
53377;53378;  
53379;53380;  
53381;53382;  
53383;53384;  
53385;53386;  
53387;53388;  
53389;53390;  
53391;53392;  
53393;53394;  
53395;53396;  
53397;53398;  
53399;53400;  
53401;53402;  
53403;53404;  
53405;53406;  
53407;53408;  
53409;53410;  
53411;53412;



53413;53414;  
53415;53416;  
53417;53418;  
53419;53420;  
53421;53422;  
53423;53424;  
53425;53426;  
53427;53428;  
53429;53430;  
53431;53432;  
53433;53434;  
53435;53436;  
53437;53438;  
53439;53440;  
53441;53442;  
53443;53444;  
53445;53446;  
53447;53448;  
53449;53450;  
53451;53452;  
53453;53454;  
53455;53456;  
53457;53458;  
53459;53460;  
53461;53462;  
53463;53464;  
53465;53466;  
53467;53468;  
53469;53470;  
53471;53472;  
53473;53474;  
53475;53476;  
53477;53478;  
53479;53480;  
53481;53482;  
53483;53484;  
53485;53486;  
53487;53488;  
53489;53490;  
53491;53492;  
53493;53494;  
53495;53496;  
53497;53498;  
53499;53500;  
53501;53502;  
53503;53504;  
53505;53506;  
53507;53508;  
53509;53510;  
53511;53512;  
53513;53514;  
53515;53516;  
53517;53518;

53519;53520;  
53521;53522;  
53523;53524;  
53525;53526;  
53527;53528;  
53529;53530;  
53531;53532;  
53533;53534;  
53535;53536;  
53537;53538;  
53539;53540;  
53541;53542;  
53543;53544;  
53545;53546;  
53547;53548;  
53549;53550;  
53551;53552;  
53553;53554;  
53555;53556;  
53557;53558;  
53559;53560;  
53561;53562;  
53563;53564;  
53565;53566;  
53567;53568;  
53569;53570;  
53571;53572;  
53573;53574;  
53575;53576;  
53577;53578;  
53579;53580;  
53581;53582;  
53583;53584;  
53585;53586;  
53587;53588;  
53589;53590;  
53591;53592;  
53593;53594;  
53595;53596;  
53597;53598;  
53599;53600;  
53601;53602;  
53603;53604;  
53605;53606;  
53607;53608;  
53609;53610;  
53611;53612;  
53613;53614;  
53615;53616;  
53617;53618;  
53619;53620;  
53621;53622;  
53623;53624;

TLCMN	15	1694.797	A0A0G2L1N0	2	1.62E-09	117.23	22883000	1519	19	1636
SEQILA										
DGTR										
TLDLLG	8	883.5127	X1WF98;B5DC	col12a1a	2	0.001534	132.09	5.37E+08	1520	468
PR			62							

53625;53626;  
53627;53628;  
53629;53630;  
53631;53632;  
53633;53634;  
53635;53636;  
53637;53638;  
53639;53640;  
53641;53642;  
53643;53644;  
53645;53646;  
53647;53648;  
53649;53650;  
53651;53652;  
53653;53654;  
53655;53656;  
53657;53658;  
53659;53660;  
53661;53662;  
53663;53664;  
53665;53666;  
53667;53668;  
53669;53670;  
53671;53672;  
53673;53674;  
53675;53676;  
53677;53678;  
53679;53680;  
53681;53682;  
53683;53684;  
53685;53686;  
53687;53688;  
53689;53690;  
53691;53692;  
53693;53694;  
53695;53696;  
53697;53698;  
53699;53700;  
53701;53702;  
53703;53704;  
53705;53706;  
53707;53708;  
53709;53710;  
53711;53712;  
51816;51817;  
51818;51819;  
51820;51821;  
51822;51823;  
51824;51825;  
51826;51827;  
51828;51829;  
51830;51831;  
51832;51833;

53713;53714;  
53715;53716;  
53717;53718;  
53719;53720;  
53721;53722;  
53723;53724;  
53725;53726;  
53727;53728;  
53729;53730;

TLDTLE AFK	9	1036.544	E7FE19;A0A0R 4IMW7;A0A0R 4IRJ5	cnp	2	2.89E-05	124.98	3.3E+08	1521	268	51834;51835; 51836;51837; 51838;51839; 51840;51841; 51842;51843; 51844;51845; 51846;51847; 51848;51849; 51850;51851; 51852;51853; 51854;51855 51856;51857; 51858;51859; 51860;51861; 51862;51863; 51864;51865; 51866;51867; 51868;51869; 51870;51871; 51872;51873; 51874;51875; 51876;51877; 51878;51879; 51880;51881; 51882;51883; 51884;51885; 51886;51887; 51888;51889; 51890;51891; 51892;51893 53765	53731;53732; 53733;53734; 53735;53736; 53737;53738; 53739;53740 53741;53742; 53743;53744; 53745;53746; 53747;53748; 53749;53750; 53751;53752; 53753;53754; 53755;53756; 53757;53758; 53759;53760; 53761;53762; 53763;53764	
TLEDQL SEIK	10	1174.608	B8A568;B8A56 1;B3DJM6;B8A 569;F1R6C7;E7 FAD0	myhzl.1; myhzl.2; myhzl.3; myha	2	0.026989	65.305	5886600	1522	200	1639	53765	
TLEEEM SVIK	10	1177.59	A5X6X5;F1R7 N8;F1QZQ0	ttna	2	0.000114	116.05	5.16E+08	1523	332;139		51896;51897; 51898;51899; 51900;51901; 51902;51903; 51904;51905; 51906;51907; 51908;51909; 51910;51911; 51912;51913; 51914;51915; 51916;51917; 51918;51919; 51920;51921; 51922;51923; 51924;51925; 51926;51927; 51928;51929; 51930;51931; 51932;51933;	53766;53767; 53768;53769; 53770;53771; 53772;53773; 53774;53775; 53776;53777; 53778;53779; 53780;53781; 53782;53783; 53784;53785; 53786;53787; 53788;53789; 53790;53791; 53792;53793; 53794;53795; 53796;53797; 53798;53799; 53800;53801; 53802;53803;

												51934;51935; 51936;51937; 51938;51939; 51940;51941; 51942;51943; 51944;51945; 51946;51947; 51948;51949; 51950	53804;53805; 53806;53807; 53808;53809; 53810;53811; 53812;53813; 53814
TLGDYL GSLSR	11	1180.609	F1QS22;Q7ZV D6;Q6IQF1	zgc:5609 5	Ferritin	2	3.01E-37	175.88	1.28E+09	1524	315	51951;51952; 51953;51954; 51955;51956; 51957;51958; 51959;51960; 51961;51962; 51963;51964; 51965;51966; 51967;51968; 51969;51970; 51971;51972; 51973;51974; 51975;51976; 51977;51978; 51979;51980; 51981;51982; 51983;51984; 51985;51986; 51987;51988; 51989	53815;53816; 53817;53818; 53819;53820; 53821;53822; 53823;53824; 53825;53826; 53827;53828; 53829;53830; 53831;53832; 53833;53834; 53835;53836; 53837;53838; 53839;53840; 53841;53842; 53843;53844; 53845;53846; 53847;53848; 53849;53850
TLGLLA PQNL	11	1194.709	E7FG81;I3IT32	col12a1b		2	0.000844	105.57	2.22E+08	1525	274	51990;51991; 51992;51993; 51994;51995; 51996;51997; 51998;51999; 52000;52001; 52002;52003; 52004;52005; 52006;52007; 52008;52009; 52010;52011; 52012;52013; 52014;52015; 52016;52017; 52018;52019; 52020;52021; 52022;52023; 52024;52025; 52026;52027; 52028;52029	53851;53852; 53853;53854; 53855;53856; 53857;53858; 53859;53860; 53861;53862; 53863;53864; 53865;53866; 53867;53868; 53869;53870; 53871;53872; 53873;53874
TLIDDD NPPVSF VK	14	1558.788	Q7ZTX2	wdr5		2	0.000464	89.548	8.03E+08	1526	436	52030;52031; 52032;52033; 52034;52035; 52036;52037;	53875;53876; 53877;53878; 53879;53880; 53881;53882;

TLIDPV	14	1394.813	A0A0R4ILK8;	neu1	2	0.011259	60.518	10769000	1527	57	52038;52039;	53883;53884;
VAAGA			A0A0R4IH25;Q								52040;52041;	53885;53886;
LQK			1LWP9								52042;52043;	53887;53888;
TLITNN	24	2248.181	A0A0R4IVL1;	lrp2a	2	0.00025	53.403	7293300	1528	33	52044;52045;	53889;53890;
GSPTGA			A0A0R4IVD8;								52046;52047;	53891;53892;
GAPVGI			E0AE56;A0A0								52048;52049;	53893;53894;
AVDPA			R4IAG0;A0A0								52050;52051;	53895;53896
R			R4IYF9								52052;52053;	
TLLDID	9	1059.556	CON__P35527	2	6.98E-83	217.02	6.23E+09	1529	230	1647	52054;52055;	
NTR											52056;52057;	
											52058;52059;	
											52060;52061;	
											52062;52063;	
											52064;52065;	
											52066;52067;	
											52068;52069;	
											52070;52071;	
											52072;52073;	
											52074;52075;	
											52076;52077;	
											52078;52079;	
											52080;52081;	
											52082;52083;	
											52084;52085;	
											52086;52087;	
											52088;52089	
											52090;52091;	53897;53898
											52092;52093;	
											52094	
											52095;52096;	53899
											52097;52098;	
											52099	
											53900;53901;	
											53902;53903;	
											53904;53905;	
											53906;53907;	
											53908;53909;	
											53910;53911;	
											53912;53913;	
											53914;53915;	
											53916;53917;	
											53918;53919;	
											53920;53921;	
											53922;53923;	
											53924;53925;	
											53926;53927;	
											53928;53929;	
											53930;53931;	
											53932;53933;	
											53934;53935;	
											53936;53937;	

TLLEGE ESR	9	1032.509	CON_P04264	2	2E-22	171.53	6.79E+09	1530	223	1648
---------------	---	----------	------------	---	-------	--------	----------	------	-----	------

53938;53939;  
53940;53941;  
53942;53943;  
53944;53945;  
53946;53947;  
53948;53949;  
53950;53951;  
53952;53953;  
53954;53955;  
53956;53957;  
53958;53959;  
53960;53961;  
53962;53963;  
53964;53965;  
53966;53967;  
53968;53969;  
53970;53971;  
53972;53973;  
53974;53975;  
53976;53977;  
53978;53979;  
53980;53981;  
53982;53983;  
53984;53985  
53986;53987;  
53988;53989;  
53990;53991;  
53992;53993;  
53994;53995;  
53996;53997;  
53998;53999;  
54000;54001;  
54002;54003;  
54004;54005;  
54006;54007;  
54008;54009;  
54010;54011;  
54012;54013;  
54014;54015;  
54016;54017;  
54018;54019;  
54020;54021;  
54022;54023;  
54024;54025;  
54026;54027;  
54028;54029;  
54030;54031;  
54032;54033;  
54034;54035;  
54036;54037;  
54038;54039;  
54040;54041;  
54042;54043;

TLLFPT ATDTSY VK	14	1555.813	Q7SZ53;F6P33 4;X4YKC7;Q5 XJ77	crp2;CRP	2	6.36E-06	110.86	1.58E+08	1531	349	54044;54045; 54046;54047; 54048;54049; 54050;54051; 54052;54053; 54054;54055; 54056;54057; 54058;54059; 54060;54061; 54062;54063; 54064;54065; 54066;54067; 54068;54069; 54070;54071; 54072;54073; 54074;54075; 54076;54077; 54078;54079; 54080;54081; 54082;54083; 54084;54085; 54086;54087; 54088;54089; 54090;54091; 54092;54093; 54094;54095; 54096;54097; 54098;54099; 54100;54101; 54102;54103; 54104;54105; 54106;54107; 54108;54109; 54110 52200;52201; 52202;52203; 52204;52205; 52206;52207; 52208;52209; 52210;52211; 52212;52213; 52214;52215; 52216;52217; 52218;52219; 52220;52221; 52222;52223; 52224;52225; 52226;52227 54111;54112; 54113;54114; 54115;54116; 54117;54118; 54119;54120; 54121;54122; 54123;54124; 54125;54126; 54127;54128; 54129;54130; 54131;54132; 54133;54134 54135;54136; 54137
TLNDM RQEYE QLIAK	15	1850.92	CON_P35527	2;3	0.009025	97.911	24913000	1532	230	1650	



TLNPVF NEQFTF K	13	1583.798	Q5TZ27;Q6DGI 9	syt1a		2	3.05E-48	168.22	2.63E+08	1533	384	52231;52232; 52233;52234; 52235;52236; 52237;52238; 52239;52240; 52241;52242; 52243;52244; 52245;52246; 52247;52248; 52249;52250; 52251;52252; 52253;52254; 52255;52256; 52257;52258; 52259;52260; 52261;52262; 52263;52264; 52265;52266; 52267;52268; 52269;52270; 52271;52272; 52273;52274; 52275;52276; 52277;52278 54138;54139; 54140;54141; 54142;54143; 54144;54145; 54146;54147; 54148;54149; 54150;54151; 54152;54153; 54154;54155; 54156;54157; 54158;54159; 54160;54161; 54162;54163; 54164;54165; 54166;54167; 54168;54169; 54170;54171; 54172;54173; 54174;54175; 54176;54177; 54178;54179	
TLNPVF NESFVF K	13	1540.793	E7FF92	LOC5596 37	2	0.012279	59.542	4043500	1534	270	1652	54180	
TLPHAG ETLQLT SIQTAK	18	1908.032	Q7ZUH6;E7EY W5	cst14a.2		3	0.024376	33.083	21061000	1535	439	52281;52282; 52283;52284	54181;54182
TLSDYN IQK	9	1080.545	B0R193;Q3B7P 7;Q7SXA3;Q7Z U62;Q6TLG3;F 1Q8K7;B3DLH 2;B0R189;Q7Z U63;F1QHN6;A 0JPF1;A0A0N4 SUD2;Q6IS68	ubb;uba5 2;rps27a; si:ch211- 202a12.4; ubc	2	6.92E-81	180.54	1.33E+11	1536	28	1654	54183;54184; 54185;54186; 54187;54188; 54189;54190; 54191;54192; 54193;54194; 54195;54196; 54197;54198; 54199;54200; 54201;54202; 54203;54204; 54205;54206; 54207;54208; 54209;54210; 54211;54212; 54213;54214; 54215;54216; 54217;54218; 54219;54220; 54221;54222; 54223;54224; 54225;54226; 54227;54228;	

54229;54230;  
54231;54232;  
54233;54234;  
54235;54236;  
54237;54238;  
54239;54240;  
54241;54242;  
54243;54244;  
54245;54246;  
54247;54248;  
54249;54250;  
54251;54252;  
54253;54254;  
54255;54256;  
54257;54258;  
54259;54260;  
54261;54262;  
54263;54264;  
54265;54266;  
54267;54268;  
54269;54270;  
54271;54272;  
54273;54274;  
54275;54276;  
54277;54278;  
54279;54280;  
54281;54282;  
54283;54284;  
54285;54286;  
54287;54288;  
54289;54290;  
54291;54292;  
54293;54294;  
54295;54296;  
54297;54298;  
54299;54300;  
54301;54302;  
54303;54304;  
54305;54306;  
54307;54308;  
54309;54310;  
54311;54312;  
54313;54314;  
54315;54316;  
54317;54318;  
54319;54320;  
54321;54322;  
54323;54324;  
54325;54326;  
54327;54328;  
54329;54330;  
54331;54332;  
54333;54334;

TLVEFI AGLAS DV	13	1333.713	A2BIC6	lap3		2	0.000484	99.802	18122000	1537	116	54335;54336; 54337;54338; 54339;54340; 54341;54342; 54343;54344; 54345;54346; 54347;54348; 54349;54350; 54351;54352; 54353;54354; 54355;54356; 54357;54358; 54359;54360; 54361;54362; 54363;54364; 54365;54366; 54367;54368; 54369;54370; 54371;54372; 54373;54374; 54375;54376; 54377;54378; 54379;54380; 54381;54382; 54383;54384; 54385;54386; 54387;54388; 54389;54390; 54391;54392; 54393;54394; 54395;54396; 54397;54398; 54399;54400; 54401;54402; 54403;54404; 54405;54406; 54407;54408; 54409;54410; 54411;54412; 54413;54414; 54415;54416; 54417;54418; 54419;54420; 54421;54422; 54423	54424;54425
TLVMT VYDFD R	11	1358.654	Q5TZ27;Q6DGI 9;Q1LX36;A3K Q92	syt1a;syt 1b	2	0.010533	77.677	7978200	1538	384	1656	54426	
TMLEPY VQEYK	11	1399.669	A0A0R4IKF0		2	4.55E-82	190.02	1.72E+10	1539	68	1657;1658	54427;54428; 54429;54430;	

54431;54432;  
54433;54434;  
54435;54436;  
54437;54438;  
54439;54440;  
54441;54442;  
54443;54444;  
54445;54446;  
54447;54448;  
54449;54450;  
54451;54452;  
54453;54454;  
54455;54456;  
54457;54458;  
54459;54460;  
54461;54462;  
54463;54464;  
54465;54466;  
54467;54468;  
54469;54470;  
54471;54472;  
54473;54474;  
54475;54476;  
54477;54478;  
54479;54480;  
54481;54482;  
54483;54484;  
54485;54486;  
54487;54488;  
54489;54490;  
54491;54492;  
54493;54494;  
54495;54496;  
54497;54498;  
54499;54500;  
54501;54502;  
54503;54504;  
54505;54506;  
54507;54508;  
54509;54510;  
54511;54512;  
54513;54514;  
54515;54516;  
54517;54518;  
54519;54520;  
54521;54522;  
54523;54524;  
54525;54526;  
54527;54528;  
54529;54530;  
54531;54532;  
54533;54534;  
54535;54536;

54537;54538;  
54539;54540;  
54541;54542;  
54543;54544;  
54545;54546;  
54547;54548;  
54549;54550;  
54551;54552;  
54553;54554;  
54555;54556;  
54557;54558;  
54559;54560;  
54561;54562;  
54563;54564;  
54565;54566;  
54567;54568;  
54569;54570;  
54571;54572;  
54573;54574;  
54575;54576;  
54577;54578;  
54579;54580;  
54581;54582;  
54583;54584;  
54585;54586;  
54587;54588;  
54589;54590;  
54591;54592;  
54593;54594;  
54595;54596;  
54597;54598;  
54599;54600;  
54601;54602;  
54603;54604;  
54605;54606;  
54607;54608;  
54609;54610;  
54611;54612;  
54613;54614;  
54615;54616;  
54617;54618;  
54619;54620;  
54621;54622;  
54623;54624;  
54625;54626;  
54627;54628;  
54629;54630;  
54631;54632;  
54633;54634;  
54635;54636;  
54637;54638;  
54639;54640;  
54641;54642;

54643;54644;  
54645;54646;  
54647;54648;  
54649;54650;  
54651;54652;  
54653;54654;  
54655;54656;  
54657;54658;  
54659;54660;  
54661;54662;  
54663;54664;  
54665;54666;  
54667;54668;  
54669;54670;  
54671;54672;  
54673;54674;  
54675;54676;  
54677;54678;  
54679;54680;  
54681;54682;  
54683;54684;  
54685;54686;  
54687;54688;  
54689;54690;  
54691;54692;  
54693;54694;  
54695;54696;  
54697;54698;  
54699;54700;  
54701;54702;  
54703;54704;  
54705;54706;  
54707;54708;  
54709;54710;  
54711;54712;  
54713;54714;  
54715;54716;  
54717;54718;  
54719;54720;  
54721;54722;  
54723;54724;  
54725;54726;  
54727;54728;  
54729;54730;  
54731;54732;  
54733;54734;  
54735;54736;  
54737;54738;  
54739;54740;  
54741;54742;  
54743;54744;  
54745;54746;  
54747;54748;

TMLEPY VQEYK DQMEK	16	2030.933	A0A0R4IKF0		3	3.26E-05	84.41	29801000	1540	68	1659;1660	54749;54750; 54751;54752; 54753;54754; 54755;54756; 54757;54758; 54759;54760; 54761;54762; 54763;54764; 54765;54766; 54767;54768; 54769;54770; 54771;54772; 54773;54774; 54775;54776; 54777;54778; 54779;54780; 54781;54782; 54783;54784; 54785;54786; 54787;54788; 54789;54790; 54791;54792; 54793;54794; 54795;54796; 54797;54798; 54799;54800; 54801;54802; 54803;54804; 54805;54806; 54807;54808; 54809;54810; 54811;54812; 54813;54814; 54815	
TMMEQ NADDV K	11	1280.538	A4VAJ8;A8KB A6;E9QBB8	apoeb		2	0.035725	68.657	13045000	1541	132	52607;52608; 52609;52610; 52611	54819;54820
TMVIHE KEDDL GK	13	1513.745	B2GRH9	sod1	Superoxide dismutase [Cu-Zn]	2;3	9.91E-08	131.17	1.1E+08	1542	189	52612;52613; 52614;52615; 52616;52617; 52618;52619	54821;54822; 54823;54824; 54825;54826; 54827;54828
TNAAIN INNLK	11	1184.651	E7F2E3;A0A0R 4IC71	mf12	Serotransferrin	2	0.008003	79.148	1E+08	1543	42	52620;52621; 52622;52623; 52624;52625; 52626;52627; 52628;52629; 52630;52631; 52632;52633; 52634;52635; 52636	54829;54830; 54831;54832; 54833

TNADT DGLVK	10	1032.509	Q803L1;Q6TN U6	dlh	Dihydropolipoyl dehydrogenase	2	1.59E-11	146.27	6.3E+08	1544	449	52637;52638; 52639;52640; 52641;52642; 52643;52644; 52645;52646; 52647;52648; 52649;52650; 52651;52652; 52653;52654; 52655;52656; 52657;52658; 52659;52660; 52661;52662; 52663	54834;54835; 54836;54837; 54838;54839; 54840;54841; 54842;54843; 54844;54845; 54846;54847; 54848;54849; 54850;54851; 54852;54853; 54854;54855; 54856;54857; 54858;54859; 54860;54861; 54862;54863; 54864;54865; 54866;54867; 54868;54869; 54870;54871; 54872;54873; 54874;54875; 54876;54877; 54878;54879; 54880;54881; 54882;54883; 54884;54885; 54886;54887; 54888;54889; 54890;54891; 54892;54893; 54894;54895; 54896;54897; 54898;54899; 54900;54901; 54902;54903; 54904;54905; 54906;54907; 54908;54909; 54910;54911; 54912;54913
TNAENE FVTIK	11	1264.63	CON_P04264			2	1.22E-71	203.78	6.5E+09	1545	223	1666	54914;54915; 54916;54917; 54918;54919; 54920;54921; 54922;54923; 54924;54925; 54926;54927; 54928;54929; 54930;54931; 54932;54933; 54934;54935; 54936;54937; 54938;54939;



54940;54941;  
54942;54943;  
54944;54945;  
54946;54947;  
54948;54949;  
54950;54951;  
54952;54953;  
54954;54955;  
54956;54957;  
54958;54959;  
54960;54961;  
54962;54963;  
54964;54965;  
54966;54967;  
54968;54969;  
54970;54971;  
54972;54973;  
54974;54975;  
54976;54977;  
54978;54979;  
54980;54981;  
54982;54983;  
54984;54985;  
54986;54987;  
54988;54989;  
54990;54991;  
54992;54993;  
54994;54995;  
54996;54997;  
54998;54999;  
55000;55001;  
55002;55003;  
55004;55005;  
55006;55007;  
55008;55009;  
55010;55011;  
55012;55013;  
55014;55015;  
55016;55017;  
55018;55019;  
55020;55021;  
55022;55023;  
55024;55025;  
55026;55027;  
55028;55029;  
55030;55031;  
55032;55033;  
55034;55035;  
55036;55037;  
55038;55039;  
55040;55041;  
55042;55043;  
55044;55045;

TNAENE FVTIKK	12	1392.725	CON__P04264		3	0.000918	60.401	24708000	1546	223	1667	55046;55047; 55048;55049 55050;55051	
TNEVV CTNCPT GTTGK	16	1711.776	Q6NUU4	lamc1		2	0.015982	51.875	4621800	1547	407	52735	55052
TNNEYT KPDGT VTR	14	1594.759	F1QS73;A0A0 G2KQI0		3	5.52E-06	89.471	89485000	1548	13	1669	52736;5273 7;52738;52 739;52740; 52741;5274 2;52743;52 744;52745; 52746;5274 7;52748;52 749;52750; 52751	
TNPYI SIVDQL GNEIFK	18	2064.053	F1RD57;Q7ZU D9	naalad2		2	3.28E-10	101.6	5024500	1549	343	52752;52753	55058
TNVSEA VANSV R	12	1245.631	A0A0R4IGG3; A0A0R4I9C4		2	3.1E-237	261.35	2.18E+09	1550	29	1671	52754;5275 5;52756;52 757;52758; 52759;5276 0;52761;52 762;52763; 52764;5276 5;52766;52 767;52768; 52769;5277 0;52771;52 772;52773; 52774;5277 5;52776;52 777;52778; 52779;5278 0;52781;52 782;52783; 52784;5278 5;52786;52 787;52788; 52789;5279 0;52791;52 792	
TPDEED DYFNL QR	13	1640.695	G1K2K5	epped1		2	2.41E-09	132.25	2.02E+08	1551	355	52793;52794; 52795;52796; 52797;52798; 52799;52800; 52801;52802; 52803;52804; 52805;52806; 52807;52808; 52809;52810;	55115;55116; 55117;55118; 55119;55120; 55121;55122; 55123;55124; 55125;55126; 55127;55128; 55129;55130; 55131;55132;

TPEVDE	11	1370.683	Q1RM11;X4Z2	crp4		2	0.017346	75.294	6442200	1552	365	52811;52812;	55133;55134;
LNLWR			B1;X4Z0E7									52813;52814;	55135;55136;
TPIVGQ	15	1473.83	CON__P12763		2	1E-187	234.39	1.86E+08	1553	226	1674	52815;52816;	55137;55138;
PSIPGGP												52817;52818;	55139;55140;
VR												52819;52820	55141;55142;
TPYDIN	9	1019.529	F1QS73;A0A0	2	0.02747	88.177	2.94E+08	1554	13	1675	52821;52822;	55143;55144;	
VAK			G2KQ10									52823;52824	55145
												55147;55148;	55146
												55149;55150;	
												55151	
												52827;52828	
												8;52829;52	
												830;52831;	
												52832;52833	
												3;52834;52	
												835;52836;	
												52837;52838	
												8;52839;52	
												840;52841;	
												52842;52843	
												3;52844;52	
												845;52846;	
												52847;52848	
												8;52849;52	
												850;52851;	
												52852;52853	
												3;52854;52	
												855	
TQLSVG	25	2615.338	Q7ZVF1	chia.1		3	0.023835	18.101	2862600	1555	444	52856	55154;55155
GLVNG													
VSPYIN													
MVATP													
ENR													
TQVVA	12	1325.698	Q7ZUH6;E7EY	est14a.2		2	0.001408	89.805	1.24E+08	1556	439	52857;52858;	55156;55157;
GTNYF			W5									52859;52860;	55158;55159;
VK												52861;52862;	55160;55161;
												52863;52864;	55162;55163;
												52865;52866;	55164
												52867;52868;	
												52869;52870;	
												52871	
TRLEQE	11	1378.721	CON__P02533;	krt94;krt9	2;3	8.52E-10	139.32	39218000	1557	225;	1678	55165;55166;	
IATYR			CON__P19012;	3						218;		55167;55168;	
			CON__A2A4G							232		55169;55170	
			1;CON__P3590										
			0;CON__Q9D3										
			12;CON__Q046										
			95;Q05AL9;F1										
			R8U0;Q1RLR3;										
			CON__P08779;										
			CON__Q9Z2K1										

TSDANI NWNLL K	12	1388.668	;CON_Q3ZA W8 CON_Q29443; CON_Q0IHK2	2	0.001141	95.523	13933000	1558	233	1679	52875;5287 6;52877;52 878		
TSEVDE LNVWR	11	1346.647	A8KBB1;A8KB B0;A3KPG5;X4 YMF4;X4YDY 8;A7E2J1;A3K PH6;A3KPH5; X4Z0F0;X4YK D2	crp3;crp7 ;CRP;crp 6	2	2E-175	247.58	3.93E+08	1559	126	1680	55172;55173; 55174;55175; 55176;55177; 55178;55179; 55180;55181; 55182;55183; 55184;55185; 55186;55187; 55188;55189; 55190;55191; 55192;55193; 55194;55195; 55196;55197; 55198;55199; 55200;55201; 55202;55203; 55204;55205; 55206;55207; 55208;55209; 55210;55211; 55212;55213; 55214;55215; 55216;55217; 55218;55219; 55220;55221; 55222;55223; 55224;55225; 55226;55227; 55228;55229; 55230;55231; 55232;55233; 55234;55235; 55236;55237; 55238;55239; 55240;55241; 55242	
TSQNSE LNNMQ DLVED YKK	19	2255.038	CON_P35908		3	8.3E-31	107.65	29099000	1560	231	1681	55243;55244	
TSQVNP DLVK	10	1099.587	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;Q8AX64;E7FB J1	tfa	Serotransferrin	2	2.51E-88	195.79	1.64E+10	1561	211	52924;52925; 52926;52927; 52928;52929; 52930;52931; 52932;52933; 52934;52935; 52936;52937; 52938;52939;	55245;55246; 55247;55248; 55249;55250; 55251;55252; 55253;55254; 55255;55256; 55257;55258; 55259;55260;

52940;52941; 55261;55262;  
52942;52943; 55263;55264;  
52944;52945; 55265;55266;  
52946;52947; 55267;55268;  
52948;52949; 55269;55270;  
52950;52951; 55271;55272;  
52952;52953; 55273;55274;  
52954;52955; 55275;55276;  
52956;52957; 55277;55278;  
52958;52959; 55279;55280;  
52960;52961; 55281;55282;  
52962;52963; 55283;55284;  
52964;52965; 55285;55286;  
52966;52967; 55287;55288;  
52968;52969; 55289;55290;  
52970;52971; 55291;55292;  
52972;52973; 55293;55294;  
52974;52975; 55295;55296;  
52976;52977; 55297;55298;  
52978;52979; 55299;55300;  
52980;52981; 55301;55302;  
52982;52983; 55303;55304;  
52984;52985; 55305;55306;  
52986;52987; 55307;55308;  
52988;52989; 55309;55310;  
52990;52991; 55311;55312;  
52992;52993; 55313;55314;  
52994;52995; 55315;55316;  
52996 55317;55318;  
55319;55320;  
55321;55322;  
55323;55324;  
55325;55326;  
55327;55328;  
55329;55330;  
55331;55332;  
55333;55334;  
55335;55336;  
55337;55338;  
55339;55340;  
55341;55342;  
55343;55344;  
55345;55346;  
55347;55348;  
55349;55350;  
55351;55352;  
55353;55354;  
55355;55356;  
55357;55358;  
55359;55360;  
55361;55362;  
55363;55364;  
55365;55366;

TSTGEL SSPNYP DNYPT NR	19	2111.94	X1WG04;A0A0 R4IIW6	cubn	2	0.037894	38.189	0	1562	63	52997	55367;55368; 55369;55370; 55371;55372; 55373;55374; 55375;55376; 55377;55378; 55379;55380; 55381;55382; 55383;55384; 55385;55386; 55387;55388; 55389;55390; 55391;55392; 55393;55394; 55395;55396; 55397;55398; 55399;55400; 55401;55402; 55403;55404; 55405;55406; 55407;55408; 55409;55410; 55411;55412; 55413;55414; 55415;55416; 55417;55418; 55419;55420; 55421;55422; 55423;55424; 55425;55426; 55427;55428; 55429;55430; 55431;55432; 55433;55434; 55435;55436 55437
TTAENE FVMLK	11	1281.628	CON_P13647		2	3.31E-11	138.66	1.69E+08	1563	228	1684;1685	55438;55439; 55440;55441; 55442;55443; 55444;55445; 55446;55447; 55448;55449; 55450;55451; 55452;55453; 55454;55455; 55456;55457; 55458;55459; 55460;55461; 55462;55463;

TTDASL TLEK	10	1077.555	Q568F8;B8ASI 7	ssbp1		2	7.27E-08	134.26	1.99E+08	1564	207	55464;55465; 55466 53028;53029; 53030;53031; 53032;53033; 53034;53035; 53036;53037; 53038;53039; 53040;53041; 53042;53043; 53044;53045; 53046	55467;55468; 55469;55470; 55471;55472; 55473;55474; 55475;55476; 55477;55478; 55479;55480; 55481
TTDLHT DADAE ER	13	1472.638	A0A0G2KZL1; A0A0G2KSF3	3	0.00035	69.716	27842000	1565	14	1687	53047;5304 8;53049;53 050;53051; 53052;5305 3;53054;53 055;53056; 53057;5305 8;53059;53 060;53061; 53062;5306 3;53064		
TTDPPFI ITADK	12	1317.682	F1QSL2;A0A0 G2KE28;E7FF D4	2	3.07E-11	125.75	2.51E+08	1566	9	1688	53065;5306 6;53067;53 068;53069; 53070;5307 1;53072;53 073;53074; 53075;5307 6;53077;53 078;53079; 53080;5308 1;53082;53 083;53084; 53085;5308 6;53087;53 088;53089; 53090;5309 1;53092;53 093;53094; 53095;5309 6;53097;53 098;53099; 53100;5310 1;53102		
TTEEAI QEFK	10	1194.577	F1Q9N0;F1QX 33;F1QFH8	apom		2	1.24E-76	211.48	9.93E+08	1567	296	53103;53104; 53105;53106; 53107;53108; 53109;53110; 53111;53112; 53113;53114; 53115;53116;	55535;55536; 55537;55538; 55539;55540; 55541;55542; 55543;55544; 55545;55546; 55547;55548;

												53117;53118; 53119;53120; 53121;53122; 53123;53124; 53125;53126; 53127;53128; 53129;53130; 53131;53132; 53133;53134; 53135;53136; 53137;53138; 53139;53140; 53141;53142; 53143	55549;55550; 55551;55552; 55553;55554; 55555;55556; 55557;55558; 55559;55560; 55561;55562; 55563;55564; 55565;55566; 55567;55568; 55569;55570; 55571;55572; 55573;55574; 55575;55576; 55577;55578; 55579;55580; 55581;55582; 55583;55584; 55585;55586; 55587;55588; 55589;55590; 55591;55592; 55593;55594; 55595;55596; 55597
TTFAPT EK	8	893.4495	A4FUN4;A0A0 R4IZV6	anpepb		2	0.011145	105.25	62480000	1568	130	53144;53145; 53146;53147; 53148	55598;55599
TTIENA YEAK	10	1138.551	Q7ZVF1	chia.1		2	1.26E-22	169.12	6.37E+08	1569	444	53149;53150; 53151;53152; 53153;53154; 53155;53156; 53157;53158; 53159;53160; 53161;53162; 53163;53164; 53165;53166; 53167;53168; 53169;53170; 53171;53172; 53173;53174; 53175;53176; 53177;53178; 53179;53180	55600;55601; 55602;55603; 55604;55605; 55606;55607; 55608;55609; 55610;55611; 55612;55613; 55614;55615; 55616;55617; 55618;55619; 55620;55621; 55622;55623; 55624;55625; 55626;55627; 55628;55629; 55630;55631; 55632;55633; 55634;55635; 55636;55637; 55638;55639; 55640;55641
TTIFSPE GR	9	1006.508	Q7ZV77	psma4	Proteasome subunit alpha type	2	1.79E-06	132.57	1.04E+09	1570	442	53181;53182; 53183;53184; 53185;53186; 53187;53188;	55642;55643; 55644;55645; 55646;55647; 55648;55649;

S600



TTTGAY IANR	10	1066.541	O57332;F1RC M3	psmb6	Proteasome subunit beta type	2	0.001762	98.629	60773000	1571	342	53189;53190; 53191;53192; 53193;53194; 53195;53196; 53197;53198; 53199;53200; 53201;53202; 53203;53204; 53205;53206; 53207;53208; 53209;53210; 53211;53212; 53213;53214; 53215;53216; 53217;53218; 53219;53220; 53221;53222; 53223;53224; 53225;53226; 53227;53228; 53229	55650;55651; 55652;55653; 55654;55655; 55656;55657; 55658;55659; 55660;55661; 55662;55663; 55664;55665; 55666;55667
TTTSVN IQDLLP GR	14	1513.81	Q6JAN2;F1RB0 9;A0A0R4IDI3; Q58XP5;A2CE W3	fn1b		2	0.001809	79.693	9945300	1572	44	53230;53231; 53232	55669;55670; 55671
TTVPVQ MMHQY ER	13	1618.76	Q5XJ64;A8E5C 2;A9JSZ7;F8W 298;Q4V9D6	serpina7; zgc:1742 59; zgc:11 3828	2;3	3.08E-05	100.55	59223000	1573	154; 169	1695	55672;55673; 55674;55675	
TVDQY FYGDR	10	1262.557	Q58EM3;F1QT T0;A0A0R4IU1 4;E9QDW2	man2b1	Alpha- mannosidase	2	0.043541	56.258	32978000	1574	91	53240;53241; 53242;53243; 53244;53245; 53246;53247; 53248;53249	55676
TVEINN TDAEG R	12	1317.616	Q561T4;F1Q6S 1;A9JT03	npepl1		2	1.3E-144	227.88	3.59E+09	1575	170	53250;53251; 53252;53253; 53254;53255; 53256;53257; 53258;53259; 53260;53261; 53262;53263; 53264;53265; 53266;53267; 53268;53269; 53270;53271; 53272;53273; 53274;53275; 53276;53277; 53278;53279; 53280;53281; 53282;53283; 53284;53285; 53286;53287;	55677;55678; 55679;55680; 55681;55682; 55683;55684; 55685;55686; 55687;55688; 55689;55690; 55691;55692; 55693;55694; 55695;55696; 55697;55698; 55699;55700; 55701;55702; 55703;55704; 55705;55706; 55707;55708; 55709;55710; 55711;55712; 55713;55714;

53288;53289; 55715;55716;  
53290;53291; 55717;55718;  
53292;53293; 55719;55720;  
53294 55721;55722;  
55723;55724;  
55725;55726;  
55727;55728;  
55729;55730;  
55731;55732;  
55733;55734;  
55735;55736;  
55737;55738;  
55739;55740;  
55741;55742;  
55743;55744;  
55745;55746;  
55747;55748;  
55749;55750;  
55751;55752;  
55753;55754;  
55755;55756;  
55757;55758;  
55759;55760;  
55761;55762;  
55763;55764;  
55765;55766;  
55767;55768;  
55769;55770;  
55771;55772;  
55773;55774;  
55775;55776;  
55777;55778;  
55779;55780;  
55781;55782;  
55783;55784;  
55785;55786;  
55787;55788;  
55789;55790;  
55791;55792;  
55793;55794;  
55795;55796;  
55797;55798;  
55799;55800;  
55801;55802;  
55803;55804;  
55805;55806;  
55807;55808;  
55809;55810;  
55811;55812;  
55813;55814;  
55815;55816;  
55817;55818;  
55819

TVEPTD LFWK	10	1234.623	E9QB46	selenbp1	2	0.014479	83.005	71586000	1576	278	53295;53296; 53297;53298; 53299;53300; 53301;53302; 53303;53304; 53305;53306; 53307;53308; 53309;53310; 53311;53312; 53313;53314; 53315;53316; 53317;53318; 53319	55820;55821; 55822;55823; 55824;55825; 55826;55827; 55828;55829; 55830;55831; 55832;55833; 55834
TVGMV AGDEES YEVFA DLFDPV IK	24	2630.246	F6PA24;A0A0R 4IJU9;A2CEA5; A2CEA4;Q6PC 86;F6NMS7;A8 WG85;A8E5J9	ckmt2b	3	0.024105	18.56	5026600	1577	67	53320;53321; 53322;53323	55835;55836
TVGNA LGITPTI IR	14	1424.835	Q561T4;F1Q6S 1;A9JT03	npepl1	2;3	9.8E-171	230.93	3.53E+09	1578	170	53324;53325; 53326;53327; 53328;53329; 53330;53331; 53332;53333; 53334;53335; 53336;53337; 53338;53339; 53340;53341; 53342;53343; 53344;53345; 53346;53347; 53348;53349; 53350;53351; 53352;53353; 53354;53355; 53356;53357; 53358;53359; 53360;53361; 53362;53363; 53364;53365; 53366;53367; 53368;53369; 53370;53371; 53372;53373; 53374;53375; 53376;53377; 53378;53379; 53380;53381; 53382;53383; 53384;53385; 53386;53387; 53388;53389; 53390;53391; 53392;53393;	55837;55838; 55839;55840; 55841;55842; 55843;55844; 55845;55846; 55847;55848; 55849;55850; 55851;55852; 55853;55854; 55855;55856; 55857;55858; 55859;55860; 55861;55862; 55863;55864; 55865;55866; 55867;55868; 55869;55870; 55871;55872; 55873;55874; 55875;55876; 55877;55878; 55879;55880; 55881;55882; 55883;55884; 55885;55886; 55887;55888; 55889;55890; 55891;55892; 55893;55894; 55895;55896; 55897;55898; 55899;55900; 55901;55902; 55903;55904; 55905;55906;

53394;53395; 55907;55908;  
53396;53397; 55909;55910;  
53398;53399; 55911;55912;  
53400;53401; 55913;55914;  
53402;53403; 55915;55916;  
53404;53405; 55917;55918;  
53406;53407; 55919;55920;  
53408;53409; 55921;55922;  
53410;53411; 55923;55924;  
53412;53413; 55925;55926;  
53414;53415; 55927;55928;  
53416;53417; 55929;55930;  
53418;53419; 55931;55932;  
53420;53421; 55933;55934;  
53422;53423; 55935;55936;  
53424;53425; 55937;55938;  
53426;53427; 55939;55940;  
53428;53429; 55941;55942;  
53430;53431; 55943;55944;  
53432;53433; 55945;55946;  
53434;53435; 55947;55948;  
53436;53437; 55949;55950;  
53438;53439; 55951;55952;  
53440;53441; 55953;55954;  
53442;53443; 55955;55956;  
53444;53445; 55957;55958;  
53446;53447; 55959;55960;  
53448;53449; 55961;55962;  
53450;53451; 55963;55964;  
53452;53453; 55965;55966;  
53454;53455; 55967;55968;  
53456;53457; 55969;55970;  
53458;53459; 55971;55972;  
53460;53461; 55973;55974;  
53462;53463; 55975;55976;  
53464;53465; 55977;55978;  
53466;53467; 55979;55980;  
53468;53469; 55981;55982;  
53470;53471; 55983;55984;  
53472;53473; 55985;55986;  
53474;53475; 55987;55988;  
53476;53477; 55989;55990;  
53478;53479; 55991;55992;  
53480;53481; 55993;55994;  
53482;53483; 55995;55996;  
53484 55997;55998;  
55999;56000;  
56001;56002;  
56003;56004;  
56005;56006;  
56007;56008;  
56009;56010;  
56011;56012;

TVHPEP DYDAA LK	13	1454.704	Q7ZVV2;Q6NY R6;F1QZ04;A0 A0R4IW78;E7E XK9;F1QXZ4	acy1;CU 896698.1	Aminoacylase-1	2;3	2.79E-07	117.52	2E+08	1579	97	53485;53486; 53487;53488; 53489;53490; 53491;53492; 53493;53494; 53495;53496; 53497;53498; 53499;53500; 53501;53502	56013;56014; 56015;56016; 56017;56018; 56019;56020; 56021;56022; 56023;56024 56025;56026; 56027;56028; 56029;56030; 56031;56032; 56033;56034; 56035;56036; 56037;56038; 56039;56040
TVPGD VTTTVL DGLTPE TR	19	1971.016	X1WF98	col12a1a		2	0.000163	86.467	15660000	1580	468	53503;53504; 53505;53506; 53507;53508; 53509	56041;56042; 56043;56044
TVQPEP EEEFHP PLVDR	17	2017.975	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46	ttnb		3	0.000432	65.225	55614000	1581	140	53510;53511; 53512;53513; 53514;53515; 53516;53517; 53518;53519; 53520	56045;56046; 56047;56048; 56049;56050
TVTAM DVVYA LK	12	1309.695	Q0D294;A4VA K6;A3KPR4;X1 WGM1	zgc:1534 09;hist1h 4;si:dkey - 108k21.2 3;si:dkey- 108k21.1 2	Histone H4	2	0.002309	79.974	20718000	1582	127	53521;53522; 53523;53524; 53525;53526	56051;56052
TYDSYL GDDYV R	12	1465.636	CON__Q29443; CON__Q0IHK2	2	0.001614	87.298	5874600	1583	233	1706	53527		
TYEHGS VIEGK	11	1218.588	X1WBT0;E7F8 T4	si:dkey- 105h12.2	3	0.024236	42.21	25625000	1584	466	1707	56054;56055; 56056	
TYESLY PVPR	10	1223.619	E9QHM9;F1Q6 V3	zgc:7773 9		2	1.99E-11	145.16	2.43E+08	1585	286	53534;53535; 53536;53537; 53538;53539; 53540;53541; 53542;53543; 53544;53545; 53546;53547; 53548;53549; 53550;53551; 53552;53553; 53554;53555; 53556;53557; 53558;53559; 53560;53561; 53562	56057;56058; 56059;56060; 56061;56062; 56063;56064; 56065;56066; 56067;56068; 56069;56070; 56071;56072; 56073;56074; 56075;56076; 56077;56078; 56079;56080; 56081;56082; 56083;56084; 56085;56086;

TYGFD GMDLD WEYPG SR	17	2007.831	Q803B7;Q6P00 6	chia.2		2	0.00083	72.958	21366000	1586	414	53563;53564; 53565;53566; 53567;53568; 53569;53570; 53571;53572; 53573	56087;56088; 56089;56090; 56091 56092;56093; 56094;56095; 56096;56097
VAAFD YLVSA DR	12	1325.662	B5DDZ4	acta1		2	0.001254	93.096	1.86E+08	1587	203	53574;53575; 53576;53577; 53578;53579; 53580;53581; 53582;53583; 53584;53585; 53586;53587; 53588;53589; 53590;53591; 53592;53593; 53594;53595; 53596;53597; 53598;53599; 53600;53601; 53602;53603; 53604;53605; 53606;53607; 53608;53609 53610;53611; 53612;53613	56098;56099; 56100;56101; 56102;56103; 56104;56105; 56106;56107; 56108;56109; 56110;56111; 56112;56113; 56114;56115; 56116;56117; 56118;56119; 56120;56121; 56122;56123; 56124
VAAFD YLVSA DRK	13	1453.757	B5DDZ4	acta1		3	0.040156	23.881	25261000	1588	203	53610;53611; 53612;53613	56125
VACSDL LNDDL K	12	1348.654	Q90YS5;Q24J W2	lyz		2	0.000342	109.42	35705000	1589	366	53614;53615; 53616;53617; 53618;53619; 53620;53621; 53622;53623	56126;56127; 56128;56129; 56130;56131; 56132;56133; 56134;56135; 56136
VADASI IGFGGD YDGV R	18	1807.874	F1QFU9;Q08B Q0	dpep1	Dipeptidase	2	6.8E-13	111.39	1.4E+08	1590	302	53624;53625; 53626;53627; 53628;53629; 53630;53631; 53632;53633; 53634;53635; 53636;53637; 53638;53639; 53640;53641; 53642;53643; 53644;53645; 53646;53647; 53648;53649; 53650;53651; 53652;53653; 53654;53655; 53656	56137;56138; 56139;56140; 56141;56142; 56143;56144; 56145;56146; 56147;56148; 56149;56150; 56151;56152; 56153;56154; 56155;56156; 56157;56158; 56159;56160; 56161;56162; 56163;56164; 56165;56166; 56167

VAENV QELR	9	1056.556	A0A0R4IKF0	2	3.63E-70	211.79	7.92E+10	1591	68	1715	56168;56169; 56170;56171; 56172;56173; 56174;56175; 56176;56177; 56178;56179; 56180;56181; 56182;56183; 56184;56185; 56186;56187; 56188;56189; 56190;56191; 56192;56193; 56194;56195; 56196;56197; 56198;56199; 56200;56201; 56202;56203; 56204;56205; 56206;56207; 56208;56209; 56210;56211; 56212;56213; 56214;56215; 56216;56217; 56218;56219; 56220;56221; 56222;56223; 56224;56225; 56226;56227; 56228;56229; 56230;56231; 56232;56233; 56234;56235; 56236;56237; 56238;56239; 56240;56241; 56242;56243; 56244;56245; 56246;56247; 56248;56249; 56250;56251; 56252;56253; 56254;56255; 56256;56257; 56258;56259; 56260;56261; 56262;56263; 56264;56265; 56266;56267; 56268;56269; 56270;56271; 56272;56273;
---------------	---	----------	------------	---	----------	--------	----------	------	----	------	--

56274;56275;  
56276;56277;  
56278;56279;  
56280;56281;  
56282;56283;  
56284;56285;  
56286;56287;  
56288;56289;  
56290;56291;  
56292;56293;  
56294;56295;  
56296;56297;  
56298;56299;  
56300;56301;  
56302;56303;  
56304;56305;  
56306;56307;  
56308;56309;  
56310;56311;  
56312;56313;  
56314;56315;  
56316;56317;  
56318;56319;  
56320;56321;  
56322;56323;  
56324;56325;  
56326;56327;  
56328;56329;  
56330;56331;  
56332;56333;  
56334;56335;  
56336;56337;  
56338;56339;  
56340;56341;  
56342;56343;  
56344;56345;  
56346;56347;  
56348;56349;  
56350;56351;  
56352;56353;  
56354;56355;  
56356;56357;  
56358;56359;  
56360;56361;  
56362;56363;  
56364;56365;  
56366;56367;  
56368;56369;  
56370;56371;  
56372;56373;  
56374;56375;  
56376;56377;  
56378;56379;



VAEYL NK	7	835.444	Q6DHR7;F1QT T5	zgc:9213 7	Alpha-amylase	2	0.029214	122.15	4.6E+08	1592	319	56380;56381; 56382;56383; 56384;56385; 56386;56387; 56388;56389; 56390;56391 53704;53705; 53706;53707; 53708;53709; 53710;53711; 53712;53713; 53714;53715; 53716;53717; 53718;53719; 53720;53721; 53722;53723; 53724;53725; 53726;53727; 53728;53729; 53730;53731; 53732;53733; 53734;53735; 53736	56392;56393; 56394;56395; 56396;56397; 56398;56399; 56400;56401; 56402;56403; 56404;56405; 56406;56407; 56408;56409; 56410;56411; 56412;56413; 56414;56415; 56416;56417; 56418;56419; 56420;56421; 56422;56423; 56424;56425; 56426
VAEYV QSVFK	10	1168.613	Q08CQ0;Q6N WE8;Q32LS3	alas2;sb:c b283		2	7.84E-30	175.51	2.43E+09	1593	359	1717	56427;56428; 56429;56430; 56431;56432; 56433;56434; 56435;56436; 56437;56438; 56439;56440; 56441;56442; 56443;56444; 56445;56446; 56447;56448; 56449;56450; 56451;56452; 56453;56454; 56455;56456; 56457;56458; 56459;56460; 56461;56462; 56463;56464; 56465;56466; 56467;56468; 56469;56470; 56471;56472; 56473;56474; 56475;56476; 56477;56478; 56479;56480; 56481;56482; 56483;56484;

VAGEH SDPHLS DFLEGK VAGVA VIISK	17	1836.864	F1QS22;Q7ZV D6	zgc:5609 5	Ferritin	3;4	9.38E-05	77.051	55874000	1594	315	56485;56486; 56487;56488; 56489;56490; 56491;56492; 56493;56494; 56495;56496; 56497 53787;53788; 53789	56498;56499; 56500
	10	955.6066	Q5XLR3;B3DG T7	ncstn		2	0.012935	84.213	52539000	1595	195	53790;53791; 53792;53793; 53794;53795; 53796;53797; 53798;53799; 53800;53801; 53802;53803 53804;53805	56501
VAIIVT DGRPQ DNIR	15	1665.916	F6P6F2;A5WW J4;Q7ZVP3;Q5 NJK2;A5WWJ5 ;Q5N JL4;X1W H98	matn1		3	0.000932	73.022	39089000	1596	138		56502;56503
VALQG GQSSVL ISR	14	1413.794	A0A140LFY0; A0A0G2L836	2	0.000484	98.156	37660000	1597	20	1721	53806;5380 7;53808;53 809;53810; 53811;5381 2		
VALTET QLNLW PEGEDK	17	1941.968	E7FE19	cnp		2;3	0	303	9.04E+08	1598	268	53813;53814; 53815;53816; 53817;53818; 53819;53820; 53821;53822; 53823;53824; 53825;53826; 53827;53828; 53829;53830; 53831;53832; 53833;53834; 53835;53836; 53837;53838; 53839;53840; 53841;53842; 53843;53844; 53845;53846; 53847;53848; 53849;53850; 53851;53852; 53853;53854; 53855;53856; 53857;53858; 53859;53860; 53861;53862; 53863;53864;	56505;56506; 56507;56508; 56509;56510; 56511;56512; 56513;56514; 56515;56516; 56517;56518; 56519;56520; 56521;56522; 56523;56524; 56525;56526; 56527;56528; 56529;56530; 56531;56532; 56533;56534; 56535;56536; 56537;56538; 56539;56540; 56541;56542; 56543;56544; 56545;56546; 56547;56548; 56549;56550; 56551;56552; 56553;56554; 56555;56556;

VAMNIL NNGR	10	1100.576	Q7T2C2;F1Q8J 4;A9JT52;Q503 C3;Q1ED16;F1 QIL6	acadvl;ac ad9	2	0.001882	97.798	1.41E+08	1599	171	1723;1724	53865;53866; 53867;53868; 53869;53870; 53871;53872; 53873;53874; 53875;53876; 53877;53878; 53879;53880; 53881;53882; 53883;53884; 53885;53886; 53887;53888; 53889;53890; 53891;53892; 53893;53894; 53895;53896; 53897;53898; 53899;53900; 53901 56557;56558; 56559;56560; 56561;56562; 56563;56564; 56565;56566; 56567;56568; 56569;56570; 56571;56572; 56573;56574; 56575;56576; 56577;56578; 56579;56580; 56581;56582; 56583;56584; 56585;56586
VASVPD VEEILN EAEVK	17	1839.947	Q4V8Z1;F1QJ M2	tsnax	2	0.00595	66.498	26297000	1600	307	56587;56588; 56589;56590; 56591;56592; 56593;56594; 56595;56596; 56597;56598; 56599 53927;53928; 53929;53930; 53931;53932; 53933;53934; 53935;53936; 53937;53938; 53939;53940; 53941 56600;56601; 56602;56603; 56604;56605	
VATELL GFR	9	1004.566	Q1RM11;X4Z2 B1;X4Z0E7	crp4	2	0.020997	90.37	48843000	1601	365	53942;53943; 53944;53945; 53946;53947; 53948;53949; 53950 56606;56607; 56608	
VATELP AK	8	827.4753	Q7SZ53;F6P33 4;X4YKC7;Q5 XJ77	crp2;CRP	2	0.016976	97.602	1.84E+08	1602	349	53951;53952; 53953;53954; 53955;53956; 53957;53958; 53959;53960 56609;56610; 56611;56612	
VATELP LDR	9	1012.555	A4FUL4;Q567 B6;Q502P4;G9 D324;Q1RM73; Q0IIP8;L7QIX8 ;L7QIH6;Q66I6 2;L7QIX7	zgc;1363 89;LOC5 70524;cr p;CRP5.3 ;CRP5.2	2	2.82E-17	171.53	3.43E+09	1603	129; 357	1728 56613;56614; 56615;56616; 56617;56618; 56619;56620; 56621;56622; 56623;56624; 56625;56626; 56627;56628; 56629;56630;	

VATLGI	9	985.5961	Q08CQ0;Q6N	alas2;sb:c	2	0.03934	84.916	16230000	1604	359	1729	56631;56632; 56633;56634; 56635;56636; 56637;56638; 56639;56640; 56641;56642; 56643;56644; 56645;56646; 56647;56648; 56649;56650; 56651;56652; 56653;56654; 56655;56656; 56657;56658; 56659;56660; 56661;56662; 56663;56664; 56665;56666; 56667;56668; 56669;56670; 56671;56672; 56673;56674; 56675;56676; 56677;56678; 56679;56680; 56681;56682; 56683;56684; 56685;56686; 56687;56688; 56689;56690; 56691 56692
WVK			WE8;Q32LS3	b283								
VATVSL	8	841.5022	CON__P00761		2	4.63E-05	153.15	2.92E+11	1605	217	1730	56693;56694; 56695;56696; 56697;56698; 56699;56700; 56701;56702; 56703;56704; 56705;56706; 56707;56708; 56709;56710; 56711;56712; 56713;56714; 56715;56716; 56717;56718; 56719;56720; 56721;56722; 56723;56724; 56725;56726; 56727;56728; 56729;56730; 56731;56732;
PR												

56733;56734;  
56735;56736;  
56737;56738;  
56739;56740;  
56741;56742;  
56743;56744;  
56745;56746;  
56747;56748;  
56749;56750;  
56751;56752;  
56753;56754;  
56755;56756;  
56757;56758;  
56759;56760;  
56761;56762;  
56763;56764;  
56765;56766;  
56767;56768;  
56769;56770;  
56771;56772;  
56773;56774;  
56775;56776;  
56777;56778;  
56779;56780;  
56781;56782;  
56783;56784;  
56785;56786;  
56787;56788;  
56789;56790;  
56791;56792;  
56793;56794;  
56795;56796;  
56797;56798;  
56799;56800;  
56801;56802;  
56803;56804;  
56805;56806;  
56807;56808;  
56809;56810;  
56811;56812;  
56813;56814;  
56815;56816;  
56817;56818;  
56819;56820;  
56821;56822;  
56823;56824;  
56825;56826;  
56827;56828;  
56829;56830;  
56831;56832;  
56833;56834;  
56835;56836;  
56837;56838;

56839;56840;  
56841;56842;  
56843;56844;  
56845;56846;  
56847;56848;  
56849;56850;  
56851;56852;  
56853;56854;  
56855;56856;  
56857;56858;  
56859;56860;  
56861;56862;  
56863;56864;  
56865;56866;  
56867;56868;  
56869;56870;  
56871;56872;  
56873;56874;  
56875;56876;  
56877;56878;  
56879;56880;  
56881;56882;  
56883;56884;  
56885;56886;  
56887;56888;  
56889;56890;  
56891;56892;  
56893;56894;  
56895;56896;  
56897;56898;  
56899;56900;  
56901;56902;  
56903;56904;  
56905;56906;  
56907;56908;  
56909;56910;  
56911;56912;  
56913;56914;  
56915;56916;  
56917;56918;  
56919;56920;  
56921;56922;  
56923;56924;  
56925;56926;  
56927;56928;  
56929;56930;  
56931;56932;  
56933;56934;  
56935;56936;  
56937;56938;  
56939;56940;  
56941;56942;  
56943;56944;

56945;56946;  
56947;56948;  
56949;56950;  
56951;56952;  
56953;56954;  
56955;56956;  
56957;56958;  
56959;56960;  
56961;56962;  
56963;56964;  
56965;56966;  
56967;56968;  
56969;56970;  
56971;56972;  
56973;56974;  
56975;56976;  
56977;56978;  
56979;56980;  
56981;56982;  
56983;56984;  
56985;56986;  
56987;56988;  
56989;56990;  
56991;56992;  
56993;56994;  
56995;56996;  
56997;56998;  
56999;57000;  
57001;57002;  
57003;57004;  
57005;57006;  
57007;57008;  
57009;57010;  
57011;57012;  
57013;57014;  
57015;57016;  
57017;57018;  
57019;57020;  
57021;57022;  
57023;57024;  
57025;57026;  
57027;57028;  
57029;57030;  
57031;57032;  
57033;57034;  
57035;57036;  
57037;57038;  
57039;57040;  
57041;57042;  
57043;57044;  
57045;57046;  
57047;57048;  
57049;57050;

57051;57052;  
57053;57054;  
57055;57056;  
57057;57058;  
57059;57060;  
57061;57062;  
57063;57064;  
57065;57066;  
57067;57068;  
57069;57070;  
57071;57072;  
57073;57074;  
57075;57076;  
57077;57078;  
57079;57080;  
57081;57082;  
57083;57084;  
57085;57086;  
57087;57088;  
57089;57090;  
57091;57092;  
57093;57094;  
57095;57096;  
57097;57098;  
57099;57100;  
57101;57102;  
57103;57104;  
57105;57106;  
57107;57108;  
57109;57110;  
57111;57112;  
57113;57114;  
57115;57116;  
57117;57118;  
57119;57120;  
57121;57122;  
57123;57124;  
57125;57126;  
57127;57128;  
57129;57130;  
57131;57132;  
57133;57134;  
57135;57136;  
57137;57138;  
57139;57140;  
57141;57142;  
57143;57144;  
57145;57146;  
57147;57148;  
57149;57150;  
57151;57152;  
57153;57154;  
57155;57156;



VATYLP QPEGLR	12	1342.725	E7EZJ2	CABZ01 048373.1	2	5.65E-19	150.35	4.75E+08	1606	245	1731	57157;57158; 57159;57160; 57161;57162; 57163;57164; 57165;57166; 57167;57168; 57169;57170; 57171;57172; 57173;57174; 57175;57176; 57177;57178; 57179;57180; 57181;57182; 57183 57184;57185; 57186;57187; 57188;57189; 57190;57191; 57192;57193; 57194;57195; 57196;57197; 57198;57199; 57200;57201; 57202;57203; 57204;57205; 57206;57207; 57208;57209; 57210;57211 57212;57213; 57214;57215; 57216;57217; 57218;57219; 57220;57221; 57222;57223 54439;54440; 54441;54442; 54443;54444; 54445 57225
VAVLD YVEPSL K	12	1331.734	E9QEM7;F1Q6 Z6	si:ch1073 -179p4.3	2	0.000374	108.67	1.02E+08	1607	282	1732	57226
VAVVA GYGDV GK	12	1133.608	Q803T5	ahcy	Adenosylhomocys teinase	2	0.017403	59.426	22285000	1608	450	57227;57228; 57229;57230; 57231;57232; 57233;57234; 57235;57236; 57237;57238; 57239;57240; 57241;57242; 57243;57244;
VCAENI AGPGK	11	1101.549	A5X6X5;Q801 W8;F1R7N8;F1 QZQ0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2	0.037059	68.371	36996000	1609	332; 139	1734	
VCMFS QWIAD TMR	13	1630.731	E7FBA9;F8W4J 1;Q7SX90;F1R 894;F8W3C3	prss59.2; prss59.1	2	0.011322	60.434	3994600	1610	263; 333	1735	
VDALM DEINFM K	12	1424.668	CON__P13647		2	1.98E-07	127.76	3.13E+08	1611	228	1736;1737	

VDALQ DEINFL R	12	1431.736	Q6NY60;F1QK 60;A9JRS6;Q9P V92	krt4		2	0.001614	87.298	8695200	1612	167	57245;57246; 57247;57248; 57249;57250; 57251;57252; 57253;57254; 57255;57256; 57257;57258; 57259;57260; 57261;57262; 57263;57264; 57265;57266; 57267;57268; 57269;57270; 57271;57272; 57273;57274; 57275;57276; 57277	57278;57279; 57280;57281
VDEAQ AVQDA K	11	1172.567	Q804G7	anxa4	Annexin	2	4.69E-08	134.84	1.32E+08	1613	451	54531;54532; 54533;54534; 54535;54536; 54537;54538; 54539;54540; 54541;54542; 54543;54544; 54545;54546; 54547;54548 54549;54550; 54551;54552; 54553	57282;57283; 57284;57285; 57286;57287; 57288
VDEHA PLDK	9	1022.503	Q90XD4;Q6NX A6;A0A0R4IU R6	adh5	S- (hydroxymethyl)gl utathione dehydrogenase	2	0.032686	86.744	21167000	1614	95	54554;54555; 54556;54557; 54558;54559; 54560;54561; 54562;54563; 54564;54565; 54566;54567; 54568;54569 54570;54571; 54572;54573; 54574;54575; 54576;54577; 54578;54579; 54580;54581; 54582;54583; 54584;54585	57289
VDFSHV TEEWR	11	1403.647	Q5TZ27	syt1a		2;3	1.02E-20	157.75	1.15E+08	1615	384	54586;54587; 54588;54589; 54590;54591; 54592;54593;	57290;57291; 57292;57293; 57294;57295; 57296;57297; 57298
VDINTE DQEDG TCK	14	1609.678	F1R9P5;E9Q162	flna		2	1.28E-07	112.94	95841000	1616	335	54586;54587; 54588;54589; 54590;54591; 54592;54593;	57299;57300; 57301;57302; 57303;57304; 57305;57306; 57307;57308
VDLDD DEAEH QLSLK	15	1725.806	Q0V948;F1RD7 7;Q566X7	npm1b		2;3	1.7E-73	217.46	4.03E+08	1617	344	54586;54587; 54588;54589; 54590;54591; 54592;54593;	57309;57310; 57311;57312; 57313;57314; 57315;57316;

											54594;54595;	57317;57318;
											54596;54597;	57319;57320;
											54598;54599;	57321;57322;
											54600;54601;	57323;57324;
											54602;54603;	57325;57326;
											54604;54605;	57327;57328;
											54606;54607;	57329;57330;
											54608;54609;	57331;57332
											54610;54611;	
											54612;54613;	
											54614;54615;	
											54616;54617;	
											54618	
VDLDIL	9	1000.544	F1R2V0	aoc2	2	0.000811	111.82	4.08E+08	1618	326	54619;54620;	57333;57334;
GEK											54621;54622;	57335;57336;
											54623;54624;	57337;57338;
											54625;54626;	57339;57340;
											54627;54628;	57341;57342;
											54629;54630;	57343
											54631;54632;	
											54633;54634;	
											54635;54636;	
											54637;54638;	
											54639;54640;	
											54641;54642;	
											54643	
VDLEDF	9	1078.493	F1QWC8;X1W	si:ch1073	2	2.89E-05	124.98	3.48E+08	1619	79	1745	57344;57345;
EGR			B94;H0WF19;F	-								57346;57347;
			8W5V6;H0WE	110a20.7;								57348;57349;
			L8;A0A0R4ITF	mfap4;si:								57350;57351;
			4;F1QZC5;Q6N	zfos-								57352;57353;
			YE9;F1QWC1;	2330d3.3;								57354;57355;
			F1QWC0;E7FC	zgc:1739								57356;57357;
			76;A8E547;A7	15;zgc:17								57358;57359;
			YY06;F1R707;	1687;si:zf								57360;57361;
			A0A0R4IQ22;R	os-								57362;57363;
			4GE93;F1QQH	2330d3.1;								57364;57365;
			9;E9QC51;FIR	si:zfos-								57366
			A44	2330d3.7;								
				si:zfos-								
				2330d3.8;								
				si:ch1073								
				-110a20.1								
VDLEDF	10	1234.594	F1QWC8;X1W	si:ch1073	3	0.042919	31.431	11591000	1620	79	1746	57367
EGRR			B94;H0WF19;F	-								
			8W5V6;H0WE	110a20.7;								
			L8;A0A0R4ITF	mfap4;si:								
			4;F1QZC5;Q6N	zfos-								
			YE9;F1QWC1;	2330d3.3;								
			F1QWC0;E7FC	zgc:1739								
			76;A8E547;A7	15;zgc:17								
			YY06;F1R707;	1687;si:zf								
				os-								

VDLEQI QAENII EAAFA NGELSF TSK	26	2836.413	A0A0R4IQ22;R 4GE93 Q5TZ29	2330d3.1; si:zfos- 2330d3.7 apobb.1		3	0.000135	32.708	31128000	1621	385	54669;54670; 54671;54672; 54673;54674; 54675;54676; 54677;54678; 54679	57368;57369; 57370;57371; 57372;57373; 57374;57375	
VDLLN QEIEFL K	12	1459.792	CON__P35908		2	1.94E-40	145.89	1.87E+08	1622	231	1748	57376;57377; 57378;57379; 57380;57381; 57382;57383; 57384;57385; 57386;57387; 57388;57389; 57390;57391; 57392;57393; 57394;57395; 57396;57397; 57398;57399; 57400;57401; 57402;57403; 57404;57405; 57406;57407; 57408;57409; 57410;57411; 57412;57413; 57414		
VDMTG EVHNL AEQEFT PGVYR	22	2504.201	Q642J8	ttr	Transthyretin	3	0.000228	45.423	6931300	1623	389	54740;54741	57415	
VDMTG EVHNL TEQEFT PGVYR	22	2534.211	B8JLL7;B8JLL 8;A0A0R4IP91	ttr	Transthyretin	3	8.34E-55	137.99	60445000	1624	75	54742;54743; 54744;54745; 54746;54747; 54748;54749; 54750;54751; 54752;54753; 54754;54755; 54756;54757; 54758;54759	57416;57417; 57418;57419; 57420;57421; 57422;57423; 57424;57425; 57426;57427; 57428;57429; 57430;57431; 57432;57433; 57434	
VDNGP WVGYE YPEYQ GQQFIL EK	23	2758.292	Q6IQU2;F8W3 63;F8W389	cryba2a		2;3	1.57E-19	90.193	21095000	1625	406	54760;54761; 54762;54763; 54764	57435;57436; 57437;57438; 57439;57440; 57441;57442; 57443;57444; 57445	
VDPEIQ NVK	9	1040.55	CON__P35908			2	0.002381	107.9	9.71E+08	1626	231	1752	57446;57447; 57448;57449; 57450;57451; 57452;57453	

VDQDT TVQVD MMK	13	1508.685	Q5SPJ1;Q24JW 6;Q6P5I9;Q502 P5;Q5SPJ4;X1 WF94	serpina1I; serpina1	2	0	303.2	2.36E+10	1627	367; 418	1753;1754; 1755	57454;57455; 57456;57457; 57458;57459; 57460;57461; 57462;57463; 57464;57465; 57466;57467; 57468;57469; 57470;57471; 57472;57473; 57474;57475; 57476;57477; 57478;57479; 57480;57481; 57482;57483; 57484;57485; 57486;57487; 57488;57489; 57490;57491; 57492;57493; 57494;57495; 57496;57497; 57498;57499; 57500;57501; 57502;57503; 57504;57505; 57506;57507; 57508;57509; 57510;57511; 57512;57513; 57514;57515; 57516;57517; 57518;57519; 57520;57521; 57522;57523; 57524;57525; 57526;57527; 57528;57529; 57530;57531; 57532;57533; 57534;57535; 57536;57537; 57538;57539; 57540;57541; 57542;57543; 57544;57545; 57546;57547; 57548;57549; 57550;57551; 57552;57553; 57554;57555; 57556;57557; 57558;57559;
-----------------------	----	----------	---	------------------------	---	---	-------	----------	------	-------------	--------------------	--

57560;57561;  
57562;57563;  
57564;57565;  
57566;57567;  
57568;57569;  
57570;57571;  
57572;57573;  
57574;57575;  
57576;57577;  
57578;57579;  
57580;57581;  
57582;57583;  
57584;57585;  
57586;57587;  
57588;57589;  
57590;57591;  
57592;57593;  
57594;57595;  
57596;57597;  
57598;57599;  
57600;57601;  
57602;57603;  
57604;57605;  
57606;57607;  
57608;57609;  
57610;57611;  
57612;57613;  
57614;57615;  
57616;57617;  
57618;57619;  
57620;57621;  
57622;57623;  
57624;57625;  
57626;57627;  
57628;57629;  
57630;57631;  
57632;57633;  
57634;57635;  
57636;57637;  
57638;57639;  
57640;57641;  
57642;57643;  
57644;57645;  
57646;57647;  
57648;57649;  
57650;57651;  
57652;57653;  
57654;57655;  
57656;57657;  
57658;57659;  
57660;57661;  
57662;57663;  
57664;57665;

57666;57667;  
57668;57669;  
57670;57671;  
57672;57673;  
57674;57675;  
57676;57677;  
57678;57679;  
57680;57681;  
57682;57683;  
57684;57685;  
57686;57687;  
57688;57689;  
57690;57691;  
57692;57693;  
57694;57695;  
57696;57697;  
57698;57699;  
57700;57701;  
57702;57703;  
57704;57705;  
57706;57707;  
57708;57709;  
57710;57711;  
57712;57713;  
57714;57715;  
57716;57717;  
57718;57719;  
57720;57721;  
57722;57723;  
57724;57725;  
57726;57727;  
57728;57729;  
57730;57731;  
57732;57733;  
57734;57735;  
57736;57737;  
57738;57739;  
57740;57741;  
57742;57743;  
57744;57745;  
57746;57747;  
57748;57749;  
57750;57751;  
57752;57753;  
57754;57755;  
57756;57757;  
57758;57759;  
57760;57761;  
57762;57763;  
57764;57765;  
57766;57767;  
57768;57769;  
57770;57771;

VDQDT TVQVD MMKR	14	1664.786	Q5SPJ1;Q24JW6;Q6P5I9;Q502P5;Q5SPJ4;X1WF94	serpina11; serpina1	3	0.035	28.351	19686000	1628	367; 418	1756	57772;57773; 57774;57775; 57776;57777; 57778;57779; 57780;57781; 57782;57783 57784;57785	
VDSLQ DEINFL R	12	1447.731	Q6P3K5;Q9PUB5;F1R5A5;F1QV31;E9QBD7	krt5		2	0.002456	78.655	4804000	1629	321	55026	57786;57787
VDVDD AQDVA QSCEIK	16	1777.804	Q7ZUI4	zgc:5649 3	Thioredoxin	2	4E-257	255.24	4.19E+08	1630	440	55027;55028; 55029;55030; 55031;55032; 55033;55034; 55035;55036; 55037;55038; 55039;55040; 55041;55042; 55043;55044; 55045;55046; 55047;55048; 55049;55050	57788;57789; 57790;57791; 57792;57793; 57794;57795; 57796;57797; 57798;57799; 57800;57801; 57802;57803; 57804;57805; 57806;57807; 57808;57809; 57810;57811; 57812;57813; 57814;57815; 57816;57817; 57818;57819; 57820;57821; 57822;57823; 57824;57825; 57826 57827
VECMN PQQGR	10	1204.533	F1R998;F1RAG3	nid1a		2	0.023155	85.212	9833800	1631	334	55051;55052; 55053;55054; 55055;55056; 55057;55058 57828	
VEDMP GDCGY AHNDE FITK	19	2183.914	B0BLX4;A3KP76	zgc:1750 88	3	0.042268	22.01	5969900	1632	174	1760		
VEDNSE EDTEPE KPEK	16	1873.807	B8A5M6	pdia2	Protein disulfide- isomerase	3	8.58E-06	80.738	34379000	1633	208	55061;55062; 55063;55064; 55065;55066; 55067;55068; 55069;55070; 55071;55072; 55073	57829;57830
VEEALQ ALTK	10	1100.608	F6P6F2;A5WWJ4;Q7ZVP3	matn1		2	2.46E-21	158.76	1.88E+10	1634	138	55074;55075; 55076;55077; 55078;55079; 55080;55081; 55082;55083;	57831;57832; 57833;57834; 57835;57836; 57837;57838; 57839;57840;



55084;55085; 57841;57842;  
55086;55087; 57843;57844;  
55088;55089; 57845;57846;  
55090;55091; 57847;57848;  
55092;55093; 57849;57850;  
55094;55095; 57851;57852;  
55096;55097; 57853;57854;  
55098;55099; 57855;57856;  
55100;55101; 57857;57858;  
55102;55103; 57859;57860;  
55104;55105; 57861;57862;  
55106;55107; 57863;57864;  
55108;55109; 57865;57866;  
55110;55111; 57867;57868;  
55112;55113; 57869;57870;  
55114;55115; 57871;57872;  
55116;55117; 57873;57874;  
55118;55119; 57875;57876;  
55120;55121; 57877;57878;  
55122;55123; 57879;57880;  
55124;55125; 57881;57882;  
55126;55127; 57883;57884;  
55128;55129; 57885;57886;  
55130;55131; 57887;57888;  
55132;55133; 57889;57890;  
55134;55135; 57891;57892;  
55136;55137; 57893;57894;  
55138;55139; 57895;57896;  
55140;55141; 57897;57898;  
55142;55143; 57899;57900;  
55144;55145; 57901;57902;  
55146;55147; 57903;57904;  
55148;55149; 57905;57906;  
55150;55151; 57907;57908;  
55152;55153; 57909;57910;  
55154;55155; 57911;57912;  
55156;55157; 57913;57914;  
55158;55159; 57915;57916;  
55160;55161; 57917;57918;  
55162;55163; 57919;57920;  
55164;55165; 57921;57922;  
55166;55167; 57923;57924;  
55168;55169; 57925;57926;  
55170;55171; 57927;57928;  
55172;55173; 57929;57930;  
55174;55175; 57931;57932;  
55176;55177; 57933;57934;  
55178;55179; 57935;57936;  
55180;55181; 57937;57938;  
55182;55183; 57939;57940;  
55184;55185; 57941;57942;  
55186;55187; 57943;57944;  
55188;55189; 57945;57946;

55190;55191; 57947;57948;  
55192;55193; 57949;57950;  
55194;55195; 57951;57952;  
55196;55197; 57953;57954;  
55198;55199; 57955;57956;  
55200;55201; 57957;57958;  
55202;55203; 57959;57960;  
55204;55205; 57961;57962;  
55206;55207; 57963;57964;  
55208;55209; 57965;57966;  
55210;55211; 57967;57968;  
55212;55213; 57969;57970;  
55214;55215; 57971;57972;  
55216;55217; 57973;57974;  
55218;55219; 57975;57976;  
55220 57977;57978;  
57979;57980;  
57981;57982;  
57983;57984;  
57985;57986;  
57987;57988;  
57989;57990;  
57991;57992;  
57993;57994;  
57995;57996;  
57997;57998;  
57999;58000;  
58001;58002;  
58003;58004;  
58005;58006;  
58007;58008;  
58009;58010;  
58011;58012;  
58013;58014;  
58015;58016;  
58017;58018;  
58019;58020;  
58021;58022;  
58023;58024;  
58025;58026;  
58027;58028;  
58029;58030;  
58031;58032;  
58033;58034;  
58035;58036;  
58037;58038;  
58039;58040;  
58041;58042;  
58043;58044;  
58045;58046;  
58047;58048;  
58049;58050;  
58051;58052;

VEEDGT  
MTATAI  
GR

14

1449.677

Q9PT95:A0A0  
R4IVC3

rbp4

2

1.7E-151

222.74

8.69E+08

1635

459

55221;55222;  
55223;55224;  
55225;55226;  
55227;55228;  
55229;55230;  
55231;55232;  
55233;55234;  
55235;55236;  
55237;55238;  
55239;55240;  
55241;55242;  
55243;55244;  
55245;55246;  
55247;55248;  
55249;55250;  
55251;55252;  
55253;55254;  
55255;55256;  
55257;55258;  
55259;55260;  
55261;55262;  
55263;55264;  
55265;55266;  
55267;55268;  
55269;55270;  
55271;55272;  
55273;55274;  
55275;55276

58053;58054;  
58055;58056;  
58057;58058;  
58059;58060;  
58061;58062;  
58063;58064;  
58065;58066;  
58067;58068;  
58069;58070;  
58071;58072;  
58073;58074  
58075;58076;  
58077;58078;  
58079;58080;  
58081;58082;  
58083;58084;  
58085;58086;  
58087;58088;  
58089;58090;  
58091;58092;  
58093;58094;  
58095;58096;  
58097;58098;  
58099;58100;  
58101;58102;  
58103;58104;  
58105;58106;  
58107;58108;  
58109;58110;  
58111;58112;  
58113;58114;  
58115;58116;  
58117;58118;  
58119;58120;  
58121;58122;  
58123;58124;  
58125;58126;  
58127;58128;  
58129;58130;  
58131;58132;  
58133;58134;  
58135;58136;  
58137;58138;  
58139;58140;  
58141;58142;  
58143;58144;  
58145;58146;  
58147;58148;  
58149;58150;  
58151;58152;  
58153;58154;  
58155;58156

VEEHTL QGLK	10	1152.614	Q7T2C2;F1Q8J 4;A9JT52;E9Q CR7	acadvl		2	9.56E-05	117.31	25523000	1636	171	55277;55278; 55279;55280; 55281;55282; 55283	58157;58158
VEEILS ELK	9	1058.586	Q5TZ29	apobb.1		2	0.000761	111.95	14674000	1637	385	55284;55285; 55286;55287	58159;58160
VEFDTL TYWK	10	1300.634	B8JLL7;B8JLL 8;A0A0R4IP91; Q642J8	ttr	Transthyretin	2	0.000108	107.57	80956000	1638	75;389	55288;55289; 55290;55291; 55292;55293; 55294;55295; 55296;55297; 55298;55299; 55300;55301; 55302;55303; 55304;55305; 55306;55307; 55308;55309	58161;58162; 58163;58164; 58165
VEGLPY DDELIK	12	1389.703	A0A0R4IPL8;A 7MC20;A5PLB 5	cfhl4		2	0.001254	93.096	3.89E+08	1639	77	55310;55311; 55312;55313; 55314;55315; 55316;55317; 55318;55319; 55320;55321; 55322;55323; 55324;55325; 55326;55327; 55328;55329; 55330;55331; 55332;55333; 55334;55335; 55336;55337; 55338;55339; 55340;55341; 55342	58166;58167; 58168;58169; 58170;58171; 58172;58173; 58174;58175; 58176;58177; 58178;58179; 58180;58181; 58182;58183
VEGQE VFYTP MEDPK	16	1896.845	F1R074;A0A0R 4IJ40;B3GQ71; B3GQ72;A0A0 R4IPG9	agrn		2	2.19E-06	104.87	2.18E+08	1640	65	55343;55344; 55345;55346; 55347;55348; 55349;55350; 55351;55352; 55353;55354; 55355;55356; 55357;55358; 55359;55360; 55361;55362; 55363;55364; 55365;55366; 55367;55368; 55369;55370; 55371;55372; 55373;55374; 55375;55376; 55377;55378; 55379;55380	58184;58185; 58186;58187; 58188;58189; 58190;58191; 58192;58193; 58194;58195; 58196;58197; 58198;58199; 58200;58201; 58202;58203; 58204;58205; 58206;58207; 58208;58209; 58210;58211; 58212;58213; 58214;58215; 58216;58217; 58218;58219; 58220;58221;

58222;58223;  
58224;58225;  
58226;58227;  
58228;58229;  
58230

VEIIAN DQGNR	11	1227.621	A0A0R4IVB0; A0A0R4IMF8; Q7ZVJ1;Q6TE Q5;Q6NYR4;F1 R9V3;P79984;B 0R046;A5PMG 2;Q8UUJ8;Q6P H56;B7ZV46;B 0UXS6;B0UXR 9;B0S610;A8W FS0;Q6PGX4;Q 9IAC1;Q1LY29 ;A8E562;A0A0 R4IJ78;F1QGH 3	hspe8;si: dkey- 4p15.3;C H211- 199O1.2- 001;si:ch 211- 199o1.2;h sp70.3;hs p70l;mc m5;hsp70 .2;hsc70; zgc:1740 06	2	0.008448	77.677	1.03E+08	1641	70	1770	58231;58232; 58233	
VEINEE PFGIR	11	1301.662	A0A0G2L1N0		2	1.07E-19	173.39	1.03E+09	1642	19	1771	58234;58235; 58236;58237; 58238;58239; 58240;58241; 58242;58243; 58244;58245; 58246;58247; 58248;58249; 58250;58251; 58252;58253; 58254;58255; 58256;58257; 58258;58259; 58260;58261	
VELESD IK	8	931.4862	Q5TZ29	apobb.1		2	0.050635	73.26	0	1643	385	55451	58262
VELQGE SFK	9	1035.524	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9;X1W BT0	a2ml;si:d key- 105h12.2	2	1.97E-09	157.86	2.38E+09	1644	106; 466	1773	58263;58264; 58265;58266; 58267;58268; 58269;58270; 58271;58272; 58273;58274; 58275;58276; 58277;58278; 58279;58280; 58281;58282; 58283;58284; 58285;58286; 58287;58288; 58289;58290; 58291;58292; 58293;58294; 58295;58296;	

												58297;58298; 58299;58300; 58301;58302; 58303;58304; 58305;58306; 58307;58308; 58309;58310; 58311;58312; 58313;58314; 58315;58316; 58317;58318; 58319;58320; 58321;58322; 58323;58324; 58325;58326; 58327;58328; 58329;58330; 58331		
VELVPP TPAEIP K	13	1388.792	Q6PBQ7;Q6P6 E0	atp51		2	0.001476	80.763	64770000	1645	422	55483;55484; 55485;55486; 55487;55488; 55489;55490; 55491;55492; 55493;55494; 55495;55496; 55497 58332;58333; 58334;58335; 58336		
VEMEG EQVRDP EEGWK VEMSD GGNYT VVVEN SEGK	16 19	1916.857 2012.9	A5X6X5;Q801 W8;F1R7N8;F1 QZQ0 F1R7N8;A5X6 X6;G1K2X0;Q7 ZZ46	ttna;dZ25 8D18.1- 001 ttna;ttnb	3		0.037759	37.583	16654000	1646	332; 139	1775	55502;55503; 55504;55505; 55506;55507; 55508;55509; 55510;55511; 55512;55513; 55514;55515; 55516;55517; 55518;55519; 55520;55521; 55522;55523; 55524;55525; 55526;55527; 55528;55529; 55530;55531; 55532;55533; 55534;55535; 55536;55537; 55538;55539; 55540;55541; 55542;55543; 55544;55545; 55546;55547; 55548;55549;	58338;58339; 58340;58341; 58342;58343; 58344;58345; 58346;58347; 58348;58349; 58350;58351; 58352;58353; 58354;58355; 58356;58357; 58358;58359; 58360;58361; 58362;58363; 58364;58365; 58366;58367; 58368;58369; 58370;58371; 58372;58373; 58374;58375; 58376;58377; 58378;58379; 58380;58381; 58382;58383;

VENGP WVGYE YPEFQG QQFILE K VEPLDF TGTDA QK	23	2756.312	Q45FX9	cryba2b		2,3	7.59E-07	51.577	17752000	1648	368	55550;55551; 55552;55553; 55554;55555; 55556;55557; 55558;55559; 55560;55561; 55562;55563 55564;55565; 55566	58384;58385; 58386  58387;58388; 58389;58390; 58391;58392; 58393;58394
	13	1419.688	A2BHD8	hexb	Beta- hexosaminidase	2	1.82E-56	175.07	1.39E+09	1649	115	55567;55568; 55569;55570; 55571;55572; 55573;55574; 55575;55576; 55577;55578; 55579;55580; 55581;55582; 55583;55584; 55585;55586; 55587;55588; 55589;55590; 55591;55592; 55593;55594; 55595;55596; 55597;55598; 55599;55600; 55601;55602; 55603;55604; 55605;55606; 55607;55608; 55609;55610; 55611;55612; 55613;55614; 55615;55616; 55617;55618; 55619	58395;58396; 58397;58398; 58399;58400; 58401;58402; 58403;58404; 58405;58406; 58407;58408; 58409;58410; 58411;58412; 58413;58414; 58415;58416; 58417;58418; 58419;58420; 58421;58422; 58423;58424; 58425;58426; 58427;58428; 58429;58430; 58431;58432; 58433;58434; 58435;58436; 58437;58438; 58439;58440; 58441;58442; 58443;58444; 58445;58446; 58447;58448; 58449;58450; 58451;58452; 58453;58454; 58455;58456; 58457;58458; 58459;58460; 58461;58462; 58463;58464; 58465;58466; 58467;58468; 58469;58470; 58471;58472; 58473;58474; 58475;58476;

VEPSVD TSGIK	11	1130.582	A0A0R4IUS4;E 7F1L7	flnca		2	0.011393	71.451	3.42E+08	1650	96	55620;55621; 55622;55623; 55624;55625; 55626;55627; 55628;55629; 55630;55631; 55632;55633; 55634;55635; 55636;55637	58477;58478; 58479;58480; 58481;58482; 58483;58484; 58485;58486; 58487 58488;58489; 58490;58491; 58492;58493; 58494;58495; 58496;58497; 58498;58499; 58500;58501; 58502
VESGSL EEDWD FLPPK	16	1846.863	Q9PUC1;A0A0 R4ILP1;Q6PE2 6;Q6NV30;A0A 0B5JPZ1;A0A0 R4IZM7;Q802X 3;Q6DI13;A0A 0R4IL29;A0A0 B5JS27	calr3a;cal r3b	2	0.002758	66.262	24913000	1651	4;5	1781	58503;58504; 58505;58506; 58507;58508; 58509	
VEVTEF EDIK	10	1207.597	Q6NYZ1;Q7ZU Y0;Q6TGU0;F1 R3I6	setb;seta		2	0.00015	113.62	24098000	1652	327	55648;55649; 55650;55651; 55652;55653; 55654;55655 55656	58510;58511; 58512
VEVYLP R	7	874.4913	B3DJJ9;B7TWP 9	serpini1		2	0.047999	75.311	0	1653	199	55657;55658; 55659;55660	58513
VFATN DSGDGP VK	13	1305.62	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46	ttnb		2	0.029946	51.927	8720100	1654	140		58514
VFDAT VDNAR	10	1106.536	A8E5I2;Q6PHE 4;Q6NYL7	zgc:7751 7		2	0.000724	106.42	47203000	1655	156	55661;55662	58515
VFDVEP DLIR	10	1201.634	X1WHB9	zgc:1141 81	2	2.37E-06	126.41	3.59E+08	1656	469	1786	58516;58517; 58518;58519; 58520;58521; 58522;58523; 58524;58525; 58526;58527; 58528;58529; 58530;58531; 58532;58533; 58534;58535; 58536;58537; 58538;58539; 58540;58541; 58542	
VFFDLT AGGNP VGR	14	1448.741	Q6TNR5;Q6PC 65;Q7ZWJ9	ppiaa	Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase	2	0.005407	66.595	3717800	1657	425	55696	58543



VFGAT DFLNP	11	1207.624	Q7T2J4;Q90Y3 8;Q6P0S5;Q4Q RI0	adh8b;ad h8a	2	0.043598	55.461	6222600	1658	433	1788	58544	
VFGDG AWVMY EENFR	16	1915.856	A0A0A0MPG3; Q5R2V3	crygn2		2	5.7E-100	166.11	2.84E+08	1659	1	55698;55699; 55700;55701; 55702;55703; 55704;55705; 55706;55707; 55708;55709; 55710;55711; 55712;55713; 55714;55715; 55716;55717; 55718;55719; 55720;55721; 55722;55723; 55724;55725; 55726;55727; 55728;55729; 55730;55731; 55732;55733; 55734;55735; 55736;55737; 55738;55739; 55740;55741; 55742;55743; 55744;55745; 55746;55747; 55748;55749; 55750;55751; 55752;55753; 55754;55755; 55756;55757; 55758;55759; 55760;55761; 55762;55763; 55764;55765; 55766;55767; 55768;55769; 55770;55771; 55772;55773; 55774;55775; 55776;55777; 55778;55779; 55780;55781; 55782;55783; 55784;55785; 55786;55787; 55788;55789; 55790;55791; 55792;55793; 55794;55795; 55796;55797;	58545;58546; 58547;58548; 58549;58550; 58551;58552; 58553;58554; 58555;58556; 58557;58558; 58559;58560; 58561;58562; 58563;58564; 58565;58566; 58567;58568; 58569;58570; 58571;58572; 58573;58574; 58575;58576; 58577;58578; 58579;58580; 58581;58582; 58583;58584; 58585;58586; 58587;58588; 58589;58590; 58591;58592; 58593;58594; 58595;58596; 58597;58598; 58599;58600; 58601;58602; 58603;58604; 58605;58606; 58607;58608; 58609;58610; 58611;58612; 58613;58614; 58615;58616; 58617;58618; 58619;58620; 58621
VFLENV IR	8	988.5706	Q0D294;A4VA K6;A3KPR4;X1 WGM1;Q0D27 2;A4QN89	zgc:1534 09;hist1h 4l;si:dkey - 108k21.2 3;si:dkey- 108k21.1	Histone H4	2	3.68E-50	199.65	1.05E+09	1660	127	55784;55785; 55786;55787; 55788;55789; 55790;55791; 55792;55793; 55794;55795; 55796;55797;	58622;58623; 58624;58625; 58626;58627; 58628;58629; 58630;58631; 58632;58633; 58634;58635;

				2;zgc:154 164;zgc:1 63040								55798;55799; 55800;55801; 55802;55803; 55804;55805; 55806;55807; 55808;55809; 55810;55811; 55812;55813; 55814;55815; 55816;55817; 55818;55819; 55820	58636;58637; 58638;58639; 58640;58641; 58642
VFQEFV R	7	923.4865	F1R6N3;F6IA1 0;A8KBY8;F8 W331	anxa6	Annexin	2	0.044718	86.086	19099000	1661	161	55821;55822; 55823;55824; 55825;55826 55827	58643
VFQEY QK	7	940.4654	Q804G7	anxa4	Annexin	2	0.029363	113.08	26300000	1662	451		58644;58645
VFQGN KPSNSII FK	14	1577.857	Q8QFU2;Q7ZU 30;Q5XJ09;F1Q ZL6	gpia	Glucose-6- phosphate isomerase	3	0.016833	47.47	12219000	1663	387		58646
VFQQEL DTR	9	1134.567	Q4V8Z1;F1QJ M2	tsnax		2	1.91E-06	128.69	1.96E+08	1664	307	55828;55829; 55830;55831; 55832;55833; 55834;55835; 55836;55837; 55838;55839; 55840;55841; 55842;55843 58661;58662; 58663;58664; 58665;58666; 58667;58668; 58669;58670; 58671;58672; 58673;58674; 58675;58676; 58677;58678; 58679;58680; 58681;58682; 58683;58684; 58685;58686; 58687;58688; 58689;58690; 58691;58692; 58693;58694; 58695;58696; 58697;58698; 58699;58700; 58701;58702; 58703;58704; 58705;58706; 58707;58708; 58709;58710; 58711;58712;	58647;58648; 58649;58650; 58651;58652; 58653;58654; 58655;58656; 58657;58658; 58659;58660
VFTHPQ YNSNTI ENDIAL VK	20	2302.159	Q6DHD9;Q561 U4	zgc:1121 60	2;3		6.6E-105	146.64	1.05E+09	1665	378	1796	

58713;58714;  
58715;58716;  
58717;58718;  
58719;58720;  
58721;58722;  
58723;58724;  
58725;58726;  
58727;58728;  
58729;58730;  
58731;58732;  
58733;58734;  
58735;58736;  
58737;58738;  
58739;58740;  
58741;58742;  
58743;58744;  
58745;58746;  
58747;58748;  
58749;58750;  
58751;58752;  
58753;58754;  
58755;58756;  
58757;58758;  
58759;58760;  
58761;58762;  
58763;58764;  
58765;58766;  
58767;58768;  
58769;58770;  
58771;58772;  
58773;58774;  
58775;58776;  
58777;58778;  
58779;58780;  
58781;58782;  
58783;58784;  
58785;58786;  
58787;58788;  
58789;58790;  
58791;58792;  
58793;58794;  
58795;58796;  
58797;58798;  
58799;58800;  
58801;58802;  
58803;58804;  
58805;58806;  
58807;58808;  
58809;58810;  
58811;58812;  
58813;58814

VFVGL NSTGTE LR	13	1391.741	Q5TZ27	syt1a		2	1.89E-13	135.86	1.6E+08	1666	384	55963;55964; 55965;55966; 55967;55968; 55969;55970; 55971;55972; 55973;55974; 55975;55976; 55977;55978; 55979;55980; 55981;55982; 55983;55984; 55985;55986; 55987;55988; 55989;55990; 55991;55992; 55993	58815;58816; 58817;58818; 58819;58820; 58821;58822; 58823;58824; 58825;58826; 58827;58828; 58829;58830; 58831;58832; 58833;58834; 58835;58836; 58837
VFVSAL DQAK	10	1076.587	F1QEC9;A9JSV 0	tyrp1a		2	0.001848	98.033	72209000	1667	168	55994;55995; 55996;55997; 55998;55999; 56000;56001; 56002;56003; 56004	58838;58839
VGASAI FNLEGA LGIDDD EK	20	2032.995	E7EXL6	myof		3	0.000504	32.565	1.95E+08	1668	241	56005;56006; 56007;56008; 56009;56010; 56011;56012; 56013;56014; 56015;56016; 56017;56018; 56019;56020	58840;58841; 58842;58843; 58844;58845; 58846;58847; 58848
VG DYG SASGLD K	12	1167.541	Q5XJD4;FIRD Q9	ctsz		2	5.85E-05	119.53	4.25E+08	1669	346	56021;56022; 56023;56024; 56025;56026; 56027;56028; 56029;56030; 56031;56032; 56033;56034; 56035;56036; 56037;56038; 56039;56040; 56041;56042; 56043;56044; 56045;56046; 56047;56048	58849;58850; 58851;58852; 58853;58854; 58855;58856; 58857;58858; 58859;58860; 58861;58862; 58863;58864; 58865;58866; 58867;58868; 58869;58870; 58871;58872; 58873;58874; 58875;58876; 58877;58878; 58879;58880
VGGDPI PNVK	10	994.5448	A5X6X5;B0S75 8;F1R7N8;A5X 6X6;G1K2X0;Q 7ZZ48	ttna;ttnb; dZ249N2 1.1-003	2		2.48E-17	162.97	8.51E+08	1670	332; 139; 140	1801	58881;58882; 58883;58884; 58885;58886; 58887;58888; 58889;58890; 58891;58892; 58893;58894;

VGGVGV VTDYAE ER	12	1221.599	F1Q6P3	col6a1		2	1.44E-07	129.85	6.87E+08	1671	291	58895;58896; 58897;58898; 58899;58900; 58901;58902; 58903;58904; 58905;58906; 58907;58908; 58909;58910; 58911;58912; 56077;56078; 56079;56080; 56081;56082; 56083;56084; 56085;56086; 56087;56088; 56089;56090; 56091;56092; 56093;56094; 56095;56096; 56097;56098; 56099;56100; 56101;56102; 56103;56104	58913;58914; 58915;58916; 58917;58918; 58919;58920; 58921;58922; 58923;58924; 58925;58926; 58927;58928; 58929;58930; 58931;58932; 58933;58934; 58935;58936; 58937;58938; 58939;58940; 58941;58942; 58943;58944; 58945;58946; 58947;58948; 58949 58950
VGINGF GR	8	818.4399	A0A0R4IGI1;E 9QIH5;E9QGA 9;E9QCY9	gapdh	Glyceraldehyde-3- phosphate dehydrogenase	2	0.000939	146.21	9.59E+08	1672	54	56105;56106; 56107;56108	58945;58946; 58947;58948; 58949 58950
VGLPET VVER	10	1097.608	A0A140LGX4; E7EYGI	obscnb		2	0.011072	85.67	44518000	1673	104	56109	
VGLPYS PVQGV IK	14	1442.813	F1QS73;A0A0 G2KQ10	2	0.001839	78.513	1.71E+08	1674	13	1805	56110;5611 1;56112;56 113;56114; 56115;5611 6;56117;56 118;56119; 56120;5612 1;56122;56 123;56124; 56125;5612 6;56127;56 128;56129; 56130;5613 1		
VGLVFT DGR	9	962.5185	B3DKJ1;Q6PY X2;Q5NJJ5;Q5 NJJ4;A0A0B5J F83;Q5NJJ1;Q5 NJJ2;Q5CZQ6	matn4		2	1.99E-17	172.14	68090000	1675	201	56132	58961;58962
VGLVIQ SDK	9	957.5495	A8KBB1;A8KB B0;A3KPG5	crp3		2	1.45E-06	141.39	9.43E+08	1676	126	56133;56134; 56135;56136; 56137;56138; 56139;56140;	58963;58964; 58965;58966; 58967;58968;

VGLVQ YSSR	9	1007.54	B3DKJ1;Q6PY X2;Q5NJJ5;Q5 NJJ4;A0A0B5J F83;Q5NJJ1;Q5 NJJ2;Q5NJJ3;Q 5NJJ0	matn4	2	0.006093	98.458	20061000	1677	201	56141;56142; 56143;56144; 56145;56146; 56147;56148; 56149;56150; 56151 56152	58969;58970; 58971      58972
VGLVV VDK	8	827.5117	B8JKW4;Q7SX K0;Q3MU73;F1 R9X9;F1QX13; Q3MU74;F1QV 29	c3a.1;c3a .3;c3a.2	2	0.016825	97.798	2.04E+08	1678	210	1809	58973
VGNCFL DTLDR	11	1295.618	B6CS38;A0A0 G2KQ62	fbn2b	2	0.052768	52.579	10543000	1679	204	56169;56170; 56171;56172	58974
VGQDP VMR	8	900.4487	Q568F8;B8A5I 7	ssbp1	2	0.001448	142.64	2.25E+08	1680	207	56173;56174; 56175;56176; 56177;56178; 56179;56180; 56181;56182; 56183;56184; 56185;56186; 56187;56188; 56189;56190; 56191	58975;58976; 58977;58978; 58979;58980; 58981;58982; 58983;58984; 58985;58986
VGSSFN VFVEA QDYSK	16	1757.811	B8JKW4;Q7SX K0	c3a.1	2	2.77E-88	182.23	3.35E+08	1681	210	56192;56193; 56194;56195; 56196;56197; 56198;56199; 56200;56201; 56202;56203; 56204;56205; 56206;56207; 56208;56209; 56210;56211; 56212;56213; 56214;56215; 56216;56217; 56218;56219; 56220;56221; 56222;56223; 56224;56225; 56226;56227	58987;58988; 58989;58990; 58991;58992; 58993;58994; 58995;58996; 58997;58998; 58999;59000; 59001;59002; 59003;59004; 59005;59006; 59007;59008; 59009;59010; 59011;59012; 59013;59014; 59015;59016; 59017;59018; 59019;59020; 59021;59022; 59023;59024; 59025;59026; 59027;59028; 59029;59030; 59031;59032

VGSSPD VLYPNS GSSR	16	1620.774	B8JLQ9	cpo		2	2.84E-15	166.11	5.85E+08	1682	212	56228;56229; 56230;56231; 56232;56233; 56234;56235; 56236;56237; 56238;56239; 56240;56241; 56242;56243; 56244;56245; 56246;56247; 56248;56249; 56250;56251; 59047;59048; 59049;59050; 59051;59052; 59053;59054; 59055;59056; 59057;59058; 59059;59060; 59061;59062; 59063;59064; 59065;59066; 59067;59068; 59069;59070; 59071;59072; 59073;59074; 59075;59076; 59077;59078; 59079;59080; 59081;59082; 59083;59084; 59085;59086; 59087	59033;59034; 59035;59036; 59037;59038; 59039;59040; 59041;59042; 59043;59044; 59045;59046
VGSVGP QGDSG DAGISG K	18	1586.754	A8DZD1;Q58E P8;E7F4H7	zgc:1132 32;OTTD ARG000 00011628	2	4.55E-79	171.99	8.07E+08	1683	150	1814	59088;59089; 59090;59091; 59092;59093; 59094;59095; 59096;59097; 59098;59099	
VGTLDP SDGFW R	12	1348.641	Q5RKM1;Q5R HM1	mep1a.1	Metalloendopeptid ase	2	0.000331	109.66	1.27E+08	1684	382	56276;56277; 56278;56279; 56280;56281; 56282;56283; 56284;56285; 56286;56287; 56288;56289; 56290;56291; 56292;56293; 56294;56295	59100;59101; 59102;59103; 59104;59105; 59106;59107; 59108;59109; 59110;59111; 59112;59113; 59114;59115; 59116;59117; 59118;59119;
VGVAP TLLPGV ESLPAG SR	19	1819.02	E7FE19	cnp		2;3	6.06E-32	170.18	2.23E+09	1685	268	56296;56297; 56298;56299; 56300;56301; 56302;56303; 56304;56305; 56306;56307; 56308;56309; 56310;56311; 56312;56313; 56314;56315;	59100;59101; 59102;59103; 59104;59105; 59106;59107; 59108;59109; 59110;59111; 59112;59113; 59114;59115; 59116;59117; 59118;59119;

56316;56317; 59120;59121;  
56318;56319; 59122;59123;  
56320;56321; 59124;59125;  
56322;56323; 59126;59127;  
56324;56325; 59128;59129;  
56326;56327; 59130;59131;  
56328;56329; 59132;59133;  
56330;56331; 59134;59135;  
56332;56333; 59136;59137;  
56334;56335; 59138;59139;  
56336;56337; 59140;59141;  
56338;56339; 59142;59143;  
56340;56341; 59144;59145;  
56342;56343; 59146;59147;  
56344;56345; 59148;59149;  
56346;56347; 59150;59151;  
56348;56349; 59152;59153;  
56350;56351; 59154;59155;  
56352;56353; 59156;59157;  
56354;56355; 59158;59159;  
56356;56357; 59160;59161;  
56358;56359; 59162;59163;  
56360;56361; 59164;59165;  
56362;56363; 59166;59167;  
56364;56365; 59168;59169;  
56366;56367; 59170;59171;  
56368;56369; 59172;59173;  
56370;56371; 59174;59175;  
56372;56373; 59176;59177;  
56374;56375; 59178;59179;  
56376;56377; 59180;59181;  
56378;56379; 59182;59183;  
56380;56381; 59184;59185;  
56382;56383; 59186;59187;  
56384;56385; 59188;59189;  
56386;56387; 59190;59191;  
56388;56389; 59192;59193;  
56390;56391; 59194;59195;  
56392;56393; 59196;59197;  
56394;56395; 59198;59199;  
56396;56397; 59200;59201;  
56398;56399; 59202;59203;  
56400;56401; 59204;59205;  
56402;56403; 59206;59207;  
56404;56405; 59208;59209;  
56406;56407; 59210;59211;  
56408;56409; 59212;59213;  
56410;56411; 59214;59215;  
56412;56413; 59216;59217;  
56414;56415; 59218;59219;  
56416;56417; 59220;59221;  
56418;56419; 59222;59223;  
56420;56421; 59224;59225;



												56422;56423;	59226;59227;
												56424;56425;	59228;59229;
												56426;56427;	59230;59231;
												56428;56429;	59232;59233;
												56430;56431;	59234;59235;
												56432;56433;	59236;59237;
												56434;56435;	59238;59239;
												56436;56437;	59240;59241;
												56438;56439;	59242;59243;
												56440;56441;	59244;59245;
												56442;56443;	59246;59247;
												56444;56445;	59248;59249;
												56446;56447;	59250;59251;
												56448;56449;	59252;59253;
												56450;56451;	59254;59255;
												56452;56453;	59256;59257;
												56454;56455;	59258;59259;
												56456;56457;	59260;59261;
												56458;56459;	59262;59263;
												56460;56461	59264;59265;
													59266;59267
VGVEQ	15	1584.8	A0A140LG92;	fahd2a	2	0	334.19	1.76E+09	1686	98		56462;56463;	59268;59269;
DEGQGI			Q6NWI6;A0A0									56464;56465;	59270;59271;
VDLK			R4IWE1									56466;56467;	59272;59273;
												56468;56469;	59274;59275;
												56470;56471;	59276;59277;
												56472;56473;	59278;59279;
												56474;56475;	59280;59281;
												56476;56477;	59282;59283;
												56478;56479;	59284;59285;
												56480;56481;	59286;59287;
												56482;56483;	59288;59289;
												56484;56485;	59290;59291;
												56486;56487;	59292;59293;
												56488;56489;	59294;59295;
												56490;56491;	59296;59297;
												56492;56493;	59298;59299;
												56494;56495;	59300;59301;
												56496;56497	59302;59303;
													59304;59305;
													59306;59307;
													59308;59309;
													59310;59311;
													59312;59313;
													59314;59315;
													59316;59317;
													59318;59319;
													59320;59321;
													59322;59323;
													59324;59325;
													59326;59327;
													59328;59329;
													59330;59331;

VGVPL QDVMV R	11	1211.67	Q803B5:A0A0 R4IAH2:F1QRP 8	dnpep	2	6E-20	155.07	2.09E+09	1687	35	56498;56499; 56500;56501; 56502;56503; 56504;56505; 56506;56507; 56508;56509; 56510;56511; 56512;56513; 56514;56515; 56516;56517; 56518;56519; 56520;56521; 56522;56523; 56524;56525; 56526;56527; 56528;56529; 56530;56531; 56532;56533; 56534;56535; 56536;56537; 56538;56539; 56540;56541; 56542;56543; 56544;56545; 56546;56547; 56548;56549; 56550;56551; 56552;56553; 56554;56555; 56556;56557; 56558;56559; 56560;56561; 56562;56563; 56564;56565; 56566;56567; 56568;56569; 56570;56571; 56572;56573; 56574;56575; 56576;56577;	59332;59333; 59334;59335; 59336;59337; 59338;59339; 59340;59341; 59342;59343; 59344;59345; 59346;59347; 59348;59349; 59350;59351; 59352;59353; 59354;59355; 59356;59357; 59358;59359; 59360;59361; 59362;59363; 59364;59365; 59366;59367; 59368;59369; 59370;59371; 59372;59373; 59374;59375; 59376;59377; 59378;59379; 59380;59381; 59382;59383; 59384;59385; 59386;59387; 59388;59389; 59390;59391; 59392;59393; 59394;59395; 59396;59397; 59398;59399; 59400;59401; 59402;59403; 59404;59405; 59406;59407; 59408;59409; 59410;59411; 59412;59413; 59414;59415; 59416;59417; 59418;59419; 59420;59421; 59422;59423; 59424;59425; 59426;59427; 59428;59429; 59430
---------------------	----	---------	----------------------------------	-------	---	-------	--------	----------	------	----	--	---

VIDDTN LNR	9	1058.536	B2GQG8	krt18		2	0.012506	94.302	1.34E+08	1688	186	56578;56579; 56580;56581; 56582;56583; 56584;56585; 56586;56587; 56588 56589;56590; 56591;56592; 56593;56594; 56595	59431
VIDGLS VGPDA TR	13	1298.683	F6P6F2;A5WW J4;Q7ZVP3;Q5 NJK2;A5WWJ5 ;Q5N JL4;X1W H98	matn1		2	0.001562	77.744	51950000	1689	138	56596;56597; 56598;56599; 56600;56601; 56602;56603; 56604;56605; 56606;56607; 56608;56609; 56610	59432;59433; 59434;59435; 59436;59437; 59438;59439
VIFEGGI DPVLR	12	1313.734	Q90WB4;Q90X S6;F1Q944;A0 A0R4ILU8;Q6 NUY7;F1R9R1; A0A0R4IA15;Q 7SZR3;Q90WB 2;Q90WB3	mpx		2	0.000215	90.629	74091000	1690	31	56611;56612; 56613;56614; 56615;56616; 56617;56618; 56619;56620; 56621;56622; 56623;56624; 56625;56626; 56627;56628; 56629;56630; 56631;56632	59440;59441; 59442;59443; 59444;59445; 59446;59447; 59448;59449; 59450;59451; 59452;59453; 59454;59455; 59456;59457; 59458;59459; 59460;59461; 59462;59463
VIFYED R	7	940.4654	F1Q6V5;A7E2 M9;Q504G5;Q5 02C3;B0S6M3; A7E2M6;A7E2 K8;Q6IQ14;B0S 6N4;Q5XTP3;Q 5XTP2;Q5XTN 6;Q0D276;A4F VH2	zgc:1734 52;zgc:17 3645;cry gm2d1;cr ygm2d14 ;crygm2d 6;crygm2 b;crygm2 c;crygm1 ;zgc:1538 46	2	3.17E-06	159.19	3.2E+09	1691	144	1823	59464;59465; 59466;59467; 59468;59469; 59470;59471; 59472;59473; 59474;59475; 59476;59477; 59478;59479; 59480;59481; 59482;59483; 59484;59485; 59486;59487; 59488;59489; 59490;59491; 59492;59493; 59494;59495; 59496;59497; 59498;59499; 59500;59501; 59502;59503; 59504;59505; 59506;59507; 59508;59509;	

VIFYEE R	7	954.4811	Q6DGX6;Q1518 7;A8KBB6	crygm2d 8;crygm2 d1;crygm 2f	2	0.012694	137.44	6.71E+09	1692	398	1824	59510;59511; 59512;59513; 59514;59515; 59516;59517; 59518;59519; 59520;59521; 59522;59523; 59524;59525; 59526;59527; 59528;59529; 59530;59531; 59532;59533; 59534;59535; 59536;59537; 59538;59539; 59540;59541; 59542;59543; 59544;59545; 59546;59547; 59548;59549; 59550 59551;59552; 59553;59554; 59555;59556; 59557;59558; 59559;59560; 59561;59562; 59563;59564; 59565;59566; 59567;59568; 59569;59570; 59571;59572; 59573;59574; 59575;59576; 59577;59578; 59579;59580; 59581;59582; 59583;59584; 59585;59586; 59587;59588; 59589;59590; 59591;59592; 59593;59594; 59595;59596; 59597;59598; 59599;59600; 59601;59602; 59603;59604; 59605;59606; 59607;59608; 59609;59610; 59611;59612; 59613;59614;
-------------	---	----------	--------------------------	---------------------------------------	---	----------	--------	----------	------	-----	------	---

VIGFHY LGPNA GEVTQ GFGAA MK	23	2363.173	Q7T2C8;A8WG N7;Q802F7	txnrd1		3	9.38E-05	25.257	5832600	1693	164	59615;59616; 59617;59618; 59619;59620; 59621;59622; 59623;59624; 59625;59626; 59627;59628; 59629;59630; 59631;59632; 59633;59634; 59635;59636; 59637;59638; 59639;59640; 59641;59642; 59643;59644; 59645;59646; 59647;59648; 59649;59650; 59651;59652; 59653;59654; 59655;59656; 59657;59658; 59659;59660; 59661;59662; 59663;59664; 59665;59666; 59667;59668; 59669;59670; 59671 56727;56728	59672
VIISAPS ADAPM FVMGV NHEK	21	2212.102	A0A0R4IG11;E 9QIH5;E9QGA 9	gapdh	Glyceraldehyde-3- phosphate dehydrogenase	2;3	2.43E-24	119.27	3.46E+08	1694	54	56729;56730; 56731;56732; 56733;56734; 56735;56736; 56737;56738; 56739;56740; 56741;56742; 56743;56744; 56745;56746; 56747;56748; 56749;56750; 56751;56752; 56753;56754; 56755;56756; 56757;56758; 56759;56760; 56761;56762; 56763;56764	59673;59674; 59675;59676; 59677;59678; 59679;59680; 59681;59682; 59683;59684; 59685;59686; 59687;59688; 59689;59690; 59691;59692; 59693;59694; 59695;59696; 59697;59698

VILANL EAMAM NK	13	1416.747	A2BHD8;F1QU U0;A0A0R4IQ N2;A3KNW3	hexb	Beta- hexosaminidase	2	5.86E-05	110.14	22890000	1695	115	56765;56766; 56767	59699;59700; 59701;59702; 59703
VIMITG DNK	9	989.5216	Q642Z0;Q5U3 A4;A0JMP4;Q7 ZW18;B2GRT2 ;A9C3Q5;A9C3 Q4;A2BIP1;F1 Q4P9;Q6ZM60; A0A0R4IQS8;F 1Q7N8	atp2a1;at p2a1;atp 2a2a;atp2 a3;atp2a2 b;si:dkey- 28b4.8	Calcium- transporting ATPase	2	1.86E-06	130.27	2.69E+08	1696	386	56768;56769; 56770;56771; 56772;56773; 56774;56775; 56776;56777; 56778;56779; 56780;56781; 56782;56783; 56784	59704;59705; 59706;59707; 59708;59709; 59710;59711; 59712;59713
VINDNF VIVEGL MSTVH AITATQ K	24	2599.368	A0A0R4IGI1;E 9QIH5;E9QGA 9	gapdh	Glyceraldehyde-3- phosphate dehydrogenase	3	0.000372	34.155	5993800	1697	54	56785;56786; 56787	59714
VINPAE DDLSSQ AIDK	16	1713.842	F1Q6A4;F1R0Q 2	comtd1		2	1.03E-22	138.42	2.31E+08	1698	290	56788;56789; 56790;56791; 56792;56793; 56794;56795; 56796;56797; 56798;56799; 56800;56801	59715;59716; 59717
VINSFL EFR	9	1123.603	Q7ZVV2;Q6NY R6;F1QZ04;A0 A0R4IW78;E7E XK9	acy1;CU 896698.1	Aminoacylase-1	2	0.018949	91.318	7909900	1699	97	56802;56803; 56804;56805	59718
VIPELN GK	8	868.5018	A0A0R4IGI1;E 9QIH5;F1R3D3	gapdh;ga pdhs	Glyceraldehyde-3- phosphate dehydrogenase	2	0.001336	134.44	3.94E+09	1700	54	56806;56807; 56808;56809; 56810;56811; 56812;56813; 56814;56815; 56816;56817; 56818;56819; 56820;56821; 56822;56823; 56824;56825; 56826;56827; 56828;56829; 56830;56831; 56832;56833; 56834;56835; 56836;56837; 56838;56839; 56840;56841	59719;59720; 59721;59722; 59723;59724; 59725;59726; 59727;59728; 59729;59730; 59731;59732; 59733;59734; 59735;59736; 59737;59738; 59739;59740; 59741;59742; 59743;59744; 59745;59746; 59747;59748; 59749;59750; 59751;59752; 59753;59754; 59755;59756; 59757;59758; 59759;59760; 59761;59762; 59763;59764; 59765;59766; 59767;59768;

VIVASF DGR	9	962.5185	B5DDZ4	acta1		2	0.014392	93.429	77170000	1701	203	56842;56843; 56844;56845; 56846;56847; 56848;56849 59783;59784; 59785;59786; 59787;59788; 59789;59790; 59791;59792; 59793;59794; 59795;59796; 59797	59769;59770; 59771;59772; 59773;59774; 59775;59776; 59777;59778; 59779;59780; 59781 59782	
VIVFPE LSTNT WVK	14	1631.892	F1R6R2	si:ch211- 270n8.1	2		0.001923	75.294	37639000	1702	331	1837	59783;59784; 59785;59786; 59787;59788; 59789;59790; 59791;59792; 59793;59794; 59795;59796; 59797	
VIVLNT NLYYD QNK VLDELT LAR	14	1695.883	F8W4E2	smpdl3b		2	0.013404	72.006	12945000	1703	354	56876;56877; 56878;56879; 56880;56881	59798;59799	
	9	1028.587	CON_P02533; CON_P19012; CON_A2A4G 1;CON_Q0469 5;CON_P1900 1;CON_P0877 9	2	1.2E-55	202.17	3.28E+09	1704	225;218; 232	1839	56882;5688 3;56884;56 885;56886; 56887;5688 8;56889;56 890;56891; 56892;5689 3;56894;56 895;56896; 56897;5689 8;56899;56 900;56901; 56902;5690 3;56904;56 905;56906; 56907;5690 8;56909;56 910;56911; 56912;5691 3;56914;56 915;56916; 56917;5691 8;56919;56 920;56921; 56922;5692 3;56924;56 925;56926; 56927;5692 8;56929;56 930;56931; 56932;5693			

											3;56934;56 935;56936; 56937;5693 8;56939;56 940;56941; 56942;5694 3;56944;56 945;56946; 56947;5694 8;56949;56 950		
VLDELT LTK	9	1030.591	CON_P13645		2	1.38E-06	143.01	1.84E+09	1705	227	1840	59881;59882; 59883;59884; 59885;59886; 59887;59888; 59889;59890; 59891;59892; 59893;59894; 59895;59896; 59897;59898; 59899;59900; 59901;59902; 59903;59904; 59905;59906; 59907;59908; 59909;59910; 59911;59912; 59913;59914; 59915;59916; 59917;59918; 59919;59920; 59921;59922; 59923;59924; 59925;59926; 59927;59928; 59929;59930; 59931;59932 59933	
VLDELT MTR	9	1076.554	E7FCX7;Q6P0E 4;Q9PWD8;Q1 LXJ7;A0A0R4I V49;A0A0R4II 96;A0A0R4IXF 3;E9QDY3;Q1L XJ8;A1L222;Q5 68U3;Q1RM74; F1Q7G3;A0A0 N4SUF2;I3ITC 7;Q1LXJ1;Q9P UB6;Q6DHB6	cyt11;cyt1 ;cki;krt92 ;krt17	2	6.87E-05	121.05	27513000	1706	61	1841		
VLDPEG TGSIK	11	1114.587	E9QJI5;O93409	mylpfa	2	8.01E-05	123.86	5.24E+09	1707	287		56995;56996; 56997;56998; 56999;57000; 57001;57002;	59934;59935; 59936;59937; 59938;59939; 59940;59941;



VLEDKE	14	1625.826	E9QB46	selenbp1	3	0.009243	52.891	28071000	1708	278	57003;57004; 57005;57006; 57007;57008; 57009;57010; 57011;57012; 57013;57014; 57015;57016; 57017;57018; 57019;57020; 57021;57022; 57023	59942;59943; 59944;59945; 59946;59947; 59948;59949; 59950;59951; 59952;59953; 59954;59955; 59956;59957; 59958;59959; 59960;59961; 59962;59963; 59964;59965; 59966;59967; 59968;59969; 59970;59971; 59972;59973; 59974;59975; 59976;59977; 59978;59979; 59980;59981 59982;59983
LDSQPT PR VLENN VLEHK	11	1280.673	B5DDZ4	acta1	2;3	0.000345	87.001	43343000	1709	203	57024;57025; 57026;57027; 57028 57029;57030; 57031;57032; 57033;57034; 57035;57036; 57037;57038; 57039	59984;59985; 59986
VLETQF LPK	9	1073.612	F1RDP7;Q5PR4 0	lxn	2	6.3E-05	121.62	8.79E+08	1710	345	57040;57041; 57042;57043; 57044;57045; 57046;57047; 57048;57049; 57050;57051; 57052;57053; 57054;57055; 57056;57057; 57058;57059; 57060;57061; 57062;57063; 57064;57065; 57066;57067; 57068;57069; 57070;57071; 57072;57073; 57074;57075; 57076;57077; 57078;57079; 57080;57081; 57082;57083; 57084;57085; 57086;57087;	59987;59988; 59989;59990; 59991;59992; 59993;59994; 59995;59996; 59997;59998; 59999;60000; 60001;60002; 60003;60004; 60005;60006; 60007;60008; 60009;60010; 60011;60012; 60013;60014; 60015;60016; 60017;60018; 60019;60020; 60021



VLGFN NLPK	9	1000.571	F8W412;E7EX C4	serpinb1 4	2	1.91E-06	128.48	1.79E+09	1712	238	8;57179;57 180;57181; 57182;5718 3;57184 1847	60135;60136; 60137;60138; 60139;60140; 60141;60142; 60143;60144; 60145;60146; 60147;60148; 60149;60150; 60151;60152; 60153;60154; 60155;60156; 60157;60158; 60159;60160; 60161;60162; 60163;60164; 60165;60166; 60167;60168; 60169;60170; 60171;60172; 60173;60174	
VLHQA VMSVD EK	12	1354.692	Q5SPJ1;Q24JW 6	serpina11		2,3	7.82E-56	223.96	1.58E+09	1713	367	57256;57257; 57258;57259; 57260;57261; 57262;57263; 57264;57265; 57266;57267; 57268;57269; 57270;57271; 57272;57273; 57274;57275; 57276;57277; 57278;57279; 57280;57281; 57282;57283; 57284;57285; 57286;57287; 57288;57289; 57290;57291; 57292;57293; 57294;57295; 57296;57297; 57298;57299; 57300;57301; 57302;57303; 57304;57305; 57306;57307; 57308;57309; 57310;57311; 57312;57313;	60175;60176; 60177;60178; 60179;60180; 60181;60182; 60183;60184; 60185;60186; 60187;60188; 60189;60190; 60191;60192; 60193;60194; 60195;60196; 60197;60198; 60199;60200; 60201;60202; 60203;60204; 60205;60206; 60207;60208; 60209;60210; 60211;60212; 60213;60214; 60215;60216; 60217;60218; 60219;60220; 60221;60222; 60223;60224; 60225;60226; 60227;60228; 60229;60230; 60231;60232;

VLLPEY GGTK	10	1075.591	F1QDM6;Q9D GM3;Q6IQI7	hspel	2	0.000484	108.98	3.04E+08	1714	300	57314;57315; 57316;57317; 57318;57319; 57320;57321; 57322;57323; 57324;57325; 57326;57327 57328;57329; 57330;57331; 57332;57333; 57334;57335; 57336;57337; 57338;57339; 57340;57341; 57342;57343; 57344;57345; 57346;57347; 57348;57349; 57350 57351;57352; 57353;57354	60233;60234; 60235;60236; 60237;60238; 60239;60240; 60241 60242;60243; 60244;60245; 60246;60247; 60248;60249; 60250;60251; 60252;60253; 60254;60255; 60256;60257 60258;60259; 60260	
VLMQQ DDGLV SGFGR	15	1620.793	F1QL87;Q8JHC 8;Q6PGW7;Q4 V971;F1QLC3	fl10	2	0.004087	59.198	10970000	1715	312	57355;57356; 57357;57358; 57359;57360; 57361;57362; 57363 57364	60261;60262; 60263 60264	
VLPLFW NGQPFE VDVPG TK	19	2142.115	Q568H0;B8JM1 1	epcam	2,3	6.06E-10	94.122	15232000	1716	213	57365;57366; 57367;57368; 57369;57370; 57371;57372; 57373;57374; 57375;57376; 57377;57378; 57379;57380; 57381;57382; 57383;57384; 57385;57386; 57387;57388; 57389;57390 57391	60265;60266; 60267;60268; 60269;60270; 60271;60272; 60273;60274; 60275;60276 60277	
VLQAT VVAVG PGSTNK	16	1539.862	F1QDM6;Q9D GM3;Q6IQI7	hspel	2	0.014647	53.252	6140100	1717	300	57392;57393	60278;60279	
VLVNT DLVNPR	11	1238.698	F1R998;F1RAG 3	nid1a	2	3.07E-11	138.98	3.6E+08	1718	334			
VLVSLL TAGR	10	1027.639	Q804G7	anxa4	Annexin	2	0.045887	55.549	1902800	1719	451		
VLYPN DNFFEG K	12	1441.688	Q503C7;Q7SX V3;E7EXT3;Q6 PUS4;F1R5X0; A4IG19;F8W5B 8;E7F2Z5;Q5R KM9	pygma;py gb;pygm b;pygl	Alpha-1,4 glucan phosphorylase	2	0.002882	74.841	21394000	1720	373		

VMLGE TDPFAS K	12	1293.628	A0A0R4IQ82;Q 9PTF4;Q7SXL4	nme2b.2	Nucleoside diphosphate kinase	2	6.53E-05	119.22	2.61E+08	1721	80	57394;57395; 57396;57397; 57398;57399; 57400;57401; 57402;57403; 57404;57405; 57406;57407; 57408;57409; 57410;57411; 57412;57413; 57414;57415; 57416;57417; 57418	60280;60281; 60282;60283; 60284;60285; 60286;60287; 60288;60289; 60290;60291; 60292;60293; 60294;60295; 60296;60297; 60298;60299; 60300;60301; 60302;60303; 60304;60305; 60306;60307
VMLGE TDPFAS KPGTIR	17	1817.935	A0A0R4IQ82;Q 9PTF4;Q7SXL4	nme2b.2	Nucleoside diphosphate kinase	2;3	1.08E-27	94.882	1.04E+08	1722	80	57419;57420; 57421;57422; 57423;57424; 57425;57426; 57427;57428; 57429;57430; 57431;57432; 57433;57434; 57435	60308;60309; 60310;60311; 60312;60313; 60314;60315; 60316;60317; 60318;60319; 60320;60321
VMLGE TNPADS K	12	1260.602	Q9PTF5;Q9IAD 3;Q7SXG5;F1R BS6;A0A0N4S TV7;A0A0N4S TW1	nme2b.1; nme2b.2	Nucleoside diphosphate kinase	2	0.004767	79.986	1.68E+08	1723	339	57436;57437; 57438;57439; 57440;57441; 57442;57443; 57444;57445; 57446;57447; 57448	60322;60323; 60324
VMLGE TNPADS KPGTIR	17	1784.909	Q9PTF5;Q9IAD 3;Q7SXG5;F1R BS6;A0A0N4S TV7;A0A0N4S TW1	nme2b.1; nme2b.2	Nucleoside diphosphate kinase	2;3	9.5E-166	217.88	6.15E+08	1724	339	57449;57450; 57451;57452; 57453;57454; 57455;57456; 57457;57458; 57459;57460; 57461;57462; 57463;57464; 57465;57466; 57467;57468; 57469;57470; 57471;57472; 57473;57474; 57475;57476; 57477;57478; 57479;57480; 57481;57482; 57483;57484; 57485;57486; 57487;57488; 57489;57490; 57491;57492; 57493	60325;60326; 60327;60328; 60329;60330; 60331;60332; 60333;60334; 60335;60336; 60337;60338; 60339;60340; 60341;60342; 60343;60344; 60345;60346; 60347;60348; 60349;60350; 60351;60352; 60353;60354; 60355;60356

VMLGE TNPIDS K	12	1302.649	Q6PC37	nme2a	Nucleoside diphosphate kinase	2	0.001614	87.298	70590000	1725	424	57494;57495; 57496;57497	60357;60358; 60359
VMLGE TNPIDS KPGTIR	17	1826.956	Q6PC37	nme2a	Nucleoside diphosphate kinase	2;3	3.58E-18	95.767	5.43E+08	1726	424	57498;57499; 57500;57501; 57502;57503; 57504;57505; 57506;57507; 57508;57509; 57510;57511; 57512;57513; 57514;57515; 57516;57517; 57518;57519; 57520;57521; 57522;57523; 57524;57525; 57526;57527; 57528;57529; 57530;57531; 57532;57533; 57534;57535	60360;60361; 60362;60363; 60364;60365; 60366;60367; 60368;60369; 60370;60371; 60372;60373; 60374;60375; 60376;60377; 60378;60379; 60380;60381; 60382;60383; 60384
VMNQV LDISK	10	1145.611	F1QFU9;Q08B Q0	dpep1	Dipeptidase	2	8.27E-05	118.18	1.8E+08	1727	302	57536;57537; 57538;57539; 57540;57541; 57542;57543; 57544;57545; 57546;57547; 57548;57549; 57550;57551; 57552;57553; 57554	60385;60386; 60387;60388; 60389;60390; 60391;60392; 60393;60394; 60395;60396; 60397;60398; 60399;60400; 60401;60402; 60403;60404; 60405;60406; 60407
VMSGL QDQEY TVTIDV VEGK	19	2096.994	A5X6X5;F1R7 N8;F1QZQ0	ttna		2	2.32E-22	123.02	2.08E+08	1728	332;139	57555;57556; 57557;57558; 57559;57560; 57561;57562; 57563;57564; 57565;57566; 57567;57568; 57569;57570; 57571;57572; 57573;57574; 57575;57576; 57577;57578; 57579;57580; 57581;57582; 57583;57584; 57585;57586; 57587;57588; 57589;57590; 57591;57592;	60408;60409; 60410;60411; 60412;60413; 60414;60415; 60416;60417; 60418;60419; 60420;60421; 60422;60423; 60424;60425; 60426;60427; 60428;60429; 60430

VMVDA NESTIQ K	12	1333.655	A0A0H2UKQ1; FIQX52	gatm	2	6.12E-26	156.83	1.24E+09	1729	22	57593;57594; 57595;57596; 57597;57598; 57599;57600; 57601;57602; 57603;57604 57605;57606; 57607;57608; 57609;57610; 57611;57612; 57613;57614; 57615;57616; 57617;57618; 57619;57620; 57621;57622; 57623;57624; 57625;57626; 57627;57628; 57629;57630; 57631;57632; 57633;57634; 57635;57636; 57637;57638; 57639;57640; 57641;57642; 57643;57644 57645;57646; 57647;57648; 57649;57650; 57651;57652; 57653;57654; 57655;57656; 57657;57658; 57659;57660; 57661;57662; 57663;57664; 57665;57666; 57667;57668; 57669;57670; 57671;57672; 57673;57674; 57675;57676; 57677;57678; 57679;57680; 57681;57682; 57683;57684; 57685;57686; 57687;57688; 57689;57690; 57691;57692; 57693;57694; 57695;57696; 57697;57698;	60431;60432; 60433;60434; 60435;60436; 60437;60438; 60439;60440; 60441;60442; 60443;60444; 60445;60446; 60447;60448; 60449;60450; 60451;60452; 60453;60454; 60455;60456; 60457;60458; 60459;60460; 60461;60462; 60463;60464; 60465;60466; 60467;60468; 60469;60470 60471;60472; 60473;60474; 60475;60476; 60477;60478; 60479;60480; 60481;60482; 60483;60484; 60485;60486; 60487;60488; 60489;60490; 60491;60492; 60493;60494; 60495;60496; 60497;60498; 60499;60500; 60501;60502; 60503;60504; 60505;60506; 60507;60508; 60509;60510; 60511;60512; 60513;60514; 60515;60516; 60517;60518; 60519;60520; 60521;60522; 60523;60524;
VNGLEE EVNYL K	12	1405.709	F1QSR3;O5758 7;B0S6K5;A0A 0B5JFC8;FIQU N5;Q503B9;Q6I QW7;A0A0R4I TL5;B0S6K6	tnw	2;3	4.5E-237	259.34	6.95E+09	1730	90;2;179		

57699;57700; 60525;60526;  
57701;57702; 60527;60528;  
57703;57704; 60529;60530;  
57705;57706; 60531;60532;  
57707;57708; 60533;60534;  
57709;57710; 60535;60536;  
57711;57712; 60537;60538;  
57713;57714; 60539;60540;  
57715;57716; 60541;60542;  
57717;57718; 60543;60544;  
57719;57720; 60545;60546;  
57721;57722; 60547;60548;  
57723;57724; 60549;60550;  
57725;57726; 60551;60552;  
57727;57728; 60553;60554;  
57729;57730; 60555;60556;  
57731;57732; 60557;60558;  
57733;57734; 60559;60560;  
57735;57736; 60561;60562;  
57737;57738; 60563;60564;  
57739;57740; 60565;60566;  
57741;57742; 60567;60568;  
57743;57744; 60569;60570;  
57745;57746; 60571;60572;  
57747;57748; 60573;60574;  
57749;57750; 60575;60576;  
57751;57752; 60577;60578;  
57753;57754; 60579;60580;  
57755;57756; 60581;60582;  
57757;57758; 60583;60584;  
57759;57760; 60585;60586;  
57761;57762; 60587;60588;  
57763;57764; 60589;60590;  
57765;57766; 60591;60592;  
57767;57768; 60593;60594;  
57769;57770; 60595;60596;  
57771;57772; 60597;60598;  
57773;57774; 60599;60600;  
57775;57776; 60601;60602;  
57777;57778; 60603;60604;  
57779;57780; 60605;60606;  
57781;57782; 60607;60608;  
57783;57784; 60609;60610;  
57785;57786; 60611;60612;  
57787;57788; 60613;60614;  
57789;57790; 60615;60616;  
57791;57792; 60617;60618;  
57793;57794; 60619;60620;  
57795;57796; 60621;60622;  
57797;57798; 60623;60624;  
57799;57800; 60625;60626;  
57801;57802; 60627;60628;  
60629;60630;



VNINT VVEK	9	1101.582	F8W412;E7EX C4;Q6TGU1;F1 R9A9	serpinb11 4;serpinb 111	2	6.13E-17	169.09	6.99E+08	1731	238	1871	57803;57804; 57805;57806	60631;60632; 60633;60634; 60635;60636; 60637;60638; 60639;60640; 60641;60642; 60643;60644; 60645;60646; 60647;60648; 60649;60650; 60651;60652; 60653;60654; 60655;60656; 60657;60658; 60659;60660; 60661;60662; 60663;60664; 60665;60666; 60667;60668; 60669;60670; 60671;60672; 60673;60674; 60675;60676; 60677;60678; 60679;60680; 60681;60682; 60683;60684; 60685
VNLNT GQSPGV K	12	1212.646	B8JKW4;Q7SX K0	c3a.1	2	3.65E-67	190.96	1.41E+09	1732	210	60686;60687; 60688;60689; 60690;60691; 60692;60693; 60694;60695; 60696;60697; 60698;60699; 60700;60701; 60702;60703; 60704;60705; 60706;60707; 60708;60709; 60710;60711; 60712;60713; 60714;60715; 60716;60717 57849;57850; 57851;57852; 57853;57854; 57855;57856; 57857;57858; 57859;57860; 57861;57862; 57863;57864; 57865;57866;	60718;60719; 60720;60721; 60722;60723; 60724;60725; 60726;60727; 60728;60729; 60730;60731; 60732;60733; 60734;60735;	



VNNSTI LGASG DYADY QYLK	20	2191.043	Q568F3;A8E7N 8	psmb4	Proteasome subunit beta type	2	1.01E-18	110.98	1.23E+08	1734	159	60842;60843; 60844;60845; 60846;60847; 60848;60849; 60850;60851; 60852;60853; 60854;60855; 60856;60857; 60858;60859; 60860;60861; 60862;60863; 60864;60865; 60866 57973;57974; 57975;57976; 57977;57978; 57979;57980; 57981;57982; 57983;57984; 57985;57986; 57987;57988; 57989;57990; 57991;57992; 57993;57994; 57995;57996; 57997;57998; 57999;58000; 58001;58002; 58003;58004; 58005;58006 60867;60868; 60869;60870; 60871;60872; 60873;60874; 60875;60876; 60877;60878; 60879;60880; 60881;60882; 60883;60884; 60885;60886; 60887;60888; 60889;60890; 60891;60892; 60893
VNQIGS VTESLQ ACK	15	1619.819	Q6PC12;Q6IQP 5	eno1a		2	0.001719	76.522	31165000	1735	405	58007;58008; 58009;58010; 58011;58012; 58013;58014; 58015;58016 60894;60895; 60896;60897
VNVGG DQFIHL R	12	1353.715	F1RBG8;Q08B N2	est14b.1		2;3	8.71E-05	107.06	96815000	1736	337	58017;58018; 58019;58020; 58021;58022; 58023 60898;60899; 60900;60901; 60902;60903; 60904
VPADC VLGEV GGGFK	15	1490.744	Q7T2C2;F1Q8J 4;A9JT52	acadvl		2	0.001709	76.655	59348000	1737	171	58024;58025; 58026;58027; 58028;58029; 58030;58031; 58032;58033; 58034;58035; 58036;58037; 58038;58039 60905;60906; 60907;60908; 60909;60910; 60911;60912
VPAINV NDSVT K	12	1255.677	Q803T5	ahcy	Adenosylhomocys teinase	2	1.22E-05	125.74	1.77E+08	1738	450	58040;58041; 58042;58043; 58044;58045; 58046;58047; 58048;58049; 58050;58051; 60913;60914; 60915;60916; 60917;60918; 60919;60920; 60921;60922; 60923;60924

VPEAPE QPTVK	11	1193.629	A5X6X6;G1K2 X0;Q7ZZ46	ttnb		2	0.00012	121.93	1.24E+08	1739	140	58052;58053; 58054;58055; 58056 58057;58058; 58059;58060; 58061;58062; 58063;58064; 58065;58066; 58067;58068; 58069;58070; 58071;58072; 58073;58074; 58075	60925
VPGBA WVGYQ YPGYR VPGLPG NR	15	1668.805	Q90WT1;Q6DG Z8;F1QT01	crybb1		2	3.75E-17	168.83	47039000	1740	318	58076;58077; 58078;58079; 58080;58081 60932	60926;60927; 60928;60929; 60930;60931
VPITGY PIPTAK	8	808.4555	Q08CQ0;Q6N WE8;Q32LS3;F 1QPJ6;X1WC2 8	alas2;sb:c b283;LO C100535 398 ttna	2	0.012593	103.28	9.78E+08	1741	359	1882	58094;58095; 58096;58097; 58098;58099; 58100;58101; 58102;58103; 58104;58105; 58106;58107; 58108;58109; 58110;58111; 58112;58113	60933;60934; 60935;60936; 60937;60938
VPMCP GMTR	10	1163.514	Q4TZW7;F1QY N1	col4a6		2	0.012808	63.076	2.37E+08	1743	324	58114;58115; 58116;58117; 58118;58119; 58120;58121; 58122;58123; 58124;58125; 58126;58127; 58128;58129; 58130;58131; 58132;58133; 58134;58135	60939;60940; 60941;60942; 60943;60944; 60945;60946; 60947;60948; 60949;60950
VPTPNV SVVDLT VR	14	1494.841	A0A0R4IGI1		2	1.18E-23	147.71	5.37E+08	1744	54	1885	60951;60952; 60953;60954; 60955;60956; 60957;60958; 60959;60960; 60961;60962; 60963;60964; 60965;60966; 60967;60968; 60969;60970; 60971;60972; 60973;60974;	

VPYTEL GGK	9	962.5073	Q5TZ27;Q6DGI 9	syt1a	2	0.013177	93.992	5.64E+08	1745	384	60975;60976; 60977;60978; 60979;60980; 60981;60982; 60983;60984; 60985;60986; 60987;60988; 60989 58195;58196; 58197;58198; 58199;58200; 58201;58202; 58203;58204; 58205;58206; 58207;58208; 58209;58210; 58211;58212 60990;60991; 60992;60993; 60994;60995; 60996;60997; 60998;60999; 61000;61001; 61002;61003; 61004	
VQADID GYMLK	11	1251.617	F1QSR3;O5758 7;B0S6K5;A0A 0B5JFC8;A0A0 R4ITL5	tnw	2	1.18E-16	143.03	7.23E+08	1746	90;2	58213;58214; 58215;58216; 58217;58218; 58219;58220; 58221;58222; 58223;58224; 58225;58226; 58227;58228; 58229;58230; 58231;58232; 58233;58234; 58235;58236; 58237;58238; 58239;58240; 58241;58242; 58243;58244; 58245;58246; 58247;58248; 58249;58250; 58251;58252; 58253;58254; 58255;58256; 58257;58258; 58259;58260; 58261;58262; 58263;58264; 58265;58266; 58267;58268; 58269;58270; 58271;58272; 58273;58274; 58275;58276 61005;61006; 61007;61008; 61009;61010; 61011;61012; 61013;61014; 61015;61016; 61017;61018; 61019;61020; 61021;61022; 61023;61024; 61025;61026; 61027;61028; 61029;61030; 61031;61032; 61033;61034; 61035;61036; 61037;61038; 61039;61040; 61041;61042; 61043;61044; 61045;61046; 61047;61048; 61049;61050; 61051;61052; 61053;61054; 61055;61056; 61057;61058; 61059;61060	
VQALEE ANN DL ENK	14	1585.758	CON__P35527		2;3	9.5E-171	231.05	7.86E+09	1747	230	1888	61061;61062; 61063;61064; 61065;61066; 61067;61068;

61069;61070;  
61071;61072;  
61073;61074;  
61075;61076;  
61077;61078;  
61079;61080;  
61081;61082;  
61083;61084;  
61085;61086;  
61087;61088;  
61089;61090;  
61091;61092;  
61093;61094;  
61095;61096;  
61097;61098;  
61099;61100;  
61101;61102;  
61103;61104;  
61105;61106;  
61107;61108;  
61109;61110;  
61111;61112;  
61113;61114;  
61115;61116;  
61117;61118;  
61119;61120;  
61121;61122;  
61123;61124;  
61125;61126;  
61127;61128;  
61129;61130;  
61131;61132;  
61133;61134;  
61135;61136;  
61137;61138;  
61139;61140;  
61141;61142;  
61143;61144;  
61145;61146;  
61147;61148;  
61149;61150;  
61151;61152;  
61153;61154;  
61155;61156;  
61157;61158;  
61159;61160;  
61161;61162;  
61163;61164;  
61165;61166;  
61167;61168;  
61169;61170;  
61171;61172;  
61173;61174;

VQFPEQ EK	8	1003.498	Q7ZTV9;E7F9 U9;K4KG66;F1 Q5B5;Q8AXY4 ;E9QCQ8;E9Q HW5	alpl	Alkaline phosphatase	2	0.038182	92.491	1.05E+08	1748	262	61175;61176; 61177;61178; 61179;61180; 61181;61182; 61183;61184; 61185;61186; 61187;61188; 61189;61190; 61191;61192; 61193;61194; 61195;61196; 61197;61198; 61199;61200; 61201;61202; 61203;61204	58353;58354; 58355;58356; 58357;58358; 58359;58360; 58361	61205;61206; 61207
VQGAA VQAFR	10	1045.567	Q9DFT9;F1QQ Q3;F1QPC0	vtg3		2	0.044819	55.872	19517000	1749	313	58362	61208	
VQLQGI QVSK	10	1098.64	F1RBG8	cst14b.1		2	6.65E-63	203.29	6.57E+08	1750	337	58363;58364; 58365;58366; 58367;58368; 58369;58370; 58371;58372; 58373;58374; 58375;58376; 58377;58378; 58379;58380; 58381;58382; 58383;58384; 58385;58386; 58387;58388; 58389;58390; 58391;58392; 58393;58394; 58395;58396; 58397	61209;61210; 61211;61212; 61213;61214; 61215;61216; 61217;61218; 61219;61220; 61221;61222; 61223;61224; 61225;61226; 61227;61228; 61229;61230; 61231;61232; 61233;61234; 61235;61236; 61237;61238; 61239;61240; 61241;61242; 61243;61244; 61245;61246; 61247;61248; 61249;61250; 61251;61252; 61253	
VQPIPP R	7	805.481	Q6P2V1;A0A0 R4IK18;A0A0R 4IBK4	ctsc		2	0.053928	77.944	1.36E+08	1751	40	58398;58399; 58400;58401; 58402;58403; 58404;58405; 58406;58407; 58408	61254;61255	

VQPIYG GTNEIM K	13	1448.733	Q7ZYX3;Q6IQ N8;A3KQR0	acadl	2	0.002993	70.942	70173000	1752	128	58409;58410; 58411;58412; 58413;58414; 58415;58416; 58417;58418; 58419;58420; 58421	61256;61257
VQTVL GQIEPD QLGR	15	1651.889	FIRBR6;Z4YJ5 8	pter	2	0	297.32	1.55E+09	1753	338	58422;58423; 58424;58425; 58426;58427; 58428;58429; 58430;58431; 58432;58433; 58434;58435; 58436;58437; 58438;58439; 58440;58441; 58442;58443; 58444;58445; 58446;58447; 58448;58449; 58450;58451; 58452;58453; 58454;58455; 58456;58457; 58458;58459; 58460;58461; 58462;58463; 58464;58465; 58466;58467; 58468;58469; 58470;58471; 58472;58473; 58474;58475; 58476;58477; 58478;58479; 58480;58481; 58482;58483; 58484;58485; 58486;58487; 58488;58489; 58490;58491; 58492;58493; 58494;58495; 58496;58497; 58498;58499; 58500;58501; 58502;58503; 58504;58505; 58506;58507; 58508	61258;61259; 61260;61261; 61262;61263; 61264;61265; 61266;61267; 61268;61269; 61270;61271; 61272;61273; 61274;61275; 61276;61277; 61278;61279; 61280;61281; 61282;61283; 61284;61285; 61286;61287; 61288;61289; 61290;61291; 61292;61293; 61294;61295; 61296;61297; 61298;61299; 61300;61301; 61302;61303; 61304;61305; 61306;61307; 61308;61309; 61310;61311; 61312;61313; 61314;61315; 61316;61317; 61318;61319; 61320;61321; 61322;61323; 61324;61325; 61326;61327; 61328;61329; 61330;61331; 61332;61333; 61334;61335; 61336;61337; 61338;61339; 61340;61341; 61342;61343; 61344;61345; 61346;61347; 61348;61349;



VQVDP ALDTSG IK	13	1341.714	F1QL44;F1QP6 8	flnch	2	1.15E-05	116.77	7.52E+08	1754	311	58509;58510; 58511;58512; 58513;58514; 58515;58516; 58517;58518; 58519;58520; 58521;58522; 58523;58524; 58525;58526; 58527;58528; 58529;58530; 58531;58532	61350;61351; 61352;61353; 61354;61355; 61356;61357; 61358;61359; 61360;61361; 61362;61363; 61364;61365; 61366;61367; 61368;61369; 61370;61371; 61372;61373 61374;61375; 61376;61377; 61378;61379; 61380;61381; 61382;61383; 61384;61385; 61386;61387; 61388;61389; 61390;61391; 61392;61393; 61394;61395; 61396;61397; 61398;61399; 61400;61401; 61402
VQVLEL PYVK	10	1186.696	Q6DG30	serpinb1	2	1.29E-10	135.83	1.87E+09	1755	394	58533;58534; 58535;58536; 58537;58538; 58539;58540; 58541;58542; 58543;58544; 58545;58546; 58547;58548; 58549;58550; 58551;58552; 58553;58554; 58555;58556; 58557;58558; 58559;58560; 58561;58562; 58563;58564; 58565;58566; 58567;58568; 58569;58570; 58571;58572; 58573;58574; 58575;58576; 58577;58578; 58579;58580; 58581;58582; 58583;58584;	61403;61404; 61405;61406; 61407;61408; 61409;61410; 61411;61412; 61413;61414; 61415;61416; 61417;61418; 61419;61420; 61421;61422; 61423;61424; 61425;61426; 61427;61428; 61429;61430; 61431;61432; 61433;61434; 61435;61436; 61437;61438; 61439;61440; 61441;61442; 61443;61444; 61445;61446; 61447;61448; 61449;61450; 61451;61452; 61453;61454;

VQVNV GLQR	10	1124.667	A5X6X5;F1R7 N8;F1QZQ0	ttna	2	1.6E-22	167.9	4.04E+08	1756	332;139	58585;58586; 58587;58588; 58589;58590; 58591;58592; 58593;58594; 58595;58596; 58597;58598; 58599;58600; 58601;58602; 58603;58604; 58605;58606; 58607;58608; 58609;58610; 58611;58612; 58613;58614; 58615;58616; 58617;58618; 58619;58620; 58621;58622; 58623;58624; 58625;58626; 58627;58628; 58629;58630; 58631;58632; 58633;58634; 58635 58636;58637; 58638;58639; 58640;58641; 58642;58643; 58644;58645; 58646;58647; 58648;58649; 58650;58651; 58652;58653; 58654;58655; 58656;58657; 58658;58659	61455;61456; 61457;61458; 61459;61460; 61461;61462; 61463;61464; 61465;61466; 61467;61468; 61469;61470; 61471;61472; 61473;61474; 61475;61476; 61477;61478; 61479;61480; 61481;61482; 61483;61484; 61485;61486; 61487;61488; 61489;61490; 61491;61492; 61493;61494; 61495;61496; 61497 61498;61499; 61500;61501; 61502;61503; 61504;61505; 61506;61507; 61508;61509; 61510;61511; 61512;61513; 61514;61515; 61516;61517; 61518;61519; 61520;61521; 61522;61523; 61524 61525;61526; 61527;61528; 61529;61530; 61531;61532; 61533;61534
VQWLN SLK	8	986.5549	Q7ZVF1	chia.1	2	0.005418	116.9	1.18E+08	1757	444	58660;58661; 58662;58663; 58664;58665; 58666;58667; 58668;58669; 58670;58671; 58672;58673; 58674;58675; 58676;58677; 58678;58679; 58680 58681;58682; 58683;58684;	61525;61526; 61527;61528; 61529;61530; 61531;61532; 61533;61534
VSAYS WISK	10	1154.561	Q7SZ51;Q561U 9;Q4QRF8;B3D	ela2l	1;2	2.64E-13	152.34	1.25E+09	1758	197	58681;58682; 58683;58684;	61535;61536; 61537;61538;

J33;Q5RIZ2;F1  
Q657;Q804G1

58685;58686; 61539;61540;  
58687;58688; 61541;61542;  
58689;58690; 61543;61544;  
58691;58692; 61545;61546;  
58693;58694; 61547;61548;  
58695;58696; 61549;61550;  
58697;58698; 61551;61552;  
58699;58700; 61553;61554;  
58701;58702; 61555;61556;  
58703;58704; 61557;61558;  
58705;58706; 61559;61560;  
58707;58708; 61561;61562;  
58709;58710; 61563;61564;  
58711;58712; 61565;61566;  
58713;58714; 61567;61568;  
58715;58716; 61569;61570;  
58717;58718; 61571;61572;  
58719;58720; 61573;61574;  
58721;58722; 61575;61576;  
58723;58724; 61577;61578;  
58725;58726; 61579;61580;  
58727;58728; 61581;61582;  
58729 61583;61584;  
61585;61586;  
61587;61588;  
61589;61590;  
61591

VSDWE YTR	8	1054.472	E7FG81;I3IT32; X1WF98;B5DC 62	col12a1b; col12a1a	2	0.019817	96.492	49373000	1759	274; 468	1900	61592	
VSGEDL TITWYC K	13	1557.739	A5X6X5;B0S75 8;F1R7N8	ttna		2	0.023316	54.608	1.65E+08	1760	332;139	58736;58737; 58738;58739; 58740;58741; 58742;58743; 58744;58745	61593;61594
VSGWG NTMSST ADSNK	16	1640.71	E7FBA9;F8W4J 1;Q7SX90;F1R 894;F8W3C3	prss59.2; prss59.1	2;3	0	308.37	4.38E+10	1761	263; 333	1902;1903	61595;61596; 61597;61598; 61599;61600; 61601;61602; 61603;61604; 61605;61606; 61607;61608; 61609;61610; 61611;61612; 61613;61614; 61615;61616; 61617;61618; 61619;61620; 61621;61622; 61623;61624; 61625;61626; 61627;61628; 61629;61630;	

61631;61632;  
61633;61634;  
61635;61636;  
61637;61638;  
61639;61640;  
61641;61642;  
61643;61644;  
61645;61646;  
61647;61648;  
61649;61650;  
61651;61652;  
61653;61654;  
61655;61656;  
61657;61658;  
61659;61660;  
61661;61662;  
61663;61664;  
61665;61666;  
61667;61668;  
61669;61670;  
61671;61672;  
61673;61674;  
61675;61676;  
61677;61678;  
61679;61680;  
61681;61682;  
61683;61684;  
61685;61686;  
61687;61688;  
61689;61690;  
61691;61692;  
61693;61694;  
61695;61696;  
61697;61698;  
61699;61700;  
61701;61702;  
61703;61704;  
61705;61706;  
61707;61708;  
61709;61710;  
61711;61712;  
61713;61714;  
61715;61716;  
61717;61718;  
61719;61720;  
61721;61722;  
61723;61724;  
61725;61726;  
61727;61728;  
61729;61730;  
61731;61732;  
61733;61734;  
61735;61736;

61737;61738;  
61739;61740;  
61741;61742;  
61743;61744;  
61745;61746;  
61747;61748;  
61749;61750;  
61751;61752;  
61753;61754;  
61755;61756;  
61757;61758;  
61759;61760;  
61761;61762;  
61763;61764;  
61765;61766;  
61767;61768;  
61769;61770;  
61771;61772;  
61773;61774;  
61775;61776;  
61777;61778;  
61779;61780;  
61781;61782;  
61783;61784;  
61785;61786;  
61787;61788;  
61789;61790;  
61791;61792;  
61793;61794;  
61795;61796;  
61797;61798;  
61799;61800;  
61801;61802;  
61803;61804;  
61805;61806;  
61807;61808;  
61809;61810;  
61811;61812;  
61813;61814;  
61815;61816;  
61817;61818;  
61819;61820;  
61821;61822;  
61823;61824;  
61825;61826;  
61827;61828;  
61829;61830;  
61831;61832;  
61833;61834;  
61835;61836;  
61837;61838;  
61839;61840;  
61841;61842;

61843;61844;  
61845;61846;  
61847;61848;  
61849;61850;  
61851;61852;  
61853;61854;  
61855;61856;  
61857;61858;  
61859;61860;  
61861;61862;  
61863;61864;  
61865;61866;  
61867;61868;  
61869;61870;  
61871;61872;  
61873;61874;  
61875;61876;  
61877;61878;  
61879;61880;  
61881;61882;  
61883;61884;  
61885;61886;  
61887;61888;  
61889;61890;  
61891;61892;  
61893;61894;  
61895;61896;  
61897;61898;  
61899;61900;  
61901;61902;  
61903;61904;  
61905;61906;  
61907;61908;  
61909;61910;  
61911;61912;  
61913;61914;  
61915;61916;  
61917;61918;  
61919;61920;  
61921;61922;  
61923;61924;  
61925;61926;  
61927;61928;  
61929;61930;  
61931;61932;  
61933;61934;  
61935;61936;  
61937;61938;  
61939;61940;  
61941;61942;  
61943;61944;  
61945;61946;  
61947;61948;

VSGYIP 10 1175.634 F1Q5I4;A0A0R ela2 2 0.019436 77.318 51194000 1762 100  
WINK 4IXD6;Q803Z4

61949;61950;  
61951;61952;  
61953;61954;  
61955;61956;  
61957;61958;  
61959;61960;  
61961;61962;  
61963;61964;  
61965;61966;  
61967;61968;  
61969;61970;  
61971;61972;  
61973;61974;  
61975;61976;  
61977;61978;  
61979;61980;  
61981;61982;  
61983;61984;  
61985;61986;  
61987;61988;  
61989;61990;  
61991;61992;  
61993;61994;  
61995;61996;  
61997;61998;  
61999;62000;  
62001;62002;  
62003;62004;  
62005;62006;  
62007;62008;  
62009;62010;  
62011;62012;  
62013;62014;  
62015;62016;  
62017;62018;  
62019;62020;  
62021;62022;  
62023;62024;  
62025;62026;  
62027;62028;  
62029;62030;  
62031;62032;  
62033;62034;  
62035;62036;  
62037;62038;  
62039;62040;  
62041;62042;  
62043;62044;  
62045;62046  
59152;59153;  
59154;59155;  
59156;59157

62047

VSIYQA MKR	9	1094.591	A0A0R4INC4; A5WV02;E7F8 G7	pleca		2	0.029639	58.981	3.9E+08	1763	72	59158;59159; 59160;59161; 59162;59163; 59164;59165; 59166;59167	62048
VSLQFS PAK	9	975.5389	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9;X1W H59;F1QZN3;X 1WBT0;E7F8T 4;X1WC44	a2ml;si:c h211- 212c13.1 0;si:dkey- 105h12.2; si:ch211- 212c13.8	2	1.69E-06	135.83	6.76E+08	1764	106; 466; 467; 325	1906	62049;62050; 62051;62052; 62053;62054; 62055;62056; 62057;62058; 62059;62060; 62061;62062; 62063;62064; 62065;62066; 62067;62068; 62069;62070; 62071;62072; 62073;62074; 62075;62076; 62077;62078; 62079;62080; 62081;62082	
VSNPDS THIEAK	12	1296.631	A0A0G2KY72		3	0.000373	72.089	99578000	1765	17	1907	62083;62084; 62085;62086; 62087	
VSPAPS SDYTLK	12	1263.635	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9;X1W H59;F1QZN3;X 1WBT0;E7F8T 4;X1WC44	a2ml;si:c h211- 212c13.1 0;si:dkey- 105h12.2; si:ch211- 212c13.8	2	2.4E-25	152.54	1.58E+09	1766	106; 466; 467; 325	1908	62088;62089; 62090;62091; 62092;62093; 62094;62095; 62096;62097; 62098;62099; 62100;62101; 62102;62103; 62104;62105; 62106;62107; 62108;62109; 62110;62111; 62112;62113; 62114;62115; 62116;62117; 62118;62119; 62120;62121; 62122;62123; 62124;62125; 62126;62127; 62128;62129; 62130	
VSQED VLQLH QK	12	1422.747	Q9PUS4;Q6IQ D0;B0R028;A8 E5G8	psmb5 Proteasome subunit beta type	2;3	0.000229	104.42	2.73E+08	1767	155	59240;59241; 59242;59243; 59244;59245; 59246;59247; 59248;59249;	62131;62132; 62133;62134; 62135;62136; 62137	



VSQLEQ VYIR	10	1233.672	Q7ZVB5	snrpd3l	2	0.012421	84.615	53431000	1768	443	59250;59251; 59252;59253 59254;59255; 59256;59257; 59258;59259; 59260;59261; 59262;59263; 59264	62138;62139; 62140;62141; 62142
VSQVL HQAVM SVDEK	15	1668.851	Q6P5I9;Q502P5 ;Q5SPJ4;X1WF 94	serpinal	2;3	0	377.91	1.32E+09	1769	418	59265;59266; 59267;59268; 59269;59270; 59271;59272; 59273;59274; 59275;59276; 59277;59278; 59279;59280; 59281;59282; 59283;59284; 59285;59286; 59287;59288; 59289;59290; 59291;59292; 59293;59294; 59295;59296; 59297;59298; 59299;59300; 59301;59302; 59303;59304; 59305;59306; 59307;59308; 59309;59310; 59311;59312	62143;62144; 62145;62146; 62147;62148; 62149;62150; 62151;62152; 62153;62154; 62155;62156; 62157;62158; 62159;62160; 62161;62162; 62163;62164; 62165;62166; 62167;62168; 62169;62170; 62171;62172; 62173;62174; 62175;62176; 62177;62178; 62179;62180; 62181;62182; 62183;62184; 62185;62186; 62187;62188; 62189;62190; 62191;62192; 62193;62194; 62195;62196; 62197;62198; 62199;62200; 62201;62202; 62203;62204; 62205;62206; 62207;62208
VSSFTD WVDK	10	1182.556	Q504D4;Q53C G5;F1QRL3;A2 BGP5	ela3l	2	3.92E-05	122.28	1.07E+08	1770	375	59313;59314; 59315;59316; 59317;59318; 59319;59320; 59321	62209;62210; 62211;62212; 62213;62214; 62215;62216; 62217;62218; 62219;62220; 62221;62222
VSTFLE DLSHK	11	1274.651	Q6DHR6;E7EZ 90	thop1	2;3	0.002077	71.555	37680000	1771	244	59322;59323; 59324;59325; 59326;59327	62223;62224; 62225

VSVVDP ENQVLF TAR	15	1672.878	A2BGQ8;Q4V8 T7	si:ch211- 214j8.1	2	3.56E-10	119.39	72445000	1772	113	1915	62226;62227; 62228;62229; 62230;62231; 62232;62233; 62234;62235; 62236	
VSVVV VDR	8	871.5127	F1R998;F1RAG 3	nid1a		2	0.033879	93.429	1.86E+08	1773	334	59340;59341; 59342;59343; 59344;59345; 59346;59347; 59348;59349; 59350;59351; 59352;59353	62237
VSWDP AAAR	9	971.4825	X1WF98;B5DC 62	col12a1a		2	0.048304	82.452	28644000	1774	468	59354;59355; 59356;59357	62238
VSWDP APSPVM GYK	14	1532.733	E7FG81;I3IT32	col12a1b		2	4.78E-09	121.36	4.36E+08	1775	274	59358;59359; 59360;59361; 59362;59363; 59364;59365; 59366;59367; 59368;59369; 59370;59371; 59372;59373; 59374;59375; 59376;59377; 59378;59379; 59380;59381; 59382;59383; 59384;59385; 59386;59387; 59388;59389; 59390;59391; 59392;59393; 59394;59395	62239;62240; 62241;62242; 62243;62244; 62245;62246; 62247;62248; 62249;62250; 62251;62252; 62253;62254; 62255;62256; 62257;62258; 62259;62260; 62261;62262; 62263;62264; 62265;62266; 62267;62268; 62269;62270
VSYGPS TDPLIH R	13	1440.736	E7EZJ2	CABZ01 048373.1	2	0.045014	47.302	4105000	1776	245	1919	62271	
VTAQG PGLEPA GNIANK	17	1635.858	F1R9P5;E9Q162	f1na		2,3	4.8E-131	232.83	5.23E+09	1777	335	59397;59398; 59399;59400; 59401;59402; 59403;59404; 59405;59406; 59407;59408; 59409;59410; 59411;59412; 59413;59414; 59415;59416; 59417;59418; 59419;59420; 59421;59422; 59423;59424; 59425;59426; 59427;59428;	62272;62273; 62274;62275; 62276;62277; 62278;62279; 62280;62281; 62282;62283; 62284;62285; 62286;62287; 62288;62289; 62290;62291; 62292;62293; 62294;62295; 62296;62297; 62298;62299; 62300;62301; 62302;62303;

VTASGP	10	985.5193	F1QL44;F1QP6	fincb;finc	2	8.29E-18	164.96	1.72E+09	1778	311;	1921	59429;59430; 62304;62305;
GLER			8;A0A0R4IUS4	a						96		59431;59432; 62306;62307;
			;E7F1L7									59433;59434; 62308;62309;
												59435;59436; 62310;62311;
												59437;59438; 62312;62313;
												59439;59440; 62314;62315;
												59441;59442; 62316;62317;
												59443;59444; 62318;62319;
												59445;59446; 62320;62321;
												59447;59448; 62322;62323;
												59449;59450; 62324;62325;
												59451;59452; 62326;62327;
												59453;59454; 62328;62329;
												59455 62330;62331;
												62332;62333;
												62334;62335;
												62336;62337;
												62338;62339;
												62340;62341;
												62342;62343;
												62344;62345;
												62346;62347;
												62348
												62349;62350;
												62351;62352;
												62353;62354;
												62355;62356;
												62357;62358;
												62359;62360;
												62361;62362;
												62363;62364;
												62365;62366;
												62367;62368;
												62369;62370;
												62371;62372;
												62373;62374;
												62375;62376;
												62377;62378;
												62379;62380;
												62381;62382;
												62383;62384;
												62385;62386;
												62387;62388;
												62389;62390;
												62391;62392;
												62393;62394;
												62395;62396;
												62397;62398;
												62399;62400;
												62401;62402;
												62403;62404;
												62405;62406;
												62407;62408;

VTFDST	23	2524.302	Q58EM3;F1QT T0;A0A0R4IU1 4	man2b1	Alpha- mannosidase	3	0.024067	19.975	3117200	1779	91	62409;62410; 62411;62412; 62413;62414; 62415;62416; 62417;62418; 62419;62420; 62421;62422; 62423;62424; 62425;62426; 62427;62428; 62429;62430; 62431;62432; 62433;62434; 62435;62436; 62437;62438; 62439;62440; 62441 59488	62442	
TGLLSS														
LTNLET														
QQTIR														
VTFEED	7	912.4341	A8WGI8	zgc:1734 52	2	2.11E-33	170.17	1.89E+10	1780	162	1923	62443;62444; 62445;62446; 62447;62448; 62449;62450; 62451;62452; 62453;62454; 62455;62456; 62457;62458; 62459;62460; 62461;62462; 62463;62464; 62465;62466; 62467;62468; 62469;62470; 62471;62472; 62473;62474; 62475;62476; 62477;62478; 62479;62480; 62481;62482; 62483;62484; 62485;62486; 62487;62488; 62489;62490; 62491;62492; 62493;62494; 62495;62496; 62497;62498; 62499;62500; 62501;62502; 62503;62504; 62505;62506;		
R														

62507;62508;  
62509;62510;  
62511;62512;  
62513;62514;  
62515;62516;  
62517;62518;  
62519;62520;  
62521;62522;  
62523;62524;  
62525;62526;  
62527;62528;  
62529;62530;  
62531;62532;  
62533;62534;  
62535;62536;  
62537;62538;  
62539;62540;  
62541;62542;  
62543;62544;  
62545;62546;  
62547;62548;  
62549;62550;  
62551;62552;  
62553;62554;  
62555;62556;  
62557;62558;  
62559;62560;  
62561;62562;  
62563;62564;  
62565;62566;  
62567;62568;  
62569;62570;  
62571;62572;  
62573;62574;  
62575;62576;  
62577;62578;  
62579;62580;  
62581;62582;  
62583;62584;  
62585;62586;  
62587;62588;  
62589;62590;  
62591;62592;  
62593;62594;  
62595;62596;  
62597;62598;  
62599;62600;  
62601;62602;  
62603;62604;  
62605;62606;  
62607;62608;  
62609;62610;  
62611;62612;

VTFYED R	7	928.4291	A7E2K7;Q6DH 12;E7FFX3	crygm2d 12;crygm 2d13	2	3.55E-06	158.38	3.34E+09	1781	272; 142	1924
-------------	---	----------	--------------------------	-----------------------------	---	----------	--------	----------	------	-------------	------

62613;62614;  
62615;62616;  
62617;62618;  
62619;62620;  
62621;62622;  
62623;62624;  
62625;62626;  
62627;62628;  
62629;62630;  
62631;62632;  
62633;62634;  
62635;62636;  
62637;62638;  
62639;62640;  
62641;62642;  
62643;62644;  
62645;62646;  
62647;62648;  
62649;62650;  
62651;62652;  
62653;62654;  
62655;62656;  
62657;62658;  
62659;62660;  
62661;62662;  
62663;62664;  
62665;62666;  
62667;62668;  
62669;62670;  
62671;62672;  
62673;62674;  
62675;62676;  
62677;62678;  
62679;62680;  
62681;62682;  
62683;62684  
62685;62686;  
62687;62688;  
62689;62690;  
62691;62692;  
62693;62694;  
62695;62696;  
62697;62698;  
62699;62700;  
62701;62702;  
62703;62704;  
62705;62706;  
62707;62708;  
62709;62710;  
62711;62712;  
62713;62714;  
62715;62716;  
62717;62718;

VTGEIT GLTPGK	12	1171.645	B2GRH9	sod1	Superoxide dismutase [Cu-Zn]	2	1.08E-91	175.07	7.85E+09	1782	189	62719;62720; 62721;62722; 62723;62724; 62725;62726; 62727;62728; 62729;62730; 62731;62732; 62733;62734; 62735;62736; 62737;62738; 62739;62740; 62741;62742; 62743;62744; 62745;62746; 62747;62748; 62749;62750; 62751;62752; 62753;62754; 62755;62756; 62757;62758; 62759;62760; 62761;62762; 62763;62764; 62765;62766; 62767;62768; 62769;62770; 62771;62772; 62773;62774; 62775;62776; 62777;62778; 62779;62780; 62781;62782; 62783;62784; 59639;59640; 59641;59642; 59643;59644; 59645;59646; 59647;59648; 59649;59650; 59651;59652; 59653;59654; 59655;59656; 59657;59658; 59659;59660; 59661;59662; 59663;59664; 59665;59666; 59667;59668; 59669;59670; 59671;59672; 59673;59674; 59675;59676; 59677;59678;	62785;62786; 62787;62788; 62789;62790; 62791;62792; 62793;62794; 62795;62796; 62797;62798; 62799;62800; 62801;62802; 62803;62804; 62805;62806; 62807;62808; 62809;62810; 62811;62812; 62813;62814; 62815;62816; 62817;62818; 62819;62820; 62821;62822; 62823;62824;
------------------	----	----------	--------	------	---------------------------------	---	----------	--------	----------	------	-----	--	--

59679;59680; 62825;62826;  
59681;59682; 62827;62828;  
59683;59684; 62829;62830;  
59685;59686; 62831;62832;  
59687;59688; 62833;62834;  
59689;59690; 62835;62836;  
59691;59692; 62837;62838;  
59693;59694; 62839;62840;  
59695;59696; 62841;62842;  
59697;59698; 62843;62844;  
59699;59700; 62845;62846;  
59701;59702; 62847;62848;  
59703;59704; 62849;62850;  
59705;59706; 62851;62852;  
59707;59708; 62853;62854;  
59709;59710; 62855;62856;  
59711;59712; 62857;62858;  
59713;59714; 62859;62860;  
59715;59716; 62861;62862;  
59717;59718; 62863;62864;  
59719;59720; 62865;62866;  
59721;59722; 62867;62868;  
59723;59724; 62869;62870;  
59725;59726; 62871;62872;  
59727;59728; 62873;62874;  
59729;59730; 62875;62876;  
59731;59732; 62877;62878;  
59733;59734; 62879;62880;  
59735;59736; 62881;62882;  
59737;59738; 62883;62884;  
59739;59740; 62885;62886;  
59741;59742; 62887;62888;  
59743;59744; 62889;62890;  
59745;59746; 62891;62892;  
59747;59748; 62893;62894;  
59749;59750; 62895;62896;  
59751;59752; 62897;62898;  
59753;59754; 62899;62900;  
59755;59756; 62901;62902;  
59757;59758; 62903;62904;  
59759;59760; 62905;62906;  
59761;59762; 62907;62908;  
59763;59764; 62909;62910;  
59765;59766; 62911;62912;  
59767;59768; 62913;62914;  
59769;59770; 62915;62916;  
59771;59772; 62917;62918;  
59773;59774; 62919;62920;  
59775;59776; 62921;62922;  
59777;59778; 62923;62924;  
59779;59780; 62925;62926;  
59781;59782; 62927;62928;  
59783 62929;62930;



VTGQG LSEAR	10	1016.525	F1R9P5;E9QI62	flna		2	1.14E-38	181.55	2.1E+08	1783	335	59784;59785; 59786;59787; 59788;59789; 59790;59791; 59792;59793	62931;62932; 62933;62934; 62935;62936; 62937;62938; 62939;62940; 62941;62942; 62943;62944; 62945;62946; 62947;62948; 62949;62950; 62951;62952; 62953;62954; 62955;62956; 62957;62958; 62959;62960; 62961;62962; 62963;62964; 62965;62966; 62967;62968; 62969;62970; 62971;62972 62973;62974; 62975;62976; 62977;62978; 62979;62980
VTGSSV TVDV	10	962.492	B0BLX4;A3KP 76	zgc:1750 88	2	0.001654	99.375	3.29E+08	1784	174	1927	62981;62982; 62983;62984; 62985;62986; 62987;62988; 62989;62990; 62991;62992; 62993;62994; 62995;62996; 62997;62998; 62999	
VTHESS AQEGQ TEAPGL DEK	20	2111.961	Q504C0;E7EZ W7	uchl3	Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase	3	0.000974	28.418	6971900	1785	246	59824	63000
VTHVN GFGTIT GK	13	1329.704	Q803L1	dldh	Dihydrolipoyl dehydrogenase	2;3	0.005424	61.344	98678000	1786	449	59825;59826; 59827;59828; 59829;59830	63001;63002; 63003
VTIGEG SHPENV K	13	1365.689	F1QL44;F1QP6 8	flncb		2;3	0.000107	113.67	5.97E+08	1787	311	59831;59832; 59833;59834; 59835;59836; 59837;59838; 59839;59840; 59841;59842; 59843;59844; 59845;59846; 59847;59848; 59849;59850;	63004;63005; 63006;63007; 63008;63009; 63010;63011; 63012;63013; 63014;63015; 63016;63017; 63018;63019; 63020;63021; 63022;63023

VTIPIFN MR	9	1089.601	Q5TZ29;Q5BL C2	apobb.1		2	0.023957	89.142	99132000	1788	385	59851;59852; 59853;59854; 59855;59856; 59857;59858; 59859;59860; 59861 59862;59863; 59864;59865; 59866;59867; 59868;59869; 59870;59871	63024;63025; 63026
VTMQN LNDR	9	1089.524	CON_P13645; CON_P02535- 1;CON_Q148 H6;CON_Q7Z 3Y7;CON_Q7 Z3Z0;CON_Q 7Z3Y8;CON_ Q7Z3Y9;CON_ _P02533;CON_ _A2A4G1;CON _P08779;CON _Q9Z2K1;CO N_Q3ZAW8	2	9.61E-17	166.52	5.27E+09	1789	225;218; 227	1933 ;193 4	59872;5987 3;59874;59 875;59876; 59877;5987 8;59879;59 880;59881; 59882;5988 3;59884;59 885;59886; 59887;5988 8;59889;59 890;59891; 59892;5989 3;59894;59 895;59896; 59897;5989 8;59899;59 900;59901; 59902;5990 3;59904;59 905;59906; 59907;5990 8;59909;59 910;59911; 59912;5991 3;59914;59 915;59916; 59917;5991 8;59919;59 920;59921; 59922		
VTNNA LYFVSN EHNESP GQR	20	2275.062	B5DDZ4	acta1		3	0.000678	46.353	28589000	1790	203	59923;59924; 59925	63091;63092
VTQGG GLMPD NTSR	14	1502.715	Q90XD4;Q6NX A6;A0A0R4IU R6	adh5	S- (hydroxymethyl)gl utathione dehydrogenase	2	0	291.93	2.36E+09	1791	95	59926;59927; 59928;59929; 59930;59931; 59932;59933; 59934;59935; 59936;59937; 59938;59939;	63093;63094; 63095;63096; 63097;63098; 63099;63100; 63101;63102; 63103;63104; 63105;63106;

											59940;59941; 59942;59943; 59944;59945; 59946;59947; 59948;59949; 59950;59951; 59952;59953; 59954;59955; 59956;59957; 59958;59959; 59960;59961; 59962;59963; 59964;59965; 59966;59967; 59968;59969; 59970;59971; 59972;59973; 59974	63107;63108; 63109;63110; 63111;63112; 63113;63114; 63115;63116; 63117;63118; 63119;63120; 63121;63122; 63123;63124; 63125;63126; 63127;63128; 63129;63130; 63131;63132; 63133;63134; 63135;63136; 63137;63138; 63139;63140; 63141;63142; 63143;63144; 63145;63146; 63147;63148; 63149;63150; 63151;63152; 63153;63154; 63155;63156; 63157;63158; 63159;63160; 63161;63162; 63163;63164; 63165;63166; 63167;63168; 63169;63170; 63171;63172; 63173;63174; 63175;63176 63177;63178
VTTLDN LEHLW K	12	1467.772	Q9DFT9;F1QQ Q3;F1QPC0;Q0 P421	vtg3		3	0.002778	61.48	11054000	1792	313	59975;59976
VTVFEQ EHFQG K	12	1447.71	Q567D9;Q52JI6 ;A0A140LGC6; Q5XJK0;F1QT R1;B5M4A7;A0 A0R4IHY1	cryba111; cryba112	2;3	1.4E-264	265.77	7.35E+09	1793	376	1939	63179;63180; 63181;63182; 63183;63184; 63185;63186; 63187;63188; 63189;63190; 63191;63192; 63193;63194; 63195;63196; 63197;63198; 63199;63200; 63201;63202; 63203;63204; 63205;63206; 63207;63208;

63209;63210;  
63211;63212;  
63213;63214;  
63215;63216;  
63217;63218;  
63219;63220;  
63221;63222;  
63223;63224;  
63225;63226;  
63227;63228;  
63229;63230;  
63231;63232;  
63233;63234;  
63235;63236;  
63237;63238;  
63239;63240;  
63241;63242;  
63243;63244;  
63245;63246;  
63247;63248;  
63249;63250;  
63251;63252;  
63253;63254;  
63255;63256;  
63257;63258;  
63259;63260;  
63261;63262;  
63263;63264;  
63265;63266;  
63267;63268;  
63269;63270;  
63271;63272;  
63273;63274;  
63275;63276;  
63277;63278;  
63279;63280;  
63281;63282;  
63283;63284;  
63285;63286;  
63287;63288;  
63289;63290;  
63291;63292;  
63293;63294;  
63295;63296;  
63297;63298;  
63299;63300;  
63301;63302;  
63303;63304;  
63305;63306;  
63307;63308;  
63309;63310;  
63311;63312;  
63313;63314;

VTVNT QGNVL TQEITA QTK	19	2044.08	B8JKW4;Q7SX K0	c3a.1	2;3	1.08E-06	81.619	93687000	1794	210	63315;63316; 63317;63318; 63319;63320; 63321;63322; 63323;63324; 63325;63326; 63327;63328; 63329;63330; 63331;63332; 63333;63334; 63335;63336; 63337;63338; 63339;63340; 63341;63342; 63343;63344; 63345;63346; 63347;63348; 63349;63350; 63351;63352; 63353;63354; 63355;63356; 63357;63358; 63359;63360; 63361;63362; 63363;63364; 63365;63366; 63367;63368; 63369;63370; 63371;63372; 63373;63374; 63375;63376; 63377;63378; 63379;63380; 63381;63382 60145;60146; 60147;60148; 60149;60150; 60151;60152; 60153;60154; 60155;60156; 60157;60158; 60159;60160; 60161;60162; 60163;60164; 60165;60166; 60167;60168; 60169;60170; 60171;60172 60173;60174	63383;63384; 63385;63386; 63387;63388; 63389;63390; 63391;63392; 63393;63394; 63395
VTVNT QGNVL TQEITA QTKDP	31	3384.69	B8JKW4;Q7SX K0	c3a.1	3	0.03853	18.614	5614400	1795	210	63396	

DITDEE QAVK VTVQA LSGLK	10	1014.607	F6PA24;A0A0R 4IJU9;A2CEA5; A2CEA4;Q6PC 86;F6NMS7;A8 WG85;A8E5J9	ckmt2b	2	1.3E-10	135.79	4.49E+08	1796	67	60175;60176; 60177;60178; 60179;60180; 60181;60182; 60183;60184; 60185;60186; 60187;60188; 60189;60190; 60191;60192; 60193;60194; 60195;60196; 60197;60198; 60199;60200; 60201;60202; 60203;60204; 60205;60206; 60207;60208; 60209;60210; 60211;60212; 60213	63397;63398; 63399;63400; 63401;63402; 63403;63404; 63405;63406; 63407;63408; 63409;63410; 63411;63412; 63413;63414; 63415;63416; 63417;63418; 63419;63420; 63421;63422; 63423;63424; 63425;63426
VTVVP VYADA EGK	13	1346.708	E7FG81	col12a1b	2	0.000334	101.95	1.55E+08	1797	274	60214;60215; 60216;60217; 60218;60219; 60220;60221; 60222;60223; 60224;60225	63427;63428; 63429;63430; 63431;63432; 63433;63434; 63435;63436
VTVVP VYAPG EGK	13	1314.718	X1WF98	col12a1a	2	1.43E-17	121.9	3.36E+08	1798	468	60226;60227; 60228;60229; 60230;60231; 60232;60233; 60234;60235; 60236;60237; 60238;60239; 60240;60241; 60242;60243; 60244;60245; 60246;60247; 60248;60249; 60250;60251	63437;63438; 63439;63440; 63441;63442; 63443;63444; 63445;63446; 63447;63448; 63449;63450; 63451;63452; 63453;63454; 63455;63456; 63457;63458; 63459;63460; 63461;63462; 63463;63464; 63465;63466; 63467;63468; 63469;63470
VTVVS NLNTLE K	12	1315.735	Q08CQ0;Q6N WE8;Q32LS3	alas2;sb:c b283	2	8E-110	218.49	2.41E+09	1799	359	1945	63471;63472; 63473;63474; 63475;63476; 63477;63478; 63479;63480; 63481;63482; 63483;63484; 63485;63486;

VVAEF DTPGHT QSWG GIK VVATT QMQAT DAR	19    13	2041.986    1390.688	A2BHD8;F1QU U0;A0A0R4IQ N2;A3KNW3;F IQTE2 A4FUN4;A0A0 R4IZV6	hexb    anpepb	Beta- hexosaminidase	3    2	1.18E-17    2E-121	90.654    218.11	91789000    3.32E+08	1800    1801	115    130	63487;63488; 63489;63490; 63491;63492; 63493;63494; 63495;63496; 63497;63498; 63499;63500; 63501;63502; 63503;63504; 63505;63506; 63507;63508; 63509;63510; 63511;63512; 63513;63514; 63515;63516; 63517;63518; 63519;63520; 63521;63522; 63523;63524; 63525;63526; 63527;63528; 63529;63530; 63531;63532; 63533;63534; 63535;63536; 63537;63538; 63539;63540; 63541;63542; 63543;63544; 63545;63546; 63547;63548; 63549;63550 60326;60327; 60328;60329; 60330;60331; 60332;60333 60334;60335; 60336;60337; 60338;60339; 60340;60341; 60342;60343; 60344;60345; 60346;60347; 60348;60349; 60350;60351; 60352;60353; 60354;60355; 60356;60357; 60358;60359; 60360	63551;63552; 63553;63554; 63555;63556; 63557;63558 63559;63560; 63561;63562; 63563;63564; 63565;63566; 63567;63568; 63569;63570; 63571;63572; 63573;63574; 63575;63576; 63577;63578; 63579;63580; 63581;63582; 63583;63584; 63585;63586; 63587;63588; 63589;63590; 63591;63592;
---	----------------------	----------------------------------	---	----------------------------	-------------------------	--------------------	--------------------------------	------------------------------	----------------------------------	--------------------------	------------------------	---	---

VVDQF  
LK

7

847.4804

Q5SPJ1;Q24JW  
6;Q6P5I9;Q502  
P5;Q5SPJ4;X1  
WF94

serpinal1;  
serpinal

1;2

2.23E-05

133.99

1.42E+10

1802

367;  
418

1948

63605;63606;  
63607;63608;  
63609;63610;  
63611;63612;  
63613;63614;  
63615;63616;  
63617;63618;  
63619;63620;  
63621;63622;  
63623;63624;  
63625;63626;  
63627;63628;  
63629;63630;  
63631;63632;  
63633;63634;  
63635;63636;  
63637;63638;  
63639;63640;  
63641;63642;  
63643;63644;  
63645;63646;  
63647;63648;  
63649;63650;  
63651;63652;  
63653;63654;  
63655;63656;  
63657;63658;  
63659;63660;  
63661;63662;  
63663;63664;  
63665;63666;  
63667;63668;  
63669;63670;  
63671;63672;  
63673;63674;  
63675;63676;  
63677;63678;  
63679;63680;  
63681;63682;  
63683;63684;  
63685;63686;  
63687;63688;  
63689;63690;  
63691;63692;  
63693;63694;  
63695;63696;  
63697;63698;

63593;63594;  
63595;63596;  
63597;63598;  
63599;63600;  
63601;63602;  
63603;63604



VVFYE DR	7	926.4498	Q6IQK6;B0V19 1;A7MC89;Q6 DGY0;B0V190	crygm2d 18;crygm 2d16;cry gm2d15	2	0.012705	132.96	1.86E+09	1803	147	1949
-------------	---	----------	--	---	---	----------	--------	----------	------	-----	------

63699;63700;  
63701;63702;  
63703;63704;  
63705;63706;  
63707;63708;  
63709;63710;  
63711;63712;  
63713;63714;  
63715;63716;  
63717;63718;  
63719;63720;  
63721;63722;  
63723;63724;  
63725;63726;  
63727;63728;  
63729;63730;  
63731;63732;  
63733;63734;  
63735;63736;  
63737;63738;  
63739;63740;  
63741;63742;  
63743;63744;  
63745;63746;  
63747;63748;  
63749;63750;  
63751;63752;  
63753;63754;  
63755;63756;  
63757;63758;  
63759;63760;  
63761;63762;  
63763;63764;  
63765;63766;  
63767;63768;  
63769;63770;  
63771;63772;  
63773;63774;  
63775;63776;  
63777;63778;  
63779;63780;  
63781;63782;  
63783;63784;  
63785;63786;  
63787;63788;  
63789;63790;  
63791;63792;  
63793;63794;  
63795;63796;  
63797;63798;  
63799;63800;  
63801;63802;  
63803;63804;

VVGAM AMVR	9	932.4936	Q08CQ0;Q6N WE8;Q32LS3;F 1QPJ6;F1QPX6	alas2;sb:c b283;LO C100535 398;zgc:1 52830	2	0.001286	110.63	2.48E+08	1804	359	1950	63805;63806; 63807 63808;63809; 63810;63811; 63812;63813; 63814;63815; 63816;63817; 63818;63819; 63820;63821; 63822
VVIGQS YEK	9	1021.544	Q6NZS0;Q6PH V5	cpa5	2	1.15E-08	155.75	4.92E+09	1805	413		60553;60554; 60555;60556; 60557;60558; 60559;60560; 60561;60562; 60563;60564; 60565;60566; 60567;60568; 60569;60570; 60571;60572; 60573;60574; 60575;60576; 60577;60578; 60579 63823;63824; 63825;63826; 63827;63828; 63829;63830; 63831;63832; 63833;63834; 63835;63836; 63837;63838; 63839;63840; 63841;63842; 63843;63844; 63845;63846; 63847;63848; 63849;63850; 63851;63852; 63853;63854; 63855;63856; 63857;63858; 63859;63860; 63861;63862; 63863;63864; 63865;63866; 63867;63868; 63869;63870; 63871;63872; 63873;63874; 63875;63876; 63877;63878; 63879;63880; 63881;63882; 63883;63884; 63885;63886; 63887;63888; 63889;63890; 63891;63892; 63893;63894; 63895;63896
VVLAY EPVWAI GTGK	15	1601.882	A0A0R4IGG3; A0A0R4I9C4;E 9QBF0	tpi1b Triosephosphate isomerase	2	3.33E-33	124.1	98852000	1806	29		60580;60581; 60582;60583; 60584;60585; 60586;60587; 60588;60589; 60590;60591; 63897;63898; 63899;63900; 63901;63902; 63903;63904; 63905;63906; 63907;63908;

VVLGE HDIYK	10	1171.624	Q6AZC0;A3KP Z0	zgc:9204 1	2	3.15E-05	123.35	6.78E+08	1807	393	60592;60593; 60594;60595; 60596;60597; 60598;60599; 60600;60601; 60602;60603; 60604;60605; 60606;60607; 60608	63909;63910; 63911;63912; 63913;63914; 63915;63916; 63917;63918; 63919;63920; 63921;63922; 63923;63924; 63925;63926; 63927;63928; 63929	
VVNPN EKL	8	911.5076	Q5XJ64;A8E5C 2;A8E5C1;F8W 5C3;FIRDH7;F 8W5D3;A9JSZ7 ;F8W298;Q4V9 D6	serpina7; si:ch211- 186e20.7; zgc:1742 59;zgc:11 3828	2	0.028651	91.9	2.3E+08	1808	154; 169	1954	60609;60610; 60611;60612; 60613;60614; 60615;60616; 60617;60618; 60619;60620; 60621;60622; 60623;60624; 60625;60626	63930;63931; 63932;63933; 63934;63935; 63936;63937; 63938;63939; 63940;63941; 63942;63943; 63944;63945; 63946;63947; 63948
VVQGL EQTAR	10	1099.599	Q4V9N1	tsn	2	8.13E-39	183.65	4.66E+08	1809	372	60638;60639; 60640;60641; 60642;60643; 60644;60645; 60646;60647; 60648;60649; 60650;60651; 60652;60653; 60654;60655; 60656;60657; 60658;60659; 60660;60661; 60662;60663; 60664	63953;63954; 63955;63956; 63957;63958; 63959;63960; 63961;63962; 63963;63964; 63965;63966; 63967;63968; 63969;63970; 63971;63972; 63973;63974; 63975;63976; 63977;63978; 63979;63980; 63981;63982; 63983;63984; 63985;63986; 63987;63988; 63989;63990; 63991;63992; 63993;63994; 63995;63996; 63997;63998; 63999;64000; 64001;64002; 64003;64004;	

VVSGIL TQGR	10	1028.598	F8W5Z1;Q6DH 01;A0A0R4IAG 1	rs1a		2	1.07E-05	126.24	63840000	1810	34	60665;60666; 60667;60668; 60669;60670; 60671;60672; 60673 64010	64005;64006; 64007 64008;64009	
VVSTHE QVLR	10	1166.641	CON__P02533		2		0.021233	74.92	11876000	1811	218	1957		
VVTAQ FGDDPS K	12	1262.614	X1WHB9;Q4V 8S1;F1Q8B1;A 0A0R4IUC6	zgc:1141 81	2		0.001831	84.882	3.2E+08	1812	469	1958	64011;64012; 64013;64014; 64015;64016; 64017	
VVTAT DACSA VMQVI QNILK	21	2248.181	Q5TZ29	apobb.1		3	0.000392	45.094	7551800	1813	385		60688;60689; 60690	64018;64019
VVUGE YDTLVP EGR	14	1531.788	F1QL87;Q8JHC 8;Q6PGW7;Q4 V971;F1QLC3	f10		2	0.0036	70.488	35764000	1814	312		60691;60692; 60693;60694; 60695;60696; 60697;60698; 60699;60700; 60701;60702; 60703;60704; 60705;60706	64020;64021; 64022;64023; 64024;64025
VVVQG QSFK	9	990.5498	E7FFZ3;E7FFL 8;A0A0R4I9L9; F1RED5;E7FE K4;A8WFS6;A 8WFS5;E7F3L3	si:dkey- 46g23.2;s i:dkey- 46g23.3;z gc:17144 6;zgc:171 445 cpped1	2		0.001529	110.03	1.07E+08	1815	273	1961	64026;64027; 64028;64029; 64030	
VVVVT ENNIH R	12	1391.789	G1K2K5			2,3	0.000367	85.731	1.76E+08	1816	355		60725;60726; 60727;60728; 60729;60730; 60731;60732; 60733;60734; 60735;60736; 60737;60738	64031;64032; 64033;64034; 64035;64036; 64037;64038
VYDTV GALDL DSVNY ENTLK	20	2228.085	Q6DHR6;E7EZ 90;X1WHL0	thop1		2	7.34E-11	88.552	51786000	1817	244		60739;60740; 60741;60742; 60743;60744; 60745;60746; 60747;60748; 60749;60750; 60751;60752; 60753;60754; 60755;60756; 60757	64039;64040; 64041;64042; 64043;64044; 64045;64046; 64047;64048; 64049;64050
VYFGM EDGSV K	11	1230.559	Q6NXA0;B8JI 5;A0A0R4IMX 5;A0A0R4IAX3 ;Q5U3H4	rpia		2	1.03E-18	142.92	6.87E+08	1818	37		60758;60759; 60760;60761; 60762;60763; 60764;60765;	64051;64052; 64053;64054; 64055;64056; 64057;64058;

											60766;60767; 60768;60769; 60770;60771; 60772;60773; 60774;60775; 60776;60777; 60778;60779; 60780;60781; 60782;60783; 60784;60785; 60786;60787; 60788;60789; 60790;60791; 60792;60793; 60794;60795; 60796;60797; 60798	64059;64060; 64061;64062; 64063;64064; 64065;64066; 64067;64068; 64069;64070; 64071;64072; 64073;64074; 64075;64076; 64077;64078; 64079;64080; 64081;64082; 64083;64084; 64085;64086; 64087;64088; 64089;64090; 64091;64092; 64093;64094; 64095;64096; 64097;64098; 64099;64100; 64101;64102; 64103;64104; 64105;64106; 64107;64108; 64109;64110; 64111;64112; 64113;64114; 64115
VYGP VEK	8	847.444	A0A0R4IUS4;E 7FIL7	flnca	2	0.0159	98.997	20654000	1819	96	60799;60800; 60801	
VYGP VEPR	9	972.5029	F1QL44;F1QP6 8	flncb	2	0.000304	116.73	4.64E+08	1820	311	60802;60803; 60804;60805; 60806;60807; 60808;60809; 60810;60811; 60812;60813; 60814;60815; 60816;60817; 60818;60819; 60820;60821; 60822;60823	64116;64117; 64118;64119; 64120;64121; 64122;64123; 64124;64125; 64126;64127; 64128;64129; 64130;64131; 64132;64133
VYGVIG EESSEP LK	14	1505.761	E7FG81;I3IT32	col12a1b	2	2.1E-23	145.46	4.52E+08	1821	274	60824;60825; 60826;60827; 60828;60829; 60830;60831; 60832;60833; 60834;60835; 60836;60837; 60838;60839; 60840;60841; 60842;60843; 60844;60845; 60846;60847;	64134;64135; 64136;64137; 64138;64139; 64140;64141; 64142;64143; 64144;64145; 64146;64147; 64148;64149; 64150;64151; 64152;64153; 64154;64155; 64156;64157;

												60848;60849; 60850	64158;64159; 64160;64161; 64162;64163; 64164
VYLLPD K	7	846.4851	Q5TZ27;Q6DGI 9;Q1LX36;A3K Q92;Q504A0;F IQCC9	syt1a;syt 1b;syt5b	2	0.047723	80.462	21982000	1822	384; 298	1968	64165	
VYLNA QELILR	11	1330.761	E7FBD3	apoba		2	0.014978	66.435	4252100	1823	264	60853;60854	64166
VYSVV GEDSSD PLR	14	1521.731	X1WF98	col12a1a		2	8.66E-54	168.3	4.88E+08	1824	468	60855;60856; 60857;60858; 60859;60860; 60861;60862; 60863;60864; 60865;60866; 60867;60868; 60869;60870; 60871;60872; 60873;60874; 60875;60876; 60877;60878; 60879;60880; 60881;60882; 60883;60884; 60885;60886; 60887	64167;64168; 64169;64170; 64171;64172; 64173;64174; 64175;64176; 64177;64178; 64179;64180; 64181;64182; 64183;64184; 64185;64186; 64187;64188; 64189;64190; 64191;64192; 64193;64194; 64195;64196; 64197;64198; 64199;64200; 64201;64202; 64203;64204; 64205;64206; 64207;64208; 64209;64210; 64211;64212; 64213;64214; 64215;64216; 64217;64218; 64219
VYYDA ELSTK	10	1187.571	A9JSZ7;F8W29 8;Q4V9D6	zgc:1742 59;zgc:11 3828	2	0.028607	64.04	48823000	1825	169	1971	64220;64221; 64222	
WADIA EECER	10	1264.539	Q6DHR7;F1QT T5	zgc:9213 7	Alpha-amylase	2	0.026936	77.677	52838000	1826	319	60896;60897; 60898;60899; 60900;60901; 60902;60903; 60904;60905; 60906;60907; 60908;60909; 60910;60911; 60912	64223;64224; 64225
WDLTP EQINQL TEELIA K	18	2140.105	Q6DHR6;E7EZ 90;X1WHL0	thop1		2	2.67E-05	79.466	32737000	1827	244	60913;60914; 60915;60916; 60917;60918; 60919;60920	64226;64227; 64228;64229; 64230

WDYGS LDAVK	10	1152.545	A0A0G2KY72		2	0.029429	63.397	71429000	1828	17	1974	64231;64232; 64233
WEAPQ NDGGR PVL R	14	1593.801	A5X6X5;Q801 W8;Q8QFW2;F 1R7N8;F1QZQ 0	ttna;dZ25 8D18.1- 001	2;3	3.47E-42	131.13	4.5E+08	1829	332; 139	1975	64234;64235; 64236;64237; 64238;64239; 64240;64241; 64242
WELLQ QVDTST R	12	1474.742	CON__P04264		2,3	5.6E-237	257.92	4.81E+09	1830	223	1976	64243;64244; 64245;64246; 64247;64248; 64249;64250; 64251;64252; 64253;64254; 64255;64256; 64257;64258; 64259;64260; 64261;64262; 64263;64264; 64265;64266; 64267;64268; 64269;64270; 64271;64272; 64273;64274; 64275;64276; 64277;64278; 64279;64280; 64281;64282; 64283;64284; 64285;64286; 64287;64288; 64289;64290; 64291;64292; 64293;64294; 64295;64296; 64297;64298; 64299;64300; 64301;64302; 64303;64304; 64305;64306; 64307;64308; 64309;64310; 64311;64312; 64313;64314; 64315;64316; 64317;64318; 64319;64320; 64321;64322; 64323;64324; 64325;64326; 64327;64328; 64329;64330; 64331;64332; 64333;64334;

WELTP VAIQAG K	12	1311.719	Q7T2C8;A8WG N7;Q802F7	txnrd1	2	1.42E-09	134.25	7.84E+08	1831	164	64335;64336; 64337;64338; 64339;64340; 64341;64342; 64343;64344; 64345;64346; 64347;64348; 64349;64350; 64351;64352; 64353;64354 61031;61032; 61033;61034; 61035;61036; 61037;61038; 61039;61040; 61041;61042; 61043;61044; 61045;61046; 61047;61048; 61049;61050; 61051;61052; 61053;61054; 61055;61056; 61057;61058; 61059;61060; 61061;61062; 61063;61064; 61065;61066; 61067;61068; 61069;61070; 61071;61072; 61073 61074;61075; 61076;61077; 61078;61079; 61080;61081 61082;61083; 61084;61085; 61086;61087; 61088;61089; 61090;61091; 61092;61093; 61094;61095; 61096;61097; 61098;61099; 61100;61101; 61102;61103; 61104;61105; 61106;61107; 61108 64411;64412; 64413;64414; 64415;64416;	64355;64356; 64357;64358; 64359;64360; 64361;64362; 64363;64364; 64365;64366; 64367;64368; 64369;64370; 64371;64372; 64373;64374; 64375;64376; 64377;64378; 64379;64380; 64381;64382; 64383;64384; 64385;64386; 64387;64388; 64389;64390; 64391;64392; 64393 64394;64395 64396;64397; 64398;64399; 64400;64401; 64402;64403; 64404;64405; 64406;64407; 64408;64409; 64410	
WEPAE GSR	9	1029.488	X1WF98	coll2a1a	2	0.045348	83.265	1.28E+08	1832	468	61074;61075; 61076;61077; 61078;61079; 61080;61081 61082;61083; 61084;61085; 61086;61087; 61088;61089; 61090;61091; 61092;61093; 61094;61095; 61096;61097; 61098;61099; 61100;61101; 61102;61103; 61104;61105; 61106;61107; 61108 64411;64412; 64413;64414; 64415;64416;	64394;64395 64396;64397; 64398;64399; 64400;64401; 64402;64403; 64404;64405; 64406;64407; 64408;64409; 64410	
WLPAQ YEDAV SQPK	14	1630.799	Q90WB4;Q90X S6;F1Q944;A0 A0R4ILU8;Q6 NUY7;F1R9R1; A0A0R4IA15;Q 7SZR3	mpx	2	0.001877	77.062	1.25E+08	1833	31	61082;61083; 61084;61085; 61086;61087; 61088;61089; 61090;61091; 61092;61093; 61094;61095; 61096;61097; 61098;61099; 61100;61101; 61102;61103; 61104;61105; 61106;61107; 61108 64411;64412; 64413;64414; 64415;64416;	64396;64397; 64398;64399; 64400;64401; 64402;64403; 64404;64405; 64406;64407; 64408;64409; 64410	
WPPALS NDIVW GK	13	1481.767	A0A0G2L1N0		2	0.001251	81.865	1.53E+08	1834	19	1980	64411;64412; 64413;64414; 64415;64416;	



WTFGE NALTA GDR	13	1436.668	A5X6X5;F1R7 N8;F1QZQ0	ttna	2	1.26E-13	138.22	1.19E+08	1835	332;139	64417;64418; 64419;64420; 64421;64422; 64423;64424; 64425;64426; 64427;64428; 64429;64430; 64431;64432; 64433 61158;61159; 61160;61161; 61162;61163; 61164;61165; 61166;61167; 61168;61169; 61170;61171; 61172;61173; 61174;61175; 61176;61177; 61178 64434;64435; 64436;64437; 64438;64439; 64440;64441; 64442;64443; 64444;64445; 64446;64447; 64448
WTLLQ EQGTK	10	1202.63	CON__P13647; CON__P02538; CON__P04259	2	4.2E-107	226.46	1.27E+09	1836	219;222; 228	1982	61179;6118 0;61181;61 182;61183; 61184;6118 5;61186;61 187;61188; 61189;6119 0;61191;61 192;61193; 61194;6119 5;61196;61 197;61198; 61199;6120 0;61201;61 202;61203; 61204;6120 5;61206;61 207;61208; 61209;6121 0;61211;61 212;61213; 61214;6121 5;61216;61 217;61218; 61219;6122 0;61221;61 222;61223; 61224;6122 5;61226;61 227;61228; 61229;6123 0

WVEEQ TENK	9	1161.53	Q6DG30	serpin1		2	9.2E-17	166.82	5.2E+08	1837	394	61231;61232; 61233;61234; 61235;61236; 61237;61238; 61239;61240; 61241;61242; 61243;61244; 61245;61246; 61247;61248; 61249;61250; 61251;61252; 61253;61254; 61255;61256; 61257;61258; 61259;61260	64484;64485; 64486;64487; 64488;64489; 64490;64491; 64492;64493; 64494;64495; 64496;64497; 64498;64499; 64500;64501; 64502;64503; 64504;64505; 64506;64507; 64508;64509; 64510;64511; 64512;64513; 64514;64515; 64516;64517; 64518;64519; 64520;64521; 64522;64523; 64524;64525; 64526;64527; 64528;64529; 64530
YADQE VPR	8	976.4614	F1QL44;F1QP6 8	flncb		2	0.001645	130.77	1.03E+08	1838	311	61261;61262; 61263;61264; 61265;61266; 61267;61268; 61269;61270; 61271;61272; 61273;61274; 61275	64531;64532; 64533;64534; 64535;64536; 64537;64538; 64539;64540; 64541
YAFNTE QLVVK	11	1310.687	E7F8R8;I3IS33	syt3		2	0.007674	80.239	11384000	1839	259	61276;61277	64542
YASSAN LHLPK	11	1199.63	CON__P34955		3	0.001614	63.624	21971000	1840	229	1986	64543	
YATTA VTAAV LR	12	1235.687	Q803B5;A0A0 R4IAH2;F1QRP 8	dnpep		2	1.08E-05	125.97	1.63E+08	1841	35	61279;61280; 61281;61282; 61283;61284; 61285;61286; 61287;61288; 61289;61290; 61291;61292; 61293;61294; 61295;61296; 61297	64544;64545; 64546;64547; 64548;64549; 64550;64551; 64552;64553; 64554;64555; 64556;64557; 64558;64559; 64560;64561; 64562;64563; 64564
YDDTL VVPIEN TPEEK	17	1973.983	A0A0R4IJN7;F 1QHM8;B2GR E0;A0A0R4IEX 4;A0A0R4IAM 5	apip	Methylthioribulos e-1-phosphate dehydratase	2	0.000449	95.401	38021000	1842	36	61298;61299; 61300;61301; 61302;61303; 61304;61305; 61306;61307; 61308;61309;	64565;64566; 64567;64568; 64569

YDEMG MVDAV AR	12	1355.585	Q6NWF2	ctsh		2	0.000342	109.42	2.93E+08	1843	409	61310;61311; 61312;61313; 61314;61315 61316;61317; 61318;61319; 61320;61321; 61322;61323; 61324;61325; 61326;61327; 61328;61329; 61330;61331; 61332;61333; 61334;61335; 61336;61337; 61338;61339; 61340;61341; 61342;61343; 61344;61345; 61346;61347; 61348;61349; 61350;61351 61352;61353; 61354;61355; 61356;61357; 61358;61359; 61360;61361; 61362;61363; 61364;61365; 61366;61367; 61368;61369; 61370;61371; 61372;61373; 61374 64570;64571; 64572;64573; 64574;64575; 64576;64577; 64578;64579; 64580;64581; 64582;64583; 64584;64585
YDTSDF QDESV K	12	1432.599	E7FFA5	ace		2	0.001198	94.297	1.09E+08	1844	271	61352;61353; 61354;61355; 61356;61357; 61358;61359; 61360;61361; 61362;61363; 61364;61365; 61366;61367; 61368;61369; 61370;61371; 61372;61373; 61374 64586;64587; 64588;64589; 64590;64591; 64592;64593; 64594;64595; 64596;64597; 64598;64599; 64600;64601; 64602;64603; 64604;64605
YDVTG NVLVV PDN	13	1403.693	L7QIX7;A8KB B1;A8KBB0;A3 KPG5;Q7SZ53; F6P334;X4YKC 7;Q5XJ77	CRP5.2;c rp3;crp2; CRP	2	1.35E-17	128.91	3.57E+08	1845	126; 349; 357	1992	64606;64607; 64608;64609; 64610;64611; 64612;64613; 64614;64615; 64616;64617; 64618;64619; 64620;64621; 64622;64623; 64624;64625; 64626;64627; 64628;64629; 64630;64631; 64632
YEDLV ATAK	9	1008.513	Q5TZ29	apobb.1		1;2	1.65E-06	136.75	3.07E+09	1846	385	61413;61414; 61415;61416; 61417;61418; 61419;61420; 61421;61422; 61423;61424; 64633;64634; 64635;64636; 64637;64638; 64639;64640; 64641;64642; 64643;64644;

YEEGQ AELEGA QK	13	1450.658	B8A568;B8A56 1;B3DJM6;B8A 569;F1R6C7;Q5 08P7;A2BGX6; E7FAD0;F1Q5 K4;Q6IQX1;Q8 02Z4;Q90ZE5 CON__P04264	myhz1.1; myhz1.2; myhz1.3; myha;my hc4;myhz 2;zgc:661 56	2	1.33E-91	199.03	33869000	1847	200	1994	64706	61425;61426; 61427;61428; 61429;61430; 61431;61432; 61433;61434; 61435;61436; 61437;61438; 61439;61440; 61441;61442; 61443;61444; 61445;61446; 61447;61448; 61449;61450; 61451;61452; 61453;61454; 61455;61456; 61457 64645;64646; 64647;64648; 64649;64650; 64651;64652; 64653;64654; 64655;64656; 64657;64658; 64659;64660; 64661;64662; 64663;64664; 64665;64666; 64667;64668; 64669;64670; 64671;64672; 64673;64674; 64675;64676; 64677;64678; 64679;64680; 64681;64682; 64683;64684; 64685;64686; 64687;64688; 64689;64690; 64691;64692; 64693;64694; 64695;64696; 64697;64698; 64699;64700; 64701;64702; 64703;64704; 64705
YEELQI TAGR	10	1178.593	CON__P04264		2	3E-62	199.89	5.51E+09	1848	223	1995	64707;64708; 64709;64710; 64711;64712; 64713;64714; 64715;64716; 64717;64718; 64719;64720; 64721;64722; 64723;64724; 64725;64726; 64727;64728; 64729;64730; 64731;64732; 64733;64734; 64735;64736;	

64737;64738;  
64739;64740;  
64741;64742;  
64743;64744;  
64745;64746;  
64747;64748;  
64749;64750;  
64751;64752;  
64753;64754;  
64755;64756;  
64757;64758;  
64759;64760;  
64761;64762;  
64763;64764;  
64765;64766;  
64767;64768;  
64769;64770;  
64771;64772;  
64773;64774;  
64775;64776;  
64777;64778;  
64779;64780;  
64781;64782;  
64783;64784;  
64785;64786;  
64787;64788;  
64789;64790;  
64791;64792;  
64793;64794;  
64795;64796;  
64797;64798;  
64799;64800;  
64801;64802;  
64803;64804;  
64805;64806;  
64807;64808;  
64809;64810;  
64811;64812;  
64813;64814;  
64815;64816;  
64817;64818;  
64819;64820;  
64821;64822;  
64823;64824;  
64825;64826;  
64827;64828;  
64829;64830;  
64831;64832;  
64833;64834;  
64835;64836;  
64837;64838;  
64839;64840;  
64841;64842;

YEELQQ TAGR	10	1193.568	CON__P13647	2	1.47E-75	206.78	5.57E+08	1849	228	1996	64843;64844; 64845 64846;64847; 64848;64849; 64850;64851; 64852;64853; 64854;64855; 64856;64857; 64858;64859; 64860;64861; 64862;64863; 64864;64865; 64866;64867; 64868;64869; 64870;64871; 64872;64873; 64874;64875; 64876;64877; 64878;64879; 64880;64881; 64882;64883; 64884;64885; 64886;64887; 64888;64889; 64890;64891; 64892;64893; 64894;64895; 64896;64897; 64898;64899; 64900;64901; 64902;64903; 64904;64905
YEELQV TAGR	10	1164.578	CON__P02538; CON__P04259; CON__O95678	2	4.23E-90	215.38	1.53E+09	1850	219;222; 216	1997	61539;6154 0;61541;61 542;61543; 61544;6154 5;61546;61 547;61548; 61549;6155 0;61551;61 552;61553; 61554;6155 5;61556;61 557;61558; 61559;6156 0
YEELQV TVGR	10	1192.609	CON__P35908	2	1.37E-05	125.82	1.68E+08	1851	231	1998	64940;64941; 64942;64943; 64944;64945; 64946;64947; 64948;64949; 64950;64951;

YEFPGV R	7	866.4287	M9MMB0;F1Q W90;A0A0R4IP 31;E7F537	acana		2	0.044699	82.263	61286000	1852	74	64952;64953; 64954;64955 61589;61590; 61591;61592; 61593;61594; 61595;61596; 61597;61598 61599;61600; 61601	64956
YEGLV QVGR	9	1019.54	Q9DFT9;F1QQ Q3;F1QPC0;Q0 P421	vtg3		2	7.47E-05	120.46	60592000	1853	313	61599;61600; 61601	64957;64958
YENEV ALR	8	992.4927	CON__P13645		2	8.31E-13	166.78	1.56E+09	1854	227	2001	64959;64960; 64961;64962; 64963;64964; 64965;64966; 64967;64968; 64969;64970; 64971;64972; 64973;64974; 64975;64976; 64977;64978; 64979;64980; 64981;64982; 64983;64984; 64985;64986; 64987;64988; 64989;64990; 64991;64992; 64993;64994; 64995;64996; 64997;64998; 64999;65000; 65001;65002; 65003;65004; 65005;65006	
YENNV MNIR	9	1151.539	E9QD09;F1QD 93;A0A0R4IQG 9;E7F169;A0A0 R4IRY8;Q568R 4;B2GS58;A3K GZ6;F1QF86;A 0A0R4ICR2;A0 A0R4IF09	ppp3ca;p pp3cb;pp p3cca;pp p3ccb	Serine/threonine- protein phosphatase	2	0.005485	110.31	1.2E+08	1855	81;43	61630;61631; 61632;61633; 61634;61635; 61636;61637; 61638;61639; 61640;61641; 61642;61643	65007;65008; 65009;65010
YETELN LR	8	1036.519	CON__P02533		2	2.36E-19	174.21	6.64E+08	1856	218	2003	65011;65012; 65013;65014; 65015;65016; 65017;65018; 65019;65020; 65021;65022; 65023;65024; 65025;65026; 65027	

YEVPID VPVVH K	12	1393.761	E7FCP7	LOC1003 32784	3	0.022518	27.059	31269000	1857	266	2004	65028;65029	
YFEIEE ADGTK	11	1300.582	Q1XIH8;Q1LY 08;Q05AK3	cpox		2	6.97E-08	111.65	0	1858	358	61682;61683	65030;65031
YFGDD GAFQCL K	12	1406.618	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;B8Q685;A0A0 R4IHQ0;X1WE 71	tfa	Serotransferrin	2	1.02E-25	155.84	3.66E+08	1859	211	61684;61685; 61686;61687; 61688;61689; 61690;61691; 61692;61693; 61694;61695; 61696;61697; 61698;61699; 61700;61701; 61702;61703; 61704;61705; 61706;61707; 61708;61709; 61710;61711; 61712;61713; 61714;61715; 61716;61717; 61718;61719; 61720	65032;65033; 65034;65035; 65036;65037; 65038;65039; 65040;65041; 65042;65043; 65044;65045; 65046;65047; 65048;65049; 65050;65051; 65052;65053; 65054;65055; 65056;65057; 65058;65059; 65060;65061; 65062;65063; 65064;65065; 65066;65067; 65068;65069; 65070;65071; 65072;65073; 65074;65075; 65076;65077; 65078;65079; 65080
YGDQD VPNFPA R	12	1377.631	F1R9P5;E9QI62	flna		2	0.000183	113.93	4.41E+08	1860	335	61721;61722; 61723;61724; 61725;61726; 61727;61728; 61729;61730; 61731;61732; 61733;61734; 61735;61736; 61737;61738; 61739;61740; 61741;61742; 61743;61744	65081;65082; 65083;65084; 65085;65086; 65087;65088; 65089;65090; 65091;65092; 65093;65094; 65095;65096; 65097;65098
YGGDEI PYSPYR	12	1415.636	F1R9P5;E9QI62 ;F1R1U1;F1QL 44;F1QP68	flna;flncb		2	0.001576	108.43	38272000	1861	335;311	61745;61746; 61747;61748; 61749;61750; 61751;61752; 61753;61754; 61755;61756	65099
YGGTW DDDME DER	13	1587.578	F1R074;A0A0R 4IJ40;B3GQ71; B3GQ72;A0A0 R4IPG9	agrn		2	0.00387	68.893	23323000	1862	65	61757;61758; 61759;61760; 61761;61762; 61763	65100



YGPIAG GAHGE DMFPK	16	1645.756	E7EZJ2	CABZ01 048373.1	3	0.03445	30.974	16517000	1863	245	2010	65101;65102	
YGPLSG GEHGEL VFPSGL QDTTQ AK	25	2587.255	A2BDW2;F1R5 T0;Q4FAI8;E9 QHI1;F1QYE2; B3DJP3	tnc		3	0.007774	23.691	3840100	1864	109	61767	65103
YGQDA TNVGD EGGFAP NILENK	22	2308.061	Q6PC89	eno1b		2	2.83E-06	79.652	63557000	1865	426	61768;61769; 61770;61771; 61772;61773; 61774;61775; 61776;61777; 61778;61779; 61780;61781	65104;65105; 65106;65107; 65108;65109
YIANHV LNNLY	11	1332.683	Q6NWD1;F1QJ N9;A0A0R4IL M4;A8KBB2	cpb1		2	0.012211	71.342	54437000	1866	308	61782;61783; 61784;61785; 61786;61787; 61788;61789; 61790;61791	65110;65111; 65112;65113; 65114
YIDMIE R	7	938.4532	B8JL43;F1R858 ;Q6IMF9;Q6P3 G0;Q567C8;Q7 SYA7;A8WGJ5 ;Q8AX64;E7FB J1	tfa	Serotransferrin	2	1.16E-05	148.28	6.78E+09	1867	211	61792;61793; 61794;61795; 61796;61797; 61798;61799; 61800;61801; 61802;61803; 61804;61805; 61806;61807; 61808;61809; 61810;61811; 61812;61813; 61814;61815; 61816;61817; 61818;61819; 61820;61821; 61822;61823; 61824;61825; 61826;61827; 61828;61829; 61830;61831; 61832;61833; 61834;61835; 61836;61837; 61838;61839; 61840;61841; 61842;61843; 61844;61845; 61846;61847; 61848;61849; 61850;61851; 61852;61853; 61854;61855; 61856;61857;	65115;65116; 65117;65118; 65119;65120; 65121;65122; 65123;65124; 65125;65126; 65127;65128; 65129;65130; 65131;65132; 65133;65134; 65135;65136; 65137;65138; 65139;65140; 65141;65142; 65143;65144; 65145;65146; 65147;65148; 65149;65150; 65151;65152; 65153;65154; 65155;65156; 65157;65158; 65159;65160; 65161;65162; 65163;65164; 65165;65166; 65167;65168; 65169;65170; 65171;65172; 65173;65174; 65175;65176; 65177;65178; 65179;65180;

												61858;61859; 61860;61861; 61862;61863; 61864	65181;65182; 65183;65184; 65185;65186; 65187;65188; 65189;65190; 65191;65192; 65193;65194; 65195;65196; 65197;65198; 65199;65200; 65201;65202; 65203;65204; 65205;65206; 65207;65208; 65209;65210; 65211;65212; 65213;65214; 65215;65216; 65217;65218; 65219;65220; 65221;65222; 65223;65224; 65225;65226; 65227;65228; 65229;65230; 65231;65232; 65233;65234; 65235
YIEWGS QSPTIG SLR YHPYQ NPER	15   10	1692.847   1291.656	Q5XTN0;A7E2 N2  A0A0G2L1N0	crygmx   2	2   2	0.000736   3.83E-12	67.153   149.65	0   3.76E+08	0   1869	1868   19	145   2017	61865;61866	65236;65237
YIITYKP EEGEAK	13	1539.782	X1WF98	col12a1a	2;3	0.01661	90.827	34649000	1870	468		65238;65239; 65240;65241; 65242;65243; 65244;65245; 65246;65247; 65248;65249; 65250;65251; 65252;65253; 65254;65255; 65256;65257; 65258;65259; 65260;65261; 65262;65263; 65264;65265; 65266;65267 61893;61894; 61895;61896; 61897	65268;65269
YISPDE LADLY K	12	1425.703	Q6PC89	eno1b	2	0.003656	72.006	38322000	1871	426		61898;61899; 61900;61901; 61902;61903; 61904;61905;	65270;65271; 65272;65273; 65274;65275; 65276

YITGEN EAGAK	11	1151.546	F1QF69;A8KB A7	soul5	2	8.63E-05	122.28	2.49E+08	1872	160	61906;61907; 61908;61909; 61910;61911; 61912 61913;61914; 61915;61916; 61917;61918; 61919;61920; 61921;61922; 61923;61924; 61925;61926; 61927;61928; 61929 65277;65278; 65279;65280; 65281;65282; 65283;65284; 65285;65286; 65287;65288; 65289;65290; 65291;65292; 65293;65294	
YIVILDP AVSTGR	13	1402.782	A0A0G2KY72		2	0.00066	95.573	5.23E+08	1873	17	2021	65295;65296; 65297;65298; 65299;65300; 65301;65302; 65303;65304; 65305;65306; 65307;65308; 65309;65310; 65311;65312; 65313;65314; 65315;65316; 65317;65318; 65319;65320; 65321;65322; 65323;65324; 65325;65326; 65327;65328; 65329;65330; 65331;65332; 65333;65334; 65335;65336; 65337;65338; 65339;65340; 65341;65342; 65343;65344; 65345;65346; 65347;65348; 65349;65350; 65351;65352; 65353;65354; 65355;65356; 65357;65358; 65359;65360; 65361;65362; 65363;65364; 65365;65366; 65367;65368; 65369;65370; 65371;65372

YIWPSI DSTITE MK	14	1682.823	A0A0G2KIQ1		2	0.001374	71.349	4.74E+08	1874	11	2022	65373;65374; 65375;65376; 65377;65378	
YLAPN GYGGV QISPPSE HVK	20	2112.064	Q6DHR7;F1QT T5	zgc:9213 7	Alpha-amylase	2;3	1.09E-16	81.356	2.2E+08	1875	319	62032;62033; 62034;62035; 62036;62037; 62038;62039; 62040;62041; 62042;62043; 62044;62045; 62046;62047; 62048;62049; 62050;62051; 62052	65379;65380; 65381;65382; 65383;65384; 65385;65386; 65387;65388; 65389;65390; 65391;65392; 65393;65394; 65395;65396; 65397;65398; 65399;65400; 65401;65402; 65403;65404; 65405;65406; 65407;65408; 65409;65410
YLDGLT AER	9	1036.519	CON__P35908		2	1.15E-08	155.75	5.98E+08	1876	231	2024	65411;65412; 65413;65414; 65415;65416; 65417;65418; 65419;65420; 65421;65422; 65423;65424; 65425;65426; 65427;65428; 65429;65430; 65431;65432; 65433;65434; 65435;65436	
YLFGLD YVDR	10	1259.619	E9QD09;F1QD 93;A0A0R4IQG 9;E7F169;A0A0 R4IRY8;A0A0 R4IZT7;Q568R 4;B2GS58;A3K GZ6;F1QF86;A 0A0R4ICR2;A0 A0R4IF09;A1L 277	ppp3ca;p pp3cb;pp p3cca;pp p3ccb	Serine/threonine- protein phosphatase	2	0.016232	81.594	46929000	1877	81;43	62085;62086; 62087;62088; 62089;62090; 62091;62092; 62093;62094; 62095;62096; 62097;62098; 62099;62100	65437;65438; 65439;65440; 65441;65442; 65443
YLNGL QQSEG QDLK YLYEIA R	15	1704.868	Q1LYL6	ces2	Carboxylic ester hydrolase	2	0.003978	68.44	4818900	1878	364	62101	65444
YLYEIA R	7	926.4862	CON__P02768- 1;CON__P0276 9	2	0.029363	113.08	94041000	1879	221;220	2027	62102		
YNALFT PDELQQ VALPLL SNEDCK	24	2764.363	Q6DHD9;Q561 U4	zgc:1121 60	3	1.68E-11	60.133	42354000	1880	378	2028	65446;65447; 65448;65449; 65450;65451; 65452;65453;	

YNLNFL EAEK	10	1239.614	E7FBW8;A0A0 G2L6W2	hapln1b		2	0.000808	105.52	1.6E+08	1881	265	65454;65455; 65456 62120;62121; 62122;62123; 62124;62125; 62126;62127; 62128;62129; 62130;62131; 62132;62133; 62134;62135; 62136;62137; 62138;62139; 62140;62141; 62142;62143 65457;65458; 65459;65460; 65461;65462; 65463;65464; 65465;65466
YNNYL EDPLSR	11	1382.647	A2RV19	zgc:1586 19	2	3.3E-07	132.01	2.81E+08	1882	121	2030	65467;65468; 65469;65470; 65471;65472; 65473;65474; 65475;65476; 65477;65478; 65479;65480; 65481;65482; 65483;65484; 65485;65486; 65487;65488; 65489;65490; 65491;65492; 65493;65494; 65495;65496; 65497;65498; 65499;65500; 65501;65502; 65503;65504; 65505;65506; 65507;65508; 65509;65510; 65511;65512; 65513;65514; 65515
YQAGD LEK	8	922.4396	F1R2V0	aoc2		2	0.010625	106.04	1.78E+08	1883	326	62185;62186; 62187;62188; 62189;62190; 62191;62192; 62193;62194; 62195;62196 65516;65517; 65518;65519
YQDIEF DLQSFK	12	1531.72	X1WHB9	zgc:1141 81	2	0.002221	80.763	49196000	1884	469	2032	65520;65521; 65522;65523; 65524
YQEAL AK	7	821.4283	Q6P980;Q2TV6 5	sod2	Superoxide dismutase	2	0.038073	94.163	25437000	1885	423	62208;62209; 62210;62211; 62212;62213; 62214;62215; 62216;62217;

YQGTW YAVAK YRPDM EEEDAK	10 11	1185.582 1381.582	Q9PT95;A0A0 R4IVC3 Q9PUS1;Q7T00 2;Q561Y7;F1Q 5N4;E9QJ03	rbp4 psmb7		2 2,3	0.005591 1.03E-07	90.709 116.77	27614000 2.58E+08	1886 1887	459 288	62218;62219; 62220;62221; 62222 62223;62224; 62225 62226;62227; 62228;62229; 62230;62231; 62232;62233; 62234;62235; 62236;62237; 62238;62239; 62240;62241; 62242;62243; 62244;62245; 62246;62247; 62248 62249;62250; 62251;62252; 62253;62254; 62255;62256; 62257;62258; 62259;62260; 62261;62262; 62263;62264; 62265;62266; 62267 62268;62269; 62270;62271	65526 65527;65528; 65529;65530; 65531;65532; 65533;65534; 65535;65536; 65537;65538 65539;65540; 65541;65542 65543;65544; 65545	
YSEGLS AESDPR	12	1309.579	E7F5X6;F8W5P 0	ggt1b		2	0.022174	56.359	99493000	1888	251	62249;62250; 62251;62252; 62253;62254; 62255;62256; 62257;62258; 62259;62260; 62261;62262; 62263;62264; 62265;62266; 62267 62268;62269; 62270;62271	65539;65540; 65541;65542	
YSFLQF DPAPR	11	1339.656	Q803G3;Q7ZV E7;Q567Y8;F1 Q6Z7	ppp2cb;zc gc:56064; ppp2ca	Serine/threonine- protein phosphatase	2	0.008814	76.465	7547500	1889	292	62268;62269; 62270;62271	65543;65544; 65545	
YSHMD NGAAR	11	1209.581	Q08CQ0;Q6N WE8;Q32LS3;F 1QPJ6;F1QPX6	alas2;sb:c b283;LO C100535 398;zgc:1 52830		2	2.5E-99	217.36	3.09E+09	1890	359	2038;2039	65546;65547; 65548;65549; 65550;65551; 65552;65553; 65554;65555; 65556;65557; 65558;65559; 65560;65561; 65562;65563; 65564;65565; 65566;65567; 65568;65569; 65570;65571; 65572;65573; 65574;65575; 65576 65577	
YSLENT LTESEAR	13	1511.71	CON__Q14525			2	0.00273	71.555	3995700	1891	234	2040	65578;65579; 65580;65581; 65582;65583; 65584;65585;	
YSSLDG SGQEVRR	12	1296.595	F1QSR3;O5758 7;B0S6K5;A0A 0B5JFC8;A0A0 R4ITL5	tnw		2	2.1E-237	262.63	5.96E+09	1892	90;2	62339;62340; 62341;62342; 62343;62344; 62345;62346;	65578;65579; 65580;65581; 65582;65583; 65584;65585;	

62347;62348; 65586;65587;  
 62349;62350; 65588;65589;  
 62351;62352; 65590;65591;  
 62353;62354; 65592;65593;  
 62355;62356; 65594;65595;  
 62357;62358; 65596;65597;  
 62359;62360; 65598;65599;  
 62361;62362; 65600;65601;  
 62363;62364; 65602;65603;  
 62365;62366; 65604;65605;  
 62367;62368; 65606;65607;  
 62369;62370; 65608;65609;  
 62371;62372; 65610;65611;  
 62373;62374; 65612;65613;  
 62375 65614;65615;  
 65616;65617;  
 65618;65619;  
 65620;65621;  
 65622;65623;  
 65624;65625;  
 65626;65627;  
 65628;65629;  
 65630;65631;  
 65632;65633;  
 65634;65635;  
 65636;65637;  
 65638;65639;  
 65640;65641;  
 65642;65643;  
 65644;65645;  
 65646;65647;  
 65648;65649;  
 65650;65651;  
 65652;65653;  
 65654;65655;  
 65656;65657;  
 65658;65659;  
 65660;65661;  
 65662;65663;  
 65664;65665;  
 65666;65667;  
 65668;65669;  
 65670;65671;  
 65672;65673;  
 65674;65675;  
 65676;65677;  
 65678;65679;  
 65680;65681;  
 65682;65683;  
 65684

YSYTFE	8	1077.513	Q6NWD1;F1QJ	cpb1;cpa	2	0.006608	112.17	47825000	1893	308;	2042	65685;65686
LR			N9;A0A0R4IL	5;cpa1						413;		
			M4;A8KBB2;Q							310		

YTFIDP QIIQSA K	13	1522.803	6NZS0;Q6PHV 5;Q6DHB4;Q4 VBJ2;F1QL16 B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9;X1W BT0;E7F8T4;X 1WC44	a2ml;si:d key- 105h12.2; si:ch211- 212c13.8	2	0.00083	87.184	82566000	1894	106; 466; 467	2043	65687;65688; 65689;65690; 65691;65692; 65693;65694; 65695;65696; 65697;65698	
YTLDST AR	8	925.4505	Q5TZ29;Q5BL C2	apobb.1		2	0.001496	140.98	80526000	1895	385	62401;62402; 62403;62404; 62405;62406; 62407	65699;65700
YTSGPG AATIYP AAGGS DDWAY DLGVK	27	2702.25	Q6NWD1;F1QJ N9;A0A0R4IL M4;A8KBB2	cpbl		2;3	4.54E-76	170.11	1.06E+09	1896	308	62408;62409; 62410;62411; 62412;62413; 62414;62415; 62416;62417; 62418;62419; 62420;62421; 62422;62423; 62424;62425; 62426;62427; 62428;62429; 62430;62431; 62432;62433; 62434;62435; 62436;62437; 62438;62439; 62440;62441; 62442;62443; 62444;62445; 62446;62447; 62448;62449; 62450;62451; 62452;62453; 62454;62455; 62456;62457; 62458;62459; 62460;62461; 62462;62463; 62464;62465; 62466;62467; 62468;62469; 62470;62471; 62472;62473; 62474;62475; 62476;62477; 62478;62479; 62480;62481; 62482;62483; 62484;62485; 62486;62487;	65701;65702; 65703;65704; 65705;65706; 65707;65708; 65709;65710; 65711;65712; 65713;65714; 65715;65716; 65717;65718; 65719;65720; 65721;65722; 65723;65724; 65725;65726; 65727;65728; 65729;65730; 65731;65732; 65733;65734; 65735;65736; 65737;65738; 65739;65740; 65741;65742; 65743;65744; 65745;65746; 65747;65748; 65749;65750; 65751;65752; 65753;65754; 65755;65756; 65757;65758; 65759;65760; 65761;65762; 65763;65764; 65765;65766; 65767;65768; 65769;65770; 65771;65772; 65773;65774; 65775;65776; 65777;65778; 65779;65780;



62488;62489; 65781;65782;  
62490;62491; 65783;65784;  
62492;62493; 65785;65786;  
62494;62495; 65787;65788;  
62496;62497; 65789;65790;  
62498;62499; 65791;65792;  
62500;62501; 65793;65794;  
62502;62503; 65795;65796;  
62504;62505; 65797;65798;  
62506;62507; 65799;65800;  
62508;62509; 65801;65802;  
62510;62511; 65803;65804;  
62512;62513; 65805;65806;  
62514;62515; 65807;65808;  
62516;62517; 65809;65810;  
62518;62519; 65811;65812;  
62520;62521; 65813;65814;  
62522;62523; 65815;65816;  
62524;62525; 65817;65818;  
62526;62527; 65819;65820;  
62528;62529; 65821;65822;  
62530;62531; 65823;65824;  
62532;62533; 65825;65826;  
62534;62535; 65827;65828;  
62536;62537; 65829;65830;  
62538;62539; 65831;65832;  
62540;62541; 65833;65834;  
62542;62543; 65835;65836;  
62544;62545; 65837;65838;  
62546;62547; 65839;65840;  
62548;62549; 65841;65842;  
62550;62551; 65843;65844;  
62552;62553; 65845;65846;  
62554;62555; 65847;65848;  
62556;62557; 65849;65850;  
62558;62559; 65851;65852;  
62560;62561; 65853;65854;  
62562;62563; 65855;65856;  
62564;62565; 65857;65858;  
62566;62567; 65859;65860;  
62568 65861;65862;  
65863;65864;  
65865;65866;  
65867;65868;  
65869;65870;  
65871;65872;  
65873;65874;  
65875;65876;  
65877;65878;  
65879;65880;  
65881;65882;  
65883;65884;  
65885;65886;

65887;65888;  
65889

YTYGQ PVP GK	10	1108.555	B8QSI4;A0JMP 8;F6NTZ9;X1W BT0;E7F8T4	a2ml;si:d key- 105h12.2	2	4.4E-07	128.93	6.95E+08	1897	106; 466	2046	65890;65891; 65892;65893; 65894;65895; 65896;65897; 65898;65899; 65900 62587;62588	65901
YVELA NSAAK YVFDQ ENFQGR	10 11	1064.55 1401.631	E7FFA5 E7F4V5	ace crybb112	2 2	0.021574 0.000406	74.464 116.05	8668500 1.27E+08	1898 1899	271 250	62589;62590; 62591;62592; 62593;62594; 62595;62596; 62597;62598; 62599;62600; 62601;62602; 62603;62604; 62605;62606; 62607;62608; 62609;62610; 62611 65915;65916; 65917;65918; 65919	65902;65903; 65904;65905; 65906;65907; 65908;65909; 65910;65911; 65912;65913; 65914	
YVQPV ALPNGC AADGT MCR YYEFGT QAHSN QIQSMR	19 17	2052.943 2058.922	E7FBA9;F8W4J 1;Q7SX90;F1R 894;F8W3C3 Q61QU2	prss59.2; prss59.1 cryba2a	2	2.2E-16 2;3	112.42 3.4E-152	50145000 186.43	1900 2.5E+08	263; 333	2049 406	65915;65916; 65917;65918; 65919 62621;62622; 62623;62624; 62625;62626; 62627;62628; 62629;62630; 62631;62632	65920;65921; 65922;65923; 65924;65925; 65926;65927; 65928;65929; 65930
YYGYT GAFR YYMTQ VEETQY AVDQN QLK	9 19	1096.498 2350.079	CON__Q29443; CON__Q01IK2 Q6DHR6;E7EZ 90	2 thop1	0.032504	86.794 2;3	5612300 0.000411	1902 62.924	233 49240000	2052	62633 244	62634;62635; 62636;62637; 62638;62639; 62640;62641; 62642;62643; 62644;62645; 62646;62647; 62648;62649; 62650;62651	65932;65933; 65934;65935; 65936;65937; 65938;65939



Q7ZVV2;Q 6NYR6;F1 QZ04;A0A 0R4IW78;E 7EXK9;F1 QXZ4 Q90XD4;Q 6NXA6;A0 A0R4IUR6 Q712J4;Q9 0Y38;Q6P0 S5;Q4QRI0 F1R074;A0 A0R4IJ40; B3GQ71;B 3GQ72;A0 A0R4IPG9 Q803T5	171;322;366;793;857;10 71;1456;1579;1699	9;9;9;9;6;4	9;9;9;9;6;4	Aminoacylase-1	acy1;CU 896698.1	21.2	21.2	47.369	420	0	100.13
E7FGD0	511	1	1	Adenosylhomo- cysteinase	ahcy	8.8	8.8	47.964	433	0	20.344
Q568L9;A0 A0R4IPV1 Q08CQ0;Q 6NWE8;Q3 2LS3;F1QP J6;F1QPX6 ;X1WC28 A0A0R4IU 94;E9QBQ 4;E9QF34; Q7ZW73 Q4QRJ9;E7 F8M7;F1Q NK5 Q7ZTV9;E 7F9U9;K4 KG66;F1Q 5B5;Q8AX Y4;E9QCQ 8;E9QHW5 ;F8W379;Q 58EF1;K4K E24;F8W30 7;F1QAR9; H9GX67 Q6P5J0;Q7 SYL6 A4FUN4;A 0A0R4IZV 6 Q804G3;F8 W2N0	1240;1471 50;56;203;411;601;1042; 1341;1593;1604;1741;17 99;1804;1890	2;2 13;13;13;9;6;3	2;2 13;13;13;9;6;3	Delta-aminolevulinic acid dehydratase	alad alas2;sb:c b283;LO C100535 398	6.6 29.1	6.6 29.1	36.032 55.521	331 512	0 0	11.432 323.31
Q804G3;F8 W2N0	64;1608;1738	3	3	Fructose-bisphosphate aldolase	aldob	7.4	7.4	15.104	136	0	8.7338
Q804G3;F8 W2N0	430;1077;1287	3;3;3	3;3;3	Alkaline phosphatase	alpi.2	6.7	6.7	56.961	521	0	49.937
Q804G3;F8 W2N0	98;1170;1206;1208;1275 ;1446;1748	7;7;7;7;5;4;1;1; ;1;1;1;1	7;7;7;7;5;4;1;1; ;1;1;1;1	Alpha-amylase	amy2a	16.4	14.1	56.947	512	0	222.93
Q804G3;F8 W2N0	91;168;211;816;948;104 4	6;4	5;3	Annexin	anpepb	9.4	9.4	110.02	965	0	183.41
Q804G3;F8 W2N0	80;109;324;426;1342;15 68;1801	7;6	7;6								
Q804G3;F8 W2N0	400	1;1	1;1		anxa11b	3.1	3.1	51.461	485	0	9.1952

Q804G2;Q98SH7;Q6PHG3;FIREH8;A8E7L1;Q4VBH6;A8E7L0	249;543;1339	3;3;3;3;1;1;1	3;3;3;3;1;1;1	Annexin	anxa13	12.1	12.1	32.419	290	0	18.791
Q804G9;Q6P603	299	1;1	1;1	Annexin	anxa2a	3.6	3.6	38.152	337	0.00231	7.0902
Q804G7	28;611;1613;1662;1719	5	5	Annexin	anxa4	15	15	35.634	321	0	42.149
Q804G6;Q803A1;Q6P0V8;A9JTC0;A0A0R4IKN3	247;1092	2;2;2;2;1	2;2;2;2;1	Annexin	anxa5b	8.5	8.5	35.057	317	0	31.804
F1R6N3;F6IA10;A8KBY8;F1QZ98;F1QSK0;Q6DG13;F8W331	246;610;1661	3;3;3;2;2;2;2	3;3;3;2;2;2;2	Annexin	anxa6	5.8	5.8	64.141	568	0	16.708
A0JMP5	403;1437	2	2	Amine oxidase	aoc1	2.7	2.7	85.578	742	0	11.165
F1R2V0	270;495;969;1392;1618;1883	6	6		aoc2	8.7	8.7	85.247	746	0	66.448
A0A0R4IJN7;F1QHMH8;B2GRE0;A0A0R4IEX4;A0A0R4IAM5	1842	1;1;1;1;1	1;1;1;1;1	Methylthioribulose-1-phosphate dehydratase	apip	7.4	7.4	25.956	230	0	7.3475
B3DFP9	308;309;691;692;763;1047;1239;1319;1469;1470	10	10		apoa2	44.7	44.7	15.537	141	0	323.31
E7FBD3	29;60;303;307;327;399;421;465;466;467;510;648;796;800;809;840;887;891;982;984;1098;1142;1173;1267;1374;1491;1823	27	27		apoba	7.4	7.4	495.98	4418	0	303.18
Q5TZ29;Q5BLC2;A8E4Z5	57;85;264;282;367;486;505;506;507;530;534;622;656;662;703;704;714;764;794;814;815;836;873;890;907;954;967;983;1016;1017;1054;1079;1102;1104;1254;1265;1276;1291;1344;1371;1398;1412;1427;1495;1503;1621;1637;1643;1788;1813;1846;1895	52;4;1	52;4;1		apobb.1	16.8	16.8	412.59	3730	0	323.31
E9QFX0;E9QDI1	1465	1;1	1;1		apoc11	16.7	16.7	9.785	84	0	15.666
E7F2R8	428	1	1		apoda.2	5.8	5.8	21.015	189	0.004525	6.8695

A4VAJ8;A 8KBA6;E9 QBB8	107;905;1541	3;2;1	3;2;1		apoeb	24.1	24.1	17.824	158	0	27.11
F1Q9N0;F1 QX33;FIQ FH8	331;1567	2;2;2	2;2;2		apom	12.2	12.2	21.241	189	0	85.604
Q5BL32;Q 1LXA0;A5 WV48	631;1362	2;2;2	2;2;2		arsa	5.8	5.8	54.608	499	0	13.958
B3DKL0;A 2CEW4	1076	1;1	1;1		atic	2.2	2.2	64.043	590	0.002359	7.2258
Q90Z34	781	1	1		atp1b2b	4.1	4.1	33.956	292	0	8.815
Q642Z0;Q5 U3A4;A0J MP4;Q7Z W18;B2GR T2;A9C3Q 5;A9C3Q4; A2BIP1;F1 Q4P9;Q6Z M60;A0A0 R4IQS8;F1 Q7N8	73;740;886;1013;1696	5;5;3;3;3;3;2; ;2;2;2	5;5;3;3;3;3;2; ;2;2;2	Calcium-transporting ATPase	atp2a1;at p2a1;atp 2a2a	5.2	5.2	108.76	994	0	119
Q6PBQ7;Q 6P6E0	1645	1;1	1;1		atp5f1	12.6	12.6	11.342	103	0.008969	6.8311
E9QFU8;E 9QCQ6;F1 QLF8;Q6D G83;Q6PC1 0;Q5RHB8 F1QU55	1;383;392;398;1088;123 8	6;5;5;5;1;1	6;5;5;5;1;1	Branched-chain- amino-acid aminotransferase	bcat2	19.2	19.2	43.515	391	0	194
A2BIJ2;A9 JT15	877	1;1	1;1		bhmt	2.5	2.5	44.082	400	0	14.276
Q6TNV6;Q 5XJU0;U3J AH9	1309	1;1;1	1;1;1		bsdc1	5.2	5.2	25.147	229	0.006742	6.8341
E7F2B6	83	1	1		bub3	2.5	2.5	36.274	326	0	43.436
B8JKW4;Q 7SXX0;Q3 MU73;F1R 9X9;F1QX 13;Q3MU7 4;F1QV29; A6H8S2;F1 Q4X5	0;453;786;847;1005;128 5;1327;1506;1678;1681; 1732;1794;1795	13;11;3;3;3;2;2; 1;1	13;11;3;3;3;2;2; 1;1	c3a.1	BX92729 4.1 9.7	1.7 9.7	1.7 183.23	86.979 1643	777 0	1 323.31	-2
F1RBT4;Q 5BKW6	314;373;783;849;1143;1 262	6;5	3;2	Metalloendopeptidase	c6ast3	34.9	23.5	29.126	255	0	27.225
F1QJH7;Q4 QRC8;F1Q 845	314;373;605;782;849;11 47;1258;1436;1450	9;9;9	6;6;6	Metalloendopeptidase	c6ast4	39.1	27.9	29.588	258	0	323.31

Q6DBS1;F1QG32;Q32LW3	778;1032;1292	3;3;3	3;3;3		ca4b	10.5	10.5	34.663	314	0	47.625
E7EZJ2	630;702;910;1391;1606;1776;1863	7	7		CABZ01	5.5	5.5	187.09	1715	0	99.864
E7EZY3;E7F9R3;A0A0G2L4F1;A0A0G2KWF0;Q7SXX3;A8KC20B2GQW3	551	1;1;1;1;1	1;1;1;1;1	Pyruvate kinase	CABZ01048373.1 CABZ01066502.1; pklr	2.1	2.1	58.433	535	0.002315	7.1132
Q9PUC1;A0A0R4ILP1;Q6PE26;Q6NV30;A0A0B5JPZ1;A0A0R4IZM7	19;224;293	3	3		calm3a	25.5	25.5	16.837	149	0	283.26
Q802X3;Q6DI13;A0A0R4IL29;A0A0B5JS27	698;1651	2;2;2;2;1	1;1;1;1;0		calr3a	9.6	5.8	48.723	417	0	28.331
FIR9S0	697;1651	2;2;2;2	1;1;1;1		calr3b	9.6	5.8	48.259	417	0	35.529
Q1LYL6;Q1LUZ9;FIR9X5;Q5BJI3;Q6GMJ1;Q08BF1;F8W4H0;F8W2G9;Q1LYL5;Q32LW0	82;161;179;335	4	4		cecr1a	8.5	8.5	57.518	503	0	25.639
A0A0R4IPL8;A7MC20;A5PLB5	401;868;1510;1878	4;2;2;2;2;1;1;1	4;2;2;2;2;1;1;1	Carboxylic ester hydrolase	ces2;ces3	10.1	10.1	60.611	554	0	53.632
Q7ZVF1	1639	1;1;1	1;1;1		cfhl4	2.5	2.5	52.444	471	0.004546	6.9016
Q803B7;Q6P006;B5DD	156;178;966;1122;1497;1555;1569;1757	8	8		chia.1	24.4	24.4	50.781	455	0	124.69
E1;Q6NZZ8;X1WEU8	196;382;532;654;1036;1201;1300;1586	8;8;4;4;1	8;8;4;4;1		chia.2;chia.3	23.8	23.8	52.508	470	0	128.52
Q6PHU7;Q6P0K5;F1QJL0;A0A0R4IU02;Q7ZV48;B7ZVM0	396;625;1015	3;3;3;3;3;1	3;3;3;3;3;1		chia.6;zg c:65788	11.2	11.2	53.454	480	0	22.322
Q5BLC3;F1Q775	1401	1;1	1;1		cilp	3.1	3.1	58.766	520	0.004598	7.0547
Q8AY63;Q7ZU04;R4	381;582;919;940;1106;1318;1479	7;7;4;3;3;2;2;1;1;1	6;6;4;3;3;1;1;1;0	ckbb	21	17.3	42.883	381	0	323.31	

GE87;R4G EP9;F6NIF 4;A0A0R4I U65;Q08B V6;A0A0R 4IGD0;R4G DX0;B8JJ2 3;B8JJ24 Q90X19;A2 BHA3;Q9P V91	250;462;472;571;582;71 2;978;991;1478	9;9;7	6;6;5	ckma	22.8	15.5	42.824	381	0	128.53
Q7T306;A8 E5L0;A0A0 R4IA56	376;472;582;978	4;4;4	1;1;1	ckmb	10	2.6	42.851	380	0	7.4558
F6PA24;A0 A0R4IJU9; A2CEA5;A 2CEA4;Q6 PC86;F6N MS7;A8W G85;A8E5J 9	822;1069;1070;1577;179 6	5;5;5;5;5;5;5	5;5;5;5;5;5;5	ckmt2b	23.6	23.6	26.023	237	0	44.847
B0S690;Q3 2LR3;Q1JP T8	1095	1;1;1	1;1;1	clybl	10.1	10.1	13.144	119	1	-2
E7FE19;A0 A0R4IMW 7;A0A0R4I RJ5	361;446;1521;1598;1685	5;2;2	5;2;2	cnp	15.6	15.6	46.52	424	0	323.31
F1QXD5;A 2RQR3;A1 KXD7	565;1141;1409	3;3;1	3;3;1	col10a1a	7.6	7.6	62.599	655	0	323.31
D6MUD3; A0A0R4IS K1	573;629;1509	3;3	3;3	col11a1b	1.9	1.9	180.93	1815	0	17.548
X1WF98;B 5DC62	90;137;375;522;596;603; 745;851;1168;1520;1580 ;1759;1774;1798;1824;1 832;1870	17;4	16;3	col12a1a	8.6	8.3	321.9	2975	0	254.89
E7FG81;I3I T32;I3ISL8	135;136;518;624;666;72 4;731;986;1038;1060;11 65;1166;1167;1413;1525 ;1759;1775;1797;1821	19;14;1	18;13;1	col12a1b	7.5	7.3	395.19	3643	0	323.31
Q4TZW5;Q 8AWC6;Q4 TZW4;Q2P BM9;Q2PB M8;B0S8G 3;B0S8G5; Q2PBM7;B 0S8G4	272;1000	2;2;2;2;2;2;2;2	2;2;2;2;2;2;2;2	col18a1	10.9	10.9	20.49	183	0	27.69
F1QSC5;B1 WB89;Q6U	1504	1;1;1;1;1	1;1;1;1;1	col1a1a	1.1	1.1	128.04	1366	0	41.169



1J5;Q6P4U 1;F1QJC9 Q6PEI9;F1 QDL1;Q90 Y19;Q6NZ1 5	560;578;1417;1502	4;4;2;1	4;4;2;1	colla1b	3.6	3.6	136.93	1449	0	81.284
A0A0R4IH C0;Q90YJ0 ;Q6IQX2;E 9QCG6	49;563;570;609;633;650	6;6;6;6	6;6;6;6	colla2	6.9	6.9	127.12	1351	0	323.31
B3DLK0;A 0A0R4IMA 3;A0A0R4I HB0;Q2LD A1;B3DKQ 3;Q90412	218;561;621	3;3;3;3;3;1	3;3;3;3;3;1	col2a1a	3.2	3.2	134.79	1421	0	207.16
Q4TZW7;F 1QYN1	132;1743	2;2	2;2	col4a6	8.6	8.6	26.867	243	0	11.887
F1Q6P3;A0 A0R4IDY3 E7FCV8;A 3KNX1	548;550;926;1024;1411; 1671 362;1007;1135	6;4 3;2	6;4 3;2	col6a1 col6a2	7.2 2.7	7.2 2.7	107.46 106.91	1007 1015	0 0	44.597 25.622
F1Q924;X1 WEZ4	566;690	2;1	2;1	col6a6	1.2	1.2	278.06	2543	0	24.184
B7SW26;B 0S5W0	1025	1;1	1;1	col8a1a	2.3	2.3	69.301	711	0	32.979
F1QTQ2;B 3DJC9	541;568	2;2	2;2	col9a1a	5.4	5.4	65.85	687	0	129.57
Q6NUV1;E 9QHV3;B8 A4T6;A0A 0R4II70	569;660	2;2;2;2	2;2;2;2	col9a1b	5.1	5.1	54.525	568	0	14.171
A9JTG2;F1 R1F1	215;556;616;667	4;4	4;4	col9a3	7.9	7.9	62.887	672	0	27.535
F1Q6A4;F1 R0Q2	588;1698	2;1	2;1	comtd1	10.5	10.5	31.763	286	0	31.933
Q6DHB4;Q 4VBJ2;F1Q L16	71;281;716;842;863;189 3	6;6;6	4;4;4	cpa1	15.1	9.6	47.16	416	0	21.693
Q6GMH9;F 1QRY2	386;779;1154;1216;1220	5;5	5;5	cpa4	12.5	12.5	46.973	417	0	96.153
Q6NZS0;Q 6PHV5;Q9 0WI2	70;445;863;1219;1805;1 893	6;6;3	4;4;2	cpa5	18.8	13.3	47.199	415	0	278.94
Q6NWD1;F 1QJN9;A0 A0R4ILM4 ;A8KBB2	1159;1202;1289;1866;18 93;1896	6;6;5;5	5;5;4;4	cpb1	18.4	16.4	46.41	414	0	292.67
Q1LX40;Q 1LX41	544;1488	2;1	2;1	cpne2	5.2	5.2	62.828	563	0	58.514
B8JLQ9	1682	1	1	cpo	4.4	4.4	40.963	363	0	18.547

Q1XIH8;Q 1LY08;Q05 AK3	79;1858	2;2;2	2;2;2		cpox	4.9	4.9	50.987	449	0	17.24
G1K2K5	1006;1551;1816	3	3		cpped1	11.3	11.3	35.048	309	0	25.743
E7EYE1;A 0A0R4IER 4;A0A0R4I NP3;A0A0 R4IJB9;A0 A0R4IPK3	646;1190;1256	3;3;3;1;1	3;3;3;1;1		CR84797 3.1	2.6	2.6	145.57	1322	0	19.245
Q7SZ53;F6 P334;X4Y KC7;Q5XJ 77	151;627;1531;1602;1845	5;5;3;3	1;1;1;1		crp2;CRP	24.3	6.3	24.947	222	0	14.967
A8KBB1;A 8KBB0;A3 KPG5;X4Y MF4;X4YD Y8;A7E2J1 ;A3KPH6; A3KPH5;X 4Z0F0;X4Y KD2	170;627;908;1559;1676; 1845	6;6;6;1;1;1;1;1; ;1	0;0;0;0;0;0;0;0; ;0	crp3	26.9	0	25.06	223	0	228.95	
Q1RM11;X 4Z2B1;X4Z 0E7	1552;1601	2;2;2	2;2;2		crp4	8.9	8.9	25.103	224	0	11.439
L7QIX7	627;1603;1845	3	0		CRP5.2	14.2	0	25.487	225	0	20.55
A1XF92;A 6H8Q2	668;1187	2;1	2;1		crtac1a	5.7	5.7	59.011	546	0	15.991
A7YYE8	110;830;1100;1233	4	1		cryba1b	22.7	5.1	23.295	198	0	289.37
Q6DGY4	448;830;1100;1233	4	1		cryba1b	25.3	7.6	23.276	198	0	8.2615
Q567D9;Q5 2J16;A0A14 0LGC6;Q5 XJK0;F1Q TR1;B5M4 A7;A0A0R 4IHY1	1221;1315;1793	3;3;1;1;1;1;1	3;3;1;1;1;1;1		cryba111	17.6	17.6	23.366	199	0	323.31
Q61QU2;F8 W363;F8W 389;F8W3 H5	414;670;821;828;829;89 8;899;1625;1901	9;7;6;5	8;7;6;5		cryba2a	48.7	44.7	23.826	197	0	323.31
Q45FX9;Q 6DGY2	169;670;1105;1113;1648	5;4	4;3		cryba2b	36	32	23.568	197	0	170.15
Q52JI7	350;760	2	2		cryba4	13.8	13.8	23.028	196	0	323.31
Q90WT1;Q 6DGZ8;F1 QT01	564;728;1099;1501;1740	5;5;5	5;5;5		crybb1	25.9	25.9	26.781	232	0	323.31
E7F8M1;Q 502C7	645;1118;1127;1129	4;4	1;1		crybb111	14.2	5	25.568	219	0	323.31

A7E2K5	645;1118;1127;1128	4	1		crybb1l2	14	5	25.958	221	1	-2
E7F4V5	645;1118;1899	3	1		crybb1l2	10.5	5.8	22.822	191	0	7.3913
A7E2K7	1348;1781	2	1		crygm2d12	9.2	5.2	21.316	173	0	14.281
Q6DH12;E7FFX3	1117;1132;1781	3;3	1;1		crygm2d13	15	5.2	21.181	173	0	16.809
Q6IQK6;B0V191;A7MC89;Q6DGY0;B0V190	1117;1133;1803	3;3;3;2;2	0;0;0;0;0		crygm2d18;crygm2d16;crygm2d15	14.9	0	21.328	174	1	-2
Q6DGX6;Q15I87;A8KBB6	273;1117;1134;1692	4;3;1	1;1;1		crygm2d8;crygm2d1	26.3	4	21.576	175	1	-2
Q5XTN0;A7E2N2	1868	1;1	1;1		crygm2d1	8.6	8.6	20.641	175	0.002326	7.133
A0A0A0MPG3;Q5R2V3	165;574;580;1659	4;2	4;2		crygn2	23.8	23.8	24.248	206	0	184.79
B2GTW6;B2GT34	378	1;1	1;1	Citrate synthase	cs	2.1	2.1	51.783	468	0	14.842
Q7ZUH6;E7EYW5	1234;1535;1556	3;2	1;1		cst14a.2	41	12	11.147	100	0	19.197
F1RBG8;Q08BN2	1736;1750	2;1	2;1		cst14b.1	21.8	21.8	11.195	101	0	74.237
Q90424;Q7ZU14;F1QGH7;A0A0N4SUA5	1074	1;1;1;1	1;1;1;1		ctnbn1	2.3	2.3	85.542	780	0	11.981
Q7SX97;F1QFX9	154;1421	2;2	2;2		ctrbl	9.1	9.1	28.259	263	0	323.31
Q66HW9	1313	1	1		ctrl	3.8	3.8	27.886	261	0	93.272
Q6P2V1;A0A0R4IK18;A0A0R4IBK4	1204;1210;1751	3;3;3	3;3;3		ctsc	7.3	7.3	50.614	455	0	24.259
Q6NWF2;F1R4G6	614;1843	2;1	2;1		ctsh	7.6	7.6	37.496	330	0	48.394
Q5XJD4;F1RDQ9	1669	1;1	1;1		ctsz	4	4	33.604	301	0	8.2329
X1WG04;A0A0R4IHW6	227;533;922;1144;1562	5;5	5;5		cubn	1.9	1.9	388.23	3578	0	56.697
E7FCX7;Q6P0E4;Q9PWD8;Q1LXJ7;A0A0R4IV49;A0A0R4II96;A0A0R4IXF3;E9QDY3;Q1LXJ8;A1L222;Q5	59;131;867;1296;1330;1706	6;6;6;6;6;6;5;4;4;4;4;4;3;3;3;3;1;1	4;4;4;4;4;4;3;2;2;2;2;2;2;2;1;1;1;1	cyt11;cyt1;cki;krt92;krt17	14.5	10.7	45.905	420	0	28.304	

68U3;Q1R M74;F1Q7 G3;A0A0N 4SUF2;I3IT C7;Q1LXJ1 ;Q9PUB6;Q 6DHB6;I3I T59;I3ISA0													
Q803L1;Q6 TNU6	4;325;595;705;1463;154 4;1786	7;6	7;6	Dihydrolipoyl dehydrogenase	dldh	17.9	17.9	53.56	507	0	323.31		
A9JRE6	1035;1515	2	2		dmgdh	2.9	2.9	97.447	875	0	13.761		
E9QH47;F1 Q6J7	844	1;1	1;1		dnah7l	0.3	0.3	452.58	3966	1	-2		
Q803B5;A0 A0R4IAH2; F1QRP8;E9 QIJ1;E9QE G2	239;353;576;1126;1687; 1841	6;6;6;2;2	6;6;6;2;2		dnpep	14.3	14.3	51.23	469	0	71.16		
F1QFU9;Q 08BQ0	252;1301;1468;1590;172 7	5;4	5;4	Dipeptidase	dpep1	17.9	17.9	46.957	413	0	61.643		
F8W3R8;B IH1J6	791	1;1	1;1		dpys	3.6	3.6	33.15	303	0.002304	7.0604		
F1Q514;A0 A0R4IXD6; Q803Z4	1021;1762	2;2;2	2;2;2		ela2	7.5	7.5	28.799	266	0	11.36		
Q7SZ51;Q5 61U9;Q4Q RF8;B3DJ3 3;Q5RIZ2;F 1Q657;Q80 4G1	684;759;1758	3;3;3;3;3;3;1	3;3;3;3;3;3;1		ela2l	15	15	28.51	267	0	157.83		
Q504D4;Q5 3CG5;F1Q RL3;A2BG P5	1020;1770	2;2;1;1	2;2;1;1		ela3l	10	10	21.431	201	0	16.363		
Q6PC12;Q6 IQP5;E9QC X7;F6NUZ 4;Q6GQM9 Q6PC89	7;182;709;736;1735	5;5;3;1;1	2;2;1;0;0	Enolase	enola	16.2	7.9	47.073	432	0	13.267		
Q6TH14;Q 568G3;E9Q JI6;Q3B7R 7	7;143;710;736;1403;186 5;1871	7	5		enob	23.6	17.1	47.303	433	0	48.24		
B2GSM4;F 1QVT8	8;183;304;502;526;676;7 09;736	8;7;6;6	6;5;5;4	Enolase	eno3	26.3	22.2	47.472	433	0	163.71		
Q568H0;B8 JM11	352;1383	2;2	2;2		enpp6	5.3	5.3	50.694	438	0	12.014		
Q6NY70;Q 6DRJ5	1052;1053;1442;1505;17 16	5;5	5;5		epcam	16.8	16.8	34.116	303	0	171.97		
	1089;1137;1138;1443	4;2	4;2		epcam	11.6	11.6	34.218	302	0	146.4		

A0A0R4IF U5;F1R8R9 ;A7E2II Q6DH25	527	1;1;1	1;1;1	epdl2	6.2	6.2	19.87	178	0	156.74
Q08CJ3;A0 A0R4IF38	9	1	1	epdr1	5.3	5.3	23.466	206	0	137.12
F1QL87;Q8 JHC8;Q6P GW7;Q4V9 71;F1QLC3	1715;1814	2;2;2;2;2	2;2;2;2;2	esml	7.3	7.3	19.358	179	0.00883	6.7979
E7F821;Q5 03X5	885	1;1	1;1	fl0	6.1	6.1	53.325	472	0	12.832
F8W2A9	146;1455	2	2	fabp11b	13.4	13.4	10.906	97	0	8.5723
Q90ZG6;F8 W4L9;F8W 3N3;Q9I8N 9	934;1438	2;2;2;2	1;1;1;1	fabp1b.1	18.8	18.8	14.115	128	0	14.18
A0A140LG 92;Q6NWI 6;A0A0R4I WE1	35;87;972;1490;1686	5;5;5	5;5;5	fabp7a	25.2	13.5	12.444	111	0	318.94
B0R1C4	114;288;881;912;931;94 7	6	6	fahd2a	32.5	32.5	22.563	203	0	323.31
B6CS38;A0 A0G2KQ62 ;E7FG71	232;579;1075;1229;1679	5;3;1	5;3;1	fap	10	10	85.806	750	0	100.56
E7FE90	360;1405	2	2	fbn2b	1.7	1.7	310.31	2868	0	28.883
Q6NYE1	296	1	1	fetub	4.2	4.2	56.75	499	0	14.228
Q7ZVW2;F IRCG7;Q6I Q94;F8W2 D1	359	1;1;1;1	1;1;1;1	fgb	2.5	2.5	54.407	485	0	28.991
F1R9P5;E9 QI62;F1R1 UI	152;157;158;159;177;22 6;297;538;743;787;795;1 123;1130;1226;1406;149 3;1616;1777;1783;1860; 1861	21;20;1	19;18;0	fkbp4	2.9	2.9	50.492	449	0.002347	7.2258
A0A0R4IU S4;E7F1L7 F1QL44;F1 QP68	36;230;432;634;755;112 3;1407;1650;1778;1819 153;230;298;841;1123;1 322;1408;1754;1778;178 7;1820;1838;1861	10;10	7;7	flna	10.1	9.3	272.48	2552	0	323.31
Q6JAN2;F1 RB09;A0A 0R4IDI3;Q 58XP5;A2C EW3	418;1572	2;2;2;2;2	2;2;2;2;2	flnca	4.2	2.9	289.77	2702	0	132.69
A0A0R4IH 07;B6IDE7; D7PS92;F1 QE56;B6ID	469;1445	2;2;1;1;1;1;1;1;1	2;2;1;1;1;1;1;1;1	flncb	5.7	4.1	297.89	2773	0	142.39
				fn1b	1	1	265.48	2408	0	17.586
				frem2b;fr em3;frem 2a	1	1	347.23	3112	0	12.805

E6;A0A0R 4IWG1;D7 PS91;A0A0 R4IVT0;B6 IDE8 Q9DDT0	205;377;730;1086;1282; 1451	6	6	Ferritin	fth1a	41.8	41.8	20.719	177	0	323.31
Q66HX7	391;729;977;1087;1452	5	5	Ferritin	fth1b	28.8	28.8	20.697	177	0	123.47
Q7ZUD5;F 1QYH2	771;974	2;1	2;1		galcb	3	3	74.439	664	0	21.692
A0A0R4IG 11;E9QIH5; E9QGA9;F 1R3D3;E9 QCY9	547;1030;1056;1418;167 2;1694;1697;1700;1744	9;6;4;2;1	9;6;4;2;1	Glyceraldehyde-3- phosphate dehydrogenase	gapdh	38.4	38.4	36.099	336	0	245.45
A0A0H2U KQ1;F1QX 52;F8W3L4 ;F8W4N8 E7F5X6;F8 W5P0	61;1729	2;2;1;1	2;2;1;1		gatm	5	5	47.775	420	0	35.737
Q6P696	210;463;766;923;1380	5	5	Lactoylglycathione lyase	ggt1b	4.2	4.2	61.308	571	0	10.997
A7E2L4;A0 A0R4IJ56 Q7SYK7	200;228;305;758;846;10 61;1487 449;545;1376	7;1 3	7;1 2		glo1	24.4	24.4	20.301	180	0	222.76
Q8QFU2;Q 7ZU30;Q5 XJ09;F1QZ L6;CON__ Q3ZBD7 Q0IJ39;A8 DZE4;Q8Q FU1	306;388;456;615;1281;1 399;1500;1663	8;8;8;7;2	7;7;7;6;1	Aspartate aminotransferase Glucose-6-phosphate isomerase	gmb2l1	21.1	21.1	35.15	317	0	197.21
Q8UUT4;A 7E2P4	1080;1250	2;1	2;1		got2a	8.2	4.9	47.586	428	0	19.441
Q503Y5;F1 QS99;E7FG A5;A0A140 LH37;E9QJ 27	371;456;1474;1499	4;4;3	3;3;2	Glucose-6-phosphate isomerase	gpia	17.2	14.5	62.084	553	0	323.31
Q3B7G5;Q 561T0;Q0II Q4;A4FUL 2;F1QYX8; A3KMH5 F6P849;A4 FUP1	1080;1250	2;1	2;1		gpib	10.1	7.4	62.179	553	0	30.055
E7FBW8;A 0A0G2L6 W2	390;407;529;1512	4;4;4;3;2	4;4;4;3;2		gpm6aa	8.3	8.3	30.895	278	0	14.328
Q3B7G5;Q 561T0;Q0II Q4;A4FUL 2;F1QYX8; A3KMH5 F6P849;A4 FUP1	799	1;1;1;1;1;1	1;1;1;1;1;1		gsr	12.9	12.9	46.07	425	0	323.31
F6P849;A4 FUP1	389;572;756;1009	4;4	4;4	Histidine ammonia- lyase	hadhab	3.9	3.9	33.7	307	0.008909	6.8106
E7FBW8;A 0A0G2L6 W2	290;1022;1039;1881	4;2	4;2		hal	8.6	8.6	72.11	654	0	25.435
					hapln1b	11.3	11.3	40.225	353	0	28.572



F1R5K7;B2 RZ10;F1RC P6;A0A0R4 IZA6;A0A0 R4IMY4;A 0A0R4IVZ 2	163;1230	2;2;2;2;2	2;2;2;2;2		hspg2	0.7	0.7	369.98	3397	0	12.528
F1QNK8;A 0A0R4IB72 ;X1WC35 Q6XG62	356;1257	2;2;1	2;2;1	Hydroxypyruvate isomerase	hyi	8.7	8.7	30.954	276	0	18.507
A3FKT8	92;384	2	1	Protein S100	icn	25.3	13.7	10.407	95	0	60.303
Q1RM72;A 0A0H2UK5 5;A0A0H2 UJT1;A0A0 H2UJJ9;Q7 T296;B0R0 N3;A0A140 UHX5 E7FBD5;A 0A0F7C9F 3	92;117;385	3	2	Protein S100	icn2	33	21.6	10.715	97	0	16.568
E7F2X5;A0 A0R4IJF2; E9QDD7 F1QFF4;F1 QC06 Q3YAA1;F 1QG85 A0A0R4IR 57;Q3YAA 0;B3DHB6 Q3YA99;B 3DIV2;F8 W3S8;Q19 U12;Q19U1 1;Q19U09; Q6NWK9; A0A0R4IX Q6 B2GQG8	1489	1;1;1;1;1;1	1;1;1;1;1;1		im:71439 23;cpne5; si:ch211- 180j19.1	5	5	31.864	280	0	121.42
E7F2X5;A0 A0R4IJF2; E9QDD7 F1QFF4;F1 QC06 Q3YAA1;F 1QG85 A0A0R4IR 57;Q3YAA 0;B3DHB6 Q3YA99;B 3DIV2;F8 W3S8;Q19 U12;Q19U1 1;Q19U09; Q6NWK9; A0A0R4IX Q6 B2GQG8	144;737;1278	3;3	3;3		iqgap1	2.8	2.8	188.56	1655	0	24.507
Q6NY60;F 1QK60;A9J RS6;Q9PV 92;F1RDG4 Q6P3K5;Q 9PUB5;F1R 5A5;F1QV 31;E9QBD 7	485;517	2;2;2	2;2;2		itga1	3.2	3.2	105.42	938	0	13.338
Q6NY60;F 1QK60;A9J RS6;Q9PV 92;F1RDG4 Q6P3K5;Q 9PUB5;F1R 5A5;F1QV 31;E9QBD 7	1381	1;1	1;1		itga2.2	2.5	2.5	100.92	919	0	7.7933
Q6NY60;F 1QK60;A9J RS6;Q9PV 92;F1RDG4 Q6P3K5;Q 9PUB5;F1R 5A5;F1QV 31;E9QBD 7	202;854;942	3;3	3;3	Integrin beta	itgb1a	2.8	2.8	88.591	798	0	18.883
Q6NY60;F 1QK60;A9J RS6;Q9PV 92;F1RDG4 Q6P3K5;Q 9PUB5;F1R 5A5;F1QV 31;E9QBD 7	941;1326	2;2;2	2;2;2	Integrin beta	itgb1b	5	5	56.819	516	0	14.417
Q6NY60;F 1QK60;A9J RS6;Q9PV 92;F1RDG4 Q6P3K5;Q 9PUB5;F1R 5A5;F1QV 31;E9QBD 7	46;1480	2;2;2;1;1;1;1	2;2;2;1;1;1;1	Integrin beta	itgb1b.1;i tgb1b.2	3	3	86.569	787	0	12.816
Q6NY60;F 1QK60;A9J RS6;Q9PV 92;F1RDG4 Q6P3K5;Q 9PUB5;F1R 5A5;F1QV 31;E9QBD 7	516;725;867;1260;1688	5	4		krt18	10.7	9	48.602	431	0	44.895
Q6NY60;F 1QK60;A9J RS6;Q9PV 92;F1RDG4 Q6P3K5;Q 9PUB5;F1R 5A5;F1QV 31;E9QBD 7	300;452;461;855;1182;1 272;1612	7;7;7;6;2	2;2;2;2;1		krt4	11.5	4.4	54.027	497	0	42.468
Q6NY60;F 1QK60;A9J RS6;Q9PV 92;F1RDG4 Q6P3K5;Q 9PUB5;F1R 5A5;F1QV 31;E9QBD 7	300;452;461;855;1183;1 272;1629	7;7;7;7;5	2;2;2;2;2		krt5	10.3	4	57.827	553	0	12.13



A8WGN0; CON_Q9 H552	301;461;920;1274	4;2	2;0		krt8	7.1	4	57.66	520	0	22.03
Q2Q1W5;F 1QKW3;D7 PSA0	6;219;476;515	4;4;4	4;4;4		lama5	1.3	1.3	403.51	3664	0	52.095
Q6NUU4	220;1547	2	2		lamc1	3.1	3.1	112.51	1021	0	11.241
A2BIC6	600;647;663;1277;1310; 1517;1537	7	7		lap3	21.3	21.3	55.368	517	0	323.31
F1Q8B5;A0 A0G2KIT0; A0A0N4ST W9;F1QBK 3	279;635	2;2;1;1	2;2;1;1		lct	1.2	1.2	216.63	1900	0	23.262
Q1RM49;Q 7ZW12;Q6 TEN9;F1Q NY5;A7M BS0;A0A0 R4IRD7 E7F7Y8	489;1441	2;2;2;2;2;2	2;2;2;2;2;2		LOC1000 00238;cp nel	12.7	12.7	29.333	260	0	30.085
E7FCP7	319;1151;1222;1321;137 9;1389;1857	7	7		LOC1003 30765	2.1	2.1	77.081	678	0.004535	6.874
E7EXE7	34	1	1		LOC1003 32784	9.5	9.5	107.97	956	0	100.18
E7FF92	671;1534	2	2		LOC1003 33762	1.5	1.5	80.393	780	0	7.491
Q6AZC2;A 2VD37;Q1J PZ1	155;1422	2;2;1	2;2;1		LOC5596 37	8.1	8.1	29.186	258	0	11.861
A0A0R4IV L1;A0A0R 4IVD8;E0A E56;A0A0 R4IAG0;A0 A0R4IYF9 E7EZ02	700;1157;1198;1528	4;4;4;4;4	4;4;4;4;4		LOC5621 39;zgc:13 6461	9.3	9.3	27.75	259	0	46.884
F1RDP7;Q 5PR40	129;422;1710	3;1	3;1		lrp2a	1.5	1.5	482.77	4316	0	28.554
Q90YS5;Q 24JW2	312;1589	2;2	2;2		lsm8	10.4	10.4	10.397	96	0.008791	6.7737
Q58EM3;F 1QTT0;A0 A0R4IU14; E9QDW2	96;661;843;1299;1574;1 779	6;6;6;2	6;6;6;2	Alpha-mannosidase	lxn	19.8	19.8	26.146	232	0	146.43
Q7ZVY7;Q 6NZS3;F1Q SS4	339;1261	2;2;2	2;2;2		lyz	15.2	15.2	17.132	151	0	40.804
F6P6F2;A5 WWJ4;Q7Z VP3;Q5NJ	864;1596;1634;1689	4;4;4;2;2;2;2	4;4;4;2;2;2;2		man2b1	9.5	9.5	111.54	982	0	44.612
					manba	2	2	102.47	901	0	12.272
					matn1	8.2	8.2	52.102	477	0	43.878

K2;A5WW J5;Q5NJL4; X1WH98 B3DKJ1;Q 6PYX2;Q5 NJJ5;Q5NJ J4;A0A0B5 JF83;Q5NJJ 1;Q5NJJ2; Q5CZQ6;Q 5NJJ3;Q5N JJ0 Q5RKM1; Q5RHM1 F1QRQ5;B 3DKP9 E7F2E3;A0 A0R4IC71 Q0ZBR7 F1R6P4 Q90WB4;Q 90XS6;FIQ 944;A0A0R 4ILU8;Q6N UY7;F1R9 R1;A0A0R 4IA15;Q7S ZR3;Q90W B2;Q90WB 3 E9QC94;E7 FTI2 B2GQM6 F1Q699;Q5 BJ14;F1R6I 7;A0A0R4I Q28;Q1JPV 5;F1QNZ9; A0A0R4IF 08;A0A0R4 IGP9;Q0IJ3 8;A0A0R4I E19 X1WF87;F 1QVX3;A7 E2L9 B8A568;B8 A561;B3DJ M6;B8A56 9;F1R6C7;	164;166;167;234;363;12 55;1410;1454;1675;1677	10;9;9;8;7;7;5; 5;4	10;9;9;8;7;7;5; 5;4	matn4	11.4	11.4	104.68	944	0	215.94	
Q5RKM1; Q5RHM1 F1QRQ5;B 3DKP9 E7F2E3;A0 A0R4IC71 Q0ZBR7 F1R6P4 Q90WB4;Q 90XS6;FIQ 944;A0A0R 4ILU8;Q6N UY7;F1R9 R1;A0A0R 4IA15;Q7S ZR3;Q90W B2;Q90WB 3 E9QC94;E7 FTI2 B2GQM6 F1Q699;Q5 BJ14;F1R6I 7;A0A0R4I Q28;Q1JPV 5;F1QNZ9; A0A0R4IF 08;A0A0R4 IGP9;Q0IJ3 8;A0A0R4I E19 X1WF87;F 1QVX3;A7 E2L9 B8A568;B8 A561;B3DJ M6;B8A56 9;F1R6C7;	1008;1242;1684	3;3	3;3	Metalloendopeptidase	mep1a.1	6.1	6.1	67.658	594	0	21.521
Q5RKM1; Q5RHM1 F1QRQ5;B 3DKP9 E7F2E3;A0 A0R4IC71 Q0ZBR7 F1R6P4 Q90WB4;Q 90XS6;FIQ 944;A0A0R 4ILU8;Q6N UY7;F1R9 R1;A0A0R 4IA15;Q7S ZR3;Q90W B2;Q90WB 3 E9QC94;E7 FTI2 B2GQM6 F1Q699;Q5 BJ14;F1R6I 7;A0A0R4I Q28;Q1JPV 5;F1QNZ9; A0A0R4IF 08;A0A0R4 IGP9;Q0IJ3 8;A0A0R4I E19 X1WF87;F 1QVX3;A7 E2L9 B8A568;B8 A561;B3DJ M6;B8A56 9;F1R6C7;	285;889	2;2	2;2	Metalloendopeptidase	mep1a.2	4	4	67.456	594	0	15.767
Q5RKM1; Q5RHM1 F1QRQ5;B 3DKP9 E7F2E3;A0 A0R4IC71 Q0ZBR7 F1R6P4 Q90WB4;Q 90XS6;FIQ 944;A0A0R 4ILU8;Q6N UY7;F1R9 R1;A0A0R 4IA15;Q7S ZR3;Q90W B2;Q90WB 3 E9QC94;E7 FTI2 B2GQM6 F1Q699;Q5 BJ14;F1R6I 7;A0A0R4I Q28;Q1JPV 5;F1QNZ9; A0A0R4IF 08;A0A0R4 IGP9;Q0IJ3 8;A0A0R4I E19 X1WF87;F 1QVX3;A7 E2L9 B8A568;B8 A561;B3DJ M6;B8A56 9;F1R6C7;	267;493;1543	3;3	3;3	Serotransferrin	mfi2	4.4	4.4	78.986	723	0	18.081
Q5RKM1; Q5RHM1 F1QRQ5;B 3DKP9 E7F2E3;A0 A0R4IC71 Q0ZBR7 F1R6P4 Q90WB4;Q 90XS6;FIQ 944;A0A0R 4ILU8;Q6N UY7;F1R9 R1;A0A0R 4IA15;Q7S ZR3;Q90W B2;Q90WB 3 E9QC94;E7 FTI2 B2GQM6 F1Q699;Q5 BJ14;F1R6I 7;A0A0R4I Q28;Q1JPV 5;F1QNZ9; A0A0R4IF 08;A0A0R4 IGP9;Q0IJ3 8;A0A0R4I E19 X1WF87;F 1QVX3;A7 E2L9 B8A568;B8 A561;B3DJ M6;B8A56 9;F1R6C7;	291;553;848;968;1235	5	5		mif	61.7	61.7	12.412	115	0	323.31
Q5RKM1; Q5RHM1 F1QRQ5;B 3DKP9 E7F2E3;A0 A0R4IC71 Q0ZBR7 F1R6P4 Q90WB4;Q 90XS6;FIQ 944;A0A0R 4ILU8;Q6N UY7;F1R9 R1;A0A0R 4IA15;Q7S ZR3;Q90W B2;Q90WB 3 E9QC94;E7 FTI2 B2GQM6 F1Q699;Q5 BJ14;F1R6I 7;A0A0R4I Q28;Q1JPV 5;F1QNZ9; A0A0R4IF 08;A0A0R4 IGP9;Q0IJ3 8;A0A0R4I E19 X1WF87;F 1QVX3;A7 E2L9 B8A568;B8 A561;B3DJ M6;B8A56 9;F1R6C7;	406	1	1		mipep	1.9	1.9	79.921	700	1	-2
Q5RKM1; Q5RHM1 F1QRQ5;B 3DKP9 E7F2E3;A0 A0R4IC71 Q0ZBR7 F1R6P4 Q90WB4;Q 90XS6;FIQ 944;A0A0R 4ILU8;Q6N UY7;F1R9 R1;A0A0R 4IA15;Q7S ZR3;Q90W B2;Q90WB 3 E9QC94;E7 FTI2 B2GQM6 F1Q699;Q5 BJ14;F1R6I 7;A0A0R4I Q28;Q1JPV 5;F1QNZ9; A0A0R4IF 08;A0A0R4 IGP9;Q0IJ3 8;A0A0R4I E19 X1WF87;F 1QVX3;A7 E2L9 B8A568;B8 A561;B3DJ M6;B8A56 9;F1R6C7;	266;450;1690;1833	4;4;4;4;4;4;3;1 ;1	4;4;4;4;4;4;3;1 ;1	mpx		7.4	7.4	75.826	678	0	28.168
Q5RKM1; Q5RHM1 F1QRQ5;B 3DKP9 E7F2E3;A0 A0R4IC71 Q0ZBR7 F1R6P4 Q90WB4;Q 90XS6;FIQ 944;A0A0R 4ILU8;Q6N UY7;F1R9 R1;A0A0R 4IA15;Q7S ZR3;Q90W B2;Q90WB 3 E9QC94;E7 FTI2 B2GQM6 F1Q699;Q5 BJ14;F1R6I 7;A0A0R4I Q28;Q1JPV 5;F1QNZ9; A0A0R4IF 08;A0A0R4 IGP9;Q0IJ3 8;A0A0R4I E19 X1WF87;F 1QVX3;A7 E2L9 B8A568;B8 A561;B3DJ M6;B8A56 9;F1R6C7;	1196	1;1	1;1		mpz11	6.7	6.7	21.108	195	0	8.1729
Q5RKM1; Q5RHM1 F1QRQ5;B 3DKP9 E7F2E3;A0 A0R4IC71 Q0ZBR7 F1R6P4 Q90WB4;Q 90XS6;FIQ 944;A0A0R 4ILU8;Q6N UY7;F1R9 R1;A0A0R 4IA15;Q7S ZR3;Q90W B2;Q90WB 3 E9QC94;E7 FTI2 B2GQM6 F1Q699;Q5 BJ14;F1R6I 7;A0A0R4I Q28;Q1JPV 5;F1QNZ9; A0A0R4IF 08;A0A0R4 IGP9;Q0IJ3 8;A0A0R4I E19 X1WF87;F 1QVX3;A7 E2L9 B8A568;B8 A561;B3DJ M6;B8A56 9;F1R6C7;	333;741	2	2	S-methyl-5- thioadenosine phosphorylase	mtap	12.5	12.5	30.847	280	0	30.882
Q5RKM1; Q5RHM1 F1QRQ5;B 3DKP9 E7F2E3;A0 A0R4IC71 Q0ZBR7 F1R6P4 Q90WB4;Q 90XS6;FIQ 944;A0A0R 4ILU8;Q6N UY7;F1R9 R1;A0A0R 4IA15;Q7S ZR3;Q90W B2;Q90WB 3 E9QC94;E7 FTI2 B2GQM6 F1Q699;Q5 BJ14;F1R6I 7;A0A0R4I Q28;Q1JPV 5;F1QNZ9; A0A0R4IF 08;A0A0R4 IGP9;Q0IJ3 8;A0A0R4I E19 X1WF87;F 1QVX3;A7 E2L9 B8A568;B8 A561;B3DJ M6;B8A56 9;F1R6C7;	231;330;835	3;3;3;1;1;1;1;1 ;1	3;3;3;1;1;1;1;1 ;1	mybpc2b		3.7	3.7	122.67	1092	0	19.803
Q5RKM1; Q5RHM1 F1QRQ5;B 3DKP9 E7F2E3;A0 A0R4IC71 Q0ZBR7 F1R6P4 Q90WB4;Q 90XS6;FIQ 944;A0A0R 4ILU8;Q6N UY7;F1R9 R1;A0A0R 4IA15;Q7S ZR3;Q90W B2;Q90WB 3 E9QC94;E7 FTI2 B2GQM6 F1Q699;Q5 BJ14;F1R6I 7;A0A0R4I Q28;Q1JPV 5;F1QNZ9; A0A0R4IF 08;A0A0R4 IGP9;Q0IJ3 8;A0A0R4I E19 X1WF87;F 1QVX3;A7 E2L9 B8A568;B8 A561;B3DJ M6;B8A56 9;F1R6C7;	193;374;861;862;874;90 0;901;915;916	9;9;7	1;1;1		myhb	3.1	0.7	222.6	1937	0	108.86
Q5RKM1; Q5RHM1 F1QRQ5;B 3DKP9 E7F2E3;A0 A0R4IC71 Q0ZBR7 F1R6P4 Q90WB4;Q 90XS6;FIQ 944;A0A0R 4ILU8;Q6N UY7;F1R9 R1;A0A0R 4IA15;Q7S ZR3;Q90W B2;Q90WB 3 E9QC94;E7 FTI2 B2GQM6 F1Q699;Q5 BJ14;F1R6I 7;A0A0R4I Q28;Q1JPV 5;F1QNZ9; A0A0R4IF 08;A0A0R4 IGP9;Q0IJ3 8;A0A0R4I E19 X1WF87;F 1QVX3;A7 E2L9 B8A568;B8 A561;B3DJ M6;B8A56 9;F1R6C7;	193;374;410;708;780;86 1;862;900;901;915;916;1 169;1522;1847	14;14;14;13;12; 12;12;12;12;11; 10;7;5;3;2;1;1;1; 1;1;1;1;1	5;5;5;5;4;3;3;3; ;3;2;1;1;1;0;0;0; 1;1;1;1;1;1	myhz1.1;myhz1.2;myh z1.3;myha;myhc4;myh z2;zgc:66156	6	3	222.15	1937	0	323.31	

Q508P7;A2 BGX6;E7F AD0;F1Q5 K4;Q6IQX 1;Q80Z4; Q803U1;A0 JMC2;Q90 ZE5;Q7T1 B8;Q7T1B7 ;Q9I8U6;Q 1JPZ0;A8E 507;A7Y22 4;A5D6S9; A9IT78;A9 JRR3 Q6P0G6	358;767	2	1		myl1	13.2	6.8	20.932	190	0	29.029
E9QI15;O9 3409 E7EXL6	1707	1;1	1;1		mylpfa	7.6	7.6	16.317	145	0	8.0965
F8W488;E7 EYD0 FIRD57;Q7 ZUD9 Q5XLR3;B 3DGT7 A0A0R4IL K8;A0A0R 4IH25;Q1L WP9 I3IS79;B8L F84 FIR998;F1 RAG3 X1WE42;E 7F6D3;X1 WGD8 Q6PC37;A0 A0G2L2L7 Q9PTF5;Q9 IAD3;Q7S XG5;FIRB S6;A0A0N 4STV7;A0 A0N4STW 1 A0A0R4IQ 82;Q9PTF4 ;Q7SXL4 Q9PTF3;A0 A0R4IS05 E9QH32;Q 7ZUI5;A8E	1668	1	1		myof	1	1	231.94	2045	0	7.298
	221	1;1	1;1		myom1a	5.2	5.2	28.074	249	0.002353	7.2258
	209;628;742;893;944;99 5;1115;1420;1549	9;8	9;8		naalad2	16.9	16.9	83.979	745	0	67.453
	1378;1595	2;2	2;2		ncstn	3	3	78.16	707	0	11.523
	1343;1527	2;2;2	2;2;2		neu1	6.8	6.8	41.998	382	0	12.23
	1484	1;1	1;1		neu3.4;ne u3.3 nid1a	5.2	5.2	43.443	387	0	8.1704
	99;1094;1329;1631;1718 ;1773	6;6	6;6		nid1a	12.5	12.5	63.764	578	0	47.431
	276;723;932	3;3;1	3;3;1		nid2a	2.2	2.2	174.34	1576	0	17.757
	1494;1725;1726	3;1	3;1	Nucleoside diphosphate kinase	nme2a	19	19	17.215	153	0	35.622
	500;1723;1724	3;3;3;3;2;2	3;3;3;3;2;2	Nucleoside diphosphate kinase	nme2b.1; nme2b.2	17.6	17.6	17.294	153	0	183.74
	539;1721;1722	3;3;3	3;3;3	Nucleoside diphosphate kinase	nme2b.2	23.7	23.7	12.582	114	0	46.667
	1096;1496	2;2	2;2	Nucleoside diphosphate kinase	nme3	16.6	16.6	19.342	169	0	14.818
	1101;1217	2;2;2;2	2;2;2;2	Nucleoside diphosphate kinase	nme4	19.5	19.5	17.676	159	0	80.61

5L8;F1R2F 7													
Q561T4;F1 Q6S1;A9JT 03	42;101;263;577;602;834; 1045;1575;1578	9;9;9	9;9;9		npep11	22.3	22.3	55.764	525	0	323.31		
E7FCU0;A 8E570;FIQ G14;A0A0 A0MPF3;Q 7T362;FIQ W36;A0A0 R4IS68;A0 A0R4IK47 Q0V948;F1 RD77;Q566 X7	198;242	2;2;2;2;2;2;2	2;2;2;2;2;2;2		npm1a	12.5	12.5	31.158	279	0	323.31		
Q0P4A5;B2 CQD3	490;1617	2;2;1	2;2;1		npm1b	9.5	9.5	33.793	306	0	84.267		
Q5BLA5;A 0A0R4IGM 1	149;195;1395	3;3	3;3		npm2b	26.4	26.4	19.954	178	0	323.31		
E9QE40;Q7 SYH7;Q50 3K7;Q05A P0;Q8AYF 4;F1REP3; A2VD22	348;1352	2;1	2;1		npm3	19	19	17.961	163	0	36.242		
Q7SXU4;Q 5PNP4	738;776	2;2;2;2;2;2;1	2;2;2;2;2;2;1	Metalloendopeptidase	npsnl;nps n	9.9	9.9	30.516	272	0	17.235		
A0A140LG X4;E7EYG 1	471	1;1	1;1		nt5e	2.5	2.5	63.017	571	0.004566	7.0108		
B8A5M6	1001;1673	2;2	2;2		obscnb	1.7	1.7	112.46	1010	0	11.305		
Q7SYB4;Q 6TNR9;B8 A4H6	1633	1	1	Protein disulfide- isomerase	pdia2	2.9	2.9	63.283	555	0	9.0664		
Q7ZVT2;Q 6NXD1;A0 A0R4IGP6; Q6DG54;A 0A0R4IHV 1	84	1;1;1	1;1;1		pgam1b;p gam11	5.5	5.5	28.814	254	0	7.5344		
Q24JV5;A9 C458	552;643	2;2;2;1;1	2;2;2;1;1	Pyruvate kinase	pkma;pk mb	3.9	3.9	58.057	532	0	12.695		
A0A0R4IN C4;A5WV0 2;E7F8G7; Q503P9;E7 F4T0;E9QC V2;A0A0R 4IJ71	594	1;1	1;1	Phospholipase A(2)	pla2g1b	8.6	8.6	15.935	140	0.002336	7.1405		
	960;1763	2;2;2;1;1;1;1	2;2;2;1;1;1;1		pleca;ple cb	0.5	0.5	521.82	4569	0	12.966		

Q6TNR7;F1QSZ2;Q6DRE2;Q5U3B5;E7F399;B5DDG5Q6NY24	1316;1365	2;2;2;2;1;1	2;2;2;2;1;1		plrg1	6.1	6.1	56.848	510	0	19.331
F1QBC0;E3P7J3;C5H5I1;A0A0R4IB44	1306	1;1;1;1	1;1;1;1		plxnb2a	0.7	0.7	210.07	1864	0	8.7782
Q6TNR5;Q6PC65;Q7Z7WJ9;B8JKN7;Q499A7;B8JKN6;Q6P5J4Q6TLD7	457;1657	2;2;2;1;1;1;1	2;2;2;1;1;1;1	Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase	ppiaa	14	14	17.401	164	0	13.856
Q803G3;Q7ZVE7;Q567Y8;F1Q6Z7;A0A0R4IV29	1404;1889	2;2;2;2;1	2;2;2;2;1	Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase Serine/threonine-protein phosphatase	ppih	7.3	7.3	19.341	177	0.008811	6.7902
E9QD09;F1QD93;A0A0R4IQG9;E7F169;A0A0R4IRY8;A0A0R4IZT7;Q568R4;B2GS58	754;924;1855;1877	4;4;4;3;3;2;2;2	2;2;2;1;1;1;0;0	Serine/threonine-protein phosphatase	ppp2cb;zgc:56064;ppp2ca	8.4	8.4	35.562	309	0	38.411
A3KGZ6;F1QF86;A0A0R4ICR2;A0A0R4IF09;A1L277	753;1855;1877	3;3;3;3;2	1;1;1;1;1	Serine/threonine-protein phosphatase	ppp3ca;ppp3cb	8.1	4.4	57.324	505	0	30.954
Q66HZ0;E9QG20;A0A0R4IZF7	233;295;1516	3;3;3	3;3;3		ppp3cca;ppp3ccb	5.8	2	56.483	499	0	10.915
Q6DGJ6	125;329;1270;1440	4	1		ppp3r1b;ppp3r1a	21.2	21.2	19.3	170	0	55.465
A3KP44;F1QSP8	313;608;789;1051;1227;1271;1440	7;6	6;5		prdx2	18.3	5.1	21.851	197	0	28.541
F1R444;A0A0J9YJ54;Q6AXM3;A0A0R4IUK0;A0A0R4IPY3	878;1163	2;1;1;1;1	2;1;1;1;1	Protein kinase C	prdx4	30.4	27.7	29.102	260	0	250.64
Q7T2C5	1172	1	1	Protein kinase C	prkca	3.9	3.9	76.272	670	0	24.637
Q801L4	1171	1	1		prkcba	2.4	2.4	76.119	668	0	7.7831
					prkcbb	3.9	3.9	46.785	412	0	8.1499

Q7SX90;F1 R894;F8W3 C3	938;999;1014;1194;1610 ;1761;1900	7;7;7	1;1;1		prss59.1	43.8	7	26.379	242	0	323.31
E7FBA9;F8 W4J1	938;999;1014;1195;1205 ;1610;1761;1900	8;8	2;2		prss59.2	52.5	15.7	26.375	242	0	323.31
Q8UVZ4;Q 6PH48;Q6P 3G7;B8J117 ;F1QMF5;E 7FCT1;Q9 DG82;A0A 140LGJ7 Q6DGX8	12;256;364;440	4;4;4;4;4;4;2	4;4;4;4;4;4;2		psap	13.1	13.1	57.431	520	0	130.54
Q4V918	429;537;1200	3	3	Proteasome subunit alpha type	psma1	14.5	14.5	29.248	262	0	23.495
Q7ZV77	142;1402;1419	3	3	Proteasome subunit alpha type	psma3	16.1	16.1	28.409	255	0	54.063
E9QFZ7	435;958;1570	3	3	Proteasome subunit alpha type	psma4	10	10	29.332	261	0	30.355
Q6TGV6;E 9QIF2	66;664;826	3	1	Proteasome subunit alpha type	psma5	21	9.2	21.316	195	0	12.711
F1R2U4;Q9 0ZS4;Q7SX N6;Q6DGY 8;A0A0R4I SC7 Q6P0I2	67;343;344;664;826;979	6;5	4;3	Proteasome subunit alpha type	psma5	27.8	18.3	26.407	241	0	322.31
Q6DRF3	68;961;1298	3;3;3;3;3	3;3;3;3;3	Proteasome subunit alpha type	psma6a;p sma6b	15.1	15.1	25.892	232	0	23.309
A0A0R4IW P3;Q6DHI9 Q7ZUJ8	81;1037;1225	3	3	Proteasome subunit alpha type	psma8	15.9	15.9	28.1	251	0	245.12
Q568F3;A8 E7N8	54;302;340;1174	4	4	Proteasome subunit beta type	psmb1	21.1	21.1	26.1	237	0	30.077
Q9PUS4;Q 6IQD0;B0R 028;A8E5G 8;O57331 O57332;F1 RCM3;E9Q HJ5;B2GR B2;Q568V4 Q9PUS1;Q 7T002;Q56 1Y7;F1Q5 N4;E9QJ03 F1RBR6;Z4 YJ58	492;1158	2;2	2;2	Proteasome subunit beta type	psmb2	10.9	10.9	18.851	165	0	12.839
Q568F3;A8 E7N8	483	1	1	Proteasome subunit beta type	psmb3	6.8	6.8	23.112	205	0	7.2919
Q9PUS4;Q 6IQD0;B0R 028;A8E5G 8;O57331 O57332;F1 RCM3;E9Q HJ5;B2GR B2;Q568V4 Q9PUS1;Q 7T002;Q56 1Y7;F1Q5 N4;E9QJ03 F1RBR6;Z4 YJ58	439;1266;1734	3;3	3;3	Proteasome subunit beta type	psmb4	24.7	24.7	24.045	215	0	58.71
Q9PUS4;Q 6IQD0;B0R 028;A8E5G 8;O57331 O57332;F1 RCM3;E9Q HJ5;B2GR B2;Q568V4 Q9PUS1;Q 7T002;Q56 1Y7;F1Q5 N4;E9QJ03 F1RBR6;Z4 YJ58	124;184;957;1767	4;4;4;4;2	4;4;4;4;2	Proteasome subunit beta type	psmb5	18.4	18.4	28.031	255	0	103.56
Q9PUS4;Q 6IQD0;B0R 028;A8E5G 8;O57331 O57332;F1 RCM3;E9Q HJ5;B2GR B2;Q568V4 Q9PUS1;Q 7T002;Q56 1Y7;F1Q5 N4;E9QJ03 F1RBR6;Z4 YJ58	879;1571	2;2;1;1;1	2;2;1;1;1	Proteasome subunit beta type	psmb6	9.4	9.4	24.123	223	0	40.268
Q9PUS4;Q 6IQD0;B0R 028;A8E5G 8;O57331 O57332;F1 RCM3;E9Q HJ5;B2GR B2;Q568V4 Q9PUS1;Q 7T002;Q56 1Y7;F1Q5 N4;E9QJ03 F1RBR6;Z4 YJ58	128;1887	2;2;2;2;1	2;2;2;2;1	Proteasome subunit beta type	psmb7	7.6	7.6	29.588	275	0	16.921
F1RBR6;Z4 YJ58	53;498;768;772;1026;12 09;1377;1753	8;8	8;8		pter	28.9	28.9	39.202	349	0	323.31

A5PKS5;Q 6B324;F1Q A74;A0A0 G2KRW9 Q804W0;A 0A0R4INM 7	351;970;1207	3;3;1;1	3;3;1;1	6-pyruvoyl tetrahydrobiopterin synthase	pts	26.6	26.6	15.924	139	0	62.987
Q7ZT36	88;744;928;1355	4	4		pvalb1	71.6	65.1	11.428	109	0	323.31
Q6IMW7;Q 804V8	31;32;739;927;1356	5;4	4;3		pvalb3	36.7	36.7	11.548	109	0	197.73
Q804W1	37;39;40;97;734;735;852	7	7		pvalb4	51.4	45	11.581	109	0	165.79
Q800A1	749	1	1		pvalb6	52.3	52.3	11.984	109	0	67.749
Q503C7;Q7 SXV3;E7E XT3;Q6PU S4;F1R5X0 ;A4IG19;F8 W5B8;E7F 2Z5;Q5RK M9 F1QJ77	214;1720	2;1;1;1;1;1;1;1	2;1;1;1;1;1;1;1	Alpha-1,4 glucan phosphorylase	pvalb9	14.7	14.7	12.243	109	0	137.24
Z4YIG5;A0 A0J9YJ23; Q6IQP4;E7 FBI4	346	1	1		pygma;py gb;pygm b;pygl	2.6	2.6	96.931	842	0	11.948
Q9PT95;A0 A0R4IVC3 Q6NXA0;B 8J115;A0A0 R4IMX5;A 0A0R4IAX 3;Q5U3H4 F8W5Z1;Q 6DH01;A0 A0R4IAG1 Q4G5K8	292;1058	2;1;1;1	2;1;1;1		rabggta	1.9	1.9	67.001	580	1	-2
A5WW28	1084	1	1		rap1b;rap laa;rap1a b	13	13	20.803	184	0	11.733
Q6IQK9;Q 803X6;Q1L V81 E9QB46	681;1635;1886	3;2	3;2		rbp4	20.8	20.8	21.971	192	0	167.33
Q6P5I9;Q5 02P5;Q5SP J4;X1WF94 Q5SPJ1;Q2 4JW6	481;1091;1818	3;3;3;3;2	3;3;3;3;2		rpia	14.9	14.9	26.327	241	0	33.362
Q5XJ64;A8 ESC2;A8E5 08	1810	1;1;1	1;1;1		rs1a	5.6	5.6	20.768	180	0	8.9717
	1033;1034	2	2	Reticulon	rtn2a	9.4	9.4	22.456	203	0	14.791
	1084	1	1		s100a11	15.3	15.3	9.2282	85	0	8.1171
	237	1;1;1	1;1;1		safb	2.7	2.7	53.061	486	0.008929	6.8149
	804;850;953;1576;1708	5	5		selenbp1	13.1	13.1	52.691	473	0	32.355
	13;180;268;372;520;875; 1152;1228;1425;1627;16 28;1769;1802	13;12;12;12	2;2;2;2		serpina1	32.4	6	48.374	435	0	323.31
	13;180;372;520;875;884; 1152;1228;1425;1627;16 28;1713;1802	13;13	2;2		serpina11	33.6	6.8	47.819	429	0	212.55
	15;248;619;951;1573;18 08	6;6;5;5;2;2	2;2;2;2;0;0		serpina7	17.5	7	42.899	372	0	72.982

C1;F8W5C 3;F1RDH7; F8W5D3 Q6DG30;A 8E4T6;Q5R IK7	100;259;680;872;917;11 88;1755;1837	8;1;1	8;1;1		serpinb1	23.4	23.4	42.885	380	0	120.11
Q7T309;F1 R7D6;X1W DY3	45;89;258;513;514;679;8 06;973;1046;1065;1082	11;10;9	11;10;9		serpinb1 3	28.4	28.4	42.612	380	0	308.86
F8W475	26;260;762;810;1066;10 85;1286;1388;1733	9	0		serpinb1 4	29.1	0	48.251	433	0	41.912
F8W412;E7 EXC4;Q6T GU1;F1R9 A9	25;62;260;504;762;810;9 75;1067;1083;1085;1286 ;1370;1388;1712;1731;1 733	16;16;8;8	8;8;2;2		serpinb1 4;serpinb 111	48.5	20.6	48.944	437	0	323.31
Q8AYE3	404;423;431;673;1191	5	5		serpinc1	12	12	50.853	450	0	32.256
Q7ZVL5	535;636;1041;1350	4	4		serpine2	13.4	13.4	43.776	395	0	24.508
E7F3Z2;F6 NQ58	1004;1068;1338	3;3	3;3		serpinf2a	9.8	9.8	47.478	428	0	17.098
A1A5Y8;F 1RAP6	888;1064;1328	3;3	3;3		serpinf2b	9.8	9.8	52.85	479	0	287.95
B3DJ19;B7 TWP9	30;1653	2;1	2;1		serpini1	5.8	5.8	47.043	415	0	12.373
Q6NYZ1;Q 7ZUY0;Q6 TGU0;F1R 316	417;1652	2;2;2;2	2;2;2;2		setb;seta	10.4	10.4	31.007	268	0	13.365
FIQWC8;X 1WB94;H0 WF19;F8W 5V6;H0WE L8;A0A0R 4ITF4;F1Q ZC5;Q6NY E9;FIQWC 1;FIQWC0; E7FC76;A8 E547;A7Y Y06;F1R70 7;A0A0R4I Q22;R4GE 93;F1QQH 9;E9QC51; F1RA44	1619;1620	2;2;2;2;2;2;2;2 ;2;2;2;2;2;2;1; 1;1	2;2;2;2;2;2;2;2 ;2;2;2;2;2;2;1; 1;1	si:ch1073- 110a20.7;mfap4;si:zfos - 2330d3.3;zgc:173915;z gc:171687;si:zfos- 2330d3.1;si:zfos- 2330d3.7;si:zfos- 2330d3.8;si:ch1073- 110a20.1	11.2	11.2	10.546	89	0	13.906	
E9QEM7;F 1Q6Z6	1607	1;1	1;1		si:ch1073 -179p4.3	3.9	3.9	34.126	309	0	7.4273
A2BFS9	460;989	2	2		si:ch211- 117m20.5	18.2	18.2	15.693	143	0	71.808
B3DFJ9;A8 E4S9	929	1;1	1;1		si:ch211- 125e6.13; si:ch211- 125e6.12	8.6	8.6	17.419	151	0	16.763



F1R0C2;A0 A0R4IEI2 X1WH59;F 1QZN3	965;1097 562;1426;1764;1766	2;2 4;4	2;2 1;1		si:ch211- 127i16.2 si:ch211- 212c13.1 0	4.8 2.8	4.8 0.8	52.672 159.2	479 1431	0 0	11.598 21.463
X1WC44	240;444;555;562;1387;1 449;1764;1766;1894	9	2		si:ch211- 212c13.8	9.1	2.3	125.3	1138	0	12.397
A2BGQ8;Q 4V8T7 Q5RI59	38;113;160;181;338;719; 1305;1423;1772 265	9;3 1	9;3 1		si:ch211- 214j8.1 si:ch211- 240i19.6	19.6 11.9	19.6 11.9	81.97 15.167	740 135	0 0	65.638 8.4747
A0A0B5JFI 8;B8JLR6	253;1012;1473;1492	4;4	4;4		Si:ch211- 251b21.1; si:ch211- 251b21.1	14.7	14.7	43.484	394	0	194.65
A0A0N4SU 14;F1QID9; A0A0N4SU 62;F1QV16 ;Q8JJ63;A7 MD93;A2R RW1 F1R6R2	540;1264 1120;1702	2;2;2;2;1;1;1 2	1;1;1;1;0;0 2		si:ch211- 251f6.7;z gc:15849 4	15.6	12.1	27.548	256	0	195.27
A8WGC0; A0A0R4IU 19 Q5BLA2;A 9JRF7 E7FDT4;A 0A0R4ILF0 X1WBT0;E 7F8T4	488;1031;1439 808;1231 43;632;653;1081 444;562;1131;1457;1584 ;1644;1764;1766;1894;1 897	3;3 2;1 4;4 10;7	3;3 2;1 4;4 1;0	Carboxylic ester hydrolase Carboxylic ester hydrolase Metalloendopeptidase	si:ch211- 270n8.1 si:ch211- 93f2.1 si:ch211- 93f2.1 si:ch73- 40a17.3 si:dkey- 105h12.2	7.5 6.8 7.2 7.9	7.5 6.8 7.2 1.5	57.426 31.589 86.106 160.16	523 279 774 1440	0 0 0 0	21.417 10.734 25.992 8.9129
A0A0B5JS 86;A2CEY 7	512;675;1155;1363	4;4	4;4		Si:dkey- 251i10.2; si:dkey- 251i10.2	37.1	37.1	18.006	170	0	221.23
X1WHF1;X 1WDH8;R4 GE15;Q05 AK8;G1K2 V1;F1R4A4 ;F1QAU0;E 7EZA5;B3 DJF8;A7M CA8;A7MC A7;A7MC1 1;A7E2M8; A0A140LG 54;A0A0N4 STN6;X1W H60;X1WG	95;425	2;2;2;2;2;2;2;2 ;2;2;2;2;2;2;2; 2;2	2;2;2;2;2;2;2;2 ;2;2;2;2;2;2;2; 2;2	Histone H2B	si:dkey- 261m9.6; si:dkey- 261m9.19 ;zgc:1717 59;si:dke y- 108k21.1 3;zgc:173 585;si:dk ey- 108k21.1 1;LOC57 0661;zgc: 173587;z	19.4	19.4	13.59	124	0	12.284

17;X1WC2  
0;R4GE02

gc:11404  
6;ano9a;s  
i:dkey-  
108k21.9;  
si:dkey-  
108k21.2  
0;si:ch21  
1-  
113a14.1  
1

A7MCR8;A 7MCR6;A7 MCM3;E9 QE79;A8E5 87;A7MCR 7;E9QBE2; A8E588;Q3 2PQ1;P797 22;F1R8Y0 ;E7F8Y7;A 8KBT8;A0 A0R4IRS7; A0A0R4II G4;A0A0R 4IZI8;F1R7 B3	604;818	2;2;2;2;2;1;1;1 ;1;1;1;1;1;1;1	2;2;2;2;2;1;1;1 ;1;1;1;1;1;1;1	si:dkey- 26g8.5;im:6910535;M GC174155;si:dkey- 269i1.4;ctslb;si:dkey- 239j18.2;zgc:174153;si :dkey-239j18.3	6.6	6.6	38.081	335	0	323.31		
E7FFZ3;E7 FFL8;A0A0 R4I9L9;F1 RED5;E7F EK4;A8WF S6;F1QF63; F1QIP9;A8 WFS5;E7F 3L3	150;817;1815	3;2;2;2;2;2;2;2 ;2	2;1;1;1;1;1;2;2;1 ;1	si:dkey- 46g23.2;si:dkey- 46g23.3;zgc:171446;zg c:165518;zgc:171445	2.4	1.8	158.36	1458	0	20.183		
F1RDU8;F 1R3I9;F1R 526	318;838;987;994;1040;1 043;1055;1090;1353;145 9	10;2;2	6;1;1		si:dkey- 65b12.6	4.7	2.9	304.6	2786	0	90.534	
A5PMC3;E 9QJQ5	287	1;1	1;1		si:dkeyp- 110e4.6	2	2	83.952	758	0.008949	6.8309	
Q1LWX4; Q6PBY5;Q 4VBR8;B3 DG31;X1W E08	121;1372	2;2;2;2;1	2;2;2;2;1	Proteasome subunit alpha type	si:rp71- 45k5.4;ps ma2	10.3	10.3	23.894	214	0	18.384	
Q8JH10;Q6 NX10;A4Q N79;A2CE Z0	10	1;1;1;1	1;1;1;1		slc25a5;sl c25a4;si: dkey- 251i10.1	3.7	3.7	32.763	298	0.002364	7.2581	
B2CZC2;B 3DJB0;Q32 SG7	583;747;748;1485	4;3;2	2;1;2		slc8a1b	5.5	4.4	104.93	942	0	71.038	

B8JHS8;B2 CZC5;A0A 0R4IGE2;F 1QA32;B2 CZC7;A0A 0R4IZI2;B3 DJ26;A4U QV6;Q1LV A9;B2CZC 4 F8W4E2	584;747;748	3;3;3;2;2;2;2;1 ;1	1;1;1;0;0;0;0;0 ;0	slc8a3;slc8a4b;slc8a4a	2.9	1.7	102.29	917	0.004515	6.8675		
Q508P8;B3 DK50;A0M Q61;A0A0 R4INI3;A0 A0R4IVW7 ;A0A0G2L 354;A8WB Z8;Q6YJK1 ;B8JLS3;B3 DJP9;B6ID E0;A0A0N 4SU68;B6I DE1;A0A0 N4SUF4;A 0A0G2L6C 1;A0A0G2 L365;F1QA F1;E7F5L1; E9QF07;E7 FD18;R4G DZ5 U3JAS0	310;1703	2	2		smpdl3b	5.7	5.7	52.081	456	0	13.2	
Q508P8;B3 DK50;A0M Q61;A0A0 R4INI3;A0 A0R4IVW7 ;A0A0G2L 354;A8WB Z8;Q6YJK1 ;B8JLS3;B3 DJP9;B6ID E0;A0A0N 4SU68;B6I DE1;A0A0 N4SUF4;A 0A0G2L6C 1;A0A0G2 L365;F1QA F1;E7F5L1; E9QF07;E7 FD18;R4G DZ5 U3JAS0	410;707;713;861;862;90 0;901;915;916	9;9;9;9;7;7;7;7 ;7;7;7;7;7;7;4; 4;4;2;2	1;1;1;1;1;0;0;0;0 ;0;0;0;0;0;0;0; 0;0;0;0	smyhc1;smyhc3;myh6; smyhc2	3.3	0.7	222.85	1938	0	323.31		
Q919E5	711	1	1	Synaptosomal- associated protein	snap25a	7.5	7.5	15.001	134	0.004587	7.0195	
Q7ZVB5	567;727	2	2	Small nuclear ribonucleoprotein- associated protein	snrpb	9.2	9.2	24.463	239	0	10.666	
B2GRH9	1368;1768	2	1		snrpd3l	13.3	7.8	13.996	128	0	11.64	
Q6P980;Q2 TV65	590;652;689;715;869;15 42;1782	7	7	Superoxide dismutase [Cu-Zn]	sod1	62.3	62.3	15.953	154	0	323.31	
F1QF69;A8 KBA7	72;207;557;1885	4;3	4;3	Superoxide dismutase	sod2	18.8	18.8	25.008	224	0	323.31	
A0A0G2K UL6;A7YY I0;Q6DRJ1; Q7T363;A9 JT55	699;1872	2;2	2;2		soul5	9.7	9.7	24.181	216	0	22.69	
Q568F8;B8 A5I7	332	1;1;1;1;1	1;1;1;1;1		spint1a	3.3	3.3	40.046	360	0	8.4189	
	896;1354;1564;1680	4;4	4;4		ssbp1	28.8	28.8	16.638	146	0	87.559	

A5WW59; A5WW58; Q499C2;Q0 P4G4	191	1;1;1;1	1;1;1;1	stm	8.3	8.3	22.494	217	0	11.066	
Q504B1	412;413;454;455;598;11 24	6	6	sub1a	39	39	13.875	123	0	304.46	
Q6DGP6	415;416;599;1416	4	4	sub1b	28.2	28.2	13.888	124	0	49.219	
F6NN54;Q 6NUZ3;F1 QY96	251	1;1;1	1;1;1	syncrip	5.5	5.5	26.843	238	0.002342	7.1699	
Q5TZ27;Q6 DG19;Q1L X36;A3KQ 92	262;1078;1533;1538;161 5;1666;1745;1822	8;4;3;3	6;3;1;1	syt1a	21	16.5	47.396	419	0	126.72	
F1R5C0;F1 R0Q0	245;672;790;1078	4;2	3;2	syt2a	11.2	8.4	48.143	430	0	122.47	
E7F8R8;I3I S33	243;1839	2;2	2;2	syt3	5	5	44.548	398	0	11.506	
Q504A0;F1 QCC9;Q6D H18;A7MC G9;E7EYD 5;F1QX49	945;1078;1822	3;3;1;1;1;1	1;1;1;1;1;1	syt5b	6.8	2.2	47.112	413	0	9.7217	
D4P8S0;E7 F578;X1W DZ6;F6NJ6 5	93;212;1125	3;3;3;2	3;3;3;2	syt7b;syt 7a	7.6	7.6	54.626	488	0	20.23	
Q5CZT2;Q 5XIZ3;F1R D17;A0A0 R4IFB3;A8 KC60;A2BI M7;A0A0R 419Z1	497	1;1;1;1;1;1;1	1;1;1;1;1;1;1	tars	3.6	3.6	41.556	359	0.008889	6.8034	
A2BFT0	199;904	2	2	tcnl	9.9	9.9	15.825	142	0	11.432	
B8JL43;F1 R858;Q6IM F9;Q6P3G0 ;Q567C8;Q 7SYA7;A8 WGJ5;Q8A X64;E7FBJ 1;B8Q685; A0A0R4IH Q0;X1WE7 1;E7F6H5; B8Q686	48;58;225;257;321;349;4 78;642;651;687;788;831; 859;866;1164;1186;1237 ;1268;1334;1361;1481;1 561;1859;1867	24;24;23;21;21; 20;20;14;10;5;5; 4;1;1	24;24;23;21;21; 20;20;14;10;5;5; 4;1;1	Serotransferrin	tfa	39.7	39.7	73.282	673	0	323.31
Q802X1	637	1	1	tfg	3	3	42.197	396	0	35.143	
Q6DHR6;E 7EZ90;X1 WHL0;X1 WF90	213;345;447;832;833;90 3;993;1011;1175;1507;1 508;1771;1817;1827;190 3	15;15;9;7	15;15;9;7	thop1	26.8	26.8	77.977	686	0	200.19	

Q7T2Q9;Q6PHI8;B2GRK9	701	1;1;1	1;1;1		tktb	1.9	1.9	67.854	625	0	7.3364
A2BDW2;F1R5T0;Q4FA18;E9QH1;F1QYE2;B3DJP3;A2BDW3;Q90484	336;420;521;606;693;825;909;1218;1864	9;9;9;9;9;3;3	9;9;9;9;9;3;3		tnc	8.4	8.4	181.25	1662	0	125.98
Q6IQ64	706;1139;1176;1177;1178;1336	6	6		tnnc1b	38.5	38.5	18.436	161	0	323.31
E9QBF1;Q918U8	194;216;1140;1185;1335;1432;1433;1434	8;8	8;8		tnnc2	40.7	40.7	16.471	145	0	323.31
Q6P0T7	1333	1	1		tnnt3b	6.1	6.1	27.294	228	0	15.918
F1QSR3;O57587;B0S6K5;A0A0B5JFC8;F1QUN5;Q503B9;Q6IQW7	23;127;442;443;459;597;1396;1424;1730;1746;1892	11;11;11;11;3;3;2	1;1;1;1;0;0;0		tnw	16.2	1.4	102.46	930	0	70.327
B0S6K6	23;127;443;459;597;1397;1730	7	1		tnw	11.5	1.5	92.87	844	0	31.217
E7EXE8	419	1	1		tnxb	0.8	0.8	174.37	1594	0.008772	6.766
I3IS66	323;542;688	3	1		tpi1a	24.5	8.6	17.583	163	0	26.524
A0A0R4IG3;A0A0R49C4;E9QBF0	244;491;542;688;761;985;1366;1550;1806	9;9;6	7;7;4	Triosephosphate isomerase	tpi1b	50.2	39.6	26.526	245	0	323.31
E7F8Y5;E9QIY7;B8JHR2	223;238	2;1;1	2;1;1		tpt1	10.4	10.4	22.492	202	0	11.334
A0A0R4IE72;Q8AV83;Q561Z7;Q9DDE1	682;837;936;1019	4;4;4;2	4;4;4;2		try	24.4	24.4	25.484	238	0	323.31
Q4V9N1	880;1809	2	2		tsn	10.1	10.1	26.167	227	0	53.131
Q4V8Z1;F1QJM2	1600;1664	2;2	2;2		tsnax	9.3	9.3	31.758	281	0	15.946
Q642H0;B0VEQ2	1364	1;1	1;1	Tetraspanin	tspan7b	3.6	3.6	27.483	249	0	8.2874
A5X6X5;Q801W8;B0S758;Q8QFW2	47;55;141;147;148;190;201;229;241;278;280;294;408;409;441;468;470;487;549;718;802;803;956;1109;1145;1146;1192;1323;1347;1431;1467;1523;1609;1646;1670;1728;1742;1756;1760;1829;1835	41;14;11;3	3;0;2;0		ttna	1.6	0.1	3648.4	32757	0	72.092

F1R7N8;F1 QZQ0	5;47;55;141;147;148;190 ;201;229;241;277;278;28 0;294;326;408;409;441;4 68;487;549;677;718;803; 956;1109;1145;1146;119 2;1236;1323;1347;1430; 1431;1467;1523;1609;16 46;1647;1670;1728;1756 ;1760;1829;1835	45;28	1;1		ttna	2	0	3089.8	27765	0	323.31
A5X6X6;G 1K2X0;Q7 ZZ46;Q7ZZ 48;Q7ZZ47	5;24;126;140;162;229;32 6;405;408;441;484;536;5 54;623;659;677;695;801; 1057;1145;1160;1162;11 97;1236;1302;1430;1581 ;1647;1654;1670;1739	31;30;24;6;4	20;19;16;3;4		ttnb	1.3	0.8	3200.2	28835	0	323.31
B8JLL7;B8 JLL8;A0A0 R4IP91 Q642J8	658;1624;1638	3;3;3	1;1;1	Transthyretin	ttr	38.1	18.6	12.778	118	0	79.004
O42271;B8 A516 Q7T2C8;A 8WGN7;Q8 02F7;Q800 Q8 F1QDZ4;Q 8AYA1;Q5 04L5;A0A1 40H9G1;Q9 PU56 F1QEC9;A 9JSV0 Q6DGE4	658;1623;1638	3	1	Transthyretin	ttr	30.2	14.8	16.297	149	0	7.6412
Q42271;B8 A516 Q7T2C8;A 8WGN7;Q8 02F7;Q800 Q8 F1QDZ4;Q 8AYA1;Q5 04L5;A0A1 40H9G1;Q9 PU56 F1QEC9;A 9JSV0 Q6DGE4	380	1;1	1;1		tuba1b	2	2	49.953	449	0	85.719
Q7T2C8;A 8WGN7;Q8 02F7;Q800 Q8 F1QDZ4;Q 8AYA1;Q5 04L5;A0A1 40H9G1;Q9 PU56 F1QEC9;A 9JSV0 Q6DGE4	51;575;721;1063;1212;1 472;1693;1831	8;8;6;2	8;8;6;2		txnrd1	17.5	17.5	65.91	600	0	153.09
F1QDZ4;Q 8AYA1;Q5 04L5;A0A1 40H9G1;Q9 PU56 F1QEC9;A 9JSV0 Q6DGE4	998;1027;1121;1153	4;4;1;1;1	4;4;1;1;1		tyr	9.6	9.6	60.584	534	0	70.936
F1QEC9;A 9JSV0 Q6DGE4	63;269;1203;1667	4;4	4;4		tyrp1a	8.8	8.8	58.566	524	0	30.577
Q6DGE4	44;354	2	2		tyrp1b	4.2	4.2	59.033	526	0	12.718
B0R193;Q3 B7P7;Q7S XA3;Q7ZU 62;Q6TLG3 ;F1Q8K7;B 3DLH2;B0 R189;Q7Z U63;F1QH N6;A0JPF1 ;A0A0N4S UD2;Q6IS6 8 Q504C0;E7 EZW7 X1WEX4;B 0S6C8;A0A 0R4IS91 Q6NWC1	355;424;797;952;1518;1 536	6;6;6;6;6;6;6;6;6 ;6;6;6;6	6;6;6;6;6;6;6;6;6 ;6;6;6;6	ubb;uba52;rps27a;si:ch 211-202a12.4;ubc	67	67	9.9152	88	0	323.31	
Q504C0;E7 EZW7 X1WEX4;B 0S6C8;A0A 0R4IS91 Q6NWC1	1785	1;1	1;1	Ubiquitin carboxyl- terminal hydrolase	uchl3	8.7	8.7	25.926	230	0.004577	7.0113
X1WEX4;B 0S6C8;A0A 0R4IS91 Q6NWC1	206;613	2;2;2	2;2;2		vav3b	4.5	4.5	94.787	822	0	12.326
Q6NWC1	824;1028	2	2		vdac1	8.5	8.5	30.626	283	0	101.03

Q8AWD0; Q4JHL7	1029;1112	2;2	2;2	vdac2	8.5	8.5	30.284	283	0	147.43
B0R198;Q6 POS2;A8E5 17;B0R197	943	1;1;1;1	1;1;1;1	vdac3	4.7	4.7	29.811	279	0	12.712
A4VCF4;Q 8JH37;Q1 MTC6;F1R 2T3;A3KM S4;A0A0R4 IUA0;Q90 YN8;Q1L WN2;A0A0 R4IY49;E9 QFD8;F1Q V15;Q3T7 A8;Q504J4; Q3T7B0;A 8WGJ7;F1 QHH9;A2V CZ6;F1RB A0;Q4QRF 3;F1R2S5;F 1Q7L0;A5P L84;A8E4Y 8;Q1RM99; Q3T7B1;Q 3T7A9	86;921;996;1482	4;4;4;4;4;4;4;3 ;3;3;2;2;2;2;2;2; 2;2;2;2;1;1;1;1;1	4;4;4;4;4;4;4;4;3 ;3;3;2;2;2;2;2;2; 2;2;2;2;1;1;1;1;1	vtg1;vtg7;vtg4;vtg6;vtg5	3.7	3.7	116.64	1068	0	28.744
Q9DFT9;F1 QQQ3;F1Q PC0;Q0P42 1;Q9DFT8 Q7ZTX2;E 9QEX1	185;387;499;1466;1749; 1792;1853	7;7;7;4;1	7;7;7;4;1	vtg3	6.7	6.7	139.59	1251	0	146.27
E7F022;A0 A0R4IIA0 A2BGG2;E 7EZB4	523;1526	2;1	2;1	wdr5	8.7	8.7	36.501	334	0	13.067
Q6DHD9;Q 561U4 A8DZD1;Q 58EP8;E7F 4H7	785;894	2;2	2;2	xdh	1.6	1.6	148.17	1351	0	11.934
X1WHB9; Q4V8S1;F1 Q8B1;A0A 0R4IUC6 A8E4Z6;A0 A0N4STQ7 ;A0A0N4S U18;Q3B7 G2;Q05AP	217	1;1	1;1	zfr	0.9	0.9	116.49	1074	1	-2
	311;1400;1665;1880	4;4	4;4	zgc:1121 60	24.9	24.9	28.155	261	0	291.23
	665;1683	2;2;2	2;2;2	zgc:1132 32;OTTD ARG000 00011628 zgc:1141 81	10.4	10.4	63.128	637	0	87.666
	255;328;955;1246;1308; 1312;1369;1656;1812;18 84	10;2;2;2	10;2;2;2		29.3	29.3	54.486	491	0	186.94
	186;473;559;823;1498	5;5;5;4;4;3;3	3;3;3;2;2;2;1	zgc:1231 03;zgc:15 8580;26- 29kD-	23.6	15	35.972	313	0	85.118

8;A1L215; Q6DGW1 Q1RMB1;A 8E5B4;Q0 V976;Q499 C3;F1QNU 7;A0A0R4I B20	540;1263	2;2;2;1;1;1	1;1;1;1;1;1		proteinas e zgc:1362 54;zgc:17 4237;LO C561528; zgc:1097 53;si:ch2 11- 251f6.6	15.3	11.9	28.191	261	0	49.039
A4FUL4;Q 567B6;Q50 2P4;G9D32 4;Q1RM73; Q0IIP8;L7 QIX8;L7QI H6;Q66I62; A3KPH8 Q1RLS9;F1 QW40;E7F 6J9	151;626;1603	3;3;2;2;2;2;2;2; ;1	1;1;0;0;0;0;0;0; ;0	zgc:136389;LOC57052 4;crp;CRP5.3	18.2	10.2	25.363	225	0	22.159	
Q0D294;A4 VAK6;A3K PR4;X1WG M1;Q0D27 2;A4QN89	1107	1;1;1	1;1;1		zgc:1368 72	2	2	78.778	693	1	-2
Q0D294;A4 VAK6;A3K PR4;X1WG M1;Q0D27 2;A4QN89	274;275;811;1317;1582; 1660	6;6;6;6;5;5	6;6;6;6;5;5	Histone H4	zgc:1534 09;hist1h 4;si:dkey - 108k21.2 3;si:dkey- 108k21.1 2;zgc:154 164;zgc:1 63040	41.7	41.7	11.351	103	0	184.24
E9QCD6;Q 6TNS5;E9 QG86;Q1JP Y2;Q5U3D 1;Q3B730; E9QF73;Q4 QRD2;F1Q 6V0;Q5XJ C3;B0R0F7 ;Q9PTR0;E 9QC87;Q9I B40;Q9I8U 7;Q5X162; E9QB41;F1 QWU4;A7 MCF2;Q7Z UB0;A0AU S2;A4QN9 1;A0A0R4I TP1	283;358	2;2;2;2;2;2;2;2; ;2;2;1;1;1;1;1;1; 1;1;1;1;1;1	1;1;1;1;1;1;1;1; ;1;1;0;0;0;0;0;0; 0;0;0;0;0;0	zgc:153867;MLC3SM; myl4;cmlc1;myl6;mylz 3;myl13;zgc:163073	21.6	11.2	12.922	116	0.008869	6.8009	
A2RV19	1136;1882	2	2		zgc:1586 19	3.8	3.8	61.957	550	0	16.672





MCB0;B3D H93;A0A0 N4SUC5 Q6DHR7;F 1QTT5;CO N_Q3MH H8;Q7SYK 9;A0A0R4I ST0;F1RD2 8	91;902;950;1325;1592;1 826;1875	7;7;1;1;1;1	6;6;0;0;0;0	Alpha-amylase	01;zgc:19 4125 zgc:9213 7	16.8	14.5	57.518	512	0	323.31
A7MC71;F 1QUS3;Q9 PWC8;Q50 2R0;A8E4 Y9;Q98SS3 ;Q98SS0;A 8KBT7;A1 L138;A0A1 40LG74;Q9 8SS2;Q567 L3;Q05AP6 ;F1R003;F1 QMZ0;F1Q J26;A8E58 4;A0JMC4; Q98SS1;F1 QNI8;A4F VG0;Q4QR F1	104;1116;1444	3;2;2;2;2;2;2;2 ;2;2;2;2;2;2;2; 2;2;2;1;1	3;2;2;2;2;2;2;2 ;2;2;2;2;2;2;2; 2;2;2;1;1	zp2.3;zp2.5;zp2.1;zp2. 6;zp2.2;si:zfos- 1505d6.3	8.9	8.9	47.229	427	0	48.714	
A0A0G2K DJ5;CON_ ENSEMB L:ENSBTA P00000006 074;A9ULT 0;A0A0R4I CP2;A0A0 R4IBX2;A0 A0R4I9N1 F1QSL2;A0 A0G2KE28 ;E7FFD4	139;657;1288	3;1;1;1;1;1	2;0;0;0;0;0			4	2.7	82.055	749	0	22.135
A0A0G2KI Q1	1874	1	1			1	1	158.24	1414	0.006757	6.8621
F1QS73;A0 A0G2KQI0 A0A0G2K ZL1;A0A0 G2KSF3	1119;1566	2;2;2	2;2;2			4.2	4.2	66.193	594	0	27.464
A0A0G2K Y72	116;261;464;546;638;80 5;925;1548;1554;1674	10;10	10;10			5.9	5.9	239.82	2214	0	71.281
A0A0G2L1 59	1565	1;1	1;1			3.9	3.9	38.115	330	0	7.4562
A0A0G2K Y72	102;1103;1765;1828;187 3	5	5			12.9	12.9	51.059	448	0	53.888
A0A0G2L1 59	1156	1	1			18.3	18.3	12.043	104	0	16.217

A0A0G2L1 N0	2;320;427;765;990;997;1 148;1280;1324;1351;151 9;1642;1834;1869	14	14		12.7	12.7	152.24	1328	0	247.64
A0A140LF Y0;A0A0G 2L836	254;722;1184;1232;1597 ;1711	6;6	6;6		6.2	6.2	127.33	1157	0	108.93
A0A0K2VJ T5	438	1	1		2	2	68.452	600	0.00232	7.1203
A0A0R4ID N8	683	1	1		2	2	68.922	590	1	-2
A0A0R4IF Y7;A0A0R 4IIV2	368;773	2;2	2;2		2.3	2.3	112.21	1010	0	11.418
A0A0R4IG A6;E7F0I1	402;528;892	3;1	3;1		26.8	26.8	15.47	138	0	62.563
A0A0R4IK F0	197;369;393;394;792;85 8;913;976;1539;1540;15 91	11	11		33.5	33.5	30.139	257	0	323.31
A0A0R4IP A6	94	1	1		3.3	3.3	45.326	397	0	23.841
A0A0R4IRI 2	882;994;1090;1353	4	0		2.8	0	192.85	1769	0	7.6375
A0A0R4IS U4;A0A0R 4IZ62	458	1;1	1;1		4.1	4.1	48.063	417	0	27.49
A0A0R4IT L5	23;127;133;442;443;459; 597;853;1396;1730;1746 ;1892	12	2		18.4	1.4	111.96	1020	0	323.31
CON_O43 790;CON_ Q6NT21;C ON_P783 85;CON_ Q14533	337;871;897	3;3;3;3	1;1;1;1		7.8	4.1	53.5	486	0	39.269
CON_O95 678	22;300;461;855;1161;14 61;1850	7	1		10.9	2	59.504	551	0	7.3913
CON_P00 761	757;935;1018;1605	4	4		25.1	25.1	24.409	231	0	323.31
CON_P02 533;CON_ P19012;CO N_A2A4G 1;CON_P3 5900;Q6DG 66;F6P9T1; E7F1P8;CO N_Q9D31 2;F1QQ61; CON_Q8 NIA0	17;75;106;119;120;174;3 17;341;434;640;775;867; 876;914;963;1110;1150; 1337;1557;1704;1789;18 11;1856	23;6;6;2;2;2;2; 1;1	3;0;0;0;0;0;0; ;0	50.4	9.3	51.621	472	0	323.31	
CON_P02 538;CON_ Q8VED5;C	20;22;65;112;123;300;45 2;461;620;812;855;906;1 161;1244;1248;1273;128	23;3;2	2;0;0		40.6	3.5	60.044	564	0	131.65

ON_P190 13	3;1284;1358;1394;1462; 1836;1850										
CON_P02 768-1	865;1050;1879	3	1		5.3	1.6	69.366	609	0	7.9233	
CON_P02 769	27;176;678;865;939;104 9;1059;1297;1879	9	7		15.8	12.2	69.293	607	0	208.58	
CON_P04 259	20;22;112;123;130;300;4 52;461;812;855;906;116 1;1180;1244;1248;1273; 1283;1284;1357;1394;14 62;1836;1850	23	1		40.6	3	59.998	564	0	323.31	
CON_P04 264	21;315;496;524;585;641; 717;980;1010;1181;1269 ;1320;1359;1375;1382;1 390;1393;1511;1530;154 5;1546;1830;1848	23	16		41.6	30.6	66.017	644	0	323.31	
CON_P07 477	937	1	1		8.1	8.1	26.558	247	0	8.1966	
CON_P08 779;CON_ Q9Z2K1;C	75;105;119;120;175;286; 317;342;433;437;639;74 6;867;876;914;962;1149; 1303;1304;1340;1477;14 86;1557;1704;1789	25;10;10	13;3;3		52.2	32.6	51.267	473	0	323.31	
ON_Q3Z AW8	1303;1304;1340;1477;14 86;1557;1704;1789										
CON_P12 763	685;1245;1553	3	3		10	10	38.418	359	0	323.31	
CON_P13 645;CON_ P02535- 1;CON_Q 148H6;CO N_Q7Z3Y 7;CON_P0 5784;CON_ _Q7Z3Z0;C ON_Q7Z3 Y8;CON_ Q2M2I5;C ON_Q927 64;F6P9S6; CON_A2 AB72;CON _Q497I4; CON_O76 015;Q1LX V4;CON_ O76013;CO N_Q7Z3Y 9	18;77;172;395;644;807;8 67;876;911;1199;1215;1 290;1294;1295;1385;141 4;1415;1705;1789;1854	20;7;3;3;2;2;2; 1;1;1;1;1;1;1	15;3;1;1;0;1;1;0; 0;0;0;0;0;0;0	37.9	32	59.51	593	0	323.31		
CON_P13 647;E9QFT 4;F1Q4X3; CON_Q9 DCV7;CO	111;300;451;461;612;81 3;855;870;1161;1179;12 73;1283;1284;1349;1483 ;1563;1611;1836;1849	19;1;1;1;1;1;1; 1;1;1;1;1;1;1	4;0;0;0;0;0;0; ;0;0;0;0;0;0;0	31.7	8	62.378	590	0	317.4		

N_Q3KN V1;CON_ P08729;A8 KBU6;A2R V44;CON_ _P07744;A 0A0R4ITV 7;F1QEW2; A4IG07;Q1 RLV1;Q08 BF9;CON_ _Q9NSB2; CON_Q6I SB0;A7MB P7 CON_P34 955	208;1447;1840	3	3	8.9	8.9	46.103	416	0	24.99
CON_P35 527;I3IRY2 ;Q1LXJ9;C ON_Q994 56	236;284;347;365;474;52 5;586;592;593;674;798;8 76;1111;1223;1224;1249 ;1252;1259;1307;1331;1 332;1360;1435;1529;153 2;1747	26;1;1;1	25;0;0;0	58.7	57.6	62.129	623	0	323.31
CON_P35 908;CON_ Q5XKE5;C ON_Q9R0 H5;CON_ Q6NXH9;C ON_Q6IF Z6;CON_ Q7Z794;C ON_Q015 46	112;316;334;461;482;49 6;581;591;649;717;856;9 81;1161;1213;1460;1560 ;1622;1626;1851;1876	20;3;2;2;2;2	12;0;0;0;0;0	42.2	29.8	65.865	645	0	323.31
CON_Q04 695;CON_ P19001;Q0 5AL9;F1R8 U0;Q1RLR 3;F1QHM2; A0A0R4IJ3 5;E7F6W3; CON_Q9 C075;CON _Q99PS0; B0UYS0;Q 803Y5	16;76;118;131;173;341;4 34;475;774;867;876;914; 964;1023;1150;1253;133 7;1513;1557;1704	20;6;5;5;5;4;4;4; 1;1;1;1	4;1;0;0;0;0;0;0; ;0;0;0	44.7	11.8	48.105	432	0	228.93
CON_Q29 443;CON_ Q0IIK2 CON_Q14 525;CON_ O76014	1558;1583;1902	3;3	3;3	4.8	4.8	75.829	685	0	19.223
	271;867;1279;1514;1891	5;2	2;0	12.1	5.9	46.213	404	0	12.269

CON_Q9 UE12;CON _Q15323; CON_Q6 NTB9;CON _O76009; CON_A2 A5Y0;CON _REFSEQ :XP_98663 0;CON_Q 9D646;CO N_Q14532	271;289;867;988;1514	5;5;3;3;3;3;2;2	2;2;1;1;1;1;1	12.7	6.7	47.237	416	0	90.848
REV_A0A 0R4IXD0	115	1	1	0	0	515.16	4846	0.008989	6.8337
REV_Q58 EC0;REV_ _B8JJS7	357	1;1	1;1	0	0	51.88	448	0.00237	7.2597
REV_F1R 772	827	1	1	0	0	160.03	1436	0.004608	7.0558
REV_F1R D85	379	1	1	0	0	82.132	739	0.006772	6.8636
REV_Q5T YQ5	949	1	1	0	0	932.04	8130	1	-2